

INFORME DE BÚSQUEDA DE PATENTES PARA EL No de Radicación: 14-41955						
CRITERIOS PARA LA BÚSQUEDA (anexar pantallazo o reporte en PDF, junto con los boleanos utilizados)						
Palabras clave utilizadas		Siglec-15 antibodies				
CLASIFICACIONES INTERNACIONALES UTILIZADAS PARA LA BÚSQUEDA						
BASES DE DATOS CONSULTADAS.						
NCBI						
INFORMES DE EXÁMENES REALIZADOS EN OTRAS OFICINAS (documentos patentes, literatura no patente etc...)						
Oficina	Fecha del examen o de reporte de búsqueda de documentos	Anterioridades encontradas para el examen o reportados en el examen de búsqueda(relacionarlos todos)	Reiv. afectadas	RELEVANCIA (requisito que afecta)	FUERON TENIDOS EN CUENTA PARA EL EXAMEN EN LA OFICINA COLOMBIANA	
					SI	NO
EUROPEA						
USPTO						
DOCUMENTOS ADICIONALES ENCONTRADOS POR EL EXAMINADOR DE ACUERDO A LOS CRITERIOS DE BÚSQUEDA.						
CO-10-56078 (equivalente a US 8546540)						
BÚSQUEDA DE SECUENCIAS						
Número de depósito / patente y N° de secuencia						
% de identidad						
SEQ ID NO (de la solicitud)	NCBI	The Lens	EMBL-EBI	DDJB	Genome Quest	
SEQ ID NO: 50	SEQ 49 (US 8546540)					
	78%					

CRITERIOS DE BÚSQUEDA

blastn

blastp

blastx

tblastn

tblastx

BLASTN programs search nucleotide databases using a nucleotide query sequence

Enter Query Sequence

Enter accession number(s), gi(s), or FASTA sequence(s)

>50
ATGAAACACCTGTGGTTCTTCTCCTGCTGGTGCGAGCTCCAGATGGGTGCTGAGCGAGGTGCAACTGG
TGGAGAGCGGCGGCGGACTTGTGCAACCTGGCGGCTCCCTGAGACTTAGCTGTGCCGCTCCGGCTTCAA
CTTCAACGACTACTTCATGAAGTGGGTGAGACAAGCCCTGGCAAGGGCTGGAGTGGGTGGCCAAATC
AGAAACAAGATCTACACCTACGCCACCTTCTACGCCGAGAGCCTTGAGGGCAGATTACCATCTCCAGAG

Clear

Query subrange

From

To

Or, upload file

Seleccionar archivo

Ningún archivo seleccionado

Job Title

SEQ ID NO: 50

Enter a descriptive title for your BLAST search

☐ Align two or more sequences

Choose Search Set

Database

☐ Human genomic + transcript

☐ Mouse genomic + transcript

☒ Others (nr etc.):

Patent sequences(pat)

Organism

Optional

Enter organism name or id—completions will be suggested

☐ Exclude

+

Enter organism common name, binomial, or tax id. Only 20 top taxa will be shown

Exclude

Optional

☐ Models (XM/XP)

☐ Uncultured/environmental sample sequences

Limit to

Optional

☐ Sequences from type material

Entrez Query

Optional

siglec-15

YouTube

Create custom database

Enter an Entrez query to limit search

Program Selection

Optimize for

☒ Highly similar sequences (megablast)

☐ More dissimilar sequences (discontiguous megablast)

☐ Somewhat similar sequences (blastn)

Choose a BLAST algorithm

UNIDAD DE INVENCION

CADENAS PESADAS:

Percent Identity Matrix - created by Clustal2.1

1: 51	100.00	99.36	96.17	97.66	98.51	97.87	94.42	93.56
2: 53	99.36	100.00	96.81	98.30	97.87	98.51	93.78	92.92
3: 41	96.17	96.81	100.00	98.51	97.02	97.66	90.56	92.06
4: 55	97.66	98.30	98.51	100.00	98.51	99.15	92.06	93.56
5: 57	98.51	97.87	97.02	98.51	100.00	99.36	92.92	95.06
6: 59	97.87	98.51	97.66	99.15	99.36	100.00	92.27	94.42
7: 99	94.42	93.78	90.56	92.06	92.92	92.27	100.00	97.85
8: 101	93.56	92.92	92.06	93.56	95.06	94.42	97.85	100.00

CADENAS LIGERAS:

Percent Identity Matrix - created by Clustal2.1

1: 103	100.00	99.16	89.87	92.86	92.83	92.86	92.86	93.28	92.86
2: 105	99.16	100.00	90.72	93.70	93.67	93.70	93.70	92.44	92.02
3: 43	89.87	90.72	100.00	94.09	96.62	95.36	95.78	93.25	92.41
4: 63	92.86	93.70	94.09	100.00	97.47	98.74	98.32	96.64	98.32
5: 67	92.83	93.67	96.62	97.47	100.00	98.73	99.16	96.62	95.78
6: 71	92.86	93.70	95.36	98.74	98.73	100.00	99.58	97.90	97.06
7: 65	92.86	93.70	95.78	98.32	99.16	99.58	100.00	97.48	96.64
8: 69	93.28	92.44	93.25	96.64	96.62	97.90	97.48	100.00	98.32
9: 61	92.86	92.02	92.41	98.32	95.78	97.06	96.64	98.32	100.00