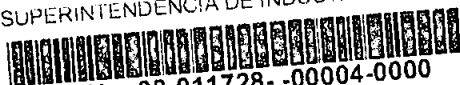


324



No. 08-011728- -00004-0000

Fecha: 2010-09-15 17:05:28 Dep. 2020 DIR.NUEVASCR  
Tra. 11 PATENTEIYII Eve: 379 FASENACIONALI  
Act. 329 CTOINFORMACION Folios: 19**FORMULARIO UNICO DE CORRECCIONES Y MODIFICACIONES**

|   |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                        |                                                                                                                                                                                               |
|---|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 1 | <b>SOLICITUD DE:</b><br><input type="checkbox"/> Corrección de Error Material <input checked="" type="checkbox"/> Modificación a una solicitud                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                         |                                                                                                                                                                                               |
| 2 | <b>SOLICITANTE</b><br><b>Nombre:</b> ARNE FORSGREN AB<br>Sociedad constituida y existente bajo las leyes de Suecia<br><b>Dirección:</b> Sothönsvägen 4 B,<br>230 11 Falsterbo,<br>Suecia<br><b>Domicilio:</b> Falsterbo,<br>Suecia<br><b>Teléfono:</b> 546 09 70 <b>Fax:</b> 249 40 70<br><b>E-mail:</b> <a href="mailto:clientes@cavelier.com">clientes@cavelier.com</a>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                              | <b>IDENTIFICACION</b><br>C.C. <input type="checkbox"/> NIT <input type="checkbox"/><br>C.E. <input type="checkbox"/> Otro <input type="checkbox"/><br>Número: _____                           |
| 3 | <b>REPRESENTANTE O APODERADO</b><br><b>Nombre:</b> Luz Clemencia de PAEZ<br><b>Dirección:</b> Carrera 4ª No. 72-35<br><b>Teléfono:</b> 347 36 11 <b>Fax:</b> 217 92 11<br><b>E-mail:</b> <a href="mailto:cavelier@cavelier.com">cavelier@cavelier.com</a>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                              | <b>IDENTIFICACION</b><br>C.C. <input checked="" type="checkbox"/> NIT <input type="checkbox"/><br>C.E. <input type="checkbox"/> Otro <input type="checkbox"/><br>Número: 35.456.344 TP 23.555 |
| 4 | <b>Número de expediente:</b> 08.011.728                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                |                                                                                                                                                                                               |
| 5 | <b>Descripción de la corrección o modificación solicitada:</b><br>Presento nuevo capítulo reivindicatorio compuesto por 7 reivindicaciones y pido respetuosamente que el examen de patentabilidad sea realizado sobre estas nuevas reivindicaciones presentadas.<br>Asi mismo presento nuevo listado de secuencias.<br>Respetuosamente manifiesto que a pesar de eliminar materia del pliego reivindicatorio originalmente presentado, mi representada no renuncia a la protección que pueda obtener sobre dicha materia y se reserva el derecho de presentar una solicitud divisional que la contenga durante el trámite de la presente solicitud, beneficiándose de la fecha de prioridad inicialmente reivindicada. |                                                                                                                                                                                               |
| 6 | <b>Comprobante de pago No.</b> 10-60.671 <b>Fecha:</b> 27 de julio de 2010                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                             |                                                                                                                                                                                               |
| 7 | <b>Anexos</b><br><input checked="" type="checkbox"/> Comprobante de pago de la tasa por \$114.000, por concepto de modificaciones.<br><input type="checkbox"/> Comprobante de pago por reivindicaciones adicionales después de la décima reivindicación por.<br><input type="checkbox"/> Poderes, si fuere el caso<br><input type="checkbox"/> Documento que acredita la existencia y representación legal de las partes, cuando sean personas jurídicas.                                                                                                                                                                                                                                                              |                                                                                                                                                                                               |

325



NOMBRE: LUZ CLEMENCIA DE PAEZ FIRMA:

*Luz Clemencia Góchez*

C.C. 35.456.344 de Usaquén T.P.A. 23.555

5

DVF

## REIVINDICACIONES

1. Un péptido que consiste en la secuencia ID No. 2, o un fragmento, homólogo, equivalente funcional, derivado, degenerado o producto de hidroxilación, sulfonación o glicosilación u otros productos de procesamiento secundario del mismo que retiene propiedades de ligado a la fibronectina.

2. Un péptido que consiste en la secuencia ID No. 3, o un fragmento, homólogo, equivalente funcional, derivado, degenerado o producto de hidroxilación, sulfonación o glicosilación u otros productos de procesamiento secundario del mismo que retiene propiedades de ligado a la fibronectina.

3. Un ligando que comprende un dominio que liga a la fibronectina, dicho ligando consiste en una secuencia de aminoácidos seleccionada del grupo que consiste en la secuencia ID No. 2 o la secuencia ID No. 3, o un fragmento, homólogo, equivalente funcional, derivado, degenerado o producto de hidroxilación, sulfonación o glicosilación u otros productos de procesamiento secundario del mismo que retiene propiedades de ligado a la fibronectina.

4. Una proteína de fusión que comprende uno o más ligandos de acuerdo con la reivindicación 3.

5. Una secuencia de ácido nucleico que codifica un ligado, proteína o péptido de la presente invención, así como homólogos, polimorfismos, fragmentos, degenerados y variantes divididas de los mismos.

6. Un polipéptido o un polipéptido truncado que comprende por lo menos una de las secuencias conservadas de la secuencia ID No. 2 a la secuencia ID No. 3 o un fragmento, homólogo, equivalente funcional, derivado,

degenerado o producto de hidroxilación, sulfonación o glicosilación u otros productos de procesamiento secundario con la capacidad de ligado a la fibronectina.

7. Una composición de vacuna que comprende una cantidad efectiva de UspA1 y/o UspA2 en combinación con una cantidad efectiva de proteína MID y uno o más adyuvantes, vehículos, excipientes, aglomerantes, portadores o preservantes farmacéuticamente aceptables.

DVF\DVF\ID-178429\WPC16327

328

LISTADO DE SECUENCIAS

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25  
SEQUENCE LISTING

<110> Arne Forsgren AB

<120> INTERACTION OF MORAXELLA CATARRHALIS TO EPITHELIAL CELLS...

<130> 21027432

<160> 10

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 31

<212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (UspA1 105-135 or UspA2 244-274) or synthetic peptide

<400> 1

Asp Gln Lys Ala Asp Ile Asp Asn Asn Ile Asn Asn Ile Tyr Glu Leu  
1 5 10 15

Ala Gln Gln Gln Asp Gln His Ser Ser Asp Ile Lys Thr Leu Lys  
20 25 30

<210> 2

<211> 154

<212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (UspA1 299-452) or synthetic peptide

<400> 2

Thr Gly Asn Gly Thr Val Ser Val Gly Lys Lys Gly Lys Glu Arg Gln  
1 5 10 15

Ile Val His Val Gly Ala Gly Glu Ile Ser Asp Thr Ser Thr Asp Ala  
20 25 30

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Val Asn Gly Ser Gln Leu His Val Leu Ala Thr Val Val Ala Gln Asn  
 35 40 45  
 Lys Ala Asp Ile Lys Asp Leu Asp Asp Glu Val Gly Leu Leu Gly Glu  
 50 55 60  
 Glu Ile Asn Ser Leu Glu Gly Glu Ile Phe Asn Asn Gln Asp Ala Ile  
 65 70 75 80  
 Ala Lys Asn Gln Ala Asp Ile Lys Thr Leu Glu Ser Asn Val Glu Glu  
 85 90 95  
 Gly Leu Leu Asp Leu Ser Gly Arg Leu Leu Asp Gln Lys Ala Asp Ile  
 100 105 110  
 Asp Asn Asn Ile Asn Asn Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln Asp Gln  
 115 120 125  
 His Ser Ser Asp Ile Lys Thr Leu Lys Asn Asn Val Glu Glu Gly Leu  
 130 135 140  
 Leu Asp Leu Ser Gly Arg Leu Ile Asp Gln  
 145 150

<210> 3  
 <211> 154  
 <212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (USP42 265-318) or synthetic peptide

<400> 3

Lys Asp Ala Ile Ala Lys Asn Asn Glu Ser Ile Glu Asp Leu Tyr Asp  
 1 5 10 15  
 Phe Gly His Glu Val Ala Glu Ser Ile Gly Glu Ile His Ala His Asn  
 20 25 30  
 Glu Ala Gln Asn Glu Thr Leu Lys Gly Leu Ile Thr Asn Ser Ile Glu  
 35 40 45  
 Asn Thr Asn Asn Ile Thr Lys Asn Lys Ala Asp Ile Gln Ala Leu Glu  
 50 55 60  
 Asn Asn Val Val Glu Glu Leu Phe Asn Leu Ser Gly Arg Leu Ile Asp  
 65 70 75 80  
 Gln Lys Ala Asp Ile Asp Asn Asn Ile Asn Asn Ile Tyr Glu Leu Ala  
 85 90 95

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Gln Gln Gln Asp Gln His Ser Ser Asp Ile Lys Thr Leu Lys Lys Asn  
100 105 110

Val Glu Glu Gly Leu Leu Glu Leu Ser Asp His Ile Ile Asp Gln Lys  
115 120 125

Thr Asp Ile Ala Gln Asn Gln Ala Asn Ile Gln Asp Leu Ala Thr Tyr  
130 135 140

Asn Glu Leu Gln Asp Gln Tyr Ala Gln Lys  
145 150

<210> 4

<211> 721

<212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (UspA1 50-770) or synthetic peptide

<400> 4

Lys Val Gly Lys Ala Thr Asn Lys Ile Ser Gly Gly Asp Asn Asn Thr  
1 5 10 15

Ala Asn Gly Thr Tyr Leu Thr Ile Gly Gly Gly Asp Tyr Asn Lys Thr  
20 25 30

Lys Gly Arg Tyr Ser Thr Ile Gly Gly Gly Leu Phe Asn Glu Ala Thr  
35 40 45

Asn Glu Tyr Ser Thr Ile Gly Ser Gly Gly Tyr Asn Lys Ala Lys Gly  
50 55 60

Arg Tyr Ser Thr Ile Gly Gly Gly Gly Tyr Asn Glu Ala Thr Asn Gln  
65 70 75 80

Tyr Ser Thr Ile Gly Gly Gly Asp Asn Asn Thr Ala Lys Gly Arg Tyr  
85 90 95

Ser Thr Ile Gly Gly Gly Gly Tyr Asn Glu Ala Thr Ile Glu Asn Ser  
100 105 110

Thr Val Gly Gly Gly Gly Tyr Asn Gln Ala Lys Gly Arg Asn Ser Thr  
115 120 125

Val Ala Gly Gly Tyr Asn Asn Glu Ala Thr Gly Thr Asp Ser Thr Ile  
130 135 140

Ala Gly Gly Arg Lys Asn Gln Ala Thr Gly Lys Gly Ser Phe Ala Ala  
145 150 155 160

sida 3

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Gly Ile Asp Asn Lys Ala Asn Ala Asp Asn Ala Val Ala Leu Gly Asn  
165 170 175

Lys Asn Thr Ile Glu Gly Glu Asn Ser Val Ala Ile Gly Ser Asn Asn  
180 185 190

Thr Val Lys Lys Gly Gln Gln Asn Val Phe Ile Leu Gly Ser Asn Thr  
195 200 205

Asp Thr Thr Asn Ala Gln Asn Gly Ser Val Leu Leu Gly His Asn Thr  
210 215 220

Ala Gly Lys Ala Ala Thr Ile Val Asn Ser Ala Glu Val Gly Gly Leu  
225 230 235 240

Ser Leu Thr Gly Phe Ala Gly Ala Ser Lys Thr Gly Asn Gly Thr Val  
245 250 255

Ser Val Gly Lys Lys Gly Lys Glu Arg Gln Ile Val His Val Gly Ala  
260 265 270

Gly Glu Ile Ser Asp Thr Ser Thr Asp Ala Val Asn Gly Ser Gln Leu  
275 280 285

His Val Leu Ala Thr Val Val Ala Gln Asn Lys Ala Asp Ile Lys Asp  
290 295 300

Leu Asp Asp Glu Val Gly Leu Leu Gly Glu Glu Ile Asn Ser Leu Glu  
305 310 315 320

Gly Glu Ile Phe Asn Asn Gln Asp Ala Ile Ala Lys Asn Gln Ala Asp  
325 330 335

Ile Lys Thr Leu Glu Ser Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Asp Leu Ser  
340 345 350

Gly Arg Leu Leu Asp Gln Lys Ala Asp Ile Asp Asn Asn Ile Asn Asn  
355 360 365

Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln Asp Gln His Ser Ser Asp Ile Lys  
370 375 380

Thr Leu Lys Asn Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Asp Leu Ser Gly Arg  
385 390 395 400

Leu Ile Asp Gln Lys Ala Asp Leu Thr Lys Asp Ile Lys Ala Leu Glu  
405 410 415

Ser Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Asp Leu Ser Gly Arg Leu Ile Asp  
420 425 430

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Gln Lys Ala Asp Ile Ala Lys Asn Gln Ala Asp Ile Ala Gln Asn Gln  
435 440 445

Thr Asp Ile Gln Asp Leu Ala Ala Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Ala Tyr  
450 455 460

Ala Lys Gln Gln Thr Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn Lys Ala Ser Ser  
465 470 475 480

Ala Asn Thr Asp Arg Ile Ala Thr Ala Glu Leu Gly Ile Ala Glu Asn  
485 490 495

Lys Lys Asp Ala Gln Ile Ala Lys Ala Gln Ala Asn Glu Asn Lys Asp  
500 505 510

Gly Ile Ala Lys Asn Gln Ala Asp Ile Gln Leu His Asp Lys Lys Ile  
515 520 525

Thr Asn Leu Gly Ile Leu His Ser Met Val Ala Arg Ala Val Gly Asn  
530 535 540

Asn Thr Gln Gly Val Ala Thr Asn Lys Ala Asp Ile Ala Lys Asn Gln  
545 550 555 560

Ala Asp Ile Ala Asn Asn Ile Lys Asn Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln  
565 570 575

Gln Asp Gln His Ser Ser Asp Ile Lys Thr Leu Ala Lys Val Ser Ala  
580 585 590

Ala Asn Thr Asp Arg Ile Ala Lys Asn Lys Ala Glu Ala Asp Ala Ser  
595 600 605

Phe Glu Thr Leu Thr Lys Asn Gln Asn Thr Leu Ile Glu Gln Gly Glu  
610 615 620

Ala Leu Val Glu Gln Asn Lys Ala Ile Asn Gln Glu Leu Glu Gly Phe  
625 630 635 640

Ala Ala His Ala Asp Val Gln Asp Lys Gln Ile Leu Gln Asn Gln Ala  
645 650 655

Asp Ile Thr Thr Asn Lys Thr Ala Ile Glu Gln Asn Ile Asn Arg Thr  
660 665 670

Val Ala Asn Gly Phe Glu Ile Glu Lys Asn Lys Ala Gly Ile Ala Thr  
675 680 685

Asn Lys Gln Glu Leu Ile Leu Gln Asn Asp Arg Leu Asn Arg Ile Asn  
690 695 700

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Glu Thr Asn Asn His Gln Asp Gln Lys Ile Asp Gln Leu Gly Tyr Ala  
705 710 715 720

Leu

<210> 5

<211> 443

<212> PRT

<213> protein fragment from *Moraxella catarrhalis* (UspA1 50-491) or synthetic peptide

<400> 5

Lys Val Gly Lys Ala Thr Asn Lys Ile Ser Gly Gly Asp Asn Asn Thr  
1 5 10 15

Ala Asn Gly Thr Tyr Leu Thr Ile Gly Gly Gly Asp Tyr Asn Lys Thr  
20 25 30

Lys Gly Arg Tyr Ser Thr Ile Gly Gly Gly Leu Phe Asn Glu Ala Thr  
35 40 45

Asn Glu Tyr Ser Thr Ile Gly Ser Gly Gly Tyr Asn Lys Ala Lys Gly  
50 55 60

Arg Tyr Ser Thr Ile Gly Gly Gly Gly Tyr Asn Glu Ala Thr Asn Gln  
65 70 75 80

Tyr Ser Thr Ile Gly Gly Gly Asp Asn Asn Thr Ala Lys Gly Arg Tyr  
85 90 95

Ser Thr Ile Gly Gly Gly Gly Tyr Asn Glu Ala Thr Ile Glu Asn Ser  
100 105 110

Thr Val Gly Gly Gly Gly Tyr Asn Gln Ala Lys Gly Arg Asn Ser Thr  
115 120 125

Val Ala Gly Gly Tyr Asn Asn Glu Ala Thr Gly Thr Asp Ser Thr Ile  
130 135 140

Ala Gly Gly Arg Lys Asn Gln Ala Thr Gly Lys Gly Ser Phe Ala Ala  
145 150 155 160

Gly Ile Asp Asn Lys Ala Asn Ala Asp Asn Ala Val Ala Leu Gly Asn  
165 170 175

Lys Asn Thr Ile Glu Gly Glu Asn Ser Val Ala Ile Gly Ser Asn Asn  
Sida 6

334

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

180

185

190

Thr Val Lys Lys Gly Gln Gln Asn Val Phe Ile Leu Gly Ser Asn Thr  
195 200 205

Asp Thr Thr Asn Ala Gln Asn Gly Ser Val Leu Leu Gly His Asn Thr  
210 215 220

Ala Gly Lys Ala Ala Thr Ile Val Asn Ser Ala Glu Val Gly Gly Leu  
225 230 235 240

Ser Leu Thr Gly Phe Ala Gly Ala Ser Lys Thr Gly Asn Gly Thr Val  
245 250 255

Ser Val Gly Lys Lys Gly Lys Glu Arg Gln Ile Val His Val Gly Ala  
260 265 270

Gly Glu Ile Ser Asp Thr Ser Thr Asp Ala Val Asn Gly Ser Gln Leu  
275 280 285

His Val Leu Ala Thr Val Val Ala Gln Asn Lys Ala Asp Ile Lys Asp  
290 295 300

Leu Asp Asp Glu Val Gly Leu Leu Gly Glu Glu Ile Asn Ser Leu Glu  
305 310 315 320

Gly Glu Ile Phe Asn Asn Gln Asp Ala Ile Ala Lys Asn Gln Ala Asp  
325 330 335

Ile Lys Thr Leu Glu Ser Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Asp Leu Ser  
340 345 350

Gly Arg Leu Leu Asp Gln Lys Ala Asp Ile Asp Asn Asn Ile Asn Asn  
355 360 365

Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln Asp Gln His Ser Ser Asp Ile Lys  
370 375 380

Thr Leu Lys Asn Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Asp Leu Ser Gly Arg  
385 390 395 400

Leu Ile Asp Gln Lys Ala Asp Leu Thr Lys Asp Ile Lys Ala Leu Glu  
405 410 415

Ser Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Asp Leu Ser Gly Arg Leu Ile Asp  
420 425 430

Gln Lys Ala Asp Ile Ala Lys Asn Gln Ala Asp  
435 440

<210> 6

sida 7

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

<211> 510

<212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (UspA2 30-539) or synthetic peptide

<400> 6

Gln Ala Lys Asn Asp Ile Thr Leu Glu Asp Leu Pro Tyr Leu Ile Lys  
1 5 10 15

Lys Ile Asp Gln Asn Glu Leu Glu Ala Asp Ile Gly Asp Ile Thr Ala  
20 25 30

Leu Glu Lys Tyr Leu Ala Leu Ser Gln Tyr Gly Asn Ile Leu Ala Leu  
35 40 45

Glu Glu Leu Asn Lys Ala Leu Glu Glu Leu Asp Glu Asp Val Gly Trp  
50 55 60

Asn Gln Asn Asp Ile Ala Asn Leu Glu Asp Asp Val Glu Thr Leu Thr  
65 70 75 80

Lys Asn Gln Asn Ala Phe Ala Glu Gln Gly Glu Ala Ile Lys Glu Asp  
85 90 95

Leu Gln Gly Leu Ala Asp Phe Val Glu Gly Gln Glu Gly Lys Ile Leu  
100 105 110

Gln Asn Glu Thr Ser Ile Lys Lys Asn Thr Gln Arg Asn Leu Val Asn  
115 120 125

Gly Phe Glu Ile Glu Lys Asn Lys Asp Ala Ile Ala Lys Asn Asn Glu  
130 135 140

Ser Ile Glu Asp Leu Tyr Asp Phe Gly His Glu Val Ala Glu Ser Ile  
145 150 155 160

Gly Glu Ile His Ala His Asn Glu Ala Gln Asn Glu Thr Leu Lys Gly  
165 170 175

Leu Ile Thr Asn Ser Ile Glu Asn Thr Asn Asn Ile Thr Lys Asn Lys  
180 185 190

Ala Asp Ile Gln Ala Leu Glu Asn Asn Val Val Glu Glu Leu Phe Asn  
195 200 205

Leu Ser Gly Arg Leu Ile Asp Gln Lys Ala Asp Ile Asp Asn Asn Ile  
210 215 220

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25  
Asn Asn Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln Asp Gln His Ser Ser Asp  
225 230 235 240  
Ile Lys Thr Leu Lys Lys Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Glu Leu Ser  
245 250 255  
Asp His Ile Ile Asp Gln Lys Thr Asp Ile Ala Gln Asn Gln Ala Asn  
260 265 270  
Ile Gln Asp Leu Ala Thr Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Gln Tyr Ala Gln  
275 280 285  
Lys Gln Thr Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn Lys Ala Ser Ser Glu Asn  
290 295 300  
Thr Gln Asn Ile Glu Asp Leu Ala Ala Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Ala  
305 310 315 320  
Tyr Ala Lys Gln Gln Thr Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn Lys Ala Ser  
325 330 335  
Ser Glu Asn Thr Gln Asn Ile Glu Asp Leu Ala Ala Tyr Asn Glu Leu  
340 345 350  
Gln Asp Ala Tyr Ala Lys Gln Gln Ala Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn  
355 360 365  
Lys Ala Ser Ser Glu Asn Thr Gln Asn Ile Ala Lys Asn Gln Ala Asp  
370 375 380  
Ile Ala Asn Asn Ile Thr Asn Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln Asp  
385 390 395 400  
Lys His Arg Ser Asp Ile Lys Thr Leu Ala Lys Thr Ser Ala Ala Asn  
405 410 415  
Thr Asp Arg Ile Ala Lys Asn Lys Ala Asp Asp Asp Ala Ser Phe Glu  
420 425 430  
Thr Leu Thr Lys Asn Gln Asn Thr Leu Ile Glu Lys Asp Lys Glu His  
435 440 445  
Asp Lys Leu Ile Thr Ala Asn Lys Thr Ala Ile Asp Ala Asn Lys Ala  
450 455 460  
Ser Ala Asp Thr Lys Phe Ala Ala Thr Ala Asp Ala Phe Thr Lys Asn  
465 470 475 480  
Gly Asn Ala Ile Thr Lys Asn Ala Lys Ser Ile Thr Asp Leu Gly Thr  
485 490 495

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25  
Lys Val Asp Gly Phe Asp Ser Arg Val Thr Ala Leu Asp Thr  
500 505 510

<210> 7

<211> 322

<212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (UspA2 30-351) or synthetic peptide

<400> 7

Gln Ala Lys Asn Asp Ile Thr Leu Glu Asp Leu Pro Tyr Leu Ile Lys  
1 5 10 15

Lys Ile Asp Gln Asn Glu Leu Glu Ala Asp Ile Gly Asp Ile Thr Ala  
20 25 30

Leu Glu Lys Tyr Leu Ala Leu Ser Gln Tyr Gly Asn Ile Leu Ala Leu  
35 40 45

Glu Glu Leu Asn Lys Ala Leu Glu Glu Leu Asp Glu Asp Val Gly Trp  
50 55 60

Asn Gln Asn Asp Ile Ala Asn Leu Glu Asp Asp Val Glu Thr Leu Thr  
65 70 75 80

Lys Asn Gln Asn Ala Phe Ala Glu Gln Gly Glu Ala Ile Lys Glu Asp  
85 90 95

Leu Gln Gly Leu Ala Asp Phe Val Glu Gly Gln Glu Gly Lys Ile Leu  
100 105 110

Gln Asn Glu Thr Ser Ile Lys Lys Asn Thr Gln Arg Asn Leu Val Asn  
115 120 125

Gly Phe Glu Ile Glu Lys Asn Lys Asp Ala Ile Ala Lys Asn Asn Glu  
130 135 140

Ser Ile Glu Asp Leu Tyr Asp Phe Gly His Glu Val Ala Glu Ser Ile  
145 150 155 160

Gly Glu Ile His Ala His Asn Glu Ala Gln Asn Glu Thr Leu Lys Gly  
165 170 175

Leu Ile Thr Asn Ser Ile Glu Asn Thr Asn Asn Ile Thr Lys Asn Lys  
180 185 190

Ala Asp Ile Gln Ala Leu Glu Asn Asn Val Val Glu Glu Leu Phe Asn  
195 200 205

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Leu Ser Gly Arg Leu Ile Asp Gln Lys Ala Asp Ile Asp Asn Asn Ile  
210 215 220

Asn Asn Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln Asp Gln His Ser Ser Asp  
225 230 235 240

Ile Lys Thr Leu Lys Lys Asn Val Glu Glu Gly Leu Leu Glu Leu Ser  
245 250 255

Asp His Ile Ile Asp Gln Lys Thr Asp Ile Ala Gln Asn Gln Ala Asn  
260 265 270

Ile Gln Asp Leu Ala Thr Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Gln Tyr Ala Gln  
275 280 285

Lys Gln Thr Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn Lys Ala Ser Ser Glu Asn  
290 295 300

Thr Gln Asn Ile Glu Asp Leu Ala Ala Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Ala  
305 310 315 320

Tyr Ala

<210> 8

<211> 148

<212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (UspA2 30-177) or synthetic peptide

<400> 8

Gln Ala Lys Asn Asp Ile Thr Leu Glu Asp Leu Pro Tyr Leu Ile Lys  
1 5 10 15

Lys Ile Asp Gln Asn Glu Leu Glu Ala Asp Ile Gly Asp Ile Thr Ala  
20 25 30

Leu Glu Lys Tyr Leu Ala Leu Ser Gln Tyr Gly Asn Ile Leu Ala Leu  
35 40 45

Glu Glu Leu Asn Lys Ala Leu Glu Glu Leu Asp Glu Asp Val Gly Trp  
50 55 60

Asn Gln Asn Asp Ile Ala Asn Leu Glu Asp Asp Val Glu Thr Leu Thr  
65 70 75 80

Lys Asn Gln Asn Ala Phe Ala Glu Gln Gly Glu Ala Ile Lys Glu Asp  
85 90 95

sida 11

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Leu Gln Gly Leu Ala Asp Phe Val Glu Gly Gln Glu Gly Lys Ile Leu  
100 105 110

Gln Asn Glu Thr Ser Ile Lys Lys Asn Thr Gln Arg Asn Leu Val Asn  
115 120 125

Gly Phe Glu Ile Glu Lys Asn Lys Asp Ala Ile Ala Lys Asn Asn Glu  
130 135 140

Ser Ile Glu Asp  
145

<210> 9

<211> 340

<212> PRT

<213> protein fragment from *Moraxella catarrhalis* (UspA2 200-539) or synthetic peptide

<400> 9

Asn Glu Thr Leu Lys Gly Leu Ile Thr Asn Ser Ile Glu Asn Thr Asn  
1 5 10 15

Asn Ile Thr Lys Asn Lys Ala Asp Ile Gln Ala Leu Glu Asn Asn Val  
20 25 30

Val Glu Glu Leu Phe Asn Leu Ser Gly Arg Leu Ile Asp Gln Lys Ala  
35 40 45

Asp Ile Asp Asn Asn Ile Asn Asn Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln  
50 55 60

Asp Gln His Ser Ser Asp Ile Lys Thr Leu Lys Lys Asn Val Glu Glu  
65 70 75 80

Gly Leu Leu Glu Leu Ser Asp His Ile Ile Asp Gln Lys Thr Asp Ile  
85 90 95

Ala Gln Asn Gln Ala Asn Ile Gln Asp Leu Ala Thr Tyr Asn Glu Leu  
100 105 110

Gln Asp Gln Tyr Ala Gln Lys Gln Thr Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn  
115 120 125

Lys Ala Ser Ser Glu Asn Thr Gln Asn Ile Glu Asp Leu Ala Ala Tyr  
130 135 140

Asn Glu Leu Gln Asp Ala Tyr Ala Lys Gln Gln Thr Glu Ala Ile Asp  
Sida 12

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

145 150 155 160

Ala Leu Asn Lys Ala Ser Ser Glu Asn Thr Gln Asn Ile Glu Asp Leu  
165 170 175

Ala Ala Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Ala Tyr Ala Lys Gln Gln Ala Glu  
180 185 190

Ala Ile Asp Ala Leu Asn Lys Ala Ser Ser Glu Asn Thr Gln Asn Ile  
195 200 205

Ala Lys Asn Gln Ala Asp Ile Ala Asn Asn Ile Thr Asn Ile Tyr Glu  
210 215 220

Leu Ala Gln Gln Gln Asp Lys His Arg Ser Asp Ile Lys Thr Leu Ala  
225 230 235 240

Lys Thr Ser Ala Ala Asn Thr Asp Arg Ile Ala Lys Asn Lys Ala Asp  
245 250 255

Asp Asp Ala Ser Phe Glu Thr Leu Thr Lys Asn Gln Asn Thr Leu Ile  
260 265 270

Glu Lys Asp Lys Glu His Asp Lys Leu Ile Thr Ala Asn Lys Thr Ala  
275 280 285

Ile Asp Ala Asn Lys Ala Ser Ala Asp Thr Lys Phe Ala Ala Thr Ala  
290 295 300

Asp Ala Phe Thr Lys Asn Gly Asn Ala Ile Thr Lys Asn Ala Lys Ser  
305 310 315 320

Ile Thr Asp Leu Gly Thr Lys Val Asp Gly Phe Asp Ser Arg Val Thr  
325 330 335

Ala Leu Asp Thr  
340

<210> 10

<211> 157

<212> PRT

<213> protein fragment from Moraxella catarrhalis (UspA2 302-458) or synthetic peptide

<400> 10

Ile Gln Asp Leu Ala Thr Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Gln Tyr Ala Gln  
1 5 10 15

WO 2007/018463

PCT/SE2006/000931

21027432(21020135).ST25

Lys Gln Thr Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn Lys Ala Ser Ser Glu Asn  
20 25 30

Thr Gln Asn Ile Glu Asp Leu Ala Ala Tyr Asn Glu Leu Gln Asp Ala  
35 40 45

Tyr Ala Lys Gln Gln Thr Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn Lys Ala Ser  
50 55 60

Ser Glu Asn Thr Gln Asn Ile Glu Asp Leu Ala Ala Tyr Asn Glu Leu  
65 70 75 80

Gln Asp Ala Tyr Ala Lys Gln Gln Ala Glu Ala Ile Asp Ala Leu Asn  
85 90 95

Lys Ala Ser Ser Glu Asn Thr Gln Asn Ile Ala Lys Asn Gln Ala Asp  
100 105 110

Ile Ala Asn Asn Ile Thr Asn Ile Tyr Glu Leu Ala Gln Gln Gln Asp  
115 120 125

Lys His Arg Ser Asp Ile Lys Thr Leu Ala Lys Thr Ser Ala Ala Asn  
130 135 140

Thr Asp Arg Ile Ala Lys Asn Lys Ala Asp Asp Asp Ala  
145 150 155

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO

NIT : 800176089-2

RECIBO OFICIAL DE CAJA : 10 - 60,671  
FECHA : JULIO 27 DE 2010



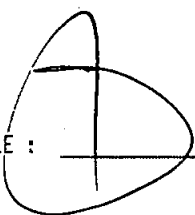
\*\*\*\*\* CONSIGNACION \*\*\*\*\*

| DEPOSITANTE       | TIPO PAGO    | BANCO           | CUENTA    | No. PAGO  | FECHA PGO  | Vr. PAGO      |
|-------------------|--------------|-----------------|-----------|-----------|------------|---------------|
| CAVELIER ABOGADOS | CONSIGNACION | BANCO DE BOGOTA | 062754387 | 175542474 | 26/07/2010 | 63,413,000.00 |

\*\*\*\*\* CONCEPTO \*\*\*\*\*

| CANT. | RENTISTICO  | CONCEPTO                       | TOTAL CONCEPTO |
|-------|-------------|--------------------------------|----------------|
| 1     | 50005-01-03 | CAMBIO DE MODALIDAD Y MODIFICA |                |
| 12    |             | MARCAS Y LEMAS COMERCIALES     | 114,000.00     |
|       |             | TOTAL :                        | \$ 114,000.00  |

SON: CIENTO CATORCE MIL PESOS

RESPONSABLE : 

RECIBO DE CAJA APLICADO AL EXPEDIENTE No. \_\_\_\_\_

~~10611-841-004-7.~~  
~~Colo 14531-841-005-0.~~

Colo: 16327-841-001-0