

INFORME DE BÚSQUEDA DE PATENTES PARA EL No de Radicación: 15-199150						
CRITERIOS PARA LA BÚSQUEDA (anexar pantallazo o reporte en PDF, junto con los boleanos utilizados)						
Palabras utilizadas	clave	"anti-trop-2 antibodies" "anti-trop-2 conjugates"				
CLASIFICACIONES INTERNACIONALES UTILIZADAS PARA LA BÚSQUEDA	A61K47/48, C07K16/30					
BASES DE DATOS CONSULTADAS.						
Google patents		Espacente		WIPO		USPTO
Science direct		Pubmed		Genomequest		
INFORMES DE EXÁMENES REALIZADOS EN OTRAS OFICINAS (documentos patentes, literatura no patente etc...)						
Oficina	Fecha del examen o de reporte de búsqueda de documentos	Anterioridades encontradas para el examen o reportados en el examen de búsqueda(relacionarlos todos)	Reiv. afectadas	RELEVANCIA (requisito que afecta)	FUERON TENIDOS EN CUENTA PARA EL EXAMEN EN LA OFICINA COLOMBIANA	
					SI	NO
EUROPEA	13/05/14	WO 2008144891	9, 16, 1 22, 23 y 31 a 41 1-9, 16, 17; 18-41 (parcialmente)	Novedad	X	
		Varuhese et al. (2011) Am. J. Obstet. Gynecol. 205:567 e1-567.e7	1-9, 16, 17; 18-41 (parcialmente)	Nivel Inventivo		X
		Cardillo et al. (2011) Clin. Cáncer Res. 17: 3135-3169	1-9, 16, 17; 18-41 (parcialmente)	Nivel Inventivo	X	
USPTO	No se ha realizado	NA	NA	NA	NA	NA
DOCUMENTOS ADICIONALES ENCONTRADOS POR EL EXAMINADOR DE ACUERDO A LOS CRITERIOS DE BÚSQUEDA.						
BÚSQUEDA DE SECUENCIAS						
Número de depósito / patente y N° de secuencia % de identidad						
SEQ ID NO (de la solicitud)	NCBI	The Lens	EMBL-EBI	DDJB	Genome Quest	
102	GI:49256427	US 781194/ SEQ ID NO: 182				
	95%	95%				
65	GI:49256427	US 781194/ SEQ ID NO: 181				
	95%	95%				
6		US7279271/SEQ ID NO: 37				
		95%				
63					US8697072 / SEQ ID NO: 6	
					100%	
38					WO2013068946/ SEQ ID 38	
					100%	

[illegible]

Cadenas Pesadas

CLUSTAL 2.1 multiple sequence alignment

```
SEQ_ID_NO_5      QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVSGGSISSYGVHWIRQPPGKGLEWIGVIWTSG-VTDY 59
SEQ_ID_NO_85     QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVSGGSISSYGVHWIRQPPGKGLEWIGVIWTSG-VTDY 59
SEQ_ID_NO_102    QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVSGGSISSYGVHWIRQPPGKGLEWIGVIWTSG-VTDY 59
SEQ_ID_NO_65     QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVSGGSISSYGVHWIRQPPGKGLEWIGVIWTSG-VTDY 59
SEQ_ID_NO_13     QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYINWVRQAPGQGLEWMGNIFFPSDSYSNY 60
SEQ_ID_NO_67     QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYINWVRQAPGQGLEWMGNIFFPSDSYSNY 60
                ****  **:  **:  ::::*:**  ::**  ::**:* **:* **  ::*

SEQ_ID_NO_5      NSALMGRVTISVDTSKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARDGDYDRYTMQYGGQGLTVTVSS 119
SEQ_ID_NO_85     NSALMGRVTISVDTSKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARDGDYDRYTMQYGGQGLTVTVSS 119
SEQ_ID_NO_102    NSALMGRVTISVDTSKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARDGDYDRYTMQYGGQGLTVTVSS 119
SEQ_ID_NO_65     NSALMGRVTISVDTSKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARDGDYDRYTMQYGGQGLTVTVSS 119
SEQ_ID_NO_13     NKKFKDRVTMTTSTSTVYMESSLRSEDVAVYYCARGSGFD-----YWGQGLTVTVSS 115
SEQ_ID_NO_67     NKKFKDRVTMTTSTSTVYMESSLRSEDVAVYYCARGSGFD-----YWGQGLTVTVSS 115
                *:  .****: ***.  .  ::*:  : *****  .:*  *****

SEQ_ID_NO_5      -----
SEQ_ID_NO_85     -----
SEQ_ID_NO_102    ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTWNSGALTSKVHFFPAPVLQSS 179
SEQ_ID_NO_65     ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTWNSGALTSKVHFFPAPVLQSS 179
SEQ_ID_NO_13     -----
SEQ_ID_NO_67     ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTWNSGALTSKVHFFPAPVLQSS 175

SEQ_ID_NO_5      -----
SEQ_ID_NO_85     -----
SEQ_ID_NO_102    GLYSLSSVWTPVSSSLGTQTYICNVNHPKSNITKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGG 239
SEQ_ID_NO_65     GLYSLSSVWTPVSSSLGTQTYICNVNHPKSNITKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGG 239
SEQ_ID_NO_13     -----
SEQ_ID_NO_67     GLYSLSSVWTPVSSSLGTQTYICNVNHPKSNITKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGG 235

SEQ_ID_NO_5      -----
SEQ_ID_NO_85     -----
SEQ_ID_NO_102    PSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYN 299
SEQ_ID_NO_65     PSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYN 299
SEQ_ID_NO_13     -----
SEQ_ID_NO_67     PSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYN 295

SEQ_ID_NO_5      -----
SEQ_ID_NO_85     -----
SEQ_ID_NO_102    STYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREE 359
SEQ_ID_NO_65     STYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREE 359
SEQ_ID_NO_13     -----
SEQ_ID_NO_67     STYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREE 355

SEQ_ID_NO_5      -----
SEQ_ID_NO_85     -----
SEQ_ID_NO_102    MTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTPPVLDSDGSEFFLYSKLTVDKSRW 419
SEQ_ID_NO_65     MTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTPPVLDSDGSEFFLYSKLTVDKSRW 419
SEQ_ID_NO_13     -----
SEQ_ID_NO_67     MTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTPPVLDSDGSEFFLYSKLTVDKSRW 415

SEQ_ID_NO_5      -----
SEQ_ID_NO_85     -----
SEQ_ID_NO_102    QQGNVFSCSVMEALHNIHYTQKSLSLSPGK 449
SEQ_ID_NO_65     QQGNVFSCSVMEALHNIHYTQKSLSLSPGK 449
SEQ_ID_NO_13     -----
SEQ_ID_NO_67     QQGNVFSCSVMEALHNIHYTQKSLSLSPGK 445
```

SEQ ID NO:	5	85	102	65	13	67
5	100.00					
85	97.48	100.00				
102	97.48	100.00	100.00			
65	100.00	97.48	99.33	100.00		
13	50.88	50.88	50.88	50.88	100.00	
67	50.88	50.88	87.39	87.39	100.00	100.00

Los grupos que se encuentran sustentados son: SEQ ID NO: 5, 85,102 y 65 y SEQ ID NO: 67,102 y 13

Cadenas livianas

CLUSTAL 2.1 multiple sequence alignment

```

SEQ_ID_NO_3      DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCRASKSVSTSGYSYMHYQQKPGQPPKLLIYLASNLES 60
SEQ_ID_NO_6      DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCRASKSVSTSLYSYMHYQQKPGQPPKLLIYLASNLES 60
SEQ_ID_NO_66     DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCRASKSVSTSGYSYMHYQQKPGQPPKLLIYLASNLES 60
SEQ_ID_NO_68     EIVLTQSPATLSLSPGERATLSCRASQTIGTS----IHMYQQKPGQAPRLIYYASESIS 56
SEQ_ID_NO_12     EIVLTQSPATLSLSPGERATLSCRASQTIGTS----IHMYQQKPGQAPRLIYYASESIS 56
                  :*:*** :*: * :*: :*: :*: :*: :*: :*: :*: :*: :*

SEQ_ID_NO_3      GVPDRFSGSGSGTDFTLTISSLQAEDVAVYYCQHSRELPTYFGQGTKLEIK----- 111
SEQ_ID_NO_6      GVPDRFSGSGSGTDFTLTISSLQAEDVAVYYCQHSRELPTYFGQGTKLEIK----- 111
SEQ_ID_NO_66     GVPDRFSGSGSGTDFTLTISSLQAEDVAVYYCQHSRELPTYFGQGTKLEIKRTVAAPSVF 120
SEQ_ID_NO_68     GIPARFSGSGSGTDFTLTISLEPEDFAVYYCSQSFSPFTFGQGTKLEIKRTVAAPSVF 116
SEQ_ID_NO_12     GIPARFSGSGSGTDFTLTISLEPEDFAVYYCSQSFSPFTFGQGTKLEIK----- 107
                  *: *****:*.*****:*.*****:*.*****

SEQ_ID_NO_3      -----
SEQ_ID_NO_6      -----
SEQ_ID_NO_66     IFPPSDEQLKSGTASVCLLNIFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSTYSL 180
SEQ_ID_NO_68     IFPPSDEQLKSGTASVCLLNIFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSTYSL 176
SEQ_ID_NO_12     -----

SEQ_ID_NO_3      -----
SEQ_ID_NO_6      -----
SEQ_ID_NO_66     STLTLKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC 218
SEQ_ID_NO_68     STLTLKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC 214
SEQ_ID_NO_12     -----

```

SEQ ID NO:	3	6	66	68	12
3	100.00				
6	99.10	100.00			
66	100.00	99.10	100.00		
68	71.03	71.03	85.51	100.00	
12	71.03	71.03	71.03	100.00	100.00

Los grupos que se encuentran sustentados son: SEQ ID NO: 3, 6 y 66, SEQ ID NO: 66 y 68 y SEQ ID NO: 12 y 68

Cadenas pesadas

```

>SEQ_ID_NO_5
QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVSGGSISSYGVHWIRQPPGKGLEWIGVIWTSGLTDYNSALMGRVTISVDT
SKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARDGDYDRYTM DYWG QGTLTVSS
>SEQ_ID_NO_85
QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVSGGSISSYGVHWIRQPPGKGLEWIGVIWTSGLTDYNSALMGRVTISVDT
SKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARXXDYDRYTXDYWGQGLTVTVSS
>SEQ_ID_NO_102
QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVSGGSISSYGVHWIRQPPGKGLEWIGVIWTSGLTDYNSALMGRVTISVDT
SKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARXXDYDRYTXDYWGQGLTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
CLVKDYFPEPTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVE

```

PKSCDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT
KPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPVLDSGSSFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHN
HYTQKSLSLSPGK

>SEQ_ID_NO_65

QVQLQESGPGLVKPSSETLSLTCTVS**GGSSISYGVH**WIRQPPGKGLEWIG**VIWTSQV**TDYNSALMGRVTISVDT
SKNQFSLKLSSVTAADTAVYYCARDG**GDYDRYTM**MDYWGQGLTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVE
PKSCDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT
KPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPVLDSGSSFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHN
HYTQKSLSLSPGK

Cadenas Livianas

>SEQ_ID_NO_6

DIVMTQSPDSLAVSLGERATINC**RASKSVSTSLYSYMH**WYQQKPGQPPLLIY**LASNLES**GVPDRFSGSGSGT
DFTLTISSLQAEDVAVYYC**QHSRELPYT**FGQGTKLEIK

>SEQ_ID_NO_66

DIVMTQSPDSLAVSLGERATINC**RASKSVSTSGYSYMH**WYQQKPGQPPLLIY**LASNLES**GVPDRFSGSGSGT
DFTLTISSLQAEDVAVYYC**QHSRELPYT**FGQGTKLEIKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVCLLNNFYPREA
KVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSLSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC

Cadenas Pesadas

>SEQ_ID_NO_13

QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKAS**GYTFTSYWIN**WVRQAPGQGLEWMGN**IFPSDSYSN**YK**KFKD**RVTMT
RDTSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYC**ARGSGFDY**WGQGLTVTVSS

>SEQ_ID_NO_67

QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKAS**GYTFTSYWIN**WVRQAPGQGLEWMGN**IFPSDSYSN**YK**KFKD**RVTMT
RDTSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYC**ARGSGFDY**WGQGLTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCL
VKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPK
SCDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKP
REEQYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVS
LTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPVLDSGSSFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
TQKSLSLSPGK

Cadenas livianas

>SEQ_ID_NO_12

EIVLTQSPATLSLSPGERATLSC**RASQTIGTSIH**WYQQKPGQAPRLLIY**YASESIS**GIPARFSGSGSGTDFTLTIS
SLEPEDFAVYYCS**QSF****SWPFT**FGQGTKLEIK

>SEQ_ID_NO_68

EIVLTQSPATLSLSPGERATLSC**RASQTIGTSIH**WYQQKPGQAPRLLIY**YASESIS**GIPARFSGSGSGTDFTLTIS
SLEPEDFAVYYCS**QSF****SWPFT**FGQGTKLEIKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVCLLNNFYPREAKVQWK
VDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSLSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC