

INFORME DE BÚSQUEDA DE PATENTES PARA EL No de Radicación: 14-133473-00000-0000						
CRITERIOS PARA LA BÚSQUEDA (anexar pantallazo o reporte en PDF, junto con los boleanos utilizados)						
Palabras clave utilizadas		Perhydrolase System Bleac				
CLASIFICACIONES INTERNACIONALES UTILIZADAS PARA LA BÚSQUEDA		A61K8/64 OR A61Q11/00				
BASES DE DATOS CONSULTADAS.						
The lens		NCBI		Google Patents		Espacenet
INFORMES DE EXÁMENES REALIZADOS EN OTRAS OFICINAS (documentos patentes, literatura no patente etc...)						
Oficina	Fecha del examen o de reporte de búsqueda de documentos	Anterioridades encontradas para el examen o reportados en el examen de búsqueda(relacionarlos todos)	Reiv. afectadas	RELEVANCIA (requisito que afecta)	FUERON TENIDOS EN CUENTA PARA EL EXAMEN EN LA OFICINA COLOMBIANA	
					SI	NO
Europea	27/03/2014	WO 2010039953	1-14	NI	X	
		US 2011236339	1-14	NI	X	
		WO 2012087970		NI		X
USPTO	15/09/2015	WO 2013096318				X
DOCUMENTOS ADICIONALES ENCONTRADOS POR EL EXAMINADOR DE ACUERDO A LOS CRITERIOS DE BÚSQUEDA.						
BÚSQUEDA DE SECUENCIAS						
Número de depósito / patente y N° de secuencia % de identidad						
SEQ ID NO (de la solicitud)	NCBI	The Lens	EMBL-EBI	DDJB	Genome Quest	
1		SEQ ID NO: 5 US20110236339				
		100%				
2		SEQ ID NO: 32 US20110236339				
		99%				

CRITERIOS DE BÚSQUEDA / UNIDAD DE INVENCIÓN (Pantallazos)

SEQ ID No. 1

[Download](#) [Graphics](#)

WO2013096318_1

Sequence ID: lcl|Query_18455 Length: 325 Number of Matches: 1

Range 1: 1 to 325 Graphics			Next Match Previous Match		
Score	Expect	Method	Identities	Positives	Gaps
673 bits(1736)	0.0	Compositional matrix adjust.	325/325(100%)	325/325(100%)	0/325(0%)
Query 1	MAFFDLPLEELKKYRPERYEEKDFDEFWEETLAESEKFPLDPVFERMESHKLTVEAYDVT				60
Sbjct 1	MAFFDLPLEELKKYRPERYEEKDFDEFWEETLAESEKFPLDPVFERMESHKLTVEAYDVT				60
Query 61	FSGYRGQRIKGWILLVPKLEEEKLPCVVQYIGYNGGRGFPHDWLFWPSMGYICFVMDTRGQ				120
Sbjct 61	FSGYRGQRIKGWILLVPKLEEEKLPCVVQYIGYNGGRGFPHDWLFWPSMGYICFVMDTRGQ				120
Query 121	GSGWLKGDTPDYPEGVPDQYPGFMTRGILDPRTYYYRRVFTDAVRAVEAAASFPQVDQE				180
Sbjct 121	GSGWLKGDTPDYPEGVPDQYPGFMTRGILDPRTYYYRRVFTDAVRAVEAAASFPQVDQE				180
Query 181	RVIAGGSQGGGIALAVSALKKAKALLCDVPFLCHFRRAVQLVDTHPYAEITNFKLTHR				240
Sbjct 181	RVIAGGSQGGGIALAVSALKKAKALLCDVPFLCHFRRAVQLVDTHPYAEITNFKLTHR				240
Query 241	DKEEIVFRTLSTYFDGVNFAARAKIPALFSVGLMDNISPPSTVFAAYNYYAGPKEIRIYPY				300
Sbjct 241	DKEEIVFRTLSTYFDGVNFAARAKIPALFSVGLMDNISPPSTVFAAYNYYAGPKEIRIYPY				300
Query 301	NNHEGGGSFQAVEQVKFLKKLFEKG 325				
Sbjct 301	NNHEGGGSFQAVEQVKFLKKLFEKG 325				

SEQ ID No. 2

[Download](#) [Graphics](#)

WO2013096318_2

Sequence ID: lcl|Query_240401 Length: 375 Number of Matches: 1

Range 1: 1 to 325 [Graphics](#)

[Next Match](#) [Previous Match](#)

Score	Expect	Method	Identities	Positives	Gaps
671 bits(1732)	0.0	Compositional matrix adjust.	324/325(99%)	325/325(100%)	0/325(0%)
Query 1	MAFFDLPLEELKKYRPERYEEKDFDEFWEETLAESEKFLDPVFERMESHKLTVEAYDVT			60	
Sbjct 1	MAFFDLPLEELKKYRPERYEEKDFDEFWEETLAESEKFLDPVFERMESHKLTVEAYDVT			60	
Query 61	FSGYRGQRIKGWLLVPKLEEEKLPCVVQYIGYNGGRGFPHDNLFWPSMGYICFVMDTRGQ			120	
Sbjct 61	FSGYRGQRIKGWLLVPKLEEEKLPCVVQYIGYNGGRGFPHDNLFWPSMGYICFVMDTRGQ			120	
Query 121	GSGWLKGDTPDYPEGVPDPQYPGFMTRGILDPRTYYYRRVFTDAVRAVEAAASFPQVDQE			180	
Sbjct 121	GSGWLKGDTPDYPEGVPDPQYPGFMTRGILDPRTYYYRRVFTDAVRAVEAAASFPQVDQE			180	
Query 181	RVIAGGSQGGGIALAVSALSKKAKALLCDVPFLCHFRRAVLVDTHPYAEITNFKLTHR			240	
Sbjct 181	RVIAGGSQGGGIALAVSALSKKAKALLCDVPFLCHFRRAVLVDTHPYAEITNFKLTHR			240	
Query 241	DKEEIVFRTLSTYFDGVNFAARAKIPALFSVGLMDNISPPSTVFAAYNYYAGPKEIRIYPY			300	
Sbjct 241	DKEEIVFRTLSTYFDGVNFAARAKIPALFSVGLMDNISPPSTVFAAYNYYAGPKEIRIYPY			300	
Query 301	NNHEGGGSFQAVEQVKFLKKLFEKG 325				
Sbjct 301	NNHEGGGSFQAVEQVKFLKKLFEKG 325				

[Download](#) [Graphics](#)

US20110236339A1_5

Sequence ID: lcl|Query_154775 Length: 325 Number of Matches: 1

Range 1: 1 to 325 [Graphics](#)

[Next Match](#) [Previous Match](#)

Score	Expect	Method	Identities	Positives	Gaps
673 bits(1736)	0.0	Compositional matrix adjust.	325/325(100%)	325/325(100%)	0/325(0%)
Query 1	MAFFDLPLEELKKYRPERYEEKDFDEFWEETLAESEKFLDPVFERMESHKLTVEAYDVT			60	
Sbjct 1	MAFFDLPLEELKKYRPERYEEKDFDEFWEETLAESEKFLDPVFERMESHKLTVEAYDVT			60	
Query 61	FSGYRGQRIKGWLLVPKLEEEKLPCVVQYIGYNGGRGFPHDNLFWPSMGYICFVMDTRGQ			120	
Sbjct 61	FSGYRGQRIKGWLLVPKLEEEKLPCVVQYIGYNGGRGFPHDNLFWPSMGYICFVMDTRGQ			120	
Query 121	GSGWLKGDTPDYPEGVPDPQYPGFMTRGILDPRTYYYRRVFTDAVRAVEAAASFPQVDQE			180	
Sbjct 121	GSGWLKGDTPDYPEGVPDPQYPGFMTRGILDPRTYYYRRVFTDAVRAVEAAASFPQVDQE			180	
Query 181	RVIAGGSQGGGIALAVSALSKKAKALLCDVPFLCHFRRAVLVDTHPYAEITNFKLTHR			240	
Sbjct 181	RVIAGGSQGGGIALAVSALSKKAKALLCDVPFLCHFRRAVLVDTHPYAEITNFKLTHR			240	
Query 241	DKEEIVFRTLSTYFDGVNFAARAKIPALFSVGLMDNISPPSTVFAAYNYYAGPKEIRIYPY			300	
Sbjct 241	DKEEIVFRTLSTYFDGVNFAARAKIPALFSVGLMDNISPPSTVFAAYNYYAGPKEIRIYPY			300	
Query 301	NNHEGGGSFQAVEQVKFLKKLFEKG 325				
Sbjct 301	NNHEGGGSFQAVEQVKFLKKLFEKG 325				