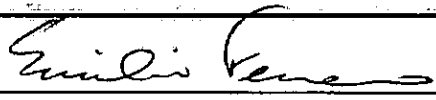


FORMULARIO UNICO DE CORRECCIONES Y MODIFICACIONES
2000-F03

1	SOLICITUD DE: ☐ Corrección de Error Material ☒ Modificación a una solicitud	
2 SOLICITANTE	Nombre: WYETH Dirección: Five Giralda Farms Madison New Jersey 07940 Estados Unidos de América Domicilio: Madison New Jersey 07940 Estados Unidos de América Lugar de Constitución: Estado de Delaware, Estados Unidos de América Teléfono: 546 09 70 Fax: 547 31 70 E-mail: clientes@camyp.com	IDENTIFICACION C.C. ☐ NIT ☐ C.E. ☐ Otro ☐ Número: _____
3 REPRESENTANTE O APODERADO	Nombre: Emilio FERRERO Dirección: Carrera 4ª No. 72-35 Teléfono: 347 36 11 Fax: 211 86 50 E-mail: cavelier@cavelier.com	IDENTIFICACION C.C. ☒ NIT ☐ C.E. ☐ Otro ☐ Número: 438.019 TP 31.929
4	Número de expediente: 06-059310	
5	Descripción de la corrección o modificación solicitada: Presento nuevo capítulo reivindicatorio compuesto por 27 reivindicaciones. Por lo tanto, solicito que se realice el examen de patentabilidad sobre este nuevo capítulo reivindicatorio.	
6	Comprobante de pago No. 06-50,092 Fecha: 4 de Julio de 2006	
7	Anexos ☒ Comprobante de pago de la tasa por \$ 95.000 ☐ Poderes, si fuere el caso ☐ Documento que acredita la existencia y representación legal de las partes, cuando sean personas jurídicas.	
8	NOMBRE: EMILIO FERRERO	FIRMA:  C.C. 438.019 de Usaquén T.P.A. 31.929

305 385

REIVINDICACIONES

1. Un método para la conjugación de un inmunógeno de péptido vía un grupo reactivo de un residuo de aminoácido del inmunógeno de péptido a un portador de proteína/polipéptido que
5 tiene uno o más grupos funcionales, el método está caracterizado porque comprende las etapas de:

(a) derivar uno o más de los grupos funcionales del portador de proteína/polipéptido o de opcionalmente a un enlazador de polipéptido anexado al portador de
10 proteína/polipéptido para generar un portador derivado con sitios reactivos;

(b) hacer reaccionar el portador de proteína/polipéptido derivado de la etapa (a) con un grupo reactivo de un aminoácido del inmunógeno de péptido, bajo
15 condiciones de reacción de tal manera que el inmunógeno de péptido es conjugado al portador de proteína/polipéptido derivado vía los grupos funcionales y

(c) hacer reaccionar adicionalmente el conjugado con un reactivo de coronación para inactivar los grupos funcionales
20 sin reaccionar reactivos libres en el portador de proteína/polipéptido derivado, conservando mediante esto la funcionalidad del portador, de tal manera que retiene su capacidad para producir las respuestas inmune deseadas contra el inmunógeno de péptido que de otra manera no ocurrirían sin
25 un portador.

2. El método de conformidad con la reivindicación 1, caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es seleccionado del grupo que consiste de albumina de suero humano, hemocianina de lapa de bocallave (KLH), moléculas de
30 inmunoglobulina, tiroglobulina, ovalbúmina, hemaglutinina de

influenza, polipéptido PADRE, proteína de circumesporocito de malaria (CS), antígeno superficial de hepatitis B (HBSAG₁₉₋₂₈), proteína de choque térmico (HSP) 65, *Mycobacterium tuberculosis*, toxina de cólera, mutantes de toxina de cólera
 5 con toxicidad reducida, toxina de difteria, proteína de CRM₁₉₇ que es de reactividad cruzada con toxina de difteria, peptidasa estreptococal ORF1664 recombinante, *Streptococcus pyrogenes* ORF1224, *Streptococcus pyrogenes* ORF1664, *Streptococcus pyrogenes* ORF2452, *Chlamydia pneumoniae* ORF 367, *Chlamydia pneumoniae* ORF T858, toxoide de tétano, HIV gp120 T1, componentes que reconocen moléculas de matriz adhesiva superficial microbiana (MSCRAMMS), factores de crecimiento, hormonas, citocinas y quimiocinas.

3. El método de conformidad con la reivindicación 2,
 15 caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es CRM₁₉₇.

4. El método de conformidad con la reivindicación 1, caracterizado porque el inmunógeno de péptido es seleccionado del grupo que consiste de una proteína bacteriana, una proteína
 20 viral y una proteína eucariótica.

5. El método de conformidad con la reivindicación 1, caracterizado porque el grupo funcional de una o más moléculas de aminoácido del portador de proteína/polipéptido o del enlazador de polipéptido anexado opcionalmente es derivado
 25 usando un reactivo de reticulación.

6. El método de conformidad con la reivindicación 5, caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido se hace reaccionar con un reactivo de haloacetilación.

7. El método de conformidad con la reivindicación 1,
 30 caracterizado porque el reactivo de coronación que es usado

387

para desactivar grupos funcionales reactivos libres en el portador de proteína/polipéptido activado es seleccionado del grupo de reactivos que consiste de cisteamina, N-acetilcisteamina, etanolamina, hidróxido de sodio, carbonato de sodio y amoniaco.

8. Un método para la conjugación de un inmunógeno de péptido a un portador de proteína/polipéptido que tiene la estructura:



en donde:

15 C es un portador de proteína/polipéptido y X es un grupo funcional derivable de un residuo de aminoácido del portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente al portador de proteína/polipéptido y en donde m es un número entero mayor de 0, pero menor o igual a 85, el método está

20 caracterizado porque comprende las etapas de:

(a) derivar uno o más de los grupos funcionales del portador de proteína/polipéptido o de la molécula enlazadora de opcionalmente anexado para generar una molécula derivada con

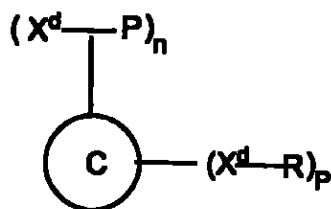
25 sitios reactivos;

(b) hacer reaccionar el portador de proteína/polipéptido derivado de la etapa (a) con un grupo reactivo de un aminoácido del inmunógeno de péptido para formar un conjugado de inmunógeno de péptido - portador de

30 proteína/polipéptido acoplado covalentemente y

(c) hacer reaccionar adicionalmente el conjugado con un reactivo de coronación para inactivar los grupos funcionales reactivos libres en el portador de proteína/polipéptido activado, conservando mediante esto la funcionalidad del portador, de tal manera que retiene su capacidad para producir las respuestas inmune deseadas contra el inmunógeno de péptido que de otra manera no ocurrirían sin un portador, para generar un conjugado de inmunógeno de péptido - portador de proteína/polipéptido coronado que tiene la fórmula:

10



15

en donde:

C es el portador de proteína/polipéptido y X^d es un grupo funcional derivado de un residuo de aminoácido del portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente al portador de proteína/polipéptido y en donde,

20

P es una molécula de inmunógeno de péptido anexada covalentemente al grupo funcional derivado del residuo de aminoácido del portador de proteína u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente a un portador de proteína/polipéptido,

25

R es una molécula de coronación anexada covalentemente al grupo funcional derivado de un residuo de aminoácido del portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente a un portador de proteína/polipéptido,

30

n es un número entero mayor de 0 pero menor o igual a 85 y

p es un número entero mayor de 0 pero menor de 85.

9. El método de conformidad con la reivindicación 8,
 5 caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es
 seleccionado del grupo que consiste de albumina de suero
 humano, hemocianina de lapa de bocallave (KLH), moléculas de
 inmunoglobulina, tiroglobulina, ovalbúmina, hemaglutinina de
 10 influenza, polipéptido PADRE, proteína de circumsporocito de
 malaria (CS), antígeno superficial de hepatitis B (HBSAg₁₉₋₂₈),
 proteína de choque térmico (HSP) 65, *Mycobacterium*
tuberculosis, toxina de cólera, mutantes de toxina de cólera
 con toxicidad reducida, toxina de difteria, proteína de CRM₁₉₇,
 que es de reactividad cruzada con toxina de difteria, peptidasa
 15 estreptococal ORF1664 recombinante, *Streptococcus pyrogenes*
 ORF1224, *Streptococcus pyrogenes* ORF1664, *Streptococcus*
pyrogenes ORF2452, *Chlamydia pneumoniae* ORF 367, *Chlamydia*
pneumoniae ORF T858, toxoide de tétano, HIV gp120 T1,
 componentes que reconocen moléculas de matriz adhesiva
 20 superficial microbiana (MSCRAMMS), factores de crecimiento,
 hormonas, citocinas y quimiocinas.

10. El método de conformidad con la reivindicación 9,
 caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es
 CRM₁₉₇.

25 11. El método de conformidad con la reivindicación 8,
 caracterizado porque el inmunógeno de péptido es seleccionado
 del grupo que consiste de una proteína bacteriana, una proteína
 viral y una proteína eucariótica.

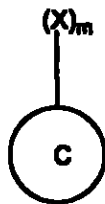
12. El método de conformidad con la reivindicación 8,
 30 caracterizado porque el grupo funcional de una o más moléculas

de aminoácido del portador de proteína/polipéptido o del enlazador de polipéptido anexado opcionalmente es derivado usando un reactivo de reticulación.

13. El método de conformidad con la reivindicación 5 12, caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido se hace reaccionar con un reactivo de haloacetilación.

14. El método de conformidad con la reivindicación 8, caracterizado porque el reactivo de coronación que es usado para desactivar grupos funcionales reactivos libres en el 10 portador de proteína/polipéptido activado es seleccionado del grupo de reactivos que consiste de cisteamina, N-acetilcisteamina, etanolamina, hidróxido de sodio, carbonato de sodio y amoniaco.

15. Un conjugado de inmunógeno de péptido - portador 15 de proteína polipéptido, en donde el portador de proteína/polipéptido tiene la fórmula:

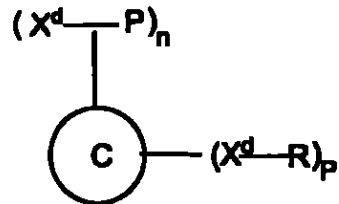


20

en donde:

C es un portador de proteína/polipéptido y X es un 25 grupo funcional derivable de un residuo de aminoácido en el portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente al portador de proteína/polipéptido y en donde m es un número entero mayor de 0, pero menor o igual a 85, en donde el 30 conjugado de inmunógeno de péptido - portador de

proteína/polipéptido tiene la fórmula:



5

en donde:

C es el portador de proteína/polipéptido y X^d es un grupo funcional derivado de un residuo de aminoácido del portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente al portador de proteína/polipéptido y en donde P es una molécula de inmunógeno de péptido anexada covalentemente al grupo funcional derivado del residuo de aminoácido del portador de proteína u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente a un portador de proteína/polipéptido, R es una molécula de coronación anexada covalentemente al grupo funcional derivado de un residuo de aminoácido del portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexado covalentemente a un portador de proteína/polipéptido, conservando mediante esto la funcionalidad del portador, de tal manera que retiene su capacidad para producir las respuestas inmune deseadas contra el inmunógeno de péptido que de otra manera no ocurrirían sin un portador, n es un número entero mayor de 0 pero menor o igual a 85 y p es un número entero mayor de 0 pero menor de 85.

16. El conjugado de conformidad con la reivindicación 15, caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es seleccionado del grupo que consiste de albumina de suero

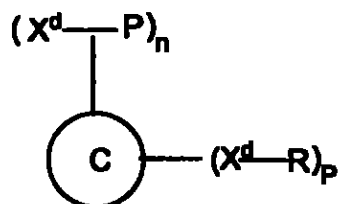
30

humano, hemocianina de lapa de bocallave (KLH), moléculas de inmunoglobulina, tiroglobulina, ovalbúmina, hemaglutinina de influenza, polipéptido PADRE, proteína de circumesporocito de malaria (CS), antígeno superficial de hepatitis B (HBSAg₁₉₋₂₈),
 5 proteína de choque térmico (HSP) 65, *Mycobacterium tuberculosis*, toxina de cólera, mutantes de toxina de cólera con toxicidad reducida, toxina de difteria, proteína de CRM₁₉₇ que es de reactividad cruzada con toxina de difteria, peptidasa estreptococal ORF1664 recombinante, *Streptococcus pyrogenes*
 10 ORF1224, *Streptococcus pyrogenes* ORF1664, *Streptococcus pyrogenes* ORF2452, *Chlamydia pneumoniae* ORF 367, *Chlamydia pneumoniae* ORF T858, toxoide de tétano, HIV gp120 T1, componentes que reconocen moléculas de matriz adhesiva superficial microbiana (MSCRAMMS), factores de crecimiento,
 15 hormonas, citocinas y quimiocinas.

17. El conjugado de conformidad con la reivindicación 16, caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es CRM₁₉₇.

18. El conjugado de conformidad con la reivindicación
 20 15, caracterizado porque el inmunógeno de péptido es seleccionado del grupo que consiste de una proteína bacteriana, una proteína viral y una proteína eucariótica.

19. Un conjugado de inmunógeno de péptido/portador de proteína/polipéptido generado de acuerdo con el método de
 25 conformidad con la reivindicación 8 y que tiene la fórmula:



en donde:

C es el portador de proteína/polipéptido y X^d es un grupo funcional derivado de un residuo de aminoácido del portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexo covalentemente al portador de proteína/polipéptido y en donde P es una molécula de inmunógeno de péptido anexada covalentemente al grupo funcional derivado del residuo de aminoácido del portador de proteína u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexo covalentemente a un portador de proteína/polipéptido, R es una molécula de coronación anexada covalentemente al grupo funcional derivado de un residuo de aminoácido del portador de proteína/polipéptido u opcionalmente de un residuo de aminoácido de un enlazador de péptido anexo covalentemente a un portador de proteína/polipéptido, que conserva la funcionalidad del portador, de tal manera que retiene su capacidad para producir las respuestas inmune deseadas contra el inmunógeno de péptido que de otra manera no ocurrirían sin un portador, n es un número entero mayor de 0 pero menor o igual a 85 y p es un número entero mayor de 0 pero menor de 85.

20. El conjugado de conformidad con la reivindicación 19, caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es seleccionado del grupo que consiste de: albumina de suero humano, hemocianina de lapa de bocallave (KLH), moléculas de inmunoglobulina, tiroglobulina, ovalbúmina, hemaglutinina de influenza, polipéptido PADRE, proteína de circumesporocito de malaria (CS), antígeno superficial de hepatitis B (HBSAg₁₉₋₂₈), proteína de choque térmico (HSP) 65, *Mycobacterium tuberculosis*, toxina de cólera, mutantes de toxina de cólera

con toxicidad reducida, toxina de difteria, proteína de CRM₁₉₇ que es de reactividad cruzada con toxina de difteria, peptidasa estreptococal ORF1664 recombinante, Streptococcus pyrogenes ORF1224, Streptococcus pyrogenes ORF1664, Streptococcus
5 pyrogenes ORF2452, Chlamydia pneumoniae ORF 367, Chlamydia pneumoniae ORF T858, toxoide de tétano, HIV gp120 T1, componentes que reconocen moléculas de matriz adhesiva superficial microbiana (MSCRAMMS), factores de crecimiento, hormonas, citocinas y quimiocinas.

10 21. El conjugado de conformidad con la reivindicación 20, caracterizado porque el portador de proteína/polipéptido es CRM₁₉₇.

22. El conjugado de conformidad con la reivindicación 19, caracterizado porque el inmunógeno de péptido es
15 seleccionado del grupo que consiste de una proteína bacteriana, una proteína viral y una proteína eucariótica.

23. Una composición inmunogénica, caracterizada porque comprende un conjugado de un inmunógeno de péptido con un portador de proteína/polipéptido generado mediante el método
20 de conformidad con la reivindicación 8, junto con uno o más excipientes, diluyentes y/o adyuvantes aceptables farmacéuticamente.

24. La composición inmunogénica de conformidad con la reivindicación 23, caracterizada porque el portador de proteína
25 es seleccionado del grupo que consiste de: albumina de suero humano, hemocianina de lapa de bocallave (KLH), moléculas de inmunoglobulina, tiroglobulina, ovalbúmina, hemaglutinina de influenza, polipéptido PADRE, proteína de circumesporocito de malaria (CS), antígeno superficial de hepatitis B (HBSAg₁₉₋₂₈),
30 proteína de choque térmico (HSP) 65, Mycobacterium

tuberculosis, toxina de cólera, mutantes de toxina de cólera con toxicidad reducida, toxina de difteria, proteína de CRM₁₉₇ que es de reactividad cruzada con toxina de difteria, peptidasa estreptococal ORF1664 recombinante, Streptococcus pyrogenes 5 ORF1224, Streptococcus pyrogenes ORF1664, Streptococcus pyrogenes ORF2452, Chlamydia pneumoniae ORF 367, Chlamydia pneumoniae ORF T858, toxoide de tétano, HIV gp120 T1, componentes que reconocen moléculas de matriz adhesiva superficial microbiana (MSCRAMMS), factores de crecimiento, 10 hormonas, citocinas y quimiocinas.

25. La composición inmunogénica de conformidad con la reivindicación 24, caracterizada porque el portador de proteína/polipéptido es CRM₁₉₇.

26. La composición inmunogénica de conformidad con la 15 reivindicación 23, caracterizada porque el inmunógeno de péptido es seleccionado del grupo que consiste de una proteína bacteriana, una proteína viral y una proteína eucariótica.

27. La composición inmunogénica de conformidad con la reivindicación 23, caracterizada porque el uno o más adyuvantes 20 es seleccionado del grupo que consiste de GM-CSF, 529 SE, IL-12, fosfato de aluminio, hidróxido de aluminio, Mycobacterium tuberculosis, Bordetella pertussis, liposacáridos bacterianos, compuestos de aminoalquil glucosalina fosfato MPL™ (lípidos de monofosforilo 3-O-desacilado A), un polipéptido, Quil A, 25 STIMULON™ QS-2 1, una toxina de pertusis (PT), una toxina de E. coli lábil térmicamente (LT), IL-1 α, IL-1 I IL-2, IL-4, IL-5, IL-6, IL-7, IL-8, IL-10, IL-13, IL-14, IL-15, IL-16, IL-17, IL-18, interferon-α, interferon-β, interferon-γ, G-CSF, TNF-α and TNF-β.

296

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
Rad: 06-059310-00001-0000
Fec: 2006-07-12 16:01:02 Dep. 2020 NUECREACIONES
Tra. 11 PATENTEYII
Eve: 378 FASENACIONALI
Art 329 CTOINFORMACION Folios: 13

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO

NIT : 800176089-2

RECIBO OFICIAL DE CAJA : 06 - 50,092
FECHA : JULIO 4 DE 2006

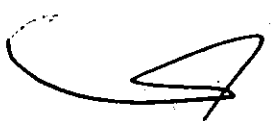
***** CONSIGNACION *****

DEPOSITANTE	TIPO PAGO	BANCO	CUENTA	No. PAGO	FECHA PGO	Vr. PAGO
CAVELIER ABOGADOS	CONSIGNACION	BANCO POPULAR	050-00110-6	54928396	04/07/2006	45,727,000.00

***** CONCEPTO *****

CANT.	RENTISTICO	CONCEPTO	TOTAL CONCEPTO
1	50005-01-03	CAMBIO DE MODALIDAD Y MODIFICA	
		12 MARCAS Y LEMAS COMERCIALES	95,000.00
		TOTAL :	95,000.00

NOVENTA Y CINCO MIL PESOS



RESPONSABLE : _____

RECIBO DE CAJA APLICADO AL EXPEDIENTE No. _____

Colo 13665-841-004-0

399

REPUBLICA DE COLOMBIA
SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO

Bogotá,
2020

Doctor(a)
FERRERO EMILIO
Apoderado(a) y/o Representante de
WYETH

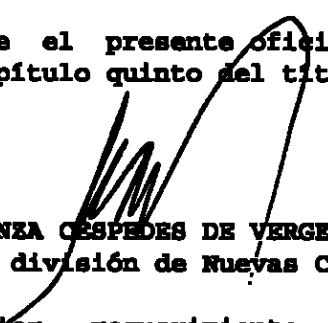
REFERENCIA	Radicación No.	6 59310
	Solicitud internacional	PCT/US2004/042701
	Fecha inicio fase nacional	17/07/2006
	Trámite	11
	Evento	378
	Actuación	430
	Oficio No.	1169=

Como resultado del examen de forma, realizado con fundamento en el artículo 38 de la Decisión 486 de la Comisión de la Comunidad Andina, artículo 27 del Tratado de Cooperación en Materia de Patentes (PCT), regla 51 bis del Reglamento y Circular Única de la Superintendencia de Industria y Comercio, se le comunica que:

1. La solicitud no contiene la copia del documento en que consta la cesión del derecho a la patente del inventor al solicitante o a su causante. (Art. 26-k) Decisión 486.

En cumplimiento de lo dispuesto por el artículo 39 de la Decisión 486, se le requiere para que dentro del término de dos meses siguientes a la fecha de notificación del presente oficio, complete los requisitos anteriormente enunciados. En caso de no dar cumplimiento al presente requerimiento, la solicitud se considerará abandonada y perderá su prelación.

Notifíquese el presente oficio conforme a lo dispuesto en el numeral 5.2, literal e), del capítulo quinto del título primero de la Circular Única No.10 de 2001.


ALIX CARMONA CESPÉDES DE VERGEL
Jefe de la división de Nuevas Creaciones

El anterior requerimiento fue notificado por fijación en lista de fecha 13 OCT. 2006
adpall