

CAVELIER

AB GADOS

WEB SITE www.caveller-abogados.com
E MAIL caveller@colomsat.net.co

EDIFICIO SISKI
CARRERA 4 No 72 35
BOGOTÁ COLOMBIA

TELEFONO (57)(1) 347 3611
TELEFAX (57)(1) 217 9211 (57)(1) 310-4995

Señora Jefe de la
DIVISION DE NUEVAS CREACIONES
Superintendencia de Industria y Comer
E S D

SUPERINDUSTRIA Y COMERCIO
Radicación : 00071411 00000003 Folios 13
Fecha (AND): 2001-01-23 16:53 00
Tramite : 002 PATENTES D 1 REGISTRO/ 329 COMPLET
Dependencia: 2020 DIVISION DE NUEVAS CREACIONES

Referencia Expediente No 00 071 411
Solicitante TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES LTD
Asunto Solicitud de patente para
"DERIVADOS DE AMINA COMO ANTAGONISTAS DE
LA HORMONA CONCENTRADORA DE LA MELANINA"
Fecha de la solicitud 20 de septiembre de 2000

TRANITE 02 EVENTO 01 ACTUACION 329

Yo, Emilio FERRERO, obrando como apoderado de la
solicitante en el asunto antes identificado, atentamente y por
instrucciones expresas de mi poderdante solicito a Usted se sirva
aceptar un nuevo listado de secuencias aminoacídicas en donde se
identifican cada secuencia como SEQ ID No

En consecuencia presento recibo por valor de \$68 000 por
concepto de modificación en solicitud pendiente

Dicha modificación se encuentra soportada en la descripción
originalmente presentada y no significa una ampliación de la
invención

Bogotá, 23 ENE 2001
Señora Jefe,


EMILIO FERRERO
T P A No 31 929

WCA
COLO 01763-801-007-8
JJC-ID-73

Listado de secuencias

<110> Takeda Chemical Industries, Ltd
<120> Antagonista de la hormona concentradora de la
melanina
<130> 2648W00P
<150> JP 11-266298
<151> 20-09 1999
<150> JP 11-357889
<151> 16 12 1999
<150> JP 2000-126272
<151> 20 04 2000
<160> Numero de secuencias (SEQ ID No) 16
<210> SEQ ID No 1
<211> 32
<212> DNA
<213> Secuencia artificial
<220>
<223>
<400> SEQ ID No 1
GTCGACATGG ATCTGCAAAC CTCGTTGCTG TG 32
<210> SEQ ID No 2
<211> 32
<212> DNA
<213> Secuencia artificial
<220>
<223>
<400> SEQ ID No 2
ACTAGTTCAG GTGCCTTTGC TTCTGTCCT CT 32
<210> SEQ ID No 3

477
-
2172

465

<211> 353

<212> PRT

<213> Rat

<400> SEQ ID No 3

Met Asp Leu Gln Thr Ser Leu Leu Ser Thr Gly Pro Asn Ala Ser Asn
1 5 10 15
Ile Ser Asp Gly Gln Asp Asn Leu Thr Leu Pro Gly Ser Pro Pro Arg
20 25 30
Thr Gly Ser Val Ser Tyr Ile Asn Ile Ile Met Pro Ser Val Phe Gly
35 40 45
Thr Ile Cys Leu Leu Gly Ile Val Gly Asn Ser Thr Val Ile Phe Ala
50 55 60
Val Val Lys Lys Ser Lys Leu His Trp Cys Ser Asn Val Pro Asp Ile
65 70 75 80
Phe Ile Ile Asn Leu Ser Val Val Asp Leu Leu Phe Leu Leu Gly Met
85 90 95
Pro Phe Met Ile His Gln Leu Met Gly Asn Gly Val Trp His Phe Gly
100 105 110
Glu Thr Met Cys Thr Leu Ile Thr Ala Met Asp Ala Asn Ser Gln Phe
115 120 125
Thr Ser Thr Tyr Ile Leu Thr Ala Met Thr Ile Asp Arg Tyr Leu Ala
130 135 140
Thr Val His Pro Ile Ser Ser Thr Lys Phe Arg Lys Pro Ser Met Ala
145 150 155 160
Thr Leu Val Ile Cys Leu Leu Trp Ala Leu Ser Phe Ile Ser Ile Thr
165 170 175
Pro Val Trp Leu Tyr Ala Arg Leu Ile Pro Phe Pro Gly Gly Ala Val
180 185 190
Gly Cys Gly Ile Arg Leu Pro Asn Pro Asp Thr Asp Leu Tyr Trp Phe

466

195	200	205	
Thr Leu Tyr Gln Phe Phe Leu Ala Phe Ala Leu Pro Phe Val Val Ile			
210	215	220	
Thr Ala Ala Tyr Val Lys Ile Leu Gln Arg Met Thr Ser Ser Val Ala			
225	230	235	240
Pro Ala Ser Gln Arg Ser Ile Arg Leu Arg Thr Lys Arg Val Thr Arg			
245	250	255	
Thr Ala Ile Ala Ile Cys Leu Val Phe Phe Val Cys Trp Ala Pro Tyr			
260	265	270	
Tyr Val Leu Gln Leu Thr Gln Leu Ser Ile Ser Arg Pro Thr Leu Thr			
275	280	285	
Phe Val Tyr Leu Tyr Asn Ala Ala Ile Ser Leu Gly Tyr Ala Asn Ser			
290	295	300	
Cys Leu Asn Pro Phe Val Tyr Ile Val Leu Cys Gln Thr Phe Arg Lys			
305	310	315	320
Arg Leu Val Leu Ser Val Lys Pro Ala Ala Gln Gly Gln Leu Arg Thr			
325	330	335	
Val Ser Asn Ala Gln Thr Ala Asp Glu Gln Arg Thr Glu Ser Lys Gly			
340	345	350	

Thr

<210> SEQ ID No 4

<211> 1074

<212> DNA

<213> Rat

<400> SEQ ID No 4

GTCGACATGG ATCTGCAAAAC CTCGTTGCTG TCCACTGGCC CCAATGCCAG CAACATCTCC	60
GATGGCCAGG ATAATCTCAC ATTGCCGGGG TCACCTCCTC GCACAGGGAG TGTCTCCTAC	120
ATCAACATCA TTATGCCTTC CGTGTTTGGT ACCATCTGTC TCCTGGGCAT CGTGGGAAAC	180
TCCACGGTCA TCTTTGCTGT GGTGAAGAAG TCCAAGCTAC ACTGGTGCAG CAACGTCCCC	240

GACATCTTCA TCATCAACCT CTCTGTGGTG GATCTGCTCT TCCTGCTGGG CATGCCCTTC 300
ATGATCCACC AGCTCATGGG GAACGGCGTC TGGCACTTTG GGGAAACCAT GTGCACCCTC 360
ATCACAGCCA TGACGCCAA CAGTCAGTTC ACTAGCACCT ACATCCTGAC TGCCATGACC 420
ATTGACCGCT ACTTGGCCAC CGTCCAGCCC ATCTCTCCA CCAAGTTCCG GAAGCCCTCC 480
ATGGCCACCC TGGTGATCTG CCTCCTGTGG GCGCTCTCCT TCATCAGTAT CACCCCTGTG 540
TGGCTCTACG CCAGGCTCAT TCCCTTCCA GGGGGTGCTG TGGGCTGTGG CATCCGCTG 600
CCAAACCCGG AACTGACCT ETACTGGTC ACTCTGTACC AGTTTTCTT GGCCTTTGCC 660
CTTCGGTTTG TGGTCATTAC GCGCGCATAC GTGAAAATAC TACAGCGCAT GACGTCTTCG 720
GTGGCCCCAG CCTCCCAACG CAGCATCCGG CTTCGGACAA AGAGGGTGAC CCGCACGGCC 780
ATTGCCATCT GTCTGGTCTT CTTTGTGTGC TGGGCACCCT ACTATGTGCT GCAGCTGACC 840
CAGCTGTCCA TCAGCCGCCC GACCCTCAGG TTGTCTACT TGTACAACGC GGCCATCAGC 900
TTGGGCTATG CTAACAGCTG CCTGAACCCC TTTGTGTACA TAGTGTCTG TGAGACCTTT 960
CGAAAACGCT TGGTGTGTG AGTGAAGCCT GCAGCCCAGG GGCAGCTCCG CACGGTCAGC 1020
AACGCTCAGA CAGCTGATGA GGAGAGGACA GAAAGCAAAG GCACCTGAAC TAGT 1074

<210> SEQ ID No 5

<211> 262

<212> RNA

<213> Ratn

<400> SEQ ID No 5

GCGAAUUGGG UACCGGGCCC CCCCUGGAGG UCGACGGUAA CGAUAAGCUU GAUAUCGAUU 60
UCCUGCAGCC CGGGGGAUCC GCCCAGUAGU UCAGGUGCCU UUGCUUUCUG UCCLCUCUC 120
AUCAGCUGUC UGAGCGUUGC UGACCGUGCG GAGCUGCCCC UGGGCUGCAG GCUCCACUGA 180
CAACACCAAG CGUUUUGCAA AGGUCUCACA GAGCAGUAG UACACAAAGG GGUCCAGGCA 240
GCUUUUAGCA UAGCCCAAGC UG 262

<210> SEQ ID No 6

<211> 18

<212> DNA

<213> Secuencia artificial

<220>

<223>

<400> SEQ ID No 6

CAACAGCTGC CTCACCC 18

<210>SEQ ID No 7

<211> 18

<212> DNA

<213> Secuencia artificial

<220>

<223>

<400> SEQ ID No 7

CCTGGTGATC TGCCTCCT 18

<210> SEQ ID No 8

<211> 1275

<212> DNA

<213> Humano

<400> SEQ ID No 8

TAGGTGATGT CAGTGGGAGC CATGAAGAAG GGAGTGGGCA GGGCAGTTGG GCTTGGAGGC 60
GGCAGCGGCT GCCAGGCTAC GGAGGAAGAC CCGCTTCCCA ACTGCGGGGC TTGCGCTCCG 120
GGACAAGGTG GCAGGCGCTG GAGGCTGCCG CAGCCTGCCG GGGTGGAGGG GAGCTCAGCT 180
CGGTTGTGGG AGCAGGCGAC CGGCACTGGC TGGATGGACC TGAAGCCTC GCTGCTGCCC 240
ACTGGTCCCA ACGCCAGCAA CACCTCTGAT GGCCCCGATA ACCTCACTTC GGCAGGATCA 300
CCTCCTCGCA CGGGGAGCAT CTCCTACATC AACATCATCA TGCCTTCGGT GTTCGGCACC 360
ATCTGCGTCC TGGGCATCAT CGGGAAGTCC ACGGTCATCT TCGCGGTCGT GAAGAAGTCC 420
AAGCTGCACT GGTGCAACAA CGTCCCCGAC ATCTTCATCA TCAACCTCTC GGTAGTAGAT 480
CTCCTCTTTC TCCTGGGCAT GCCCTTCATG ATCCACCAGC TCATGGGCAA TGGCGTGTGG 540
CACTTTGGGG AGAECATGTG CACCCTCATC ACGGCCATGG ATGCCAATAG TCAGTTCACC 600
AGCACCTACA TCCTGACCGC CATGGCCATT GACCGCTACC TGGCCACTGT CCACCCCATC 660
TCTTCCACGA AGTTCCGGAA GCCCTCTGTG GCCACCCTGG TGATCTGCCT CCTGTGGGCC 720
CTCTCCTTCA TCAGCATCAC CCCTGTGTGG CTGTATGCCA GACTCATCCC CTTCCCAGGA 780

469

GGTGCAGTGG GCTGCGGCAT ACGCCTGCCC AACCCAGACA CTGACCTCTA CTGCTTCACC 840
 CTGTACCACT TTTTCCTGGC CTTTGCCCTG CTTTTGTGG TCATCACAGC CGCATACGTG 900
 AGGATCCTGC AGCGCATGAC GTCCTCAGTG GCGCCCGCCT CCCAGCGCAG CATCCGGCTG 960
 CGGACAAAGA GGGTGACCCG CACAGCCATC GCCATCTGTC TGGTCTTCTT TGTGTGCTGG 1020
 GCACCTACT ATGTGCTACA GCTGACCCAG TTGTCCATCA GCGGCCCCGAC CCTCACCTTT 1080
 GTCTACTTAT ACAATCCGGC CATCAGCTTG GGCTATGCCA ACAGCTGCCT CAACCCCTTT 1140
 GTGTACA CG TGCTCTGTGA GACGTTCCGC AAACGCTTGG TCCTGTGGT GAAGCCTGCA 1200
 GCCCAGGGGC AGCTTCGGCG TGTCAGCAAC GCTCAGACGG CTGACGAGGA GAGGACAGAA 1260
 AGCAAAGGCA CCTGA 1275

<210> SEQ ID No 9

<211> 422

<212> PRT

<213> Humano

<400> SEQ ID No 9

Met Ser Val Gly Ala Met Lys Lys Gly Val Gly Arg Ala Val Gly Leu
 1 5 10 15
 Gly Gly Gly Ser Gly Cys Glu Ala Thr Glu Glu Asp Pro Leu Pro Asn
 20 25 30
 Cys Gly Ala Cys Ala Pro Gly Gln Gly Gly Arg Arg Trp Arg Leu Pro
 35 40 45
 Gln Pro Ala Trp Val Glu Gly Ser Ser Ala Arg Leu Trp Glu Cln Ala
 50 55 60
 Thr Gly Thr Gly Trp Met Asp Leu Glu Ala Ser Leu Leu Pro Thr Gly
 65 70 75 80
 Pro Asn Ala Ser Asn Thr Ser Asp Gly Pro Asp Asn Leu Thr Ser Ala
 85 90 95
 Gly Ser Pro Pro Arg Thr Gly Ser Ile Ser Ty- Ile Asn Ile Ile Met
 100 105 110
 Pro Ser Val Phe Gly Thr Ile Cys Leu Leu Gly Ile Ile Gly Asn Ser

470

115	120	125	
Thr Val Ile Phe Ala Val Val Lys Lys Ser Lys Leu His Trp Cys Asn			
130	135	140	
Asn Val Pro Asp Ile Phe Ile Ile Asn Leu Ser Val Val Asp Leu Leu			
145	150	155	160
Phe Leu Leu Gly Met Pro Phe Met Ile His Gln Leu Met Gly Asn Gly			
165	170	175	
Val Trp His Phe Gly Glu Thr Met Cys Thr Leu Ile Thr Ala Met Asp			
180	185	190	
Ala Asn Ser Gln Phe Thr Ser Thr Tyr Ile Leu Thr Ala Met Ala Ile			
195	200	205	
Asp Arg Tyr Leu Ala Thr Val His Pro Ile Ser Ser Thr Lys Phe Arg			
210	215	220	
Lys Pro Ser Val Ala Thr Leu Val Ile Cys Leu Leu Trp Ala Leu Ser			
225	230	235	240
Phe Ile Ser Ile Thr Pro Val Trp Leu Tyr Ala Arg Leu Ile Pro Phe			
245	250	255	
Pro Gly Gly Ala Val Gly Cys Gly Ile Arg Leu Pro Asn Pro Asp Thr			
260	265	270	
Asp Leu Tyr Trp Phe Thr Leu Tyr Gln Phe Phe Leu Ala Phe Ala Leu			
275	280	285	
Pro Phe Val Val Ile Thr Ala Ala Tyr Val Arg Ile Leu Gln Arg Met			
290	295	300	
Thr Ser Ser Val Ala Pro Ala Ser Gln Arg Ser Ile Arg Leu Arg Thr			
305	310	315	320
Lys Arg Val Thr Arg Thr Ala Ile Ala Ile Cys Leu Val Phe Phe Val			
325	330	335	
Cys Trp Ala Pro Tyr Tyr Val Leu Gln Leu Thr Gln Leu Ser Ile Ser			
340	345	350	

471

Arg Pro Thr Leu Thr Phe Val Tyr Leu Tyr Asn Ala Ala Ile Ser Leu
355 360 365
Gly Tyr Ala Asn Ser Cys Leu Asn Pro Phe Val Tyr Ile Val Leu Cys
370 375 380
Glu Thr Phe Arg Lys Arg Leu Val Leu Ser Val Lys Pro Ala Ala Gln
385 390 395 400
Gly Gln Leu Arg Ala Val Ser Asn Ala Gln Thr Ala Asp Glu Glu Arg
405 410 415
Thr Glu Ser Lys Gly Thr
420

<210> SEQ ID No 10

<211> 31

<212> DNA

<213> Secuencia artificial

<220>

<223>

<400> SEQ ID No 10

GTGACATGG ACCTGGAAGC CTCGCTGCTG C 31

<210> SEQ ID No 11

<211> 31

<212> DNA

<213> Secuencia artificial

<220>

<223>

<400> SEQ ID No 11

ACTAGTTCAG GTGCCTTTGC TTTCTGTCT C 31

<210> SEQ ID No 12

<211> 33

<212> DNA

<213> Secuencia artificial

<220>

<223>

<400> SEQ ID No 12

AGTCGACATC TCAGTGGGAG CCATGAAGAA GGG 33

<210> SEQ ID No 13

<211> 33

<212> DNA

<213> Secuencia artificial

<220>

<223>

<400> SEQ ID No 13

AACTAGTTCA GGTGCCTTTG CTTTCGTCC TCT 33

<210> SEQ ID No 14

<211> 1074

<212> DNA

<213> Humano

<400> SEQ ID No 14

GTGACATGG ACCTGAAGC CTCGTGCTG CCCACTGGTC CCAACGCCAG CAACACCTCT 60
GATGGCCCCG ATAACCTCAC TCGGCAGGA TCACCTCCTC GCACGGGGAG CATCTCCTAC 120
ATCAACATCA TCATGCCTTC GGTGTTGGG ACCATCTGCC TCCTGGGCAT CATCGGGAAC 180
TCCACGGTCA TCTTCGGGT CGTGAAGAAG TCCAAGCTGC ACTGGTGCAA CAACGTCCCC 240
GACATCTTCA TCATCAACCT CTCGGTAGTA GATCTCCTCT TTCTCCTGGG CATGCCCTTC 300
ATGATCCACC AGTCATGGG CAATGGGGTG TGGCACTTG GGGAGACEAT GTGCACCTC 360
ATCACGGCCA TGGATGCCAA TAGTCAGTTC ACCAGCACCT ACATCCTGAC CGCCATGGCC 420
ATTGACCGCT ACCTGGCCAC TGTCACCCC ATCTCTTCCA CGAAGTTCG GAAGCCCTCT 480
GTGGCCACCC TGGTGATCTG CCTCCTGTGG GCCCTCTCCT TCATCAGCAT CACCCCTGTG 540
TGGCTGTATG CCAGACTCAT CCCCTTCCA GGAGGTGCAG TGGGCTGGG CATACGCCCTG 600
CCCAACCCAG AACTGACCT CTACTGGTC ACCCTGTACC AGTTTTTCCT GGCCTTTGCC 660

CTGCCCTTTTG TGGTCATCAC AGCCGCATAC GTGAGGATCC TGCAGCGCAT GACGTCTCA 720
GTGGCCCECG CCTCCCAGCG CAGCATCCGG CTGCGGACAA AGAGGGTGAC CCGCACAGCC 780
ATCGCCATCT GTCTGGTCTT CTTTGTGTGC TGGGCACCCT ACTATGTGCT ACAGCTGACC 840
CAGTTGTCCA TCAGCGGCCG GACCCTCACC TTTGTCTACT TATACAATGC GGCCATCAGC 900
TTGGGCTATG CCAACAGCTG CCTCAACCCC TTTGTGTACA TCGTGCTCTG TGAGACGTTG 960
CGCAAACGCT TGGTCCTGTC GGTGAAGCCT GCAGCCCAGG GGCAGCTTCG CGCTGTCAGC 1020
AACGCTCAGA CGGCTGACGA GGAGAGGACA GAAAGCAAAG GCACCTGAAC TAGT 1074

<210> SEQ ID No 15

<211> 1283

<212> DNA

<213> Humano

<400> SEQ ID No 15

AGTCGACATG TCAGTGGGAG CCATGAAGAA GGGAGTGGGG AGGGCAGTTG GGCTTGAGGG 60
CGGCAGCGGC TGGCAGGCTA CGGAGGAAGA CCCCCTTCCC AACTGCGGGG CTTGCGCTCC 120
GGGACAAGGT GGCAGGCGCT GGAGGCTGCC GCAGCCTGCG TGGGTGGAGG GGAGCTCAGC 180
TCGGTTGTGG GAGCAGGGCA CCGGCACTGG CTGGATGGAC CTGGAAGCCT CGCTGCTGCC 240
CACTGGTCCC AACGCCAGCA ACACCTCTGA TGGCCCCGAT AACCTCACTT CGGCAGGATC 300
ACCTCCTCGC ACGGGGAGCA TCTCCTACAT CAACATCATC ATGCCCTCGG TGTTCGGCAC 360
CATCTGCCCTC CTGGGCATCA TCGGGAATC CACGGTCATC TTGCGGGTGG TGAAGAAGTC 420
CAAGCTGCAC TGGTGCAACA ACGTCCCCGA CATCTTCATC ATCAACCTCT CGGTAGTAGA 480
TCTCCTCTTT CTCCTGGGCA TGGCCTTCAT GATCCACCAG CTCATGGGCA ATGGGGTGTG 540
GCACCTTGGG GAGACCATGT GCACCCTCAT CACGGCCATG GATGCCAATA GTCAGTTCAC 600
CAGCACCTAC ATCTGACCG CCATGGCCAT TGACCGCTAC CTGGCCACTG TCCACCCCAT 660
CTCTTCCAGG AAGTTCCGGA AGCCCTCTGT GGCCACCCTG GTCATCTGCC TCCTGTGGGC 720
CCTCTCCTTC ATCAGCATCA CCCCTGTGTG GCTGTATGCC AGACTCATCC CCTTCCCAGG 780
AGGTGCAGTG GGCTGCGGCA TACGCTGCC CAACCCAGAC ACTGACCTCT ACTGGTTCAC 840
CCTGTACCAG TTTTTCCTGG CCTTTGCCCT GCCTTTTGTG GTCATCACAG CCGCATACGT 900
GAGGATCCTG CAGCGCATGA CGTCTCAGT GGGCCCCGCC TCCAGCGCA GCATCCGGCT 960
GGGACAAAG AGGGTGACCC GCACAGCCAT CGCCATCTGT CTGGTCTTCT TTGTGTGCTG 1020

GGCACCCTAC TATGTGCTAC AGCTGACCCA GTTGTCCATC AGCCGCCCGA CCTCACCTT 1080
TGTCTACTTA TACAATGCGG CCATCAGCTT GGGCTATGCC AACAGCTGCC TCAACCCCTT 1140
TGTGTACATC GTGCTCTGTG AGACGTTCCG CAAACGCTTG GTCTGTGGG TGAAGCCTGC 1200
AGCCCAGGGG CAGCTTCGGG CTGTCAGCAA CGCTCAGACG GCTGACGAGG AGAGGACAGA 1260
AAGCAAAGGC ACCTGAACCTA GTT 1283

<210> SEQ ID No 16

<211> 420

<212> RNA

<213> Humano

<400> SEQ ID No 16

CAAAAGCUGG AGCUCCACCG CGGUGGGCGG CGCUCUAGCC CACUAGUUA GGUGCCUUG 60
CUUUCUGUCC UCUCCTCGUC AGCCGUCUGA GCGUUGCUGA CAGCGCGAAG CUGCCCCUGG 120
GCUGCAGGCU UCACCGACAG GACCAAGCGU UUGCGCAACG UCUCACAGAG CACGAUGUAC 180
ACAAAGGGGU UGAGGCAGCU GUJGGCAUAG CCCAAGCUA UGGCCGCAU GUUAUAGUAG 240
ACAAAGGUGA GGGUCGGGCG GCUGAUGGAC AACUGGGUCA GCUGUAGCAC AUAGUAGGGU 300
GCCCAGCACA CAAAGAAGAC CAGACAGAUG GCGAUGGCUG UGCGGGUCAC CCUCUUUGUC 360
CGCAGCCCGA UGCUGCGCUG GGAGGLGGG GCCACUGAGG ACGUCAUGCG CUGCAGGAUC 420

2do. EXAMEN DE FORMA PATENTE DE INVENCION

Folio 2489

Radicación no 00-71411

Concepto Técnico no 1252

Clasificación Internacional de Patentes A 61K 31/13 // 31/395

Practicado el examen de acuerdo a lo establecido en el Art. 38 de la Decisión 486 se determinó que esta solicitud de Patente de Invención.

- | | | |
|-------------------------------------|---------------|---|
| ☒ | SI [✓] NO [] | Contiene un resumen de la invención (Art.26-e) |
| ☒ | SI [✓] NO [] | Contiene el título o nombre de la invención (Art.27-d) |
| ☒ | SI [✓] NO [] | Contiene la descripción de la invención (Art.26-b) |
| ☒ | SI [✓] NO [] | NO ES APLICABLE [] Contiene los dibujos necesarios para comprender la invención (Art.26-d) |
| ☒ | SI [✓] NO [] | Contiene una o más reivindicaciones. (Art.26-c) |
| ☐ | SI [] NO [] | NO ES APLICABLE [✓] Han sido desarrollados los productos y/o procedimientos a partir de recursos genéticos o de sus productos derivados de los que cualquiera de los Países Miembros es país de origen (Art. 26- h) |
| ☐ | SI [] NO [] | NO ES APLICABLE [✓] Los productos y/o procedimientos han sido obtenidos o desarrollados a partir de los conocimientos tradicionales de las comunidades indígenas, afroamericanas, o locales de los países miembros, de acuerdo a lo establecido en la Decisión 391 y sus modificaciones y reglamentaciones vigentes.(Art.26- j) |
| ☐ | SI [] NO [✓] | La invención se refiere a un producto relativo a un material biológico (Art.26-J) |
| ☒ | SI [✓] NO [] | La prioridad coincide con la materia reivindicada |
| ☒ | SI [✓] NO [] | CUMPLE LOS REQUISITOS TÉCNICOS |

OBSERVACIONES Y OTROS SI [✓] NO [] ver hoja(s) anexa(s)

EXAMINADOR TÉCNICO
202049

Bogotá D C , 6 de septiembre de 2002

Folio ~~2180~~

Concepto Técnico no 1252

Observaciones

- 1 Se anexó nuevo título en los folios 1667 y 1668
- 2 Se adjuntó nueva tarjeta para el archivo de propietario, nueva tarjeta para el archivo temático y nuevo extracto para publicación con la modificación hecha al título en los folios 2170, 2171 y 2172 respectivamente
- 3 Se adjuntó el arte final en tamaño 6x6 para la tarjeta de archivo temático y en tamaño 12x12 por duplicado
- 4 Se presentó nuevo capítulo descriptivo en los folios del 1671 al 2143 y nuevo capítulo reivindicatorio en los folios del 2144 al 2169
- 5 Se presentó una modificación en los folios del 2175 al 2186.
- 6 Se anexaron dos recibos por un valor de \$68.000.00 cada uno por concepto de modificación en solicitud pendiente en los folios 2174 y 2187

EXAMINADOR TÉCNICO
202049

Bogotá D. C., 6 de septiembre de 2002

Folio 2181

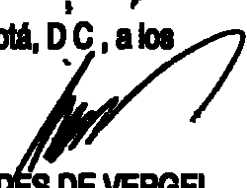
2020
Bogotá, D C

Doctor(a)
EMILIO FERRERO
Apoderado(a)

REFERENCIA. Radicación No.	00-71411
Trámite	002
Evento	001
Actuación	416
Oficio No.	1795
Folios	001

Teniendo en cuenta que la solicitud de privilegio de patente que se tramita bajo el expediente indicado en la referencia, reúne los requisitos de forma establecidos en los artículos 26 y 27 de la Decisión 486 de la Comisión de la comunidad andina, y en las demás disposiciones vigentes sobre la materia, se envía el extracto de la solicitud a la Oficina de comunicaciones para efecto de su publicación en la Gaceta de Propiedad Industrial, conforme lo establece el artículo 40 de la misma Decisión

Cumplase
Dado en Bogotá, D C, a los 03 : 2002


ALIX CÉSPEDES DE VERGEL
Jefe de la División de Nuevas Creaciones

Bogotá, D C, El extracto de esta solicitud fue publicado en el número 25 de la Gaceta de Propiedad Industrial, de fecha El término hábil señalado por la ley
expiró el y SI ___ NO ___ se presentaron oposiciones por parte de terceros.

202049