SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 13-242679- -00011-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:24 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 1 PATENTEIYII Eve: 378 FASENACIONALI
Act: 851 DIVISIONAL Folios: 7

Industria y C
SUPERINTEN

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO7
No. 15-256595- -00000-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:25 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 11 PATENTEIYII Eve: 378 FASENACIONALI
Act: 411 PRESENTACION Folios: 7

SOLICITUD

PATENTE DE INVENCIÓN

A. A.

21. **EXPEDIENTE No.**

54. **TITULO:** **INHIBIDORES POTENTES Y SELECTIVOS DE $Na_V1.3$ Y $Na_V1.7$**

51. CLASIFICACION INTRNACIONAL **C07K 14/435**

71. SOLICITANTE: **AMGEN INC.**

DOMICILIO: California, Estados Unidos de América

74. APODERADO **CAROLINA DAZA MONTALVO**

22. BOGOTÁ, D.C.

Industria y Comercio
SUPERINTENDENCIA

Espacio reservado para el adhesivo de radicación

A, A

DIVISIONAL EXP: 13 242.679

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 13-242679- -00011-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:24 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 11 PATENTEIYII Eve: 378 FASENACIONALI
Act: 851 DIVISIONAL Folios: 7

DIRECCIÓN DE NUEVAS CRI
CONVERSIÓN, DIVISIÓN Y FUSIÓN

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 15-256595- -00000-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:25 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 11 PATENTEIYII Eve: 378 FASENACIONALI
Act: 411 PRESENTACION Folios: 7

1. Identificación del Tramite

[ ] Conversión [X] División

[X] Patente de Invención [ ] Patente de Mc

2. Datos del solicitante

Persona Natural [ ] Persona Juridica [X]

AMGEN INC.

Nombre c denominación / Nombre o razón social

Nombre del representante legal

Tipo de empresa Micro [ ] Pequeña [ ] Mediana [ ] Otra [ ]

Documento de identificación: [ ] C.C. [ ] C.E. [ ] NIT [ ] Otro Número _____

Nacionalidad/País de constitución	Dirección del titular	Ciudad
Estados Unidos de América	One Amgen Center drive, Thousand Oaks,	California 91320-1799,

[ ] Autorizo expresamente a la Superintendencia de Industria y Comercio para que todas las comunicaciones sean enviadas a través de la dirección de correo electrónico

3. Datos del apoderado:

CAROLINA DAZA MONTALVO	C.C. 66.783.790	T.P. 141563 CSJ
Apellidos y Nombre	Documento de identificación	Tarjeta profesional

Dirección y domicilio		Ciudad
Carrera 11 No. 86-53, Piso 6, Bogotá D.C., Colombia		Bogotá D.C.
Dirección electrónica	**No. Fax**	**Número telefónico**
notificaciones@clarkemodet.com.co	6350824	6181088

En caso de hat er presentado poder general para asuntos que se adelanten ante la Delegatura de Propiedad Industrial, sirvase indicar el número de su radicación o protocolo de poder general _____

P-3938

4. Datos del trámite

CONVERSION	DIVISION	FUSION
Expediente_____	Expediente 13-242.679	Expediente_____
De: _____	De: _____	De: _____
A: _____	A: _____	A: _____

5. Comprobante de Pago No. **Fecha**

6. Anexos

- ☐ Comprobante de pago de la tasa para la presentación de la corrección y/o modificación
- ☐ Poder, si fuere el caso con el que se acredita la representación
- ☐ Número de documento que ordena la comisión o fusión o división
- ☐ Documento que contiene la conversión, división o fusión de la solicitud
- ☐ Copia de la solicitud y sus anexos en formato magnético

7. Firma	
CAROLINA DAZA MONTALVO	
Nombre y apellidos	**Firma**
C.C. 66.783.790	Tarjeta Profesional T.P. 141563 CSJ

Industria y Comercio
SUPERINTENDENCIA

Espacio reservado para el adhesivo de radicación

DIRECCIÓN DE NUEVAS CREACIONES
SOLICITUD FASE NACIONAL – PCT

1	**TIPO DE SOLICITUD**	☒ Patente de invención ☒ Capítulo I	☐ Patente de Modelo de Utilidad ☐ Capítulo II

2 **DATOS SOLICITUD INTERNACIONAL PCT (86)**

Solicitud Internacional No.	**PCT/US2012/029537**	**Fecha**	**16 de Marzo de 2012**
Publicación Internacional No.	**WO 2012/125973 A2**	**Fecha**	**20 de Septiembre de 2012**

3 **TÍTULO DE LA INVENCIÓN** (200 caracteres o espacios máximos)

INHIBIDORES POTENTES Y SELECTIVOS DE $Na_v1.3$ Y $Na_v1.7$

4 **CLASIFICACIÓN INTERNACIONAL (CIP) C07K 14/435**

5 **SOLICITANTE (S)** ☐ Esta persona también es inventor. Para datos adicionales utilizar hoja de información complementaria

APELLIDOS O RAZÓN SOCIAL	NOMBRE	IDENTIFICACIÓN	TIPO
AMGEN INC.			

6 **DATOS DEL SOLICITANTE**

DIRECCIÓN: **One Amgen Center drive, Thousand Oaks,** No. TELÉFONO:

CIUDAD: **California 91320-1799,** CORREO ELECTRONICO:

PAÍS DE RESIDENCIA: **Estados Unidos de América** LUGAR DE CONSTITUCIÓN: **Estados Unidos de América**

7 **INVENTOR (ES)**

APELLIDOS	NOMBRES	NACIONALIDAD
1.MURRAY.	Justin K.	Estadounidense
2.MIRANDA.	Leslie P.	Australiana
3.MCDONOUGH.	Stefan I.	Estadounidense

DIRECCIÓN DE CORREO ELECTRÓNICO:

8 **DATOS INVENTOR (ES)**

DIRECCIÓN	CIUDAD	ESTADO	PAÍS RESIDENCIA
1.6879 Pecan Avenue.	Moorpark.	California 93021.	Estados Unidos de América
2.3586 Mapleknoll Place.	Thousand	California 91362.	Estados Unidos de América
3.12 Concord Avenue. #3.	Oaks.Cambridge.	Massachusetts 02138.	Estados Unidos de América

OTRO(S) SOLICITANTE(S) Y/O (OTRO(S)) INVENTOR(ES)

☐ Los demás solicitantes y/o (demás) inventores se indican en una hoja a continuación.

9 ☐ **REPRESENTANTE LEGAL** ☒ **APODERADO**

APELLIDOS	NOMBRES	IDENTIFICACIÓN
DAZA MONTALVO	**CAROLINA MERCEDES**	**C.C. 66.783.790 T.P. 141563 CSJ**

DIRECCIÓN	Cra. 11 No. 86 – 53, Piso 6	No. TELÉFONO	6181088
CIUDAD	Bogotá, D.C.	CORREO ELECTRÓNICO	notificaciones@clarkemodet.com.co
PAÍS	Colombia		

10 **DECLARACIONES DE PRIORIDAD** ☒ SI ☐ NO

(33) PAÍS DE ORIGEN	CÓDIGO PAÍS	(31) NÚMERO	(32) FECHA AAA/MM/DD
1. Estados Unidos de América	US	61/453,492	2011/03/16
2. Estados Unidos de América	US	61/608,088	2012/03/07

11	DECLARACIÓN SOBRE USO DE RECURSOS GENÉTICOS O BIOLÓGICOS

Declaro que el objeto de la presente solicitud de patente fue obtenido a partir de recursos genéticos o biológicos de los que cualquiera de los países miembros de la Comunidad Andina es país de origen.

☐ SI ☐ NO

Nota: En caso afirmativo deberá anexar copia del contrato de acceso de recursos genéticos o productos derivados, o certificado o número de registro, expedido por la Autoridad competente.

12	DECLARACIÓN SOBRE USO DE CONOCIMIENTOS TRADICIONALES

Declaro que el objeto de la presente solicitud de patente fue obtenido a partir de conocimientos tradicionales de comunidades indígenas, afroamericanas o locales de países miembros de la Comunidad Andina.

☐ SI ☐ NO

Nota: En caso afirmativo deberá anexar la licencia o autorización de uso de conocimiento tradicional, o certificado, o número de registro expedido por la Autoridad competente.

13	REDUCCIÓN DE TASAS

Declaro que carezco de medios económicos para presentar la solicitud de patente.

☐ SI ☐ NO

Nota: En caso de ser persona natural y carecer de medios económicos, y por lo tanto, aplique la reducción de tasas a que se refiere la resolución vigente en tarifas, debe firmar la presente solicitud bajo la gravedad de juramento.

Micro, pequeñas y medianas empresas ☐

Universidades públicas o privadas ☐

Entidades sin ánimo de lucro ☐

Debe aportar los documentos que se indican en el numeral 17 de anexos

14	AUTORIZACIÓN DE NOTIFICACIÓN EN LÍNEA ☐ SI ☐ NO

Manifiesto que he leído y entendido perfectamente los términos y condiciones de uso de medios electrónicos para las notificaciones en línea a través de Internet de los actos administrativos proferidos por la Superintendencia de Industria y Comercio que deben ser notificados personalmente y, en consecuencia, autorizo el servicio de notificación a través de internet.

15	COMPROBANTE DE PAGO O PAGO ELECTRÓNICO	N° 15-105358 // 15-078410// 15-109760	Fecha 25/09/2015 14/07/2015//07/10/2015

16	FIRMA DEL APODERADO:

CAROLINA DAZA MONTALVO
C.C. 66.783.790 T.P. 141563 CSJ

17	ANEXOS

Documentación Técnica
Solicitud Internacional en castellano

1. ☒ Descripción — N° de folios: 701
2. ☒ Reivindicaciones — N° Reivindicaciones: 17
3. ☒ Dibujos y/o figuras — N° folios: 127
4. ☒ Resumen.
5. ☐ Certificado de depósito de material biológico si fuera el caso.
5. ☒ Listado de secuencias de nucleótidos y/o aminoácidos en forma digital si fuera el caso.
7. ☐ Arte final 12 x 12.
8. ☐ Anexo formato digital.

Documentación Jurídica

9. ☐ Poderes, si fuera el caso.
10. ☐ Documento que legalmente pruebe la cesión del inventor al solicitante o a su causante.
11. ☐ Copia del contrato de acceso de recursos genéticos o productos derivados, certificado o número de registro, si fuera el caso.
12. ☐ Copia de la licencia o autorización de Conocimientos Tradicionales, certificado o número de registro, si fuera el caso.
13. **Reducción de tasas**

Micro, pequeñas o medianas empresas

☐ Copia simple de la declaración de renta del año inmediatamente anterior, o en su defecto prueba documental idónea.

☐ Documento de constancia de cumplimiento con lo establecido en la ley 905 de 2004.

Universidades públicas o privadas

☐ Copia acto de reconocimiento institucional emitido por el Ministerio de Educación

Entidades sin ánimo de lucro

☐ Copia de registro vigente en Cámara de comercio.
☐ Hoja de información complementaria.
☐ Otros, especificar

14. ☒ Comprobante de pago de la tasa de presentación de la solicitud
15. ☐ Comprobante de pago por reivindicación de prioridad.
16. ☐ Comprobante de pago de la tasa por concepto de excedente de palabras en la publicación.
17. ☒ Comprobante de pago por reivindicación adicional a 10.

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
NIT : 800.176.089-2
- / -

Industria y Comercio
SUPERINTENDENCIA

RECIBO DE CAJA

No. 15 - 105358

Bogotá D.C., Septiembre 25 de 2015 - 16:37:22

RECIBIDO DE : CLARKE MODET NI 830.008.643

*** Soporte del Pago ***

TIPO PAGO	BANCO	CUENTA	No. PAGO	FECHA PAGO	VR.PAGO
CONSIGNACION	BANCO DE BOGOTA	062754387	708116603	25/09/2015	2.098.000.00

*** Conceptos Pagados ***

CANT.	RENTISTICO	CONCEPTO	Vr.UNDITARIO	Vr.CONCEPTO
1	50005-01-01 SOLICITUDES	2205 DIVISIONAL SOLICITUD DE PATENTE DE INVENCION CONT. DERE	478.000.00	478.000.00
				$478.000.00

SON: **CUATROCIENTOS SETENTA Y OCHO MIL PESOS MONEDA CORRIENTE*

Responsable: _____
-**-

Recibo de Caja Aplicado al Expediente No. _____

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 13-242679- -00011-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:24 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 11 PATENTEIYII Eve: 378 FASENACIONALI
Act: 851 DIVISIONAL Folios: 7

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 15-256595- -00000-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:25 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 11 PATENTEIYII Eve: 378 FASENACIONALI
Act: 411 PRESENTACION Folios: 7

3

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO

NIT : 800.176.089-2

- / -

Industria y Comercio
SUPERINTENDENCIA

RECIBO DE CAJA

No. 15 - 0078410

Bogotá D.C., Julio 14 de 2015 - 15:45:50

RECIBIDO DE : CLARKE MODET NI 830.008.643

*** Soporte del Pago ***

TIPO PAGO	BANCO	CUENTA	No. PAGO	FECHA PAGO	VR.PAGO
CONSIGNACION	BANCO DE BOGOTA	062754387	696976140	14/07/2015	10.272.000.00

*** Conceptos Pagados ***

CANT.	RENTISTICO	CONCEPTO	Vr.UNDITARIO	Vr.CONCEPTO
1	50005-01-09 OTROS SERVICIOS DE PROPIEDAD INDUSTRIAL	16 INFORME SOBRE EL ESTADO DE LA TECNICA BUSQ. NAL.	202.000.00	202.000.00
				$202.000.00

SON: **DOSCIEN OS DOS MIL PESOS MONEDA CORRIENTE*

Responsable: _____

Recibo de Caja Ap icado al Expediente No. _____

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 13-242679- -00011-0000
Fecha 2015-10-28 09:06:24 Dep 2020 DIR NUEVASCR
Tra 11 PATENTEIYII Eve 378 FASENACIONALI
Act 851 DIVISIONAL Folios 7

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO7
No. 15-256595- -00000-0000
Fecha 2015-10-28 09:06:25 Dep 2020 DIR NUEVASCR
Tra 11 PATENTEIYII Eve 378 FASENACIONALI
Act 411 PRESENTACION Folios 7

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
NIT : 800.176.089-2
- / -

Industria y Comercio
SUPERINTENDENCIA

RECIBO DE CAJA

No. 15 - 109760

Bogotá D.C., Octubre 07 de 2015 - 08:15:45

RECIBIDO DE : CLARKE MODET NI 830.008.643

*** Soporte del Pago ***

TIPO PAGO	BANCO	CUENTA	No. PAGO	FECHA PAGO	VR.PAGO
CONSIGNACION	BANCO DE BOGOTA	062754387	708105020	06/10/2015	18.395.000.00

*** Conceptos Pagados ***

CANT.	RENTISTICO	CONCEPTO	Vr.UNDITARIO	Vr.CONCEPTO
1	50005-01-09 OTROS SERVICIOS DE PROPIEDAD INDUSTRIAL	21 CERTIFICACIONES	22.000.00	22.000.00
				$22.000.00

SON: **VEINTIDOS MIL PESOS MONEDA CORRIENTE***

Responsable: _____
-***-

Recibo de Caja Aplicado al Expediente No. _____

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 13-242679- -00011-0000
Fecha 2015-10-28 09:06:24 Dep 2020 DIR NUEVASCR
Tra 11 PATENTEIYII Eve 378 FASENACIONALI
Act 951 DIVISIONAL Folios 7

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 15-256595- -00000-0000
Fecha 2015-10-28 09:06:25 Dep 2020 DIR NUEVASCR
Tra 11 PATENTEIYII Eve 378 FASENACIONALI
Act 411 PRESENTACION Folios 7

Industria y Comercio SUPERINTENDENCIA	TESTIGO DOCUMENTAL	Folio: 6

Dependencia Jerárquica: DEL PROPIEDAD INDUSTRIAL	**Código**	2000
Dependencia Productora: GRUPO DE NUEVAS CREACIONES	**Código**	2020
Tipo de Radicación: Entrada: X Salida: ☐ Traslado: ☐ Convenio: ☐		
Radicador:		

DESCRIPCIÓN DE LA PRUEBA

Nombre de la Serie / Subserie:	Código:
Expediente: 13-242679-11 15-256595-0	Solicitante / ***Quejoso / Demandante / otros.***
Prueba excluida: CD	
N°. de Pruebas excluidas: 1	
Fecha de emisión de la Prueba:	

UBICACIÓN DE LA PRUEBA EN LA SECCIÓN DE MATERIAL GRÁFICO

N°. de bloque:		Otras especificaciones:
Nº. de rodante:		
Nº. de estante:		
N°. de archivador:		
Nº. de entrepaño:		
Nº. de gaveta:		
N°. de caja:		

IMPORTANTE:

- El material gráfico ***o especial*** que se encuentra ***dentro o anexo a*** las unidades documentales o expedientes, debe extraerse y llevarse a aquella sección del archivo que se haya dispuesto para conservar documentos en distintos formatos.
- Entiéndase por material gráfico todos aquellos dibujos, croquis, mapas, planos, fotografías, ilustraciones, pictografías, códices, prensa, objetos tridimensionales, entre otros.

Observaciones:

El cd contiene
1 archivo pdf procesado y
cargado al sistema.

Anexos

Unidad de Conservación

- ○ Bolsa
- ○ Caja
- ○ Libro
- ○ Sobre
- ○ Tomo
- ○ Otro

Soporte Documental

- X CD A-A
- ○ Disquete
- ○ DVD
- ○ Folleto
- ○ Periódico
- ○ Plano
- ○ Publicación Periódica
- ○ USB
- ○ Otro

Industria y Comercio
SUPERINTENDENCIA

LISTA DE CHEQUEO
ADMISIÓN A TRÁMITE – NUEVAS CREACIONES

PATENTE DE INVENCIÓN ☐ MODELO DE UTILIDAD ☐ Art.33 Decisión 486/00

- ☐ Indicación que se solicita una patente.
- ☐ Datos de identificación del solicitante o de la persona que presenta la solicitud
- ☐ Descripción de la invención
- ☐ Dibujos de ser estos pertinentes
- ☐ Comprobante de pago de las tasas establecidas (De ser el caso formato de descuento)

Completa ☐ Incompleta ☐

PATENTE DE INVENCIÓN PCT ☐ MODELO DE UTILIDAD PCT ☐ Art.33 Decisión 486/00, Circular Única

- ☐ Indicación que se solicita una PCT
- ☐ Copia de la solicitud en español, tal como fue presentada inicialmente (capítulo descriptivo, reivindicatorio, resumen)
- ☐ Dibujos de ser estos pertinentes
- ☐ Comprobante de pago de las tasas establecidas (de ser el caso formato de descuento)

Completa ☐ Incompleta ☐

DISEÑO INDUSTRIAL ☐ (Art. 119 Decisión 486/00)

- ☐ Indicación que se solicita Diseño industrial
- ☐ Datos de identificación del solicitante o de la persona que presenta la solicitud
- ☐ Representación gráfica y fotográfica del Diseño industrial o muestra del material que incorpora el diseño
- ☐ Comprobante de pago de las tasas establecidas

Completa ☐ Incompleta ☐

ESQUEMA DE TRAZADO ☐ (Art. 92 Decisión 486/00)

- ☐ Indicación que se solicita un esquema de trazado
- ☐ Datos de identificación del solicitante o de la persona que presenta la soli
- ☐ Representación gráfica de un esqu
- ☐ Comprobante de pago de las tasas

Completa ☐

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 15-256595- -00000-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:25 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 11 PATENTEIY.II Eve: 378 FASENACIONAL
Act: 411 PRESENTACION Folios: 7

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
No. 13-242679- -00011-0000
Fecha: 2015-10-28 09:06:24 Dep: 2020 DIR NUEVASCR
Tra: 11 PATENTEIY.II Eve: 378 FASENACIONAL
Act: 851 DIVISIONAL Folios: 7

INHIBIDORES POTENTES Y SELECTIVOS DE $NA_V1.3$ Y $NA_V1.7$

CAMPO DE LA INVENCIÓN

La invención actual se refiere a las técnicas bioquímicas, en particular a péptidos y conjugados terapéuticos.

ANTECEDENTES DE LA INVENCIÓN

Los canales de sodio dependientes de voltaje (VGSC) son complejos de glicoproteína responsables de la iniciación y propagación de potenciales de acción en células excitables tal como neuronas centrales y periféricas, miocitos de músculo esquelético y cardiaco, y células neuroendocrinas. Los canales de sodio de mamífero son heterotrímeros, compuestos de una subunidad central, alfa (α) formadora de poro y subunidades beta (β) auxiliares. Las mutaciones en los genes de la subunidad alfa han sido ligadas a trastornos paroxismales tal como epilepsia, síndrome QT largo, y parálisis periódica hipercalémica en humanos, y la enfermedad de placa motora y ataxia del cerebelo en ratones. (Isom, Sodium channel beta subunits: anything but auxiliary, Neuroscientist 7(1):42-54 (2001)). La subunidad β modula la ubicación, expresión y propiedades funcionales de subunidades α en VGSCs.

Los canales de sodio dependientes de voltaje comprenden una familia que consiste de 9 diferentes subtipos ($Na_V1.1$-$Na_V1.9$). Como se muestra en la Tabla 1, estos subtipos muestran ubicación específica del tejido y diferencias

funcionales (Ver, Goldin, A. L., Resurgence of sodium channel research, Annu Rev Physiol 63: 871-94 (2001); Wilson et al., Compositions useful as inhibitors of voltage-gated ion channels, US 2005/0187217 A1). Tres miembros de la familia de gen ($Na_V1.8$, 1.9, 1.5) son resistentes para bloquear por la tetrodotoxina bloqueadora de canal de sodio bien conocida (TTX), demostrando la especificidad de subtipo dentro de esta familia de gen. El análisis mutacional ha identificado glutamato 387 como un residuo crítico para el enlace TTX (Ver, Noda, M., H. Suzuki, et al., A single point mutation confers tetrodotoxin and saxitoxin insensitivity on the sodium channel II" FEBS Lett 259(1): 213-6 (1989)).

Tabla 1. Familia VGSC con valores TTX IC_{50} de rata. Abreviaturas: CNS = sistema nervioso central, PNS = sistema nervioso periférico, DRG = ganglio de la raíz dorsal, TG = ganglio trigeminal. (Ver, Wilson et al., Compositions useful as inhibitors of Voltage-gated ion channels, US 2005/0187217 A1; Goldin, Resurgence of Sodium Channel Research, Annu Rev Physiol 63:871-94 (2001)).

Isoforma VGSC	**Tejido**	**TTX IC_{50} (nM)**	**Indicación**
$Na_V1.1$	CNS, PNS soma de las neuronas	10	Dolor, Epilepsia, Neurodegeneración
$Na_V1.2$	CNS Alta en axones	10	Neurodegeneración, Epilepsia

$Na_V1.3$	CNS, embriónico, nervios lesionados	2-15	Dolor, Epilepsia
$Na_V1.4$	Músculo esquelético	5	Miotonia
$Na_V1.5$	corazón	2000	Arritmia, QT largo
$Na_V1.6$	CNS extendido,	1	Dolor, trastornos de movimiento
$Na_V1.7$	PNS en su mayoría abundante, DRG,	4	Dolor, trastornos neuroendócrinos, cáncer de próstata
$Na_V1.8$	PNS neuroendocrino de terminales, neuronas pequeñas en DRG & TG	>50,000	Dolor
$Na_V1.9$	PNS, pequeñas neuronas en DRG & TG	1000	Dolor

En general, los canales de sodio dependientes de voltaje (Na_VS) son responsables del inicio de la rápida fase ascendente de los potenciales de acción en tejido excitable en el sistema nervioso, que transmite las señales eléctricas que componen y codifican las sensaciones normales de dolor aberrante. Los antagonistas de canales Na_V pueden atenuar estas señales de dolor y son útiles para el tratamiento de una variedad de condiciones de dolor, incluyendo pero no limitando a dolor agudo, crónico, inflamatorio, y neuropático. Los antagonistas Na_V conocidos, tal como TTX, lidocaína, bupivacaína, fenitoína, lamotrigina y

carbamacepina se ha demostrado son útiles para la atenuación de dolor en modelos humanos y animales. (Ver, Mao, J. and L. L. Chen, Systemic lidocaine for neuropathic pain relief, pain 87(1): 7-17 (2000); Jensen, T. S., Anticonvulsants in neuropathic pain: rationale and clinical evidence, Eur J Dolor 6 (Suppl A): 61-68 (2002); Rozen, T. D., Antiepileptic drugs in the management of cluster headache and trigeminal neuralgia, Headache 41 Suppl 1: S25-32 (2001); Backonja, M. M., Use of anticonvulsants for treatment of neuropathic dolor, Neurology 59(5 Supl. 2): S14-7 (2002)).

Las subunidades α de los canales $Na_V1.7$ dependientes de voltaje sensibles a TTX, son codificados por el gen *SCN9A*. Los canales $Na_V1.7$ son preferentemente expresados en neuronas sensoriales periféricas de los ganglios de raíz dorsal, algunos de los cuales están implicados en la percepción del dolor. En humanos, las mutaciones en el gen *SCN9A* han mostrado una función principal para este gen en las trayectorias de dolor. Por ejemplo, una función para el canal $Na_V1.7$ en la percepción del dolor fue establecida por los análisis clínicos recientes de ligadura a genes que revelaron mutaciones de ganancia de función en el gen *SCN9A* ya que la base etiológica de síndromes de dolor heredados tal como eritermalgia primaria (PE), eritromelalgia heredada (IEM), y trastorno de dolor extremo paroxismal (PEPD). (Ver, por ejemplo, Yang et al., Mutations in *SCN9A*, encoding a sodium channel alpha subunit, in patients with primary erythermalgia, J. Med. Genet. 41:171-174 (2004); Harty et al., $Na_V1.7$ mutant A863P in erythromelalgia: effects of

altered activation and steady-state inactivation on excitability of nociceptive dorsal root ganglion neurons, J. Neurosci. 26(48):12566-75 (2006); Estacion et al., $Na_V1.7$ gain-of-function mutations as a continuum: A1632E displays physiological changes associated with erythromelalgia and paroxysmal extreme dolor disorder mutations and produces symptoms of both disorders, J. Neurosci. 28(43):11079-88 (2008)). Además, la sobreexpresión de $Na_V1.7$ ha sido detectada fuertemente en líneas celulares de cáncer de próstata metastático. (Diss et al., A potential novel marker for human prostate cancer: voltage-gated sodium channel expression in vivo, Prostate Cancer and Prostatic Diseases 8:266-73 (2005); Uysal-Onganer et al., Epidermal growth factor potentiates in vitro metastatic behavior human prostate cancer PC-3M cells: involvement of voltage-gated sodium channel, Molec. Cancer 6:76 (2007)).

Las mutaciones de pérdida de función del gen *SCN9A* resultan en una incapacidad completa de una persona por lo demás sana para sentir cualquier tipo de dolor. (por ejemplo, Ahmad et al., A stop codon mutation in *SCN9A* causes lack of pain sensation, Hum. Mol. Genet. 16(17):2114-21 (2007)).

Una supresión de célula específica del gen *SCN9A* en ratones condicionados con genes inactivados reduce su habilidad para percibir dolor mecánico, térmico o inflamatorio. (Nassar et al., Nociceptor-specific gene deletion reveals a major role for $Na_V1.7$ (PN1) in acute and inflammatory pain, Proc. Natl. Acad. Sci, E.U.A. 101(34):

12706–12711 (2004)).

Basándose en tal evidencia, la disminución de la actividad de canal o niveles de expresión de $Na_V1.7$ en las neuronas sensoriales periféricas de los ganglios de raíz dorsales (DRG) ha sido propuesta como un tratamiento de dolor efectivo, por ejemplo dolor crónico, dolor neuropático, y neuralgia. (Por ejemplo, Thakker et al., Suppression of SCN9A gene expression and/or function for the treatment of dolor, WO 2009/033027 A2; Yeomans et al., Decrease in inflammatory hyperalgesia by herpes vector-mediated knockdown of $Na_V1.7$ sodium channels in primary afferents, Hum. Gene Ther. 16(2):271-7 (2005); Fraser et al., Potent and selective $Na_V1.7$ sodium channel blockers, WO 2007/109324 A2; Hoyt et al., Discovery of a novel class of benzazepinone Na(v)1.7 blockers: potential treatments for neuropathic pain, Bioorg. Med. Chem. Lett. 17(16):4630-34 (2007); Hoyt et al., Benzazepinone $Na_V1.7$ blockers: Potential treatments for neuropathic pain, Bioorg. Med. Chem. Lett. 17(22):6172-77 (2007)).

Las subunidades α de los canales $Na_V1.3$ dependientes de voltaje sensibles a TTX, son codificados por el gen *SCN3A*. Cuatro variantes de empalme de Nav1.3 humano se reportaron que tienen diferentes propiedades biofísicas. (Thimmapaya et al., Distribution and functional characterization of human $Na_V1.3$ splice variants, Eur. J. Neurosci. 22:1-9 (2005)). La expresión de $Na_V1.3$ ha demostrado estar sobre-regulada dentro de las neuronas DRG seguido de la lesión del nervio y las neuronas talámicas seguido de la lesión en la espina

dorsal. (Hains et al., Changes in electrophysiological properties and sodium channel $Na_V1.3$ expression in thalamic neurons after spinal cord injury, Brain 128:2359-71 (2005)). Una mutación de ganancia en función en Nav1.3 (K354Q) según se informa estaba ligada a la epilepsia. (Estacion et al., A sodium channel mutation linked to epilepsia increases ramp and persistent current of $Na_V1.3$ and induces hyperexcitability in hippocampal neurons, Experimental Neurology 224(2):362-368 (2010)).

Los péptidos de toxina producidos por una variedad de organismos han evolucionado a canales iónicos objetivo. Las víboras, escorpiones, arañas, abejas, caracoles y anémonas de mar son algunos ejemplos de organismos que producen veneno que pueden servir como una fuente rica de péptidos pequeños de toxina bioactiva o “toxinas” que potente y selectivamente tiene como objetivo canales iónicos y receptores. En la mayoría de los casos, estos péptidos de toxina han evolucionado como antagonistas potentes o inhibidores de canales iónicos, enlazando el poro del canal y físicamente bloqueando la vía de conducción de iones. En algunos otros casos, como con algunos de los péptidos de toxina de tarántula, se encuentra que el péptido antagoniza la función de canal enlazando a una región exterior del poro (por ejemplo, el dominio de sensor de voltaje).

Los péptidos de toxina nativos tienen usualmente entre alrededor de 20 y alrededor de 80 aminoácidos en longitud, contienen 2-5 ligaduras de disulfuro y forman una estructura muy compacta. Los péptidos de toxina (por ejemplo, del

veneno de los escorpiones, anémonas de mar y caracoles de cono) han sido aislados y caracterizados por su impacto en los canales iónicos. Tales péptidos parecen haber evolucionado de un número relativamente pequeño de estructuras estructurales que están particularmente bien ajustadas para atender los problemas críticos de potencia, estabilidad, y selectividad. (Ver, por ejemplo, Dauplais et al., On the convergent evolution of animal toxins: conservation of a diad of functional residues in potassium channel-blocking toxins with unrelated structures, J. Biol. Chem. 272(7):4302-09 (1997); Alessandri-Haber et al., Mapping the functional anatomy of BgK on Kv1.1, Kv1.2, and Kv1.3, J. Biol. Chem. 274(50):35653-61 (1999)). La mayoría de los péptidos de toxina de Conus y escorpiones, por ejemplo, contienen 10-40 aminoácidos y hasta cinco enlaces de disulfuro, formando estructuras extremadamente compactas y constreñidas (micro proteínas) frecuentemente resistentes a la proteólisis. Los péptidos de toxina de escorpión y conotoxina pueden dividirse en un número de superfamilias basándose en las conexiones de disulfuro y pliegues de péptido. La estructura de solución de muchos de estos ha sido determinada por espectroscopia de Resonancia Magnética Nuclear (RMN), ilustrando su estructura compacta y verificando la conservación de sus patrones de pliegue de familia. (Por ejemplo, Tudor et al., Ionisation behaviour and solution properties of the potassium-channel blocker ShK toxin, Eur. J. Biochem. 251(1-2):133-41(1998); Pennington et al., Role of disulfide bonds in the structure and potassium

channel blocking activity of ShK toxin, Biochem. 38(44): 14549-58 (1999); Jaravine et al., Three-dimensional structure of toxin OSK1 from Orthochirus scrobiculosus scorpion venom, Biochem. 36(6):1223-32 (1997); del Rio-Portillo et al.; RMN solution structure of Cn12, a novel peptide from the Mexican scorpion Centruroides noxius with a typical beta-toxin sequence but with alpha-like physiological activity, Eur. J. Biochem. 271(12): 2504-16 (2004); Prochnicka-Chalufour et al., Solution structure of discrepin, a new K+-channel blocking peptide from the alpha-KTx15 subfamily, Biochem. 45(6):1795-1804 (2006)). Las estructuras de disulfuro conservadas también pueden reflejar la actividad farmacológica individual de la familia de toxina. (Nicke et al. (2004), Eur. J. Biochem. 271: 2305-19, Table 1; Adams (1999), Drug Develop. Res.46: 219-34). Por ejemplo, las α-conotoxinas tienen estructuras de rizo de disulfuro de dos/cuatro cisteínas bien definidas (Loughnan, 2004) e inhiben receptores de acetilcolina nicotínica. En contraste, las ω-conotoxinas tienen seis estructuras de consenso de rizo de disulfuro de tres/seis cisteínas (Nielsen, 2000) y bloquean canales de calcio. Los subconjuntos estructurales de toxinas han evolucionado para inhibir ya sea canales de potasio dependientes de voltaje, o activados de calcio.

Los venenos de araña contienen muchas toxinas de péptidos que tienen como objetivo canales iónicos dependientes de voltaje, incluyendo canales Kv, Cav, y Nav. Un número de estos péptidos son modificadores de compuerta que se ajustan a la porción estructural de nudo de cisteína

inhibitoria (ICK). (Ver, Norton et al., The cystine knot structure of ion channel toxins and related polypeptides, Toxicon 36(11):1573-1583 (1998); Pallaghy et al., A common structural motif incorporating a cystine knot and a triple stranded β-sheet in toxic and inhibitory polypeptides, Prot. Sci. 3(10):1833-6, (1994)). En contraste a algunas toxinas de anémonas de mar y escorpiones, muchas toxinas de araña no afectan la tasa de inactivación pero inhiben la actividad de canal restringido el movimiento del sensor de voltaje en la conformación de canal abierto, cambiando su dependencia de voltaje de activación a un potencial más positivo. Muchas de estas toxinas de araña son promiscuas dentro y a través de las familias de canales iónicos dependientes de voltaje.

Una variedad de péptidos de toxina que tiene como objetivo VGSCs, en particular, han sido reportados. (Ver, Billen et al., Animal peptides targeting voltage-activated sodium channels, Cur. Pharm. Des. 14:2492-2502, (2008)). Estas clases de toxinas de péptido han sido descritas: 1) toxinas de sitio 1, las μ-conotoxinas, que enlazan al poro del canal y físicamente obstruyen la vía de conducción; 2) toxinas de sitio 3, incluyendo las toxinas α-escorpión, algunas toxinas de anémonas de mar y δ-conotoxinas, enlazan a la ligadura S3-S4 del dominio IV y retrasan la inactivación del canal; y 3) toxinas de sitio 4, incluyendo las toxinas las toxinas β-escorpión, que enlazan a la ligadura S3-S4 en el dominio II y facilitan la activación de canal. Ambas familias de péptidos, la del sitio 3 y la del sitio 4, alteran la probabilidad abierta de canales Na_V y afectan las

transiciones de compuerta y por lo tanto son llamados “modificadores de compuerta”

La μ-Conotoxina KIIIA (SEQ ID NO:530), una toxina de sitio 1 originalmente aislada de *Conus kinoshitai*, es un péptido amidado del C terminal de 16 aminoácidos en longitud que contiene 6 residuos de cisteína acoplados en 3 enlaces de disulfuro intramoleculares. Inicialmente se caracterizó como un inhibidor de canales de sodio resistentes a (TTX) tetrodotoxina en neuronas (DRG) de ganglio de raíz dorsal de anfibio. (Ver, Bulaj et al., Novel conotoxins from *Conus striatus* and *Conus kinoshitai* selectively block TTX-resistant sodium channels, Biochem. 44(19):7259-7265, (2005)). Posteriormente se encontró para inhibir más efectivamente la corriente de sodio sensible a TTX que resistente a TTX en neuronas DRG de ratones. (Ver, Zhang et al., Structure/function characterization of μ-conotoxin KIIIA, an analgesic, nearly irreversible blocker of mammalian neuronal sodium channels, J. Biol. Chem. 282(42):30699-30706, (2007)). KIIIA se ha encontrado bloquea los canales (roedor) de mamíferos clonados en oocitos de *Xenopus laevis* con la siguiente potencia en orden de calificación: $Na_V1.2$ > $Na_V1.4$ > $Na_V1.6$ > $Na_V1.7$ > $Na_V1.3$ > $Na_V1.5$. La inyección intraperitoneal KIIIA ha demostrado la actividad del analgésico en un ensayo de dolor inducido con formalina en ratones con un ED_{50} de 1.6 nmol/ratón (0.1 mg/kg) sin discapacidad motora observada; se observó algo de discapacidad motora pero no actividad paralítica en una dosis más alta (10 nmol). (Ver, Zhang et al., 2007). La

sustitución de alanina para Lys7 y Arg10 modificó el bloqueo máximo, mientras la sustitución de His12 y Arg14 alteró la especificidad de isoforma Nav. (Ver, McArthur et al., Interactions of key charged residues contributing to selective block of neuronal sodium channels by μ-conotoxin KIIIA, Mol. Pharm. 80(4): 573-584, (2011)). Los análogos de "barrido de Alanina" de KIIIA han identificado Lys7, Trp8, Arg10, Asp11, His12, y Arg14 como siendo importantes para la actividad contra $rNa_V1.4$. (Ver Zhang et al., 2007). La estructura de solución por RMN de KIIIA coloca estos residuos dentro o adyacentes a una hélice α cerca del C terminal de la molécula. (Ver, Khoo et al., Structure of the analgesic μ-conotoxin KIIIA and effects on the structure and function of disulfide deletion, Biochem. 48(6):1210-1219, (2009)). El enlace de disulfuro entre Cys1 y Cys9 puede ser removido por la sustitución de alanina (KIIIA[C1A,C9A]) sin reducir en gran medida la actividad del compuesto. (Ver, Khoo et al., 2009; Han et al., Los análogos de μ-conotoxina estructuralmente minimizados como bloqueadores de canal de sodio: implicaciones para el diseño terapéutico basados en conopéptido, ChemMedChem 4(3):406-414, (2009)). El remplazo de un segundo enlace de disulfuro entre Cys2 y Cys16 con un enlace diselenuro entre residuos de selenocisteína ha dado lugar a los análogos de selenoconopéptido suprimidos de disulfuro de KIIIA. Estos compuestos han retenido la actividad de KIIIA pero son sintéticamente más accesibles. (Ver, Han et al., Disulfide-depleted selenoconopeptides: simplified oxidative folding of cysteine-rich peptides, ACS

Med. Chem. Lett.1(4):140-144, (2010)). La estructura nativa además ha sido minimizada a un andamiaje de péptido helicoidal estabilizado con lactama con actividad inhibitoria Nav. (Ver, Khoo et al., Lactam-stabilized helical analogues of the analgesic μ-conotoxin KIIIA, J. Med. Chem. 54:7558-7566 (2011)). KIIIA enlaza a un receptor de neurotoxina de sitio 1 en el vestíbulo exterior del poro de conducción de los VGSCs y bloquea al canal de una manera todo o nada. Los estudios recientes han mostrado que algunos análogos de KIIIA sólo inhiben parcialmente la corriente de sodio y pueden ser capaces de enlazar simultáneamente con TTX y saxitoxina (STX). (Ver, Zhang et al., Cooccupancy of the outer vestibule of voltage-gated sodium channels by μ-conotoxin KIIIA and saxitoxin o tetrodotoxin, J. Neurophys. 104(1):88-97, (2010); French et al., The tetrodotoxin receptor of voltage-gated sodium channels - perspectives from interactions with μ-conotoxins, Marine Drugs 8:2153-2161, (2010); Zhang et al., μ-Conotoxin KIIIA derivatives with divergent affinities versus efficacies in blocking voltage-gated sodium channels. Biochem. 49(23):4804-4812, (2010); Zhang et al., Synergistic and antagonistic interactions entre tetrodotoxin and μ-conotoxin in blocking voltage-gated sodium channels, Channels 3(1):32-38, (2009)).

OD1 (SEQ ID NO:589) es una toxina similar a α aislada del veneno del escorpión amarillo Iraní *Odonthobuthus doriae*. (Ver, Jalali et al., OD1, The first toxin isolated from the venom of the scorpion *Odonthobuthus doriae* active on voltaje-gated Na+ channels, FEBS Lett. 579(19):4181-4186, (2005)).

Este péptido es de 65 aminoácidos en longitud con un C terminal amidado que contiene 6 residuos de cisteína que forman 3 enlaces de disulfuro. OD1 ha sido caracterizado como un modulador $Na_V1.7$ que perjudica la inactivación rápida (EC_{50} = 4.5 nM), incrementa la corriente pico en todos los voltajes, e induce una corriente persistente, con selectividad contra $Na_V1.8$ y $Na_V1.3$. (Ver Maertens et al., Potent modulation of the voltage-gated sodium channel Nav1.7 by OD1, a toxin from the scorpion *Odonthobuthus doriae*, Mol. Pharm. 70(1):405-414, (2006)).

La Huwentoxina-IV(HWTX-IV; SEQ ID NO:528) es una amida de péptido del C terminal de 35 residuos con 3 puentes de disulfuro entre 6 residuos de cisteína aislados del veneno de la araña pájaro China, *Selenocosmia huwena*. (Ver, Peng et al., Function and solution structure of huwentoxin - IV, a potent neuronal tetrodotoxin (TTX)-sensitive sodium channel antagonist from chinese bird spider *Selenocosmia huwena*, J. Biol. Chem. 277(49):47564-47571, (2002)). El patrón de enlace de disulfuro (C1—C4, C2—C5, C3—C6) y la estructura de la solución por RMN colocan a HWTX-IV en la familia estructural ICK ya que el enlace de disulfuro C3—C6 pasa a través del anillo de 16-residuos formado por otros dos puentes de disulfuro (C1—C4 y C2—C5). HWTX-IV inhibe las corrientes de sodio sensibles a TTX en neuronas DRG de rata adulta con un valor IC_{50} de 30 nM pero no tiene efecto en VGSCs resistentes a TTX en hasta una concentración de 100 nM. (Ver, Peng et al., 2002). HWTX-IV también fue 12 tantos menos potente contra los canales centrales de sodio

neuronales en neuronas de hipocampo de rata, sugiriendo que puede ser selectivo hacia $Na_V1.7$. (Ver, Xiao et al., Synthesis and characterization of huwentoxin-IV, a neurotoxin inhibiting central neuronal sodium channels, Toxicon 51(2):230-239, (2008)). La prueba de HWTX-IV contra sub-tipos VGSC determina que la sensibilidad relativa sea de hNav1.7 (IC_{50} = 26 nM) > rNav1.2 >> rNav1.3 > rNav1.4 ≥ hNav1.5. (Ver Xiao et al., Tarántula huwentoxin-IV inhibits neuronal sodium channels by binding to receptor site 4 and trapping the domain II voltage sensor in the closed configuration, J. Biol. Chem. 283(40):27300-27313, (2008)). La mutagénesis de proteína dirigida al sitio mapeó el enlace de HWTX-IV a neurotoxina de sitio 4, la ligadura S3-S4 extracelular entre el dominio II, y su comportamiento en respuesta a los cambios en el voltaje y activación de canal es consistente con el enlace al sensor de voltaje de Nav1.7 y atrapándolo en la configuración restante. (Ver, Xiao et al., 2008). Huwentoxina-I (HWTX-I; SEQ ID NO:529), un miembro relacionado a la familia es menos potente contra VGSCs pero es activo contra los canales Ca_V de tipo N. (Ver, Wang et al., The cross channel activities of spider neurotoxin huwentoxin I on rat dorsal root ganglion neurons, Biochem. Biophys. Res. Comm. 357(3):579-583, (2007); Chen et al., Antinociceptive effects of intrathecally administered huwentoxin-I, a selective N-type calcium channel blocker, in the formalin test in conscious rats, Toxicon 45(1):15-20, (2005); Liang et al., Properties and aminoacid sequence of huwentoxin-I, a neurotoxin purified from the venom of the

Chinese bird spider *Selenocosmia huwena*, Toxicon 31(8):969-78, (1993)).

ProTx-II (SEQ ID NO:531), aislado del veneno de la tarántula *Thixopelma pruriens*, es un polipéptido de 30 aminoácidos con un ácido libre del C terminal y 6 residuos de cisteína que forman 3 enlaces de disulfuro. Difiere de otros miembros de la familia ICK ya que contiene sólo tres residuos entre el quinto y sexto residuos de cisteína en lugar del 4-11 normal. ProTx-II es un inhibidor potente de muchos subtipos de canales Na_V incluyendo $Na_V1.2$, $Na_V1.7$ (IC_{50} < 1 nM), $Na_V1.5$, and $Na_V1.8$, así como también canales Cav3.1 ero no canales K_V. (Ver, Middleton et al., Two tarántula peptides inhibit activation of multiple sodium channels, Biochem. 41(50):14734-14747, (2002); Priest et al., ProTx-I and ProTx-II: gating modifiers of voltage-gated sodium channels, Toxicon 49(2):194-201, (2007); Edgerton et al., Inhibition of the activation pathway of the T-type calcium channel CaV3.1 by ProTxII, Toxicon 56(4):624-636, (2010)). Los análogos de "barrido de alanina" de ProTx-II se probaron contra Nav1.5, identificando Met6, Trp7, Arg13, Met19, Val20, Arg22, Leu23, Trp24, Lys27, Leu29, y Trp30 como siendo importantes para la actividad. (Ver, Smith et al., Molecular interactions of the gating modifier toxin ProTx-II with Nav1.5: implied existence of a novel toxin binding site coupled to activation, J. Biol. Chem. 282(17):12687-12697, (2007)). La caracterización biofísica mostró que ProTx-II difiere de HwTx-IV en su habilidad para interactuar con membranas líquidas. (Ver, Smith et al., Differential fosfolipid binding by site 3 and

site 4 toxins: implications for structural variability entre voltage-sensitive sodium channel comains, J. Biol. Chem. 280(12):11127-11133, (2005). Las dosis de 0.01 y 0.1 mg/kg i.v. de ProTx-II fueron bien toleradas en ratas, pero 1 mg/kg dosis fueron letales. ProTx-II no fue eficaz en un estudio de hiperalgesia mecánica. (Ver, Schmalhofer et al., ProTx-II, a selective inhibitor of NaV1.7 sodium channels, blocks action potential propagation in nociceptors, Mol. Pharm. 74(5):1476-1484, (2008)). La administración intratecal fue letal 0.1 mg/kg y no efectiva en el estudio de hiperalgesia en dosis bajas. La aplicación de ProTx-II para nervios cutáneos sin revestimiento bloqueó completamente el potencial de compuesto de fibra C pero tuvo poco efecto en la propagación potencial de acción del nervio intacto. (Ver, Schmalhofer et al., 2008). ProTx-II se cree enlaza al ligadura S3-S4 del dominio II de $Na_V1.7$ para inhibir la activación del canal pero también interactúa con el dominio de sensor de voltaje IV y afecta la activación del canal de sodio en concentraciones más altas. (Ver, Xiao et al., The tarántula toxins ProTx-II and huwentoxin-IV differentially interact with human Nav1.7 voltage sensors to inhibit channel activation and inactivation, Mol. Pharm. 78(6):1124-1134, (2010); Sokolov et al., Inhibition of sodium channel gating by trapping the domain II voltage sensor with protoxin II, Mol. Pharm. 73(3):1020-1028, (2008); Edgerton et al., Evidence for multiple effects of ProTxII on activation gating in NaV1.5, Toxicon 52(3):489-500, (2008)).

La producción de péptidos de toxina es un proceso

complejo en organismos venenosos, y es un proceso incluso sintéticamente más complejo. Debido a sus estructuras de disulfuro conservadas y la necesidad de un replegamiento oxidativo, los péptidos de toxina presentan retos para la síntesis. (Ver, Steiner and Bulaj, Optimization of oxidative folding methods for cysteine-rich peptides: a study of conotoxins containing three disulfide bridges, J. Pept. Sci. 17(1): 1-7, (2011); Góngora-Benítez et al., Optimized Fmoc solid-phase synthesis of the cysteine-rich peptide Linaclotide, Biopolymers Pept. Sci. 96(1):69-80, (2011)). Aunque los péptidos de toxina se han usado por años como inhibidores farmacológicos altamente selectivos de canales iónicos, el costo alto de la síntesis y replegamiento de los péptidos de toxina y su vida media corta in vivo han impedido la persecución de estos péptidos como una modalidad terapéutica. Mucho más esfuerzo se ha expandido para identificar los inhibidores de moléculas pequeñas como antagonistas terapéuticos de canales iónicos, a los que se les han dado los mismos péptidos de toxina. Una excepción es la aprobación del péptido MVIIA de ω-conotoxina pequeño (Prialt®, ziconotida), un inhibidor de canales de calcio sensibles al voltaje de tipo N específicos de neurona, para el tratamiento de dolor intratable. El proceso de producción sintético y de replegamiento para ziconotida, sin embargo, es costoso y sólo resulta en un producto de péptido pequeño con una vida media muy corta in vivo (alrededor de 4 horas).

Un ensayo clínico pequeño en humanos mostró que la inyección local, no sistémica de tetrodotoxina sin péptido

produjo alivio al dolor en pacientes que padecen dolor debido al cáncer y/o quimioterapia (Hagen et al., J Dolor Symp Manag 34:171-182 (2007)). La tetrodotoxina es un inhibidor no penetrante en el SNC de canales de sodio incluyendo $Na_V1.3$ y $Na_V1.7$; aunque no puede usarse sistemáticamente debido a la ausencia de selectividad entre los subtipos de canal de sodio, su eficacia proporciona validación adicional para el tratamiento de síndromes de dolor crónico con inhibidores de $Na_V1.7$ y/o $Na_V1.3$ en neuronas periféricas.

Los polipéptidos típicamente exhiben la ventaja de selectividad de objetivo más grande que es característica de las moléculas pequeñas. Los péptidos de toxina No-CNS penetrantes y péptidos análogos selectivos para Nav1.7 y/o Nav1.3 se desean, y son proporcionados por la invención actual.

SUMARIO DE LA INVENCIÓN

La invención actual se dirige a una composición de materia que comprende un polipéptido aislado, que es un inhibidor $Na_V1.7$ periféricamente restringido. En una modalidad, el polipéptido aislado es un inhibidor doble de $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$ que tiene la secuencia de aminoácidos DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-NH_2 (SEQ ID NO:1), que es un péptido que se ha designado “GpTx-1”, y que se aisló del veneno de la tarántula *Grammostola porteri*, como se describe en la presente. Otras modalidades de la invención actual comprenden un péptido análogo de GpTx-1. En otras modalidades, la invención actual se dirige a una composición

de materia que comprende un polipéptido aislado que comprende la secuencia de aminoácidos de la fórmula:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ $X_{aa}^{3}X_{aa}^{4}X_{aa}^{5}X_{aa}^{6}X_{aa}^{7}X_{aa}^{8}X_{aa}^{9}X_{aa}^{10}X_{aa}^{11}X_{aa}^{12}X_{aa}^{13}X_{aa}^{14}Asp^{15}$ X_{aa}^{16} X_{aa}^{17} $X_{aa}^{18}X_{aa}^{19}$ X_{aa}^{20} $X_{aa}^{21}X_{aa}^{22}X_{aa}^{23}$ $X_{aa}^{24}X_{aa}^{25}$ $X_{aa}^{26}X_{aa}^{27}X_{aa}^{28}X_{aa}^{29}$ X_{aa}^{30} $X_{aa}^{31}Lys^{32}X_{aa}^{33}X_{aa}^{34}X_{aa}^{35}$ $X_{aa}^{36}X_{aa}^{37}X_{aa}^{38}$// SEQ ID NO:475

o una sal farmacéuticamente aceptable de la misma,

en donde:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ está ausente; o X_{aa}^{1} es cualquier residuo de aminoácido y X_{aa}^{2} es cualquier residuo de aminoácido; o X_{aa}^{1} está ausente and X_{aa}^{2} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{3} es Cys, si X_{aa}^{18} es Cys; o X_{aa}^{3} es SeCys, si X_{aa}^{18} es SeCys; o X_{aa}^{3} es un residuo de aminoácido alquilo, si X_{aa}^{18} es un residuo de aminoácido alquilo;

X_{aa}^{4} es un residuo de aminoácido hidrofílico ácido, hidrofóbico, básico, o neutro;

X_{aa}^{5} es un residuo de aminoácido Gly, Ala, hidrofóbico, o básico;

X_{aa}^{6} es un residuo de aminoácido Gly, Ala, 2-Abu, Nle, Nva, o hidrofóbico;

X_{aa}^{7} es un residuo de aminoácido Gly, Ala, aromático, o hidrofóbico;

X_{aa}^{8} es un residuo de aminoácido básico, ácido, o neutro hidrofílico, o un residuo Ala;

X_{aa}^{9} es un residuo de aminoácido básico o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{10} es Cys si X_{aa}^{24} es Cys; o X_{aa}^{10} es SeCys si X_{aa}^{24} es SeCys;

X_{aa}^{11} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{12} es un residuo de aminoácido Pro, ácido, neutro, o hidrofóbico;

X_{aa}^{13} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{14} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{16} es un residuo de aminoácido básico, neutro hidrofílico, o ácido, o un residuo Ala;

X_{aa}^{17} es un Cys si X_{aa}^{31} es Cys; o X_{aa}^{17} es un SeCys si X_{aa}^{31} es SeCys;

X_{aa}^{18} es un Cys, SeCys, o un residuo de aminoácido alquilo;

X_{aa}^{19} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{20} es un residuo Pro, Gly, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{21} es un residuo básico, hidrofóbico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{22} es un residuo de aminoácido hidrofóbico o básico;

X_{aa}^{23} es un residuo de aminoácido hidrofóbico, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{24} es un residuo Cys o SeCys;

X_{aa}^{25} es un residuo de aminoácido Ser, Ala, o hidrofílico neutro;

X_{aa}^{26} es un residuo de aminoácido Ala, ácido, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{27} es un residuo ácido, básico, neutro hidrofílico o hidrofóbico;

X_{aa}^{28} es un residuo de aminoácido aromático o básico;

X_{aa}^{29} es un residuo ácido, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{30} es un residuo Trp, 5-bromoTrp, 6-bromoTrp, 5-cloroTrp, 6-cloroTrp, 1-Nal, 2-Nal, o tioTrp;

X_{aa}^{31} es un Cys o SeCys;

X_{aa}^{33} es un residuo de aminoácido hidrofóbico o aromático;

X_{aa}^{34} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{35} es un residuo de aminoácido hidrofóbico;

cada uno de X_{aa}^{36} , X_{aa}^{37} , y X_{aa}^{38} está independientemente ausente o es independientemente un residuo de aminoácido neutro, básico, o hidrofóbico;

y en donde:

si X_{aa}^{3} and X_{aa}^{18} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{3} y residuo X_{aa}^{18}; o si X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{3} y residuo X_{aa}^{18};

si X_{aa}^{10} and X_{aa}^{24} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{10} y residuo X_{aa}^{24}; o si X_{aa}^{10} y X_{aa}^{24} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{10} y residuo X_{aa}^{24};

si X_{aa}^{17} y X_{aa}^{31} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{17} y residuo X_{aa}^{31}; o si X_{aa}^{17} y X_{aa}^{31} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{17} y residuo X_{aa}^{31};

el residuo de terminal amino está opcionalmente acetilado, biotinilado, 4-pentinoilado, o PEGilado; y

el residuo de terminal carboxi está opcionalmente amidado.

En modalidades particulares la composición de materia

comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de SEQ ID NOS: 3-30, 32-72, 74-134, 136-178, 180-211, 218-239, 241-305, 307-363, 366-386, 388-432, 434-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-775, 777, 778, 780-788, 790-1049, y 1062-3086.

La invención actual incluye una composición de materia, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de SEQ ID NOS: 3-134, 136-305, 307-386, 388-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-1049, y 1062-3086.

La invención actual también abarca un ácido nucleico (por ejemplo, ADN o ARN) que codifica cualquiera de SEQ ID NOS: 3-134, 136-305, 307-386, 388-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-1049, y 1062-3086 que no incluye un aminoácido no-canónico; un vector de expresión que comprende el ácido nucleico; y una célula hospedera recombinante que comprende el vector de expresión. Las composiciones de la invención proporciona un método efectivo de tratamiento, o prevención, dolor, por ejemplo agudo, persistente, o crónico. Por ejemplo, un inhibidor doble de Nav1.7 y Nav1.3 puede ser efectivo en algunas formas de dolor crónico, particularmente en casos donde la inhibición sola de Nav1.7 es insuficiente. La selectividad contra canales de sodio fuera del objetivo, particularmente aquellos que rigen la exactitud cardiaca (Nav1.5) y la exactitud de músculo esquelético (NaV1.4), es radical para cualquier terapéutico sistemáticamente entregado. Esta selectividad es particularmente un gran obstáculo para el inhibidor dual. Las composiciones de la invención actual proporcionan tal selectividad contra Nav1.5 y Nav1.4. Por ejemplo, el péptido GpTx-1 (SEQ ID NO:1) es

un inhibidor débil de Nav1.4. Además, la inhibición de Nav1.4 es fuertemente dependiente del estado, tal como GpTx-1 ejerce efectos despreciables en los estados fisiológicos, no activados de Nav1.4. (Esta es una distinción clave entre GpTx-1 y tetrodotoxina, que tiene poca selectividad contra Nav1.4, y que inhibe igualmente los estados inactivado y no-activado de Nav1.4).

Consecuentemente, la invención actual está también dirigida a una composición farmacéutica o un medicamento que contiene la composición de materia inventiva, y un portador farmacéuticamente aceptable.

Los análogos de péptido GpTx-1 y GpTx-1 también son útiles en las herramientas de investigación. Hasta ahora, no han estado disponibles sondas bioquímicas específicas para Nav1.7 o para Nav1.3, y particularmente sin sondas para plegado correcto, Nav1.7 funcional en la membrana de plasma de células vivas. Ya que GpTx-1 y sus cogéneres inhiben Nav1.7 / Nav1.3, claramente enlazan a la molécula de canal con alta potencia y selectividad. El etiquetado con fluorescente u otros grupos de rastreo en los sitios no activos de GpTx-1 como se define por RMN y por sustitución de residuo pueden proporcionar herramientas idóneas para, pero no limitadas a, localización de canales de sodio, clasificación de células que expresan canales de sodio, y la selección o lavado para péptidos que enlazan a Nav1.7 o Nav1.3.

BREVE DESCRIPCIÓN DE LAS FIGURAS

La Figura 1 (panel superior) muestra la separación HPLC de fase inversa (RP) de veneno crudo extraído de *Grammostola porteri*. Las marcas con paloma junto con el eje x representan intervalos de tiempo de fraccionamiento. La Figura 1 (panel de fondo) muestra la actividad de la fracción de veneno aislado (porcentaje de control, POC) en el ensayo $Na_V1.7$ IonWorks® Quatrro (IWQ). La fracción 31 (indicada en el cuadro rectangular) contuvo un pico mayor en el cromatograma RP-HPLC, que exhibió > 80% inhibición en el ensayo de canal de iones, y más tarde fue desconvolucionado para producir GpTx-1 (SEQ ID NO:1).

La Figura 2 (recuadro) muestra el análisis de espectrometría de ionización de masa de electrorocío de resolución alta (ESI-MS) de la fracción indicada (31) de la separación inicial del veneno de *Grammostola porteri*. Las flechas indican las relaciones (m/z) observadas para los diferentes estados de ionización de un péptido con un peso molecular de 4071 Da que fue eventualmente identificado como GpTx-1. Los picos adicionales en el espectro de masa indican que la fracción de veneno es una mezcla de al menos cuatro péptidos distintos.

La Figura 3 muestra el análisis de espectrometría de masa en tiempo de vuelo de ionización de desorción láser de matriz asistida (MALDI-TOF MS) de la fracción 31 de la separación del veneno de *Grammostola porteri*. El recuadro muestra los intervalos de masa bajo y medio. El pico con una

relación m/z de 4074.9 fue eventualmente identificado como GpTx-1, pero la fracción es una mezcla de al menos cuatro péptidos distintos.

La Figura 4 (panel superior) muestra la separación RP-HPLC (sub-fracccionamiento) del material en la fracción 31 de la separación inicial del veneno de *Grammostola porteri*. Las marcas con paloma a lo largo del eje x representan los intervalos de tiempo del sub-fraccionamiento. La Figura 4 (panel de fondo) muestra la actividad de las sub-fracciones aisladas (POC) en el ensayo $Na_V1.7$ IonWorks® Quatrro (IWQ). El pico mayor en el cromatógrafo RP-HPLC fue el más activo en el ensayo $Na_V1.7$ y fue desconvolucionado para identificar GpTx-1.

La Figura 5 muestra el análisis LC-MS de GpTx-1 sintético. El panel superior muestra el cromatógrafo RP-HPLC de absorbancia UV a 214 nm. El panel de fondo muestra el conteo total de iones (TIC) del detector ESI-MS.

La Figura 6 muestra el análisis ESI-MS del pico con el tiempo de retención (r_t) de 6.75 minutos en la Figura 5. Los picos con relaciones m/z de 1358.8 y 1019.4 representan los estados de carga $[M+3H]^{3+}$ y $[M+3H]^{4+}$, respectivamente, de GpTx-1, que tiene un peso molecular de 4071.9 Da.

La Figura 7 muestra la superposición del esqueleto peptídico para las conformaciones de energía más bajas 20 (RMSD = 0.1±0.05Å) de la determinación estructural de GpTx-1 por espectroscopia RMN.

La Figura 8 muestra la superposición de los átomos pesados del péptido para las 20 conformaciones de energía más

bajas (RMSD = 0.74±0.12Å) de la determinación estructural de GpTx-1 por espectroscopia RMN.

La Figura 9 muestra una representación de la cinta del esqueleto peptídico y enlaces de disulfuro (con los números correspondientes a residuos de cisteína) de la determinación estructural de GpTx-1 por espectroscopia RMN.

La Figura 10 muestra GpTx-1 orientado con la cara de enlace putativa e hidrofóbica formada por la hebra β del C terminal y los residuos Phe5 y Met6 orientados hacia el lector. A la derecha, está una representación de la cinta del esqueleto peptídico con las cadenas laterales de residuos clave representados, y la izquierda muestra una superficie parcialmente transparente representando a la molécula.

La Figura 11 (izquierda) muestra la cara de enlace hidrofóbica y putativa de GpTx-1 con una superficie opaca. A la derecha, la molécula ha sido rotada en el sentido de las manecillas del reloj a 90° para mostrar el contraste topológico entre la cara hidrofóbica plana y la cara del péptido hidrofílica (expuesta al solvente).

Las Figuras 12A-12N muestran las estructuras esquemáticas de algunas modalidades de la composición de la invención que incluyen una o más unidades de una toxina farmacológicamente activa, por ejemplo, GpTx-1, o toxina (por ejemplo, GpTx-1) análogo péptido (garabato) fusionado, por medio de una porción de ligadura de peptidilo opcional tal como pero no limitada a L5 o L10 descrita en la presente, con uno o más dominios de inmunoglobulina. Estos esquemas muestran una IgG1 más típica, a pesar de que también están

destinadas a aplicar a IgG2s, que tendrá 4 enlaces de disulfuro en la bisagra y un arreglo diferente de enlace de disulfuro ligando a la cadena pesada y ligera, y IgG3s y IgG4s. La Figura 12A representa una fusión o conjugado de péptido análogo de toxina Fc heterodimérica monovalente con el péptido análogo de toxina fusionado o conjugado al extremo del C terminal de uno de los monómeros de dominio Fc de inmunoglobulina. La Figura 12B representa una fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina Fc homodimérico bivalente, con el análogo de péptido de toxina fusionado a los extremos del C terminal de ambos monómeros de dominio Fc de inmunoglobulina. La Figura 12C representa un conjugado o fusión de análogo de péptido Fc de toxina heterodimérico monovalente con el análogo péptido de toxina fusionado o químicamente conjugado al extremo del N terminal de uno de los monómeros de dominio Fc de inmunoglobulina. La Figura 12D representa una fusión o conjugado de análogo de péptido Fc de toxina homodimérica bivalente, con análogo de péptido fusionado a los extremos del N terminal de ambos monómeros de dominio Fc de inmunoglobulina. La Figura 12E representa un análogo péptido de toxina Fc heterotrimérica monovalente /Ab que comprende una cadena pesada de inmunoglobulina (HC) + cadena ligera de inmunoglobulina (LC) + un monómero Fc de inmunoglobulina con un análogo péptido de toxina fusionado a su extremo del C terminal. La Figura 12F representa una fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina HC de anticuerpo heterotetramérico (HT) monovalente, con un análogo péptido de toxina fusionado al extremo del C terminal de uno

de los monómeros HC. La Figura 12G representa una fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina HC anticuerpo Ab HT bivalente que tiene péptido de análogo de toxina en los extremos del C terminal de ambos monómeros HC. La Figura 12H representa un análogo péptido-LC Ab de toxina HT monovalente, con el análogo de péptido de toxina fusionado al extremo del N terminal de uno de los monómeros LC. La Figura 12I representa un análogo péptido-HC Ab de toxina HT monovalente, con el análogo péptido de toxina fusionado al extremo del N terminal de uno de los monómeros HC. La Figura 12J representa una fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina HT Ab LC monovalente (esto es, fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina LC + LC + 2(HC)), con el análogo péptido de toxina fusionado al extremo del C terminal de uno de los monómeros LC. La Figura 12K representa una fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina Ab LC HT bivalente (esto es, 2 (conjugado o fusión de análogo de péptido de toxina LC) + 2(HC)), con análogos de péptido de toxina fusionados al extremo del C terminal de ambos monómeros de LC. La Figura 12L representa un análogo de péptido de toxina Ab LC HT trivalente/análogo de péptido de toxina HC (esto es, 2(fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina LC) + fusión o conjugado de análogo de péptido de toxina HC + HC), con los análogos de péptido fusionados a los extremos del C terminal de ambos monómeros LC y uno de los monómeros HC. La Figura 12M representa un anticuerpo bivalente con una porción de análogo péptido de toxina insertada en un bule interno del dominio Fc de inmunoglobulina de cada monómero HC. La Figura

12N representa un anticuerpo monovalente con una porción de análogo péptido de toxina insertada en un rizo interno del dominio Fc de inmunoglobulina de uno de los monómeros HC. Los dímeros o trímeros se formarán espontáneamente en ciertas células hospederas bajo la expresión de un constructo de ácido desoxirribonucleico (DNA) codificando una cadena sencilla. En otras células hospederas, las células pueden colocarse en condiciones que favorecen la formación de dímeros/trímeros o los dímeros/trímeros pueden formarse in vitro. Si más que un monómero HC, monómero LC, o monómero de dominio Fc de inmunoglobulina s parte de una modalidad sencilla, los monómeros individuales pueden ser, si se desea, idénticos o diferentes los unos de los otros.

Las Figuras 13A-13F ilustran estudios de hibridación in situ detectando la expresión de ARN mensajero $Na_V1.7$ en ganglios trigeminales humanos (Figura 13 A-B) y en ganglios de raíz dorsales (Figura 13C-F). La Figura 13A, Figura 13C, Figura 13E muestran células teñidas con Hematoxilina y Eosina (H & E); Figura 13B, Figura 13D, y Figura 13F muestran la expresión de Nav1.7 por medio de la hibridación de sonda antisentido etiquetada con ^{33}P como puntos azules. La tinción específica de $Na_V1.7$ también se detectó en los plexos mientéricos del estómago e intestino delgado. No se detectó tinción específica de $Na_V1.7$ en el cerebelo humano, corteza cerebral, médula adrenal, o pituitaria y sólo se detectó tinción ligera en núcleos hipotalámicos. La tinción de la médula espinal se restringió a tinción ligera en áreas motoras ventrales y para el epéndima espinal (alineación de

células epiteliales en el canal central). Toda la tinción se hizo bajo condiciones libres de ARNsa en tejido fijado con formalina, incrustado en parafina. La sonda se verificó específica para $Na_V1.7$ verificando una señal positiva en líneas celulares HEK-293T expresando $Na_V1.7$ de humano clonado y una ausencia de señal en líneas celulares expresando cualquiera de los siguientes canales de sodio: $hNa_V1.1$ (HEK-293T), $hNa_V1.2$ (CHO), $hNa_V1.3$ (CHO), $hNa_V1.4$ (HEK-293T), $hNa_V1.5$ (HEK-293T), $hNa_V1.6$ (HEK-293T), $rNa_V1.3$ (HEK-293T), y en las líneas celulares 293T parentales.

Las Figuras 14A-14E muestran que las neuronas individuales exactamente aisladas de los ganglios sensoriales de rata expresan una población heterogénea de corrientes de sodio. Las neuronas individuales expresaron ya sea rápido, corrientes de sodio sensibles a la tetrodotoxina (probablemente $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$), lento, corrientes de sodio resistentes a la tetrodotoxina (probablemente $Na_V1.8$), o una población mezclada (ningún tipo de corriente codifica > 90% de la corriente de sodio total). Las Figuras 14A-14C muestran ejemplos de una neurona expresando corrientes de sodio TTX-S rápido (Figura 14A), mezclado (Figura 14B), o TTX-R lento (Figura 14C). Las Figuras 14D-14E ilustran que las neuronas aisladas de ganglios sensoriales de rata que han experimentado cirugía de ligación al nervio espinal (“SNL”) (Figura 14E) expresan una proporción más grande de corrientes TTX-S rápidas que las ratas de control (Figura 14D).

Las Figuras 15A-15B muestra las alineaciones de secuencia de KIIIA (SEQ ID NO:530), GpTx-1(1-34) (SEQ ID

NO:1), Huwentoxina-IV(SEQ ID NO:528), Huwentoxina-I (SEQ ID NO:529), y ProTx II (SEQ ID NO:531).

La Figura 16 muestra el perfil de tiempo y concentración de GpTx-1 en plasma de ratón seguido de administración subcutánea (“s.c.”) de 1 mg/kg. La concentración GpTx-1 estuvo debajo del límite inferior de cuantificación en dos de los tres animales, y el perfil no pudo obtenerse.

La Figura 17A muestra el perfil de tiempo y concentración de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) en plasma de dos ratones seguido de una administración intravenosa (“i.v.”) 1 mg/kg. (Las exposiciones de un tercer ratón fueron más bajas que el límite de cuantificación, y el perfil no pudo obtenerse).

La Figura 17B muestra el promedio de los perfiles de tiempo y concentración de plasma de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) en plasma de ratones seguido de una dosis s.c de 5 mg/kg (n = 3), una dosis s.c 1 mg/kg (n=2), y una dosis intravenosa (i.v) de 1 mg/kg (n=2). Para la dosis de 5 mg/kg, las concentraciones de péptido en el plasma se sostuvieron a alrededor de 0.6 μM, aproximadamente 40-tantos sobre IC_{50} Nav1.7 in vitro por PatchXpress® (PX), por 3 h.

La Figura 18 muestra la relación de la respuesta de dosis para GpTx-1 (SEQ ID NO:1; n=7), [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22; n=8), y control BSA probado contra hERG. El valor IC_{50} para ambos compuestos fue > 10 μM.

La Figura 19A muestra la relación de respuesta de dosis para GpTx-1 (SEQ ID NO:1; n=7) probado contra hNav1.5. El valor IC_{50} para GpTx-1 fue 9.8 μM.

La Figura 19B muestra la relación de respuesta de dosis para [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22, n=9) probado contra hNav1.5. El valor IC_{50} para [Ala5]GpTx-1 fue > 30 µM.

La Figura 20 muestra el efecto de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) en canales hNav1.7. Las células se mantuvieron a -140 mV y las corrientes hNav1.7 interiores de pico se midieron a -10 mV. La traza “Basal” mostró la corriente hNav1.7 antes de GpTx-1, y la traza ‘100 nM GpTx-1’ muestra la corriente hNav1.7 después de la adición de GpTx-1.

La Figura 21 muestra una curva de respuesta de dosis de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.7. La corrientes hNav1.7 interiores de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.7 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.7 seguido del bloqueo completo. El IC_{50} de GpTx-1 contra canales hNav1.7 fue 7.40 nM.

La Figura 22 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.7. Las corrientes interiores de pico hNav1.7 se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. La “línea basal” indica la corriente hNav1.7 en la ausencia de GpTx-1 y “lavado” indica corriente hNav1.7 seguido de la remoción de GpTx-1.

La Figura 23 muestra el efecto de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) en canales hNav1.3. Las células se mantuvieron a -140 mV y

las corrientes internas de pico hNav1.3 se midieron a -10 mV. La traza “Basal” muestra la corriente hNav1.3 antes de GpTx-1, y la traza ‘300 nM GpTx-1’ muestra la corriente de hNav1.3 después de la adición de GpTx-1.

La Figura 24 muestra una curva de respuesta de dosis de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.3. Las corrientes hNav1.3 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. Las corrientes se normalizaron con 100 representando corriente Nav1.3 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.3 seguido del bloqueo completo. El IC_{50} de GpTx-1 contra canales hNav1.3 fue 16.8 nM.

La Figura 25 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.3. Las corrientes hNav1.3 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. La “línea basal” indica la corriente hNav1.3 en la ausencia de GpTx-1 y “lavado” indica la corriente hNav1.3 seguido de la remoción de GpTx-1.

La Figura 26 muestra el efecto de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) en los canales hNav1.4. Las células se mantuvieron a -140 mV y las corrientes hNav1.4 internas de pico se midieron a -10 mV. La traza de “Base” muestra la corriente hNav1.4 antes de GpTx-1, y la traza ‘3 µM GpTx-1’ muestra la corriente hNav1.4 después de la adición de GpTx-1.

La Figura 27 muestra una curva de respuesta de dosis de

GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.4. Las corrientes hNav1.4 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.4 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.4 seguido del bloqueo completo. El IC_{50} de GpTx-1 contra canales hNav1.4 fue de 2.9 µM.

La Figura 28 muestra una curva de respuesta de dosis de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.4. Las corrientes hNav1.4 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación. Observe que GpTx-1 es más potente contra hNav1.4 cuando los canales están parcialmente inactivados. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.4 sin la adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.4 seguido del bloqueo completo. El IC_{50} de GpTx-1 contra canales parcialmente inactivados hNav1.4 fue 0.26 µM.

La Figura 29 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.4. Las corrientes hNav1.4 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. La “línea basal” indica la corriente hNav1.4 en la ausencia de GpTx-1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.4 seguido de la remoción de GpTx-1.

La Figura 30 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.4. Las corrientes hNav1.4 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV (cuadrados) o una producción potencial aproximadamente 20% inactivación (círculos). La “línea basal” indica la corriente hNav1.4 en la ausencia de GpTx-1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.4 seguido de la remoción de GpTx-1. Observe que GpTx-1 es más potente contra hNav1.4 cuando los canales están parcialmente inactivados.

La Figura 31 muestra el efecto de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) en canales hNav1.5. Las células se mantuvieron a -140 mV y las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente hNav1.5 antes de GpTx-1, y la traza ‘3 μM GpTx-1’ muestra la corriente hNav1.5 después de la adición GpTx-1.

La Figura 32 muestra una curva de respuesta de dosis de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales hNav1.5. Las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.5 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.5 seguido del bloqueo completo. El IC_{50} de GpTx-1 contra canales hNav1.5 fue 8.9 μM.

La Figura 33 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra

canales hNav1.5. Las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. La “línea basal” indica la corriente hNav1.5 en la ausencia de GpTx-1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.5 seguido de la remoción de GpTx-1.

La Figura 34 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) en los canales hNav1.7. Las células se mantuvieron a -140 mV y corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente hNav1.7 antes de la adición de [Ala5]GpTx-1, y la traza “300 nM [Ala5]GpTx-1” muestra la corriente hNav1.7 después de la adición de [Ala5]GpTx-1. Las células se mantuvieron a una producción potencial de 20% inactivación aproximadamente.

La Figura 35 muestra una curva de respuesta de dosis de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) contra canales hNav1.7. Las corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de [Ala5]GpTx-1; las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.7 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.7 seguido del bloqueo completo. El IC_{50} de [Ala5]GpTx-1 contra canales hNav1.7 parcialmente inactivados fue 13.2 nM.

La Figura 36 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) contra canales hNav1.7. Las corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de

concentraciones crecientes de [Ala5]GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV (cuadrados) o una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación (círculos). La “línea basal” indica corriente hNav1.7 en la ausencia de [Ala5]GpTx-1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.7 seguido de la remoción de [Ala5]GpTx-1.

La Figura 37 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra los canales Nav sensible a TTX en neuronas (DRG) de ganglio de raíz dorsal de ratón (DRG). Las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. El “Control” indica la corriente Nav en la ausencia de GpTx-1, ‘TTX’ indica la corriente Nav en la presencia de 300 nM TTX, y “Lavado” indica la corriente Nav seguido de la remoción de GpTx-1 y TTX. Observe que GpTx-1 bloqueó casi todas las corrientes sensibles a TTX. Las corrientes medidas en este estudio fueron casi todas corrientes sensibles a TTX, identificadas en el comienzo del registro en la base de la rápida cinética de inactivación.

La Figura 38 muestra una curva de respuesta de dosis representativa de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra los canales Nav sensible a TTX en neuronas DRG de ratón. Las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a -140 mV. El valor IC_{50} de GpTx-1 contra canales de sodio sensibles a TTX en neuronas mDRG se midió es 7.1 nM. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la

corriente sensible a TTX sin adición de péptido y 0 representando la corriente sensible a TTX seguido del bloqueo completo.

La Figura 39 muestra el efecto de una concentración sencilla GpTx-1 (SEQ ID NO:1) en los canales Nav sensibles a TTX en neuronas DRG de ratón. Las células se mantuvieron a -140 mV y las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente Nav antes de la adición de GpTx-1, y la traza “200 nM GpTx-1” muestra la corriente Nav después de la adición de GpTx-1. Observe que la inactivación de corrientes de control estuvo completa en un par de milisegundos, que distingue la corriente sensible a TTX de la corriente resistente a TTX.

La Figura 40 muestra el curso de tiempo de concentraciones de incremento en GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales Nav sensibles a TTX en neuronas DRG de ratón. Las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación. El “Control” indica la corriente Nav en la usencia de GpTx-1, “TTX” indica la corriente Nav en la presencia de 300 nM TTX, y “Lavado” indica la corriente Nav seguido de la remoción de GpTx-1 y TTX. Observe que GpTx-1 bloqueó toda la corriente sensible a TTX, ya que 300 nM TTX no dio bloqueo de corriente adicional.

La Figura 41 muestra una curva de respuesta de dosis representativa de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contra canales Nav sensible a TTX en neuronas DRG de ratón, como se define por

la cinética de inactivación apropiada. Las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de GpTx-1; las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación. El valor IC_{50} el valor de GpTx-1 contra canales de sodio sensibles a TTX en neuronas mDRG se midió para ser de 4.7 nM. Las corrientes se normalizaron con 100 representando corriente sensible a TTX sin adición de péptido y 0 representando corriente sensible a TTX seguido del bloqueo completo.

La Figura 42 muestra el efecto de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) en canales Nav sensible a TTX en neuronas DRG de ratón. Las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación y las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente Nav antes de la adición de GpTx-1, yla traza “200 nM GpTx-1” muestra la corriente Nav después de la adición de GpTx-1.

La Figura 43 muestra el curso de tiempo de las concentraciones crecientes de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) contra canales Nav sensibles a TTX en neuronas DRG de ratón. Las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22); las células se mantuvieron a -140 mV. El “Control” indica la corriente Nav en la ausencia de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22), “TTX”’ indica la corriente Nav en la presencia de 300 nM TTX, y “Lavado” indica la corriente Nav seguido de la remoción de

[Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) y TTX. Observe que [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) bloqueó casi toda la corriente Nav sensible a TTX.

La Figura 44 muestra una curva de respuesta de dosis representativa de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) contra canales Nav sensibles a TTX en neuronas DRG de ratón. Las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes de [Ala5]GpTx-1(1-34); las células se mantuvieron a -140 mV. El valor IC_{50} de [Ala5]GpTx-1(1-34) contra canales de sodio sensibles a TTX en neuronas mDRG se midieron para ser 17.0 nM. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente sensible a TTX sin adición de péptido y 0 representando la corriente sensible a TTX seguido del bloqueo completo.

La Figura 45 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en canales Nav sensibles a TTX en neuronas DRG de ratón. Las células se mantuvieron a -140 mV y las corrientes Nav internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente Nav antes de la adición de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22), la traza “300 nM SEQ ID NO:22” muestra la corriente Nav después de la adición SEQ ID NO:22, y la traza “300 nM SEQ ID NO:22 + 300 nM TTX” muestra la corriente Nav después de la adición de SEQ ID NO:22 y TTX. Observe que [Ala5]GpTx-1(1-34) selectivamente bloqueó la corriente Nav sensible a TTX pero no la corriente Nav resistente a TTX.

La Figura 46 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes de un conjugado homodimérico

(Conjugado homodimérico 1) de monómero de péptido [Phe6,Atz13]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:591) contra canales hNav1.7. Las corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado Homodimérico 1; las células se mantuvieron a -140 mV. El “Control” indica la corriente Nav1.7 (hNav1.7) humana en la ausencia del Conjugado homodimérico 1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.7 seguido de la remoción del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 47 muestra una curva de dosis representativa del Conjugado homodimérico 1 contra canales Nav1.7 humanos. Las corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a -140 mV. El valor IC_{50} del Conjugado homodimérico 1 contra canales de sodio hNav1.7 se midió es de 1.2 nM. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.7 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.7 seguido del bloqueo completo.

La Figura 48 muestra la recuperación de las corrientes hNav1.7 seguido del lavado del Conjugado homodimérico 1. Las corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de 3 nM o 300 nM del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a -140 mV. El “Control” indica la corriente hNav1.7 en la ausencia del Conjugado homodimérico 1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.7 seguido de la remoción del Conjugado homodimérico 1. Observe que las corrientes hNav1.7 parcialmente se recuperan

después del lavado de 3 nM del Conjugado homodimérico 1 pero no se recuperan seguido del lavado de 300 nM del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 49 muestra el efecto del Conjugado homodimérico 1 en los canales hNav1.7. Las células se mantuvieron a -140 mV y las corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente hNav1.7 antes de la adición del Conjugado homodimérico 1, y la traza de ‘10 nM Conjugado homodimérico 1’ muestra la corriente hNav1.7 después de la adición del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 50 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1 contra canales hNav1.7. Las corrientes hNav1.7 se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% inactivación. El “Control” indica la corriente hNav1.7 en la ausencia del Conjugado homodimérico 1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.7 seguido de la remoción del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 51 muestra una curva de dosis representativa del Conjugado homodimérico 1 contra canales hNav1.7. Las corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación. El valor IC_{50} del Conjugado homodimérico 1 contra los canales de sodio

sensible a TTX en neuronas mDRG se midió para ser 0.66 nM. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.7 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.7 seguido del bloqueo completo.

La Figura 52 muestra el efecto del Conjugado homodimérico 1 en los canales hNav1.7. Las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación y corrientes hNav1.7 internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente hNav1.7 antes de la adición del Conjugado homodimérico 1, y la traza “3 nM Conjugado homodimérico 1” muestra la corriente hNav1.7 después de la adición del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 53 muestra un curso de tiempo de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1 contra canales hNav1.5. Las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a -140 mV. El “Control” indica la corriente hNav1.5 en la ausencia del Conjugado homodimérico 1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.5 seguido de la remoción del Conjugado homodimérico 1. Observe que las corrientes hNav1.5 parcialmente se recuperan seguidas del lavado del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 54 muestra una curva de respuesta de dosis representativa del Conjugado homodimérico 1 contra canales hNav1.5. Las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a -140

mV. El valor IC_{50} del Conjugado homodimérico 1 contra canales de sodio hNav1.5 se midió es de 75.5 nM. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.5 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.5 seguido del bloqueo completo.

La Figura 55 muestra el efecto del Conjugado homodimérico 1 en los canales hNav1.5. Las células se mantuvieron a -140 mV y las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente hNav1.5 antes de la adición del Conjugado homodimérico 1, y la traza “2 μM Conjugado homodimérico 1” muestra la corriente hNav1.5 después de la adición del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 56 muestra el curso de tiempo de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1 contra canales hNav1.5. Las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV cada 10 segundos en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación. El “Control” indica la corriente hNav1.5 en la ausencia del Conjugado homodimérico 1 y “Lavado” indica la corriente hNav1.5 seguido de la remoción del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 57 muestra una curva de dosis representativa del Conjugado homodimérico 1 contra canales hNav1.5. Las corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV en la presencia de concentraciones crecientes del Conjugado homodimérico 1; las células se mantuvieron a una producción

potencial de aproximadamente 20% de inactivación. El valor IC_{50} del Conjugado homodimérico 1 contra canales de sodio hNav1.5 se midió que es de 57 nM. Las corrientes se normalizaron con 100 representando la corriente Nav1.5 sin adición de péptido y 0 representando la corriente Nav1.5 seguido del bloqueo completo.

La Figura 58 muestra el efecto del Conjugado homodimérico 1 en los canales hNav1.5. Las células se mantuvieron a una producción potencial de aproximadamente 20% de inactivación y corrientes hNav1.5 internas de pico se midieron a -10 mV. La traza “Base” muestra la corriente hNav1.5 antes de la adición del Conjugado homodimérico 1, y la traza “2 uM Conjugado homodimérico 1” muestra la corriente hNav1.5 después de la adición del Conjugado homodimérico 1.

La Figura 59 muestra el curso de tiempo del efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en el modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1-hora de 5 mg/kg s.c. El péptido no tiene efecto en la primera o fase aguda (0-5 minutos después de la inyección de formalina). El péptido significativamente redujo el tiempo gastado levantando y/o lamiendo la pata afectada durante la segunda fase (5-40 minutos después de la inyección de formalina, asociada con la sensibilización espinal) comparado al vehículo (PBS). En este experimento la dosis s.c 1 mg/kg de morfina usada como un control positivo fue insuficiente para significativamente reducir la respuesta al dolor en los animales, y se incrementó a 3 mg/kg en los siguientes estudios. La exposición de plasma de terminal

(concentraciones de plasma de péptido a 45 min después de la inyección de formalina) para el péptido fue de 0.80 ± 0.21 µM.

La Figura 60 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en el modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5 mg/kg s.c. durante la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina). Ni el péptido ni el control positivo de formalina significativamente redujo el tiempo gastado levantando y/o lamiendo la pata afectada durante la primera fase. Las reducciones farmacológicas en la encogida durante esta primera fase generalmente reflejan efectos no específicos en el movimiento animal, consciencia, o salud más que una reducción actual en el dolor.

La Figura 61 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en el modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 machos con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5 mg/kg s.c. durante la segunda fase (5-40 minutos después de la inyección de formalina). El péptido pero no el control de significativamente redujo el tiempo gastado levantando y/o lamiendo la pata afectada durante la segunda fase. De nuevo, la ausencia del efecto del control positivo de morfina no refleja un ensayo “fracasado”, pero la variabilidad de respuestas de ratón para esta concentración de morfina. Las dosis de morfina para futuros experimentos se incrementaron a 3 mg/kg.

La Figura 62 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en edema en la pata en el modelo de dolor de

formalina en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5 mg/kg s.c. Ni el péptido ni el control positivo de morfina redujeron significativamente el edema en la pata causado por la inyección de formalina relativa al vehículo (PBS).

La Figura 63 muestra el curso de tiempo del efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una repetición del modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5, 1.67, y 0.5 mg/kg s.c. El péptido no tuvo efecto e cualquier dosis en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina). El control positivo, una dosis de 3 mg/kg s.c. de morfina, redujo significativamente el tiempo gastado levantando/lamiendo la pata afectada en la primera fase. La dosis de 5 mg/kg s.c. de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) demostró una reducción significativa del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase del estudio, como lo hizo el control positivo de morfina. Las dosis del péptido inferior (1.67 y 0.5 mg/ kg s.c.) no tuvo efecto relativo para el vehículo en la segunda fase. Las exposiciones terminales (concentraciones de plasma de péptido a 45 min después de la inyección de formalina) fueron 0.58 ± 0.26 μM, 0.15 ± 0.05 μM, y 0.04 ± 0.2 μM para las dosis 5.0, 1.67, y 0.5 mg/kg, respectivamente.

La Figura 64 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en la primera fase del modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5, 1.67, y 0.5 mg/kg s.c. El péptido no tuvo

efecto en cualquier dosis en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina) relativo al vehículo, pero el control positivo, una dosis s.c. 3 mg/kg de morfina, significativamente redujo el tiempo gastado levantando/lamiendo la pata afectada en la primera fase.

La Figura 65 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en la segunda fase del modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5, 1.67, y 0.5 mg/kg s.c. La dosis s.c. 5 mg/kg de péptido demostró una reducción importante del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase del estudio, como lo hizo el control positivo de morfina. Las dosis de péptido inferior (1.67 y 0.5 mg/ kg s.c.) no tuvieron efecto relativo al vehículo en la segunda fase.

La Figura 66 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en edema en la pata en el modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5, 1.67, y 0.5 mg/kg s.c. Ni el péptido ni el control de morfina significativamente redujeron el edema en la pata causado por la inyección de formalina relativa al vehículo (PBS).

La Figura 67 muestra el curso de tiempo del efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una tercera repetición de modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento 1-hora de 5, 3, y 1 mg/kg s.c. La dosis de péptido 5 mg/kg y la dosis s.c 3 mg/kg de morfina (30 minutos pretratamiento) no tuvieron efecto en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina). Sin

embargo, las dosis de péptido inferiores (1 y 3 mg/kg s.c.) parecieron incrementar el tiempo gastado levantando/lamiendo relativo al control de vehículo. La dosis de 5 mg/kg s.c. de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) demostró una reducción significativa del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase del estudio, como lo hizo el control positivo de morfina. Sin embargo, las dosis de péptido inferiores no mostraron una reducción en el comportamiento levantando/lamiendo relativo al control de vehículo en la segunda fase. El grupo 1 mg/kg s.c. no fue significativamente diferente del control de vehículo, mientras el grupo 3 mg/ kg s.c. pareció significativamente incrementar el tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase. Las exposiciones terminales (concentraciones de plasma de péptido a 45 min después de la inyección de formalina) fueron 1.84 ± 0.18 μM, 0.53 ± 0.23 μM, y 0.20 ± 0.05 μM para las dosis 5.0, 3, y 1 mg/kg, respectivamente.

La Figura 68 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en la primera fase del modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5, 3, y 1 mg/kg s.c. La dosis de péptido 5 mg/kg y la dosis de 3 mg/kg s.c. de morfina no tuvieron efecto en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina). Sin embargo, las dosis de péptido inferiores (1 y 3 mg/kg s.c.) parecieron incrementar el tiempo gastado levantando/lamiendo relativo al control.

La Figura 69 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en la segunda fase del modelo de dolor de

formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5, 3, y 1 mg/kg s.c. La dosis s.c. de 5 mg/kg de péptido demostró una reducción importante del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase del estudio, como lo hizo el control positivo de morfina. Sin embargo, las dosis de péptido inferiores no mostraron una reducción en el comportamiento de levantado/lamiendo relativo al control de vehículo en la segunda fase. El grupo 1 mg/kg s.c. no fue significativamente diferente del control de vehículo, mientras el grupo 3 mg/kg s.c. pareció significativamente incrementar el tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase.

La Figura 70 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en el edema en la pata en el modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5, 3, y 1 mg/kg s.c. Ni el péptido ni el control de morfina significativamente redujeron el edema en la pata causada por inyección de formalina relativa al vehículo (PBS).

La Figura 71 muestra los efectos de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en dosis de 3 y 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente total del movimiento básico de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. Ninguna de las dosis de péptido significativamente redujo el comportamiento exploratorio en relación al control de vehículo. Las exposiciones terminales (concentraciones de plasma de péptido a 2 h después de la inyección de péptidos) fueron 1.79 ± 0.38 y 0.89 ± 0.33 μM para las dosis 5 y 3

mg/kg s.c., respectivamente.

La Figura 72 muestra los efectos de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en dosis s.c de 3 y 5 mg/kg con tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en componente de movimiento fino de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En la dosis de 3 mg/kg, el movimiento fino no se afectó significativamente. En la dosis 5mg/kg, el péptido significativamente redujo el movimiento sutil total relativo al vehículo.

La Figura 73 muestra los efectos de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en dosis 3 y 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente total de la levantamiento en dos patas de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. Ninguna de las dosis de péptido significativamente disminuyó el comportamiento exploratorio en relación al control de vehículo.

La Figura 74 muestra los efectos de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en las dosis 3 y 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente total de la levantamiento en dos patas de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En la dosis de 3mg/kg, el tiempo total de levantamiento en dos patas no fue significativamente afectada. En la dosis de 5 mg/kg, el péptido significativamente redujo el tiempo total de levantamiento en dos patas relativo al vehículo.

La Figura 75 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis s.c. 5 mg/kg con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora y mexiletina en una dosis 30 mg/kg intraperitoneal (“i.p.”) con un tiempo de pre-tratamiento de

30 minutos en los comportamientos nociceptivos espontáneos (1 µg inyección en la pata dorsal) inducidos por veratridina en ratones CD-1 machos medidos por 20 minutos después de la inyección de veratridina. En total hubo una buena respuesta de levantamiento de pata el grupo vehículo que se revirtió significativamente con mexiletina. At 5 mg/kg, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) no redujo significativamente el comportamiento de levantamiento. No hay reducción de edema en la pata a través de todos los grupos.

La Figura 76 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis s.c 5 mg/kg con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora y mexiletina en una dosis 30 mg/kg con un tiempo de pre-tratamiento de 30 minutos en el edema en la pata (1 µg inyección en la pata dorsal) inducido de veratridina en ratones CD-1 macho. No hay reducción de edema en la pata a través de todos los grupos.

La Figura 77 muestra el curso de tiempo del efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora y mexiletina en una dosis 30 mg/kg i.p. con un tiempo de pre-tratamiento de 30 minutos en los comportamientos nociceptivos espontáneos (1 µg inyección en la pata dorsal) inducidos de veratridina en ratones CD-1 macho. En total hubo una buena respuesta de levantamiento de pata del grupo de vehículo que se revirtió significativamente con mexiletina durante el transcurso del experimento. En 5 mg/kg, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) fue incapaz de reducir significativamente el comportamiento de levantamiento durante el transcurso del experimento,

aunque no tuvo tendencia a la reducción de levantamiento y lamido de pata durante los lapsos de tiempo de 10-15 y 15-20 minutos. La exposición terminal (concentración de plasma de péptido a 1.5 h después de la inyección de péptido) fue 0.70 ± 0.10 μM para la dosis de 5 mg/kg.

La Figura 78 muestra la prueba de repetición de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis de 1 y 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora (n = 9-10) y mexiletina en una dosis 30 mg/kg con un tiempo de pre-tratamiento de 30 minutos (n = 10) en comportamientos nociceptivos espontáneos (1 μg inyección en la pata dorsal) inducidos de veratridina en ratones CD-1 macho. En total hubo una buena respuesta de levantamiento de pata del grupo vehículo que se revirtió significativamente con mexiletina. En 1 y 5 mg/kg, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) no redujo significativamente el comportamiento de levantamiento.

La Figura 79 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en dosis 1 y 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora y mexiletina en una dosis 30 mg/kg i.p. con un tiempo de pre-tratamiento de 30 minutos en el edema en la pata (1 μg inyección en la pata dorsal) inducido de veratridina en ratones CD-1 macho. No hubo reducción del edema en la pata en algún grupo.

La Figura 80 muestra el curso de tiempo en los efectos de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en dosis de 1 y 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora y mexiletina en una dosis de 30 mg/kg i.p. con un tiempo de pre-tratamiento de 30 minutos en los comportamientos nociceptivos

espontáneos (1 µg inyección en la pata dorsal) inducidos de veratridina en ratones CD-1 macho. En total hubo una buena respuesta de levantamiento de pata del grupo vehículo que se revirtió significativamente con mexiletina durante todo el transcurso del experimento. En 1 y 5 mg/kg, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) no redujo significativamente el comportamiento de levantamiento en algún punto durante el transcurso del experimento. Las exposiciones terminales (concentración de plasma de péptido a 1.5 h después de la inyección de péptido) fueron 0.72 ± 0.13 y 0.09 ± 0.05 µM para las dosis 5 y 1 mg/kg, respectivamente.

La Figura 81A muestra la reacción de péptido que contiene alquino [Phe6; Pra13]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:1049) con un bis-azida 2 kDa PEG por medio de una reacción de cicloadición 1,3-dipolar catalizada de hierro para obtener el péptido homodimérico de sitio específico con dos ligaduras de triazol convirtiendo la propargilglicina o residuos Pra en las secuencias a 3-(1,2,3-triazol-4-il)alanina o residuos Atz.

La Figura 81B muestra la secuencia de dos etapas de primero reaccionando con péptido que contiene alquino [Ala5,Phe6,Pra13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:640) con un ligadura azido-PEG11-bromoacetamida por medio de una reacción de cicloadición 1,3-dipolar catalizada de hierro para obtener el constructo de ligadura de péptido PEGilado específicamente en sitio (SEQ ID NO:1062) con una ligadura de triazol convirtiendo la propargilglicina a residuo Pra en la secuencia de péptido para un 3-(1,2,3-triazol-4-il)alanina o

residuo Atz. En segundo lugar, las cisteínas libres de ingeniería en el anti-DNP mAb (E273C) hIgG1 (comprende monómeros de inmunoglobulina SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) reaccionan con la funcionalidad de bromoacetamida en ligadura de péptido para formar un conjugado de péptido de inmunoglobulina específico de sitio con una ligadura tioacetamida estable (Inmunoglobulina-péptido Conjugado 1). Si una cisteína reacciona, entonces el resultado es un conjugado inmunoglobulina-péptido monovalente como se representa, pero si ambas cisteínas reaccionan, entonces el resultado es un conjugado inmunoglobulina-péptido bivalente.

La Figura 82 muestra un gel SDS-PAGE de reducción de la mezcla de reacción de conjugación de sitio específico del constructo ligadura-péptido (SEQ ID NO:1062) con anti-DNP mAb (E273C) hIgG1 (que comprende monómeros de inmunoglobulina SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) previo a la purificación en la columna SP. Aproximadamente 75% de cadena pesada (HC) mAb muestra un cambio 5-kD, indicando la conjugación de un análogo de péptido GpTX-1 sencillo. La banda de peso molecular más alto indica el conjugado de orden más alto debido a la sobre-reducción.

La Figura 83 muestra los resultados de la purificación de la mezcla de reacción de conjugación específica de sitio del constructo péptido-ligadura (SEQ ID NO:1062) con anti-DNP mAb (E273C) hIgG1 (que comprende monómeros de inmunoglobulina SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088). El panel de la izquierda muestra el cromatograma

de intercambio de cationes de absorbancia UV a 280 nm de la reacción de conjugación usando una columna de 5 mL HiTrap SP-HP. El panel a la derecha muestra el gel SDS-PAGE de no reducción (izquierda) de los picos del cromatograma de intercambio de cationes indicando que los enlaces de disulfuro internos de los conjugados anticuerpo-péptido están intactos y el gel SDS-PAGE de reducción (derecha) de los picos cromatograma de intercambio de cationes. El pico 1 muestra la cadena pesada (HC) del anticuerpo no reaccionado. El pico 2 muestra aproximadamente 50% del HC cambiado indicando un conjugado análogo de péptido GpTx-1de anticuerpo monovalente. El pico 3 muestra casi 100% HC cambiado indicando el conjugado de análogo de péptido GpTx-1 de anticuerpo bivalente.

La Figura 84 muestra los resultados de la purificación de la mezcla de reacción de conjugación de sitio específico del constructo péptido-ligadura (SEQ ID NO:1062) con anti-DNP mAb (E273C) dominio Fc hIgG1 (homodímero de SEQ ID NO:3089). El panel a la izquierda muestra el cromatograma de intercambio de cationes de absorbancia UV a 280 nm de la reacción de conjugación usando una columna SP-HP 5 mL HiTrap. El panel derecho muestra el gel SDS-PAGE sin reducción (izquierda) de los picos del cromatograma de intercambio de cationes indicando que los enlaces de disulfuro internos de los conjugados anticuerpo-péptido están intactos en la reducción de gel SDS-PAGE (derecha) de los picos del cromatógrafo de intercambio de cationes. El pico 1 muestra aproximadamente 50% del HC cambiado indicando un conjugado

anticuerpo-péptido monovalente. El pico 2 muestra casi 100% HC cambiado indicando el conjugado anticuerpo-péptido bivalente.

La Figura 85 muestra el cromatógrafo de exclusión de tamaño analítico de absorbancia UV a 280 nm para el (panel superior) anti-DNP mAb no modificado (E273C) hIgG1 (que comprende SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) y el conjugado de análogo de péptido GpTx-1 de anticuerpo bivalente (panel de fondo) (Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2) ejecutados en una columna Tosoh Bioscience Super SW3000, 4 μM, 250A, 4.6 mm x 30 cm en fosfato de sodio 100 mM, 250 mM NaCl, pH 6.8 con elución isocrática de 0.35 mL/min for 20 min. El cromatógrafo indica no agregación en la muestra del Conjugado de péptido.

La Figura 86 muestra los resultados de LC-MS TOF desconvolucionado del Conjugado de péptido bivalente del constructo péptido-ligadura (SEQ ID NO:1062) con anti-DNP mAb (E273C) hIgG1 (que comprende monómeros de inmunoglobulina SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088), que es inmunoglobulina-péptido Conjugado 2. La presencia de picos múltiples indica diferentes isoformas de glicosilación.

La Figura 87 muestra los resultados en LC-MS TOF desconvolucionado del conjugado de péptido bivalente del constructo péptido-ligadura (SEQ ID NO:1062) con dominio Fc anti-DNP mAb (E52C) hIgG1 (homodímero de SEQ ID NO:3089), que es Fc-péptido Conjugado 2. La presencia de picos múltiples indica diferentes isoformas de glicosilación.

La Figura 88 muestra una representación esquemática del

Conjugado 1 Fc-péptido sólo para propósitos ilustrativos. Un modelo de homología del dominio Fc anti-DNP mAb (E52C) hIgG1 de inmunoglobulina (homodímero de SEQ ID NO:3089) se construyó de una estructura cristal inmunoglobulina (1HZH.pdb) y se representa como una cinta sólida. Cys52 de SEQ ID 3089, el sitio de conjugación, se representa en formato CPK. La ligadura PEG11 se representa como un tubo sólido, en una conformación arbitraria en esta modalidad, conectando el residuo C52 en el dominio Fc de inmunoglobulina para el residuo Atz13 en el péptido. Un modelo de homología del péptido (SEQ ID NO:1046) se construyó de la estructura RMN de GpTx-1 y se exhibe como una cinta sólida y se muestra en esta modalidad en una orientación relativa arbitraria para el dominio Fc de inmunoglobulina.

La Figura 89 muestra una representación esquemática del Conjugado 2 Fc-péptido sólo para propósitos ilustrativos. Un modelo de homología del dominio Fc anti-DNP mAb (E52C) hIgG1 (homodímero de SEQ ID NO:3089) se construyó de una estructura de cristal de inmunoglobulina (1HZH.pdb) y se representa como una cinta sólida. Los residuos Cys52 de ambos monómeros de dominio Fc (SEQ ID 3089), fueron los sitios de conjugación, y se representan en formato CPK. Las ligaduras PEG11 se representan como tubos sólidos en esta modalidad en una conformación arbitraria conectando los residuos C52 en el dominio de Fc de inmunoglobulina para los residuos Atz13 en los péptidos. Los modelos de homología del péptido (SEQ ID NO:1046) se construyeron de la estructura RMN de GpTx-1 y se exhiben como una cinta sólida y se muestran en orientaciones

relativas arbitrarias para el dominio Fc de inmunoglobina. Se muestran dos péptidos para reflejar la naturaleza bivalente del Conjugado 2 Fc-péptido.

La Figura 90 muestra una representación esquemática del Conjugado 1 Inmunoglobulina-péptido sólo para propósitos ilustrativos. Un modelo de homología del anti-DNP mAb (E273C) hIgG1 (que comprende monómeros de inmunoglobulina SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) se construyó de una estructura cristal de inmunoglobulina (1HZH.pdb) y se representa como una cinta sólida. Cys273, el sitio de conjugación, se representa en formato CPK. En esta modalidad, la ligadura PEG11 se representa como un tubo sólido en una conformación arbitraria conectando al residuo C273 en la inmunoglobulina para el residuo Atz13 en el péptido. Un modelo de homología del péptido (SEQ ID NO:1046) se construyó de la estructura RMN de GpTx-1 y se exhibe como una cinta sólida y se muestra en una orientación arbitraria relativa a la inmunoglobulina en esta modalidad.

La Figura 91 muestra una representación esquemática del Conjugado 2 Inmunoglobulina-péptido sólo para propósitos ilustrativos. Un modelo de homología del anti-DNP mAb (E273C) hIgG1 (que comprende monómeros de inmunoglobulina SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) se construyó de una estructura cristal de inmunoglobulina (1HZH.pdb) y se representa como una cinta sólida. Ambos residuos Cys273, los sitios de conjugación, se presentan en formato CPK. En esta modalidad, las ligaduras PEG11 se representan como tubos sólidos en una conformación arbitraria

conectando los residuos C273 en la inmunoglobulina a los residuos Atz13 en los péptidos. Los modelos de homología del péptido (SEQ ID NO:1046) se construyeron de la estructura RMN de GpTx-1 y se exhiben como una cinta sólida y se muestran en orientaciones relativas arbitrarias a la inmunoglobuina en esta modalidad. Dos péptidos se muestran para reflejar la naturaleza bivalente del Conjugado 2 Inmunoglobulina-péptido.

La Figura 92 muestra los perfiles de tiempo y concentración de plasma media del Conjugado Fc análogo péptido GpTx-1 (Conjugado 2 Fc-Péptido) y Fc de control (homodímero de SEQ ID NO:3089) seguido de una dosis de 1 y 10 mg/kg s.c. para los ratones (n=3).

La Figura 93 muestra los perfiles de tiempo y concentración de plasma media del conjugado pépetido-IgG (Conjugado 2 Inmunoglobulina-Péptido) y IgG de control (hIgG1 mAb que comprende SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) seguido de una dosis de 1 y 10 mg/kg s.c. para los ratones (n=3).

La Figura 94 muestra los efectos del péptido [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) a 500 nM en corriente de sodio rápida y corrientes de potasio dependientes de voltaje. Las trazas son registros de pinzamientos de voltaje de una neurona enzimáticamente aislada de ganglios de raíz dorsales de rata. Las corrientes de potasio y sodio internas combinadas fueron evocadas simultáneamente por una etapa 20 ms a 0 mV de un voltaje de mantenimiento de -90 mV. La traza a la derecha fue tomada aproximadamente 160 segundos después de la adición de péptido 500 nM. [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) a 500 nM

bloqueó la corriente de sodio rápida pero no las corrientes de potasio dependientes de voltaje.

La Figura 95 muestra el curso de tiempo del efecto de [Glu29]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:30) en el modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5 mg/kg s.c La dosis de péptido de 5 mg/kg y la dosis de 3mg/kg s.c de la morfina de control positivo (30 minutos de pretratamiento) no tuvieron efecto importante en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina). La dosis de 5 mg/kg s.c de [Glu29]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:30) no demostró una reducción importante del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase del estudio (5-40 minutos después de la inyección de formalina), pero el control positivo de morfina redujo significativamente el tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase. La exposición terminal (concentración de péptido plasma a 45 min después de la inyección de formalina) fue de 0.502 $\pm$ 0.271 μM para la dosis de péptido de 5 mg/kg.

La Figura 96 muestra el efecto de [Glu29]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:30) en la primera fase del modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5 mg/kg s.c. La dosis de péptido de 5 mg/kg y la dosis de 3 mg/kg s.c de morfina no tuvieron efecto en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina).

La Figura 97 muestra el efecto de [Glu29]GpTx-1(SEQ ID NO:30) en la segunda fase del modelo de dolor de formalina

(5-40 minutos después de la inyección de formalina) en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5 mg/kg s.c. La dosis de péptido de 5 mg/kg s.c no demostró una reducción importante del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase del estudio relativa al vehículo de control. El control positivo de morfina redujo significativamente el tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase.

La Figura 98 muestra el efecto de [Glu29]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:30) en el edema en la pata en el modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con una dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 5 mg/kg s.c. Ni el péptido ni el control de morfina significativamente redujeron el edema en la pata causado por la inyección de formalina relativa al vehículo (PBS).

La Figura 99 muestra una repetición del efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de una hora en el componente de movimiento básico total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. El movimiento básico total se redujo significativamente por la dosis de péptido de 5 mg/kg. La exposición terminal (concentración de plasma péptido a 2 h después de la inyección de péptido). La exposición terminal (concentración de plasma péptido a 2 h después de la inyección de péptido) fue de 2.1 ± 0.47 µM.

La Figura 100 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de movimiento fino

de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En la dosis 5mg/kg, el péptido significativamente redujo el movimiento fino total relativo al vehículo.

La Figura 101 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente total de levantamiento en dos patas de actividad locomotora en ratones Cd-1 macho. En una dosis de 5 mg/kg, el péptido significativamente redujo el levantamiento en dos patas total relativo al control de vehículo.

La Figura 102 muestra el efecto de [Ala5]GpTx-1 (1-34)(SEQ ID NO:22) en una dosis de 5 mg/kg con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de levantamiento en dos patas de tiempo total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En una dosis de 5 mg/kg, el péptido significativamente redujo el tiempo total de levantamiento en dos patas relativo al control de vehículo.

La Figura 103 muestra el efecto de [Glu29] GpTx-1 (1-34) (SEQ ID NO:30) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de movimiento fino de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. La dosis de péptido no disminuyó significativamente el comportamiento exploratorio o el movimiento básico total relativo al control de vehículo. La exposición terminal (concentración de plasma péptido a 2 h después de la inyección de péptido) fue 0.771 ± 0.272 μM para la dosis de péptido de 5 mg/kg s.c.

La Figura 104 muestra el efecto de [Glu29] GpTx-1 (1-34) (SEQ ID NO:30) en una dosis de 5 mg/kg s.c con un tiempo de

pre-tratamiento de 1 hora en el componente de movimiento fino de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En la dosis de 5 mg/kg, el movimiento fino no fue significativamente afectado relativo al control de vehículo.

La Figura 105 muestra el efecto de [Glu29]GpTx-1 (1-34) (SEQ ID NO:30) en dosis de 5 mg/kg s.c con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de levantamiento en dos patas total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. La dosis de péptido no redujo significativamente el comportamiento exploratorio o levantamiento en dos patas total en relación al control de vehículo.

La Figura 106 muestra el efecto de [Glu29] GpTx-1 (1-34) (SEQ ID NO:30) en una dosis de 5 mg/kg s.c con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de levantamiento en dos patas de tiempo total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En la dosis de 5mg/kg, el levantamiento en dos patas de tiempo total no se afectó significativamente relativa al control de vehículo.

La Figura 107 muestra el efecto de [Glu28] GpTx-1 (1-34) (SEQ ID BO:153) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de movimiento básico total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. El movimiento básico total fue significativamente reducido por la dosis de péptido 5 mg/kg. La exposición terminal (concentración de plasma péptido a 2 h después de la inyección de péptido) fue de 1.28 ± 0.403 μM.

La Figura 108 muestra el efecto de [Glu28] GptX-1 (1-34) (SEQ ID NO: 153) En una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo

de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de movimiento fino de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En una dosis de 5mg/kg, el péptido significativamente redujo el movimiento fino total relativo al vehículo.

La Figura 109 muestra el efecto de [Glu28] GpTx-1 (1-34) (SEQ ID NO:153) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de levantamiento en dos patas total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En la dosis 5mg/kg, el péptido significativamente redujo el levantamiento en dos patas total relativa al control de vehículo.

La Figura 110 muestra el efecto de [Glu28]GpTx-1 (1-34) (SEQ ID NO:53) en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de levantamiento en dos patas de tiempo total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En la dosis de 5 mg/kg, el péptido significativamente redujo el tiempo total de levantamiento en dos patas relativa al control de vehículo.

La Figura 111 muestra los efectos de dosis de 10 mg/kg s.c. de Fc-péptido Conjugado 2 de inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de movimiento básico total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. Las dosis del Conjugado de péptido no disminuyeron significativamente el comportamiento exploratorio o movimiento básico total relativo al control de vehículo. Las exposiciones terminales (concentraciones de plasma del Conjugado de péptido a 24.5 h después de la inyección del Conjugado de péptido) fueron de 0.034 ± 0.009

µM y 0.051 ± 0.007 µM para las dosis de 10 mg/kg s.c. de Fc-péptido Conjugado 2 e inmunoglobulina-péptido Conjugado 2, respectivamente.

La Figura 112 muestra los efectos de las dosis de 10 mg/kg s.c. de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de movimiento fino de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En las dosis de 10 mg/kg, el movimiento fino no fue significativamente afectado por cualquier conjugado de péptido relativo al control de vehículo.

La Figura 113 muestra los efectos de dosis de 10 mg/kg s.c. de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de levantamiento en dos patas total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. Las dosis del Conjugado de péptido no disminuyeron significativamente el comportamiento exploratorio o levantamiento en dos patas total en relación al control de vehículo.

La Figura 114 muestra los efectos de dosis de 10 mg/kg s.c. DE Fc-péptido Conjugado 2 Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 con un tiempo de pre-tratamiento de 1 hora en el componente de levantamiento en dos patas de tiempo total de actividad locomotora en ratones CD-1 macho. En las dosis de 10 mg/kg, el tiempo total de levantamiento en dos patas no fue significativamente afectada por cualquier conjugado de péptido relativo al control de vehículo.

La Figura 115 muestra el transcurso de tiempo de los

efectos de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 en el modelo de dolor de formalina en ratones Cd-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 10 mg/kg s.c. Las dosis de péptido de 10 mg/kg y 3 mg/kg s.c. de morfina de control positivo (30 minutos de pretratamiento) no tuvieron efecto importante en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina). Las dosis de 10 mg/kg s.c de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 no demostraron una reducción importante del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase del estudio (5-40 minutos después de inyección de formalina), pero el control positivo de morfina redujo significativamente el tiempo gastado levantando/lamiendo la segunda fase. Las exposiciones terminales (concentraciones de plasma del Conjugado de péptido a 45 min después de la inyección de formalina) fueron 0.035 ± 0.011 μM y 0.040 ± 0.011 μM para las dosis 10 mg/kg de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2, respectivamente.

La Figura 116 muestra el efecto de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 en la primera fase del modelo de dolor de formalina en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 10 mg/kg s.c. Las dosis de 10 mg/kg s.c. de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina –péptido Conjugado 2 y la dosis de 3 mg/kg s.c. de morfina no tuvieron efecto en la primera fase (0-5 minutos después de la inyección de formalina).

La Figura 117 muestra los efectos de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 en la

segunda fase del modelo de dolor de formalina (5-40 minutos después de la inyección de formalina) en ratones CD-1 macho con dosis de pre-tratamiento de 1 hora de 10 mg/kg s.c. Las dosis de 10 mg/kg s.c. de Fc-péptido Conjugado 2 e Inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 no demostraron una reducción importante del tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase de estudio relativo para el control de vehículo. El control positivo de morfina redujo significativamente el tiempo gastado levantando/lamiendo en la segunda fase.

DESCRIPCIÓN DETALLADA DE LAS MODALIDADES

Los encabezados de la sección usados en la presente son sólo para propósitos de organización y no deben interpretarse como limitantes de la materia descrita.

Definiciones

A menos que se defina de otra manera en la presente, los términos científicos y técnicos usados en conexión con la presente solicitud tendrán los significados que son comúnmente entendidos por aquellas personas ordinarias expertas en la técnica. Además, a menos de que sea requerido de otro modo por contexto, los términos singulares incluirán pluralidades y términos plurales incluirán el singular. De este modo, como se usa en esta especificación y las reivindicaciones adjuntas, las formas singulares “uno”, “una” y “él/la” incluyen referentes plurales a menos que el contexto claramente lo indique de otro modo. Por ejemplo, referencia a “una proteína” incluye una pluralidad de proteínas; referencia a “una célula” incluye poblaciones de una pluralidad de células.

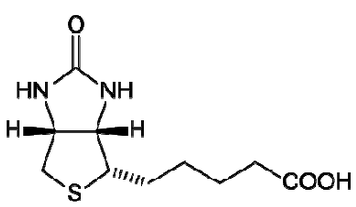
"Polipéptido" y "proteína" se usan intercambiablemente en la presente e incluyen una cadena molecular de dos o más aminoácidos ligados covalentemente a través de enlaces de péptido. Los términos no se refieren a la longitud específica del producto. De este modo, los "péptidos", y "oligopéptidos," se incluyen dentro de la definición de polipéptido. Los términos incluyen modificaciones post-traduccionales del polipéptido, por ejemplo, glicosilaciones, acetilaciones, biotinilaciones, 4-pentionilaciones,

PEGilaciones, fosforilaciones y similares. Además, los fragmentos de proteína, análogos, proteínas variantes o mutadas, proteínas de fusión y similares se incluyen dentro del significado de polipéptido. Los términos también incluyen moléculas en las que uno o más análogos de aminoácido o aminoácidos no canónicos o no naturales se incluyen como pueden expresarse recombinantemente usando técnicas de ingeniería de proteína conocida. Además, las proteínas de fusión pueden derivarse como se describe en la presente por técnicas químicas orgánicas bien conocidas.

Una composición de la invención actual que incluye un péptido o polipéptido de la invención covalentemente ligado, adjunto, o enlazado, ya sea directamente o indirectamente a través de una porción de ligadura, a otro péptido o polipéptido de la invención o a una porción de extensión de vida media es un “conjugado” o molécula “conjugada”, ya sea conjugado por medios químicos (por ejemplo, post-traduccionalmente o post-sintéticamente) o por fusión recombinante.

La “Biotina” es una vitamina de complejo B soluble en agua, esto es, vitamina B7, que está compuesta de un anillo (tetrahidroimidizalona) ureido fusionado con un anillo de tetrahidrotiofeno (Ver, Fórmula I).

Fórmula I:



Un sustituto de ácido valérico se adjunta a uno de los

átomos de carbono del anillo tetrahidrotiofeno. En naturaleza, la biotina es una coenzima en el metabolismo de ácidos grasos y leucina, y desempeña una función in vivo en gluconeogénesis. La biotina enlaza muy estrechamente a la avidina proteína tetramérica (por ejemplo, avidina de pollo, estreptavidina bacteriana, y neutravidina), con una constante de equilibrio de disociación K_D en el orden de 10^{-14} M a 10^{-16} M, que es una de las interacciones de proteína-ligando más fuertes conocidas, acercando el enlace covalente en fuerza. (Laitinen et al.. *Genetically engineered avidins and streptavidins*, Cell Mol Life Sci. 63 (24): 2992–30177 (2006)). La interacción no covalente biotina-avidina se usa frecuentemente en aplicaciones biotécnicas. (Ver, Laitinen et al., *Genetically engineered avidins and streptavidins*, Cell Mol Life Sci. 63 (24): 2992–30177 (2006)).

"Biotinilado" se refiere a una sustancia que esta covalentemente conjugada a una o más porciones de biotina. Los péptidos biotinilados útiles en la práctica de la invención pueden comercialmente comprarse (por ejemplo, Midwest Bio-Tech Inc.) o pueden ser fácilmente sintetizados y biotinilados. La biotinilización de compuestos, tal como péptidos, puede hacerse por cualquier técnica conocida. Estas incluyen biotinilización de amina primaria, biotinilización de sulfhidrilo, y biotinilización de carboxil. Por ejemplo, grupos amina en el péptido, que están presentes como una cadena lateral de lisina épsilon-aminas y α-aminas del N terminal, son objetivos comunes para la biotilinación de amina primaria. Los reactivos de

biotinilización reactivos con amina pueden dividirse en dos grupos basados en solubilidad de agua.

1) Los ésteres (NHS) de N-hidroxisuccinimida y biotina tienen solubilidad pobre en soluciones acuosas. Para reacciones en solución acuosa, deben primero disolverse en un solvente orgánico, y entonces diluirse en mezcla de solución acuosa. Los solventes orgánicos más comúnmente usados para este propósito son sulfóxido dimetil (DMSO) y dimetil formamida (DMF), que son compatibles con la mayoría de las proteínas en concentraciones bajas

2) Sulfo-NHS-ésteres de biotina son más solubles en agua, y se disuelven en agua justo antes de su uso ya que hidrolizan fácilmente. La solubilidad de agua de los troncales de sulfo-NHS-ésteres de su grupo sulfonato en el anillo de N-hidroxisuccinimida y elimina la necesidad de disolver el reactivo en el solvente orgánico.

Las reacciones químicas de NHS- y sulfo-NHS-ésteres son esencialmente las mismas: un enlace amida se forma y NHS o sulfo-NHS se vuelven grupos de partida. Ya que los objetivos para el éster son aminas primarias deprotonadas, la reacción es prevalente arriba de pH 7. La hidrólisis de NHS-éster es una reacción de competencia mayor, y la tasa de hidrólisis incrementa con el incremento de pH. NHS- y sulfo-NHS-ésteres tiene una vida media de muchas horas a pH 7, pero sólo algunos minutos a pH 9. Las condiciones para la conjugación de NHS-ésteres a aminas primarias de péptidos incluyen temperaturas de incubación en el intervalo 4-37°C, valores pH de reacción en el intervalo 7-9, y tiempos de

incubación de algunos minutos a alrededor de 12 horas. Los amortiguadores que contienen aminas (tal como Tris o glicina) deben evitarse ya que compiten con la reacción. El método de tinción con HABA (ácido 2-(4-hidroxiazobenceno) benzoico) puede usarse para determinar la extensión de la biotinilación. Brevemente, el colorante HABA se enlaza a avidina y produce una absorbancia característica. Cuando la biotina, en la forma de proteína biotinilada u otra molécula, se introduce, desplaza el colorante, resultando en un cambio en la absorbancia a 500 nm. El cambio de absorbancia es directamente proporcional al nivel de biotina en la muestra.

La “4-pentinoilación” de un residuo aminoácido es típicamente al acoplar ácido 4-pentinoico por medio de una reacción de enlace amida estándar por medio del N terminal o en una cadena lateral. Cuando es apropiado para PEGilaciones adicionales, 4-pentinoilación puede alternativamente emplear un alquino en la reacción de cicloadición 1,3-dipolar catalizada con hierro (la tan llamada reacción “Click”) para reaccionar con la azida en la molécula azido-PEG para ligar el péptido y el PEG por medio de un triazol.

Un “polipéptido aislado” es una molécula de polipéptido que se purifica o separa de al menos una molécula de polipéptido contaminante con la cual está ordinariamente asociada en la fuente natural del polipéptido. Una molécula de polipéptido aislado es distinta que la de la forma o configuración en la que se encuentra en la naturaleza.

Los “péptidos de toxina” incluyen péptidos y polipéptidos que tienen la misma secuencia de aminoácidos de

un péptido o polipéptido farmacológicamente activo que aparece naturalmente que puede aislarse de un veneno, y también incluye análogos de péptido de tales moléculas que aparecen de manera natural. (Ver, por ejemplo, Kalman et al., ShK-Dap22, a potent Kv1.3-specific immunosuppressive polypeptide, J. Biol. Chem. 273(49):32697-707 (1998); Kem et al., Pat. E.U.A. No. 6,077,680; Mouhat et al., OsK1 derivatives, WO 2006/002850 A2; Chandy et al., Analogs of SHK toxin and their uses in selective inhibition of Kv1.3 potassium channels, WO 2006/042151; Sullivan et al., Toxin Peptide therapeutic agents, WO 2006/116156 A2, todos los cuales se incorporan en la presente como referencia en su totalidad). Víboras, escorpiones, arañas, abejas, caracoles y anémonas de mar son algunos ejemplos de organismos que producen veneno que puede servir como una fuente rica de péptidos de toxina bioactivos pequeños o “toxinas” que potencialmente y selectivamente tienen como objetivo receptores y canales iónicos. GpTx-1 (SEQ ID NO:1); GpTx-2 (SEQ ID NO:467); GpTx-3 (SEQ ID NO:468); GpTx-4 (SEQ ID NO:469); GpTx-5 (SEQ ID NO:470); GpTx-6(1-35) (SEQ ID NO:471); y GpTx-7(1-35) (SEQ ID NO:473) son ejemplos de péptido de toxinas. Algunos otros ejemplos de toxinas que inhiben los canales de sodio dependientes de voltaje incluyen Huwentoxina-IV (ECLEI FKACN PSNDQ CCKSS KLVCS RKTRW CKYQI-NH_2// SEQ ID NO:528) y Huwentoxina-I (ACKGV FDACT PGKNE CCPNR VCSDK HKWCK WKL //SEQ ID NO:529), aislada del veneno de tarántula *Ornithoctonus huwena*; KIIIA (CCNCS SKWCR DHSRC C-NH_2//SEQ ID NO:530) aislada del veneno de caracol de cono

marino *Conus kinoshitai*; y ProTxII (YCQKW MWTCD SERKC CEGMV CRLWC KKKLW //SEQ ID NO:531) aislado del veneno de tarántula *Thrixopelma pruriens*. Otro ejemplo es la toxina alfa OD1 (GVRDAYIADD KNCVYTCASN GYCNTECTKN GAESGYCQWI GRYGNACWCI KLPDEVPIRIPGKCR-NH_2//SEQ ID NO:589), una toxina aislada del veneno del escorpión *Odonthobuthus doriae*. Otro ejemplo de un péptido de toxina es OSK1 (también conocido como OsK1), un péptido de toxina aislado del veneno del escorpión *Orthochirus scrobiculosus*. (por ejemplo, Mouhat et al., K+ channel types targeted by synthetic OSK1, a toxin from *Orthochirus scrobiculosus* scorpion venom, Biochem. J. 385:95-104 (2005); Mouhat et al., Pharmacological profiling of Orthochirus scrobiculosus toxin 1 analogs with a trimmed N-terminal domain, Molec. Pharmacol. 69:354- 62 (2006); Mouhat et al., OsK1 derivatives, WO 2006/002850 A2). Otro ejemplo es ShK, aislado del veneno de la anémona de mar *Stichodactyla helianthus*, y sus análogos de péptido. (Por ejemplo, Tudor et al., Ionisation behaviour and solution properties of the potassium-channel blocker ShK toxin, Eur. J. Biochem. 251(1-2):133-41(1998); Pennington et al., Role of disulfide bonds in the structure and potassium channel blocking activity of ShK toxin, Biochem. 38(44): 14549-58 (1999); Kem et al., ShK toxin compositions and methods of use, Patente de E.U.A. No. 6,077,680; Lebrun et al., Neuropeptides originating in scorpion, Patente de E.U.A. No. 6,689,749; Beeton et al., Targeting effector memory T cells with a selective peptide inhibitor of Kv1.3 channnels for therapy of autoimmune diseases, Molec. Pharmacol. 67(4):1369-

81 (2005); and Sullivan et al., Selective and potent peptide inhibitors of $K_V1.3$, WO 2010/108154 A2).

Los péptidos de toxina tienen usualmente entre alrededor de 20 y alrededor de 80 aminoácidos en longitud, contienen 2-5 ligaduras de disulfuro y forman una estructura muy compacta. Los péptidos de toxina (por ejemplo, del veneno de escorpiones, anémonas de mar y caracoles de cono) han sido aislados y caracterizados por su impacto en los canales iónicos. Tales péptidos parecen haber evolucionado de un número relativamente pequeño de estructuras estructurales que están particularmente bien situadas para atender las cuestiones criticas de potencia y estabilidad. La mayoría de los péptidos de toxina de escorpión y *Conus*, por ejemplo, contienen 10-40 aminoácidos y hasta cinco enlaces de disulfuro, formando una estructura extremadamente compacta y estructura constreñida (microproteínas) frecuentemente resistentes a proteólisis. Los péptidos de toxina de escorpión y conotoxina pueden dividirse en un número de superfamilias basándose en sus conexiones de disulfuro y plegamientos de péptido. La estructura de solución de muchos péptidos de toxina ha sido determinada por espectroscopia RMN, ilustrando sus estructuras compactas y verificando la conservación de patrones de plegamiento de familia. (Por ejemplo, Tudor et al., Ionisation behaviour and solution properties of the potassium-channel blocker ShK toxin, Eur. J. Biochem. 251(1-2):133-41(1998); Pennington et al., Role of disulfide bonds in the structure and potassium channel blocking activity of ShK toxin, Biochem. 38(44): 14549-58

(1999); Jaravine et al., Three-dimensional structure of toxin OSK1 from *Orthochirus scrobiculosus* scorpion venom, Biochem. 36(6):1223-32 (1997); del Rio-Portillo et al.; RMN solution structure of Cn12, a novel peptide from the Mexican scorpion *Centruroides noxius* with a typical beta-toxin sequence but with alpha-like physiological activity, Eur. J. Biochem. 271(12): 2504-16 (2004); Prochnicka-Chalufour et al., Solution structure of discrepin, a new K+-channel blocking peptide from the alpha-KTx15 subfamily, Biochem. 45(6):1795-1804 (2006)). Otros ejemplos se conocen en la técnica, o pueden encontrarse en Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, WO06116156 A2 o Patente de E.U.A. No. 7,833,979; Sullivan et al., Selective and potent peptide inhibitors of $K_V1.3$, WO 2010/108154 A2; Mouhat et al., OsK1 derivatives, WO 2006/002850 A2; Sullivan et al., Solicitud de la Patente de E.U.A. No. 11/978,076 (titulada: , presentada 25 Octubre 2007), Lebrun et al., Patente de E.U.A. No. 6,689,749, que se incorporan como referencia en sus totalidades.

El término “análogo de péptido” se refiere a un péptido que tiene una secuencia que difiere de una secuencia de péptido existente en la naturaleza por al menos una sustitución de residuo de aminoácido, adición interna, o eliminación interna de al menos un aminoácido, y/o truncamientos o adiciones terminales de amino- o carboxi-, y/o amidación de terminal carboxi. Una “eliminación interna” se refiere una ausencia de aminoácido de una secuencia existente en naturaleza en una posición que no son los

términos N o C. Igualmente, una “adición interna” se refiere a una presencia de un aminoácido en una secuencia existente en naturaleza en una posición que no son los N o C terminales.

Las modalidades de la composición inventiva de materia incluyen un análogo de péptido de toxina, o una sal farmacéuticamente aceptable del mismo. Los “péptidos análogos de toxina” contiene modificaciones de una secuencia de péptido de toxina nativa de interés (por ejemplo, sustitución de residuo de aminoácidos, adiciones o inserciones internas, eliminaciones internas, y/o truncamientos de extremo de término amino- o carboxi-, o adiciones como se describió previamente) relativo a una secuencia de interés de péptido de toxina nativa, tal como GpTx-1 (DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-NH_2 //SEQ ID NO:1). Los análogos de péptido de toxina de la invención actual son 20 a alrededor de 80 residuos de aminoácido de largo y, con relación a SEQ ID NO:1, tienen C^1-C^4, C^2-C^5 y C^3-C^6 disulfuro (o diseleniuro) enlazando en los que, C^1, C^2, C^3, C^4, C^5 y C^6 representan el orden de los residuos de cisteína (o selenocisteína) que aparecen en la primera secuencia del péptido de toxina declarados convencionalmente con el término N-del péptido(s) a la izquierda, con la primera y sexta cisteínas (o selenocisteínas) en la secuencia de aminoácidos formando un enlace de disulfuro (o enlace de diseleniuro, si hay SeCys), la segunda y cuarta cisteínas (o selenocisteínas) formando un enlace de disulfuro (o enlace de diseleniuro, si hay SeCys), y la tercera y quinta cisteínas (o

selenocisteínas) formando un enlace de disulfuro (o enlace de diseleniuro, si hay SeCys). Como se describe en la presente, los análogos de péptido de toxina de la invención actual pueden también tener residuos de aminoácido en los extremos del N terminal y/o C terminal, con relación a SEQ ID NO:1.

Por “sal fisiológicamente aceptable” de la composición de materia, por ejemplo una sal de un análogo de péptido de toxina, se refiere a cualquier sal o sales que son conocidas o posteriormente descubiertas para ser farmacéuticamente aceptables. Algunos ejemplos no limitantes de sales farmacéuticamente aceptables son: acetato; trifluoroacetato; hidrohaluros, tal como clorohidrato o bromohidrato; sulfato; citrato; maleato; tartrato; glicolato; gluconato; succinato; mesilato; besilato; sales de ésteres de ácido gálico (el ácido gálico también es conocido como ácido 3,4,5 trihidroxibenzoico) tal como PentaGalloilGlucosa (PGG) y galato de epigalocateina (EGCG), sales de sulfato, pamoato, tanato y oxalato de colesterilo.

El término “proteína de fusión” indica que la proteína incluye componentes de polipéptido derivados de más de una proteína o polipéptido precursor. Típicamente, una proteína de fusión se expresa de un gen de fusión en la que una secuencia de nucleótido codificando una secuencia de polipéptido de una proteína se adjunta en el marco con, y opcionalmente separada por un ligadura de, una secuencia de nucleótido codificando una secuencia de polipéptido de una proteína diferente. El gen de fusión puede entonces expresarse por una célula hospedera recombinante como una

proteína sencilla.

Los términos “-péptido mimético” “mimético péptido” y “-péptido agonista” se refieren a un péptido o proteína que tiene actividad biológica comparable a la proteína de interés que aparece de manera natural, por ejemplo, pero no limitado a, una molécula de péptido de toxina. Estos términos además incluyen péptidos que indirectamente imitan la actividad de una molécula de péptido que aparece de manera natural, como tal potenciando los efectos de la molécula que aparece de la manera natural.

El término “-péptido antagonista”, “antagonista péptido”, y "péptido inhibidor" se refieren a un péptido que bloquea o de alguna manera interfiere con la actividad biológica de un receptor de interés, o tiene actividad biológica comparable a un antagonista o inhibidor conocido de un receptor de interés, tal como, pero no limitado a, un canal de iones (por ejemplo, Kv1.3) o un receptor acoplado de proteína G (GPCR).

Un “dominio” de una proteína es cualquier porción de la proteína entera, hasta e incluyendo la proteína completa, pero típicamente que comprende menos que la proteína completa. Un dominio puede, pero no necesita, plegamiento independientemente del resto de la cadena de proteína y/o correlacionarse con una función o ubicación biológica, bioquímica o estructural particular (por ejemplo, un dominio enlazando a un ligando, o un dominio citosólico, de transmembrana o extracelular).

Como se usa en la presente "soluble" cuando en

referencia una proteína producida por tecnología de ADN recombinante en una célula hospedera es una proteína que existe en solución acuosa; si la proteína contiene una secuencia de aminoácidos doble de arginina, la proteína soluble se exporta al espacio periplásmico en hospederos bacterianos gram negativos, o se secreta en el medio de cultivo por células hospederas eucarióticas capaces de secreción, o por hospedera bacteriana poseyendo los genes apropiados (por ejemplo, el gen kil). De este modo, una proteína soluble es una proteína que no se encuentra en un cuerpo de inclusión dentro de la célula hospedera. Alternativamente, dependiendo del contexto, una proteína soluble es una proteína que no se encuentra integrada en membranas celulares. En contraste, una proteína insoluble es una que existe en forma desnaturalizada dentro de los gránulos citoplasmáticos (llamada cuerpo de inclusión) en la célula hospedera, o de nuevo dependiendo del contexto, una proteína insoluble es una que está presente en todas las membranas celulares, incluyendo pero no limitado a, membranas citoplasmáticas, membranas mitocondriales, membranas de cloroplastos, membranas de retículo endoplásmico, etc.

Una distinción también se saca entre proteínas que son “solubles” (esto es, disueltas o capaces de ser disueltas) en vacío de solución acuosa de cantidades importantes de detergentes iónicos (por ejemplo, SDS) o desnaturalizantes (por ejemplo, urea, clorohidrato de guanidina) y proteínas que existen como una suspensión de moléculas de proteína insoluble dispersadas dentro de la solución. Una proteína

“soluble” no se removerá de una solución que contiene la proteína por centrifugación usando las condiciones suficientes para remover las células presentes en un medio líquido (por ejemplo, centrifugación a 5,000×g por 4-5 minutos). En algunas modalidades de la composición inventiva, el análogo de péptido de toxina es sintetizado por la célula hospedera y segregado en una forma insoluble dentro de los cuerpos de inclusión celular, que entonces pueden purificarse de otros componentes celulares en un extracto celular con facilidad relativa, y el análogo de péptido de toxina puede en turno solubilizarse, replegarse y/o además purificarse.

Se saca una distinción entre una proteína “soluble” (esto es, una proteína que ha sido expresada en una célula hospedera se produce en una forma soluble) y una proteína "solubilizada". Una proteína recombinante insoluble encontrada dentro de un cuerpo de inclusión o encontrada integrada en una membrana celular puede solubilizarse (esto es, reproducirse en una forma soluble) tratando los cuerpos de inclusión purificados o membranas celulares con desnaturalizantes tal como clorohidrato de guanidina, urea o dodecil sulfato de sodio (SDS). Estos desnaturalizantes entonces deben removerse de la preparación de proteína solubilizada para permitir que la proteína recuperada se re-naturalice (repliegue). Aunque las composiciones inventivas pueden replegarse en forma activa, no todas las proteínas se replegarán en una conformación activa después de la solubilización en un desnaturalizador y remoción del

desnaturalizador. Muchas proteínas se precipitan bajo la remoción del desanturalizante. SDS puede usarse para solubilizar los cuerpos de inclusión y las membranas celulares y mantendrá las proteínas en solución en una concentración baja. Sin embargo, la diálisis no siempre removerá todo de SDS (SDS puede formar micelas que no dialicen); por lo tanto, la proteína de cuerpo de inclusión SDS-solubilizada y la proteína de membrana celular SDS-solubilizada es soluble pero no se repliega.

Una proteína “secretada” se refiere a aquellas proteínas capaces de ser dirigidas a ER, vesículas secretoras, o el espacio extracelular como resultado de una secuencia de péptido de señal secretora, así como también aquellas proteínas liberadas en el espacio extracelular sin necesariamente contener una secuencia de señal. Si la proteína secretada es liberada en el espacio extracelular, la proteína secretaada puede experimentar procesamiento extracelular para producir una proteína “madura”. La liberación en el espacio extracelular puede ocurrir por medio de muchos mecanismos, incluyendo exocitosis y escisión proteolítica. En algunas otras modalidades de la composición inventiva, el análogo de péptido de toxina puede ser sintetizado por la célula hospedera como una proteína secretada, que entonces puede ser purificada desde el espacio extracelular y/o medio.

El término “recombinante” indica que el material (por ejemplo, un ácido nucleico o un polipéptido) ha sido artificialmente o sintéticamente (esto es, no naturalmente)

alterado por intervención humana. La alteración puede realizarse en el material dentro, o removido de, su entorno o estado natural. Por ejemplo, un “ácido nucleico recombinante” es uno que se hace recombinando ácidos nucleicos, por ejemplo, durante la clonación, mezclado de ADN u otros procedimientos biológicos moleculares bien conocidos. Los ejemplos de tales procedimientos biológicos moleculares se encuentran en Maniatis et al., Molecular Cloning. A Laboratory Manual. Cold Spring Harbor Laboratory, Cold Spring Harbor, N.Y. (1982). Una "molécula de DNA recombinante," comprende segmentos de ADN unidos por medio de tales técnicas biológicas moleculares. El término "proteína recombinante" o "polipéptido recombinante" como se usa en la presente se refiere a una molécula de proteína que se expresa usando una molécula de ADN recombinante. Una “célula hospedera recombinante” es una célula que contiene y/o expresa un ácido nucleico recombinante.

El término “polinucleótido” o “ácido nucleico” incluye ambos polímeros de nucleótido de hebra sencilla y de doble hebra que contiene dos o más residuos de nucleótido. Los residuos de nucleótido que comprenden el polinucleótido pueden ser ribonucleótidos o desoxiribonucleótidos o una forma modificada de cualquier tipo de nucleótido. Dichas modificaciones incluyen modificaciones de bases tal como derivados de bromouridina e inosina, modificaciones de ribosa tal como 2’,3’-didesoxiribosa, y modificaciones de ligadura de internucleótido tal como fosforotioato, fosforoditioato, fosforoselenoato, fosforodiselenoato, fosforoanilotioato,

fosforaniladato y fosforoamidato.

El término “oligonucleótido” se refiere a un polinucleótido que comprende 200 o menos residuos de nucleótido. En algunas modalidades, los oligonucleótidos son 10 a 60 bases en longitud. En otras modalidades, los oligonucleótidos son 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, o 20 a 40 nucleótidos en longitud. Los oligonucleótidos pueden ser de hebra sencilla o de doble hebra, por ejemplo, para su uso en la construcción de un gen mutante. Los oligonucleótidos pueden ser oligonucleótidos en sentido o antisentido. Un oligonucleótido puede incluir una etiqueta, incluyendo una etiqueta isotópica (por ejemplo, ^{125}I, ^{14}C, ^{13}C, ^{35}S, ^{3}H, ^{2}H, ^{13}N, ^{15}N, ^{18}O, ^{17}O, etc.), para facilitar la cuantificación o detección, una etiqueta fluorescente, un hapteno o etiqueta antigénica, para ensayos de detección. Los oligonucleótidos pueden usarse, por ejemplo, como cebadores PCR, cebadores de clonación o sondas de hibridación.

Una “secuencia de polinucleótido” o “secuencia de nucleótido” o "secuencia de ácido nucleico", como se usa intercambiablemente en la presente, es la secuencia principal de residuos de nucleótido en un polinucleótido, incluyendo un oligonucleótido, un ADN, y ARN, un ácido nucleico, o una cuerda de carácter representando la secuencia primaria de residuos de nucleótido, dependiendo del contexto. De cualquier secuencia de polinucleótido especificada, puede determinarse ya sea el ácido nucleico dado o la secuencia de polinucleótido complementaria. Incluidos están el ADN o ARN de origen genómico o sintético que pueden ser de hebra doble

o sencilla, y representan la hebra en sentido o antisentido. A menos que se especifique de otro modo, el extremo a la izquierda de alguna secuencia de polinucleótido de hebra sencilla discutida en la presente es el extremo 5’; la dirección de la izquierda de secuencias de polinucleótido de doble hebra se refieren como la dirección 5’. La dirección de la adición 5' a 3' de transcripciones ARN nacientes se refieren como la dirección de la transcripción; las regiones de secuencia en la hebra ADN que tienen la misma secuencia como la transcripción de ARN que son el extremo 5' al 5' de la transcripción de ARN se refieren como “secuencias cadena arriba”; las regiones de secuencia en la hebra de ADN que tiene la misma secuencia como la transcripción de ARN que son del extremo 3' al 3' de la transcripción de ARN se refieren como “secuencias cadena abajo”.

Como se usa en la presente, una “molécula de ácido nucleico aislada” o “secuencia de ácido nucleico aislada” es una molécula de ácido nucleico que está ya sea (1) identificada y separada de al menos una molécula de ácido nucleico contaminante con la que está ordinariamente asociada en la fuente natural del ácido nucleico o (2) clonada, amplificada, etiquetada, o de otro modo distinguida de ácidos nucleicos de respaldo de manera que la secuencia de ácido nucleico de interés puede determinarse. Una molécula de ácido nucleico aislada es otra que no está en la forma o configuración en la que se encuentra en naturaleza. Sin embargo, una molécula de ácido nucleico aislada incluye una molécula de ácido nucleico contenida en células que

ordinariamente expresan un polipéptido (por ejemplo, un oligopéptido o anticuerpo) donde, por ejemplo, la molécula de ácido nucleico está en una ubicación cromosómica diferente a la de las células naturales.

Como se usa en la presente, los términos "molécula de ácido nucleico que codifica", "secuencia de ADN que codifica", y "ADN que codifica" se refiere al orden o secuencia de desoxiribonucleótidos a lo largo de la hebra de ácido desoxiribonucleico. El orden de estos desoxiribonucleótidos determina el orden de ribonucleótidos a lo largo de la cadena mARN, y también determina el orden de aminoácidos a lo largo de la cadena (proteína) de polipéptido. La secuencia de ADN de este modo codifica la secuencia de ARN y la secuencia de aminoácidos.

El término “gen” se usa ampliamente para referirse a cualquier ácido nucleico asociado con una función biológica. Los genes típicamente incluyen secuencias de codificación y/o las secuencias regulatorias requeridas para la expresión de tales secuencias de codificación. El término “gen” aplica a una secuencia genómica o recombinante específica, así como también a un cADN o mARN codificado por la secuencia. Un “gen de fusión” contiene una región de codificación que codifica un polipéptido con porciones de diferentes proteínas que no se encuentran naturalmente juntas, o no se encuentran naturalmente juntas en la misma secuencia según se presenta en la proteína de fusión codificada (esto es, una proteína quimérica). Los genes también incluyen segmentos de ácido nucleico no expresados que, por ejemplo, forman secuencias de

reconocimiento para otras proteínas. Las secuencias regulatorias no expresadas incluyendo elementos de control transcripcionales los que las proteínas regulatorias, tal como factores de transcripción, enlazan, resultando en la transcripción de secuencias adyacentes o cercanas.

La “expresión de un gen” o “expresión de un ácido nucleico” se refiere a una transcripción de ADN en ARN (opcionalmente incluyendo la modificación del ARN, por ejemplo, empalmado), traducción de ARN a un polipéptido (posiblemente incluyendo la modificación post-traduccional subsecuente del polipéptido), o tanto la transcripción como el traslado, como lo indica el contexto.

Como se usa en la presente el término "región de codificación" o “secuencia de codificación” cuando se usa en referencia a un gen estructural se refiere a las secuencias de nucleótido que codifican los aminoácidos encontrados en el polipéptido naciente como resultado de la traducción de una molécula de mARN. La región de codificación está enlazada, en eucariotas, en el lado 5' por el nucleótido triplete "ATG" que codifica la metionina iniciadora y en el lado 3' por uno de los tres tripletes que especifican los codones de detención (esto es, TAA, TAG, TGA).

El término “secuencia de control” o “señal de control” se refiere a una secuencia de polinucleótidos que puede, en una célula hospedera particular, afectar la expresión y procesamiento de secuencias de codificación a las que está ligada. La naturaleza de tales secuencias de control puede depender del organismo hospedero. En modalidades

particulares, las secuencias de control para procariotas pueden incluir un promotor, un sitio de enlace ribosomal, y una secuencia de terminación de transcripción. Las secuencias de control para eucariotas pueden incluir promotores que comprenden uno o una pluralidad de sitios de reconocimiento para los factores de transcripción, secuencias o elementos potenciadores de transcripción de sitios de poliadelinación, y secuencias de terminación de transcripción. Las secuencias de control pueden incluir secuencias líderes y/o secuencias de patrón de fusión. Los promotores y potenciadores consisten de configuraciones cortas de ADN que interactúan específicamente con proteínas celulares implicadas en la transcripción (Maniatis, et al., Science 236:1237 (1987)). Los elementos promotores y potenciadores han sido aislados de una variedad de fuentes eucarióticas incluyendo genes en células y virus de levadura, insectos y mamíferos (elementos de control análogo, esto es, promotores, también se encuentran en procariotas). La selección de un promotor y un potenciador particulares depende del tipo de célula que va a usarse para expresar la proteína de interés. Algunos promotores y potenciadores eucarióticos tienen un amplio intervalo hospedero mientras otros son funcionales en un subconjunto sublimitado de tipo de células (para revisión ver Voss, et al., Trends Biochem. Sci., 11:287 (1986) and Maniatis, et al., Science 236:1237 (1987)).

El término “vector” se refiere a cualquier molécula o entidad (por ejemplo, ácido nucleico, plásmido, bacteriófago

o virus) usada para transferir proteína codificando información en una célula hospedera.

El término "vector de expresión" o “constructo de expresión” como se usa en la presente se refiere a una molécula de ADN recombinante que contiene una secuencia de codificación deseada y secuencias de control apropiadas de ácido nucleico necesarias para la expresión de la secuencia de codificación operablemente ligada en una célula hospedera particular. Un vector de expresión puede incluir, pero no se limita a, secuencias que afectan o controlan la transcripción, traslado, y, si están presentes intrones, afectan el empalmado de ARN de una región de codificación operablemente ligada a la misma. Las secuencias de ácido nucleico necesarias para la expresión en procariotas incluyen un promotor, opcionalmente una secuencia operadora, un sitio de enlace de ribosoma y posiblemente otras secuencias. Las células eucariotas se sabe utilizan promotores, potenciadores, y señales de terminación y poliadenilación. Una secuencia de péptido señal secretora puede también, opcionalmente, ser codificada por el vector de expresión, operablemente ligado a la secuencia de codificación de interés, de manera que el polipéptido expresado puede ser secretado por la célula hospedera recombinante, para aislamiento más fácil del polipéptido de interés de la célula, si se desea. Tales métodos son bien conocidos en la técnica. (Por ejemplo, Goodey, Andrew R.; et al., Peptide and DNA sequences, Patente de E.U.A. No. 5,302,697; Weiner et al., Compositions and methods for protein secretion, Patente

de E.U.A. No. 6,022,952 and Patente de E.U.A. No. 6,335,178; Uemura et al., Protein expression vector and utilization thereof, Patente de E.U.A. No. 7,029,909; Ruben et al., 27 human secreted proteins, US 2003/0104400 A1).

Los términos "en combinación operable", "en orden operable" y "operablemente ligado" como se usa en la presente se refieren a la ligadura de secuencias de ácido nucleico de manera que se produzca una molécula de ácido nucleico capaz de dirigir la transcripción de un gen dado y/o la síntesis de una molécula de proteína deseada. El término también se refiere a la ligadura de secuencias de aminoácidos de manera que se produzca una proteína funcional. Por ejemplo, una secuencia de control en un vector que está "operablemente ligada" a una secuencia que codifica proteínas está ligada a la misma de manera que la secuencia que codifica proteína se logra bajo condiciones compatibles con la actividad transcripcional de las secuencias de control.

El término “célula hospedera” se refiere a una célula que ha sido transformada, o es capaz de ser transformada, con un ácido nucleico y de este modo expresa un gen de interés. El término incluye la progenie de la célula precursora, ya sea que la progenie sea idéntica a, o no idéntica en morfología o en hechura genética para la célula precursora original, con tal de que el gen de interés esté presente. Cualquiera de un número grande de células hospederas bien conocidas y disponibles puede usarse en la práctica de esta invención. La selección de un hospedero particular depende de un número de factores reconocidos por la técnica. Estos

incluyen, por ejemplo, compatibilidad con el vector de expresión seleccionado, toxicidad de los péptidos codificados por la molécula de ADN, tasa de transformación, facilidad de recuperación de los péptidos, características de expresión, bio-seguridad y costos. Un balance de estos factores debe de acuñarse con el entendimiento de que no todos los hospederos pueden ser igualmente efectivos para la expresión de una secuencia de ADN particular. Dentro de estos lineamientos generales, las célula hospederas microbianas útiles en cultivo incluyen bacteria (tal como la especie *Escherichia coli*), levadura (tal como la especie *Saccharomyces*) y otras células fúngicas, células de insectos, células de plantas, células de mamíferos (incluyendo humanos), por ejemplo, células CHO y células HEK-293. Pueden hacerse modificaciones en el nivel de ADN, también. La secuencia de ADN que codifica el péptido puede cambiarse a codones más compatibles con la célula hospedera seleccionada. Para *E. coli*, los codones optimizados se conocen en la técnica. Los codones pueden sustituirse para eliminar sitios de restricción o para incluir sitios de restricción silenciosos, que pueden ayudar en el procesamiento de ADN en la célula hospedera seleccionada. Luego, el hospedero transformado se cultiva y se purifica. Las células hospederas pueden cultivarse bajo las condiciones de fermentación convencionales de manera que los compuestos deseados se expresan. Tales condiciones de fermentación son bien conocidas en la técnica.

El término “transfección” se refiere a la absorción de ADN extranjero o exógeno por una célula, y una célula ha sido

“transfectada” cuando el ADN exógeno ha sido introducido en una membrana celular. Un número de técnicas de transfección son bien conocidas en la técnica y se describen en la presente. Ver, por ejemplo, Graham et al., 1973, Virology 52:456; Sambrook et al., 2001, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, supra; Davis et al., 1986, Basic Methods in Molecular Biology, Elsevier; Chu et al., 1981, Gene 13:197. Tales técnicas pueden usarse para introducir una o más porciones de ADN exógenas en células hospederas idóneas.

El término “transformación” se refiere a un cambio en características genéticas de la célula, y una célula ha sido transformada cuando ha sido modificada para contener nuevo ADN o ARN. Por ejemplo, una célula es transformada donde es genéticamente modificada de su estado nativo introduciendo nuevo material genético por medio de la transfección, transducción, u otras técnicas. Seguido de la transfección o transducción, el ADN de transformación puede recombinarse con ese de la célula físicamente integrando en un cromosoma de la célula, o puede mantenerse transitoriamente como un elemento episomal sin ser replicado, o puede replicarse independientemente como un plásmido. Se considera que una célula ha sido “establemente transformada” cuando el ADN de transformación se replica con la división de la célula.

El término "transgen" se refiere a una secuencia de nucleótido aislado, originando en una especie diferente del hospedero, que puede insertarse en una o más células de un mamífero o embrión de mamífero. El transgen opcionalmente puede estar operablemente ligado a otros elementos genéticos

(tal como un promotor, poli A secuencia y similares) que pueden servir para modular, ya sea directamente, o indirectamente en conjunto con la maquinaria celular, la transcripción y/o expresión del transgen. Alternativamente o adicionalmente, el transgen puede ligarse a secuencias de nucleótido que ayudan en la integración del transgen en el ADN cromosomal de la célula de mamífero o núcleo del embrión (como por ejemplo, en recombinación homóloga). El transgen puede estar comprendido de una secuencia de nucleótido que es ya sea homóloga o heteróloga para una secuencia de nucleótido particular en el material genético endógeno de mamífero, o es una secuencia híbrida (esto es una o más porciones del transgen son homólogas, y una o más porciones son heterólogas para el material genético del mamífero). La secuencia de nucleótido de transgen puede codificar un polipéptido o na variante de un polipéptido, encontrada endógenamente en el mamífero, puede codificar un polipéptido que no aparece naturalmente en el mamífero (esto es un polipéptido exógeno), o puede codificar un híbrido de polipéptidos endógeno y exógeno. Donde el transgen está operablemente ligado a un promotor, el promotor puede ser homólogo o heterólogo para el mamífero y/o el transgen. Alternativamente, el promotor puede ser un híbrido de elementos promotores endógeno y exógeno (potenciadores, silenciadores, supresores, y similares).

Péptidos. Las técnicas de ingeniería de proteínas y expresión mediada de ARN y ADN recombinante, o cualquier otro de los métodos de preparación de polipéptidos, son aplicables para la fabricación de los polipéptidos inventivos, por

ejemplo, los análogos de péptido de toxinas y conjugados de proteína de fusión de los mismos (por ejemplo, proteínas de fusión que contiene un análogo péptido de toxina y un dominio Fc de inmunoglobulina, transtiretina, o albúmina de suero humano). Por ejemplo, los péptidos pueden hacerse en células hospederas transformadas. Brevemente, una molécula de ADN recombinante, o constructo, codificando para el péptido se prepara. Los métodos de preparación tal como moléculas de ADN son bien conocidos en la técnica. Por ejemplo, las secuencias que codifican los péptidos pueden ser extirpadas de ADN usando enzimas de restricción idóneas. Cualquiera de un número grande de células hospederas disponibles y bien conocidas puede usarse en la práctica de esta invención. La selección de un hospedero particular depende de un número de factores reconocidos por la técnica. Estos incluyen, por ejemplo, compatibilidad con el vector de expresión seleccionado, toxicidad de los péptidos codificados por la molécula de ADN, tasa de transformación, facilidad de recuperación de los péptidos, características de expresión, bio-seguridad y costos. Un balance de estos factores debe de acuñarse con el entendimiento de que no todos los hospederos pueden ser igualmente efectivos para la expresión de una secuencia de ADN particular. Dentro de estos lineamientos generales, las células hospederas microbianas útiles en el cultivo incluyen bacteria (tal como especie *Escherichia coli*), levadura (tal como especie *Saccharomyces*) y otras células fúngicas, células de insectos, células de plantas, células de mamíferos (incluyendo humanos), por ejemplo,

células CHO y células HEK293. Las modificaciones pueden hacerse en el nivel de ADN, también. La secuencia de ADN que codifica péptidos puede cambiarse a codones más compatibles con la célula hospedera seleccionada. Para E. coli, los codones optimizados se conocen en la técnica. Los codones pueden sustituirse para eliminar los sitios de restricción o para incluir sitios de restricción silenciosos, que pueden ayudar en el procesamiento del ADN en la célula hospedera seleccionada. Luego, el hospedero transformado se cultiva y se purifica. Las células hospederas pueden cultivarse bajo condiciones de fermentación convencionales de manera que los componentes deseados se expresan. Tales condiciones de fermentación son bien conocidas en la técnica. Además, el ADN opcionalmente además codifica, 5’ a la región de codificación de una proteína de fusión, una secuencia de péptido de señal (por ejemplo, un péptido de señal secretora) operablemente ligada al análogo de péptido de toxina expresado. Para ejemplos adicionales de métodos recombinantes apropiados y constructos de ADN de ejemplificación útiles para la expresión recombinante de las composiciones inventivas por células de mamíferos, incluyendo las proteínas de fusión Fc diméricas (“pepticuerpos”) o heterotrímeros Fc (cadena ligera + cadena pesada) inmunoglobulina quimérica (“hemicuerpos”), conjugadas para análogos de péptidos de toxina farmacológicamente activos de la invención, ver, por ejemplo, Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, US2007/0071764 and Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, PCT/US2007/022831, publicadas como WO 2008/088422,

que ambos se incorporan en la presente como referencia en sus totalidades.

Las composiciones de péptido de la invención actual también pueden hacerse por métodos sintéticos. La síntesis de fase sólida es la técnica preferida de fabricación de péptidos individuales ya que es el método más rentable de fabricación de péptidos pequeños. Por ejemplo, las técnicas de síntesis de fase sólida bien conocidas incluyen el uso de grupos protectores, ligaduras, y soportes de fase sólida, así como también protección específica y condiciones de reacción de desprotección, condiciones de escisión de ligadura, uso de eliminadores, y otros aspectos de síntesis de péptidos de fase sólida. Los métodos idóneos son bien conocidos en la técnica. (Por ejemplo, Merrifield (1973), Chem. Polypeptides, pp. 335-61 (Katsoyannis and Panayotis eds.); Merrifield (1963), J. Am. Chem. Soc. 85: 2149; Davis et al. (1985), Biochem. Intl. 10: 394-414; Stewart and Young (1969), Solid Phase Peptide Synthesis; Pat. E.U.A. No. 3,941,763; Finn et al. (1976), The Proteins (3a ed.) 2: 105-253; y Erickson et al. (1976), The Proteins (3a ed.) 2: 257-527; "Protecting Groups in Organic Synthesis," 3a Edición, T. W. Greene and P. G. M. Wuts, Eds., John Wiley & Sons, Inc., 1999; NovaBiochem Catalog, 2000; "Synthetic Peptides, A User's Guide," G. A. Grant, Ed., W.H. Freeman & Company, New York, N.Y., 1992; "Advanced Chemtech Handbook of Combinatorial & Solid Phase Organic Chemistry," W. D. Bennet, J. W. Christensen, L. K.

Hamaker, M. L. Peterson, M. R. Rhodes, and H. H. Saneii, Eds., Advanced Chemtech, 1998; "Principles of Peptide Synthesis, 2a ed.," M. Bodanszky, Ed., Springer-Verlag, 1993; "The Practice of Peptide Synthesis, 2a ed.," M. Bodanszky and A. Bodanszky, Eds., Springer-Verlag, 1994; "Protecting Groups," P. J. Kocienski, Ed., Georg Thieme Verlag, Stuttgart, Alemania, 1994; "Fmoc Solid Phase Peptide Synthesis, A Practical Approach," W. C. Chan and P. D. White, Eds., Oxford Press, 2000, G. B. Fields et al., Synthetic Peptides: A User's Guide, 1990, 77-183). Para ejemplos adicionales de métodos sintéticos y purificación conocidos en la técnica, que son aplicables para hacer las composiciones inventivas de materia, ver, por ejemplo, Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, US2007/0071764 and Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, PCT/US2007/022831, publicado como WO 2008/088422 A2, que ambos son incorporados en la presente como referencia en sus totalidades.

En la descripción adicional de análogos de péptido de toxina en la presente, un sistema de abreviación de una letra es frecuentemente aplicado para diseñar las entidades de los veinte residuos de aminoácido “canónico” generalmente incorporadas en péptidos y proteínas que ocurren de manera natural (Tabla 2). Tales abreviaturas de una letra son enteramente intercambiables en significado con abreviaturas de tres letras, o nombres de aminoácido no abreviados. Dentro del sistema de abreviación de una letra usado en la presente, una letra

mayúscula indica un L-aminoácido, y una letra minúscula indica un D-aminoácido. Por ejemplo, la abreviación “R” designa L-arginina y la abreviación “r” designa D-arginina.

Tabla 2. Abreviaturas de una letra para los aminoácidos canónicos.

Abreviaturas de tres letras en un paréntesis.

Alanina (Ala)	A
Glutamina (Gln)	Q
Leucina (Leu)	L
Serina (Ser)	S
Arginina (Arg)	R
Ácido glutamático (Glu)	E
Lisina (Lys)	K
Treonina (Thr)	T
Asparagina (Asn)	N
Glicina (Gly)	G
Metionina (Met)	M
Triptofan (Trp)	W
Ácido aspártico (Asp)	D
Histidina (His)	H
Fenilalanina (Phe)	F
Tirosina (Tyr)	Y
Cisteína (Cys)	C
Isoleucina (Ile)	I
Prolina (Pro)	P
Valina (Val)	V

Una sustitución de aminoácido en una secuencia de

aminoácidos es típicamente designada en la presente con una abreviación de una letra para el residuo de aminoácido en una posición particular, seguido por la posición de aminoácido numérica relativo a la secuencia nativa de interés, que entonces es seguida por el símbolo de una letra para el residuo de aminoácido sustituido. Por ejemplo, “T30D” simboliza una sustitución de un residuo de treonina por un residuo de aspartato en la posición de aminoácido 30, relativo a la secuencia nativa de interés.

Los residuos de aminoácidos no canónicos pueden incorporarse en un péptido dentro del alcance de la invención empleando técnicas conocidas de ingeniería de proteína que usan recombinantemente células de expresión. (Ver, por ejemplo, Link et al., Non-canonical amino acids in protein engineering, Current Opinion in Biotechnology, 14(6):603-609 (2003)). El término "residuo de aminoácido no canónico" se refiere a residuos de aminoácido en forma D o L que no están entre los 20 aminoácidos canónicos generalmente incorporados en proteínas que aparecen de manera natural, por ejemplo, β-aminoácidos, homoaminoácidos, aminoácidos cíclicos y aminoácidos cadenas laterales derivadas. Los ejemplos incluyen (en la forma L o la forma D) β-alanina, ácido β-aminopropionico, ácido piperidinico, ácido aminocaprioico, ácido aminoheptanoico, ácido aminopimélico, desmosina, ácido diaminopimelico, N^{α}-etilglicina, N^{α}-etilaspargina, hidroxilisina, alo-hidroxilisina, isodesmosina, alo-isoleucina, ω-metilarginina, N^{α}-metilglicina, N^{α}-metilisoleucina, N^{α}-metilvalina, , γ-carboxiglutamato, ε-

N,N,N-trimetillisina, ε-N-acetillisina, O-fosfoserina, N^{α}-acetilserina, N^{α}-formilmetionina, 3-metilhistidina, 5-hidroxilisina, y otros aminoácidos similares, y aquellos enlistados en la Tabla 3 a continuación, y formas derivadas de cualquiera de estos como se describe en la presente. La Tabla 3 contiene algunos residuos de aminoácidos no canónicos que son útiles de acuerdo con la invención actual y abreviaturas asociadas como se usa típicamente en la presente, aunque el practicante experto entenderá que las diferentes abreviaturas y nomenclaturas pueden ser aplicables a la misma sustancia y aparecen intercambiablemente en la presente. Algunas secuencias de aminoácidos, como se recitan en la presente pueden incluir "{H}-" en el término N, que representa un grupo amino del N terminal, y/o puede incluir “-{ácido libre}” en el C terminal, que representa un grupo carboxi del C terminal.

Tabla 3. Aminoácidos no canónicos útiles para la adición, inserción, o sustitución de aminoácidos en secuencias de péptido de acuerdo con la invención actual. En el caso de una abreviación enlistada en la Tabla 3 difiere de otra abreviación para la misma sustancia descrita en cualquier otra parte de la presente, ambas abreviaturas se entiende son aplicables. Los aminoácidos enlistados en la Tabla 3 pueden estar en la forma L o forma D, a menos que se observe de otro modo.

Aminoácido	**Abreviaturas**
Acetamidometil	Acm
Acetilarginina	acetylarg
Ácido α-aminoadípico	Aad

Ácido aminobutírico	Abu
Ácido 2-aminobutírico	2-Abu
Ácido 6-aminohexanoico	Ahx; εAhx
3-amino-6-hidroxi-2-piperidona	Ahp
Ácido 2-aminoindana-2-carboxílico	Aic
Ácido α-amino-isobutírico	Aib
Ácido 3-amino-2-naftoico	Anc
Ácido 2-aminotetralina-2-carboxílico	Atc
Aminofenilalanina	Aminophe; Amino-Phe
4-amino-fenilalanina (también conocida como para-aminofenilalanina)	4AmP; 4-AminoF; 4-Amino-Phe
4-amidino-fenilalanina	4AmPhe
Ácido 2-amino-2-(1-carbamimidoilpiperidina-4-il)acético	4AmPig
ω-N-metilarginina	R(Me)
Arg ψ(CH_2NH) –enlace amida reducido	rArg
3-(1,2,3-triazol-4-il)Alanina	Atz
Ácido (S)-2-amino-3-(1-(1-bromo-2-oxo-6,9,12-trioxa-3-azatetradecan-14-il)-1H-1,2,3-triazol-4-il)propanoico	Atz(PEG3-bromoacetamida)
3-(1-(O-(aminoetil)-O'-(etileno)-decaetilenglicol)-1,2,3-triazol-4-il)Alanina	Atz(amino-PEG10)
3-(1-(O-(aminoetil)-O'-(etileno)-etilenglicol450avg)-1,2,3-triazol-4-il)Alanina	Atz(20kDa PEG)
Ácido (S)-2-amino-3-(1-(2-oxo-6,9,12,15,18,21,24,27,30,33,36-undecaoxa-3-azaoctatriacontan-38-il)-1H-1,2,3-triazol-4-il)propanoico	Atz(PEG11-(acetamidometil)

Ácido(S)-2-amino-3-(1-(1-hidroxi-5-oxo-9,12,15,18,21,24,27,30,33,36,39-undecaoxa-3-tia-6-azahentetracontan-41-il)-1H-1,2,3-triazol-4-il)propanoico	Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)
ácido(S)-2-amino-3-(1-(1-bromo-2-oxo-6,9,12,15,18,21,24,27,30,33,36-undecaoxa-3-azaoctatriacontan-38-il)-1H-1,2,3-triazol-4-il)propanoico	Atz(PEG11-bromoacetamida)
ácido(S)-2-amino-6-(3-(1-(1-bromo-2-oxo-6,9,12,15,18,21,24,27,30,33,36-undecaoxa-3-azaoctatriacontan-38-il)-1H-1,2,3-triazol-4-il)propanamido)hexanoico	K(etil-triazol-PEG11-bromoacetamida)
β-alanina	bA
β-homoarginina	bhArg
β-homolisina	bhomoK
β-homo Tic	BhTic
β-homofenilalanina	BhPhe
β-homoprolina	BhPro
β-homotriptofano	BhTrp
4,4'-bifenilalanina; 4-fenil-fenilalanina ; o bifenilalanina	Bip; 4Bip
β, β-difenil-alanina	BiPhA
β-fenilalanina	BPhe
p-carboxil-fenilalanina	Cpa
Citrulina	Cit
Ciclohexilalanina	Cha
Ciclohexilglicina	Chg
Ciclopentilglicina	Cpg
4-tert-butil-L-fenilalanina	4tBu-F
4-benzoil-L-fenilalanina	4-Bz-F

2-cloro-L-fenilalanina	2-Cl-F
4-trifluorometil-L-fenilalanina	4CF3-F
4-fluoro-L-fenilalanina	4-F-F
4-metil-L-fenilalanina	4-Me-F
Ácido 2-amino-3-guanidinopropanoico	3G-Dpr
ácido α,γ-diaminobutírico	Dab
Ácido 2,4-diaminobutírico	Dbu
Ácido diaminopropionico	Dap
3,4-dicloro-L-fenilalanina	DiCl-F
3,4-dimetoxi-L-fenilalanina	DiMeO-F
ácido α,β-diaminopropionoico (o ácido 2,3-diaminopropionico	Dpr
3,3-difenilalanina	Dip
4-guanidino fenilalanina	Guf
4-guanidino prolina	4GuaPr
Homoarginina	hArg; hR
Homocitrulina	hCit
Homoglutamina	hQ
Homoleucina	hLeu; hL
Homolisina	hLys; hK; homoLys
Homofenilalanina	hPhe; homoPhe
4-hidroxiprolina (o hidroxiprolina)	Hyp
2-indanilglicina (o indanilglicina)	IgI
Ácido indolina-2-carboxílico	Idc
Iodotirosina	I-Tyr
Lys ψ(CH_2NH)-enlace amida reducido	rLys
Ácido(S)-6-((S)-2-acetamidopent-4-inamido)-2-aminohexanoico	K(Ac-Pra)
N-ε-biotinil-L-lisina	K(Biotina)
ácido(S)-2,2',2''-(10-(2-((5-amino-5-carboxipentil)amino)-2-oxoetil)-1,4,7,10-	K(DOTA)

tetraazaciclododecano-1,4,7-triil)triacético	
Ácido(S)-2-amino-6-(pent-4-inamido)hexanoico	K(4-Pen)
Óxido de metionina	Met[O]
Sulfona metionina	$Met[O]_2$
N^{α}-metilarginina	NMeR
$N\alpha$-[$(CH_2)_3NHCH(NH)NH_2$] glicina sustituida	N-Arg
N^{α}-metilcitrulina	NMeCit
N^{α}-metilglutamina	NMeQ
$N\alpha$-metilhomocitrulina	N^{α}-MeHoCit
N^{α}-metilhomolisina	NMeHoK
N^{α}-metileucina	N^{α}-MeL; NMeL; NMeLeu; NMe-Leu
N^{α}-metillisina	NMe-Lys
$N\varepsilon$-metil-lisina	N-eMe-K
$N\varepsilon$-etil-lisina	N-eEt-K
$N\varepsilon$-isopropil-lisina	N-eIPr-K
N^{α}-metilnorleucina	NMeNle; NMe-Nle
N^{α}-metilornitina	N^{α}-MeOrn; NMeOrn
N^{α}-metilfenilalanina	NMe-Phe
1’N-metiltriptofano	1’NMeW
4-metil-fenilalanina	MePhe
α-metilfenialanina	AMeF
N^{α}-metiltreonina	NMe-Thr; NMeThr
N^{α}-metilvalina	NMeVal; NMe-Val
$N\varepsilon$-(O-(aminoetil)-O'-(2-propanoil)-undecaetilenglicol)-Lisina	K(NPeg11)
$N\varepsilon$-(O-(aminoetil)-O'-(2-propanoil)-(etilenglicol)27-Lisina	K(NPeg27)
3-(1-naftil)alanina	1-Nal; 1Nal
3-(2-naftil)alanina	2-Nal; 2Nal

Ácido nipecótico	Nip
Nitrofenilalanina	nitrophe
norleucina	Nle
norvalina	Nva o Nvl
O-metiltirosina	Ome-Tyr
(S)-octilglicina	OctylG
Ácido octahidroindol-2-carboxílico	Oic
Ornitina	Orn
Orn ψ(CH2NH)-enlace amida reducido	rOrn
Ácido piroglutámico	pGlu; PE; pE
L-fosfoserina	pS
4-piperidinilalanina	4PipA
4-piridinilalanina	4Pal
3-piridinilalanina	3Pal
2-piridinilalanina	2Pal
para-iodofenilalanina (o 4-iodofenilalanina)	pI-Phe
Fenilglicina	Phg
Propargilglicina	Pra
Ácido pipecolico	Pip
Ácido 4-amino-1-piperidina-4-carboxílico	4Pip
Sarcosina	Sar
1,2,3,4-tetrahidroisoquinolina	Tic
Ácido 1,2,3,4-tetrahidroisoquinolina-1-carboxílico	Tiq
Ácido 1,2,3,4-tetrahidroisoquinolina-7-hidroxi-3-carboxílico	Hidroxil-Tic
Ácido 1,2,3,4-tetrahidronorharman-3-carboxílico	Tpi

Ácido tiazolidina-4-carboxílico	Thz
3-tienilalanina	Thi
(S)-tert-butilglicina	Tle
simétrica N’-ε-dimetil arginina	SDMA
N-ε-dimetil lisina	K(Me2)
4-carboxifenilalanina	4CO2-F

La nomenclatura y simbolismo para Aminoácidos y Péptidos por la Comisión Conjunta UPAC-IUB sobre Nomenclatura Bioquímica (JCBN por sus siglas en inglés) se han establecido en los siguientes documentos: Biochem. J., 1984, 219, 345-373; Eur. J. Biochem., 1984, 138, 9-37; 1985, 152, 1; 1993, 213, 2; Internat. J. Pept. Prot. Res., 1984, 24, siguiente p 84; J. Biol. Chem., 1985, 260, 14-42; Pure Appl. Chem., 1984, 56, 595-624; Amino acids and Peptides, 1985, 16, 387-410; Biochemical Nomenclature and Related Documents, 2a edición, Portland Press, 1992, páginas 39-69.

Las únicas o más útiles modificaciones para dominios de péptido de las composiciones inventivas pueden incluir adiciones o inserciones de aminoácido, eliminaciones de aminoácidos, truncamientos de péptido, sustituciones de aminoácidos, y/o derivación química de residuos de aminoácidos, logrados por técnicas químicas. Por ejemplo, la secuencia de aminoácidos modificada de este modo incluye al menos un residuo de aminoácido insertado o sustituido allí, relativo a la secuencia de aminoácidos de la secuencia nativa de interés, en la que el residuo de aminoácido insertado o sustituido tiene una cadena lateral que comprende un grupo funcional nucleofílico o electrofílico por el cual

el péptido está covalentemente conjugado a una ligadura y/o porción de extensión de vida media. De acuerdo con la invención, los ejemplos útiles de tal grupo funcional reactivo nucleofílico o electrofílico incluyen, pero no se limitan a, un tiol, una amina primaria, un seleno, una hidrazida, un aldehído, un ácido carboxílico, una cetona, un aminooxi, un aldehído (protegido) enmascarado, o un grupo funcional ceto (protegido) enmascarado. Los ejemplos de residuos de aminoácido que tienen una cadena lateral que comprende un grupo funcional reactivo nucleófilo incluyen, pero no se limitan a, un residuo de lisina, una homolisina, un residuo de ácido α,β-diaminopropionico, un residuo ácido α, γ-diaminobutírico, un residuo de ornitina, una cisteína, una homocisteína, un residuo de ácido glutámico, un residuo de ácido aspártico, o un residuo de selenocisteína (“SeCys”).

Los residuos de aminoácido son comúnmente categorizados de acuerdo a diferentes características químicas y/o físicas. El término "residuo de aminoácido ácido" se refiere a residuos de aminoácido en forma D o forma L que tienen cadenas laterales que comprenden grupos ácidos. Los residuos ácidos de ejemplificación incluyen residuos de ácido aspártico y ácido glutámico. El término “residuo de aminoácido alquilo” se refiere a residuos de aminoácidos en forma D o forma L que tiene cadenas laterales C_{1-6} alquilo que pueden ser lineales, ramificadas, o ciclizadas, incluyendo la amina aminoácido como en prolina, en donde el C_{1-6} alquilo es sustituido por 0, 1, 2 o 3 substitutos seleccionados de C_{1-4} haloalquilo, halo, ciano, nitro, $-C(=O)R^b$, $-C(=O)OR^a$,

$-C(=O)NR^aR^a$, $-C(=NR^a)NR^aR^a$, $-NR^aC(=NR^a)NR^aR^a$, $-OR^a$, $-OC(=O)R^b$, $-OC(=O)NR^aR^a$, $-OC_{2-6}$alquiloNR^aR^a, $-OC_{2-6}$alquiloOR^a, $-SR^a$, $-S(=O)R^b$, $-S(=O)_2R^b$, $-S(=O)_2NR^aR^a$, $-NR^aR^a$, $-N(R^a)C(=O)R^b$, $-N(R^a)C(=O)OR^b$, $-N(R^a)C(=O)NR^aR^a$, $-N(R^a)C(=NR^a)NR^aR^a$, $-N(R^a)S(=O)_2R^b$, $-N(R^a)S(=O)_2NR^aR^a$, $-NR^aC_{2-6}$alquiloNR^aR^a y $-NR^aC_{2-6}$alquilOR^a; en donde R^a es independientemente, cada que se presenta, H o R^b; y R^b es independientemente, cada que se presenta C_{1-6}alquil sustituido por 0, 1, 2 o 3 sustitutos seleccionados de halo, C_{1-4}alq, C_{1-3}haloalq, $-OC_{1-4}$alq, $-NH_2$, $-NHC_{1-4}$alq, y $-N(C_{1-4}$alk$)C_{1-4}$alq; o cualquier forma protonada de los mismos, incluyendo alanina, valina, leucina, isoleucina, prolina, serina, treonina, lisina, arginina, histidina, aspartato, glutamato, asparagina, glutamina, cisteína, metionina, hidroxiprolina, ciclohexilalanina, norleucina, norvalina, ácido 2-aminobutírico, pero cuyos residuos no contiene un grupo arilo o aromático. El término "residuo de aminoácido aromático" se refiere a residuos de aminoácido en forma D o forma L que tienen cadenas laterales que comprenden grupos aromáticos. Los residuos aromáticos de ejemplificación incluyen residuos de triptofan, tirosina, 3-(1-naftil) alanina, histidina, o fenilalanina. El término "residuo de aminoácido básico" se refiere a residuos de aminoácido en forma D o L que tienen cadenas laterales que comprenden grupos básicos. Los residuos de aminoácido básico de ejemplificación incluyen histidina, lisina, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, y residuos de homoarginina (hR). El término "residuos de

aminoácido hidrofílico" se refiere a residuos de aminoácido en la forma D o L que tiene cadenas laterales que comprenden grupos polares. Los residuos hidrofílicos de ejemplificación incluyen residuos de cisteína, serina, treonina, histidina, lisina, asparagina, aspartato, glutamato, glutamina, y citrulina (Cit). Los términos "residuos de aminoácido lipofílico" se refieren a residuos de aminoácido en la forma D o L que tienen cadenas laterales que comprenden grupos no cargados, alifáticos o aromáticos. Las cadenas laterales lipofílicas de ejemplificación incluyen fenilalanina, isoleucina, leucina, metionina, valina, triptofano, y tirosina. Alanina (A) es anfífilica — es capaz de actuar como un residuo hidrofílico, o lipofílico (esto es, hidrofóbico). La alanina, por lo tanto, se incluye dentro de la definición de ambos residuo “lipofílico” (esto es, "hidrofóbico”) y residuo "hidrofílico”. El término residuo de aminoácido "no funcional” o “neutral” se refiere a residuos de aminoácido en la forma D o L que tienen cadenas laterales que carecen de grupos ácido, básico, o aromático. Los residuos de aminoácidos nucleares de ejemplificación incluyen residuos de metionina, glicina, alanina, valina, isoleucina, leucina, y norleucina (Nle).

Las modalidades útiles adicionales de análogos de péptido de toxina pueden resultar de modificaciones conservadoras de la secuencia de aminoácidos de los polipéptidos de toxina descritos en la presente. Las modificaciones conservadoras producirán péptidos de porción conjugada de vida media que tienen características

funcionales, físicas, y químicas similares a aquellas del péptido conjugado (por ejemplo, PEG-conjugado) de los que se hacen tales modificaciones. Tales formas conservadoramente modificadas de los análogos de péptido de toxina descritos en la presente también se contemplan como que están en la modalidad de la invención actual.

En contraste, las modificaciones sustanciales en las características funcionales y/o químicas de péptidos pueden alcanzarse seleccionando sustituciones en la secuencia de aminoácidos que difieran significativamente en su efecto en el mantenimiento (a) de la estructura de la cadena principal molecular en la región de la sustitución, por ejemplo, como una conformación α-helical, (b) la carga o hidrofobicidad de la molécula en el sitio objetivo, o (c) el tamaño de la molécula.

Por ejemplo, una "sustitución de aminoácido conservadora" puede implicar una sustitución de un residuo de aminoácido nativo con un residuo no nativo de manera que hay poco o nada de efecto en la polaridad o carga del residuo de aminoácido en esa posición. Además, cualquier residuo nativo en el polipéptido también puede sustituirse con alanina, como se ha descrito previamente para "mutagénesis" de exploración de alanina" (ver, por ejemplo, MacLennan et al., Acta Physiol. Scand. Suppl., 643:55-67 (1998); Sasaki et al., 1998, Adv. Biophys. 35:1-24 (1998), que discute la mutagénesis de exploración de alanina).

En algunas modalidades útiles de las composiciones de la invención la secuencia de aminoácidos del péptido de toxina

se modifica de una o más maneras relativas a una secuencia nativa de péptido de toxina de interés, tal como, pero no limitado a, una secuencia nativa GpTx-1 (SEQ ID NO:1), un péptido análogo de GpTx-1, o cualquier otro de los péptidos de toxina que tiene secuencias de aminoácidos como se establece en la Tabla 5A, Tabla 5B, y Tabla 31, o en cualquier otra parte de la presente. Las únicas o más modificaciones útiles pueden incluir adiciones o inserciones de aminoácido, eliminaciones de aminoácido, truncamientos de péptido, sustituciones de aminoácido, y/o derivación química de los residuos de aminoácido, logrados por medio de técnicas conocidas. Tales modificaciones pueden ser, por ejemplo, para el propósito de potencia mejorada, selectividad, y/o estabilidad proteolítica, o similares. Aquellos expertos en la técnica están conscientes de las técnicas para la designación de análogos de péptidos con tales propiedades mejoradas, tal como exploración de alanina, diseño racional basado en la alineación de mutagénesis mediada usando secuencias de péptido de toxina conocidas y/o modelado molecular.

El término “proteasa” es sinónimo con “peptidasa”. Las proteasas comprenden dos grupos de enzimas: las endopeptidasas que escinden enlaces de péptido en puntos dentro de la proteína, y las exopeptidasas, que remueven uno o más aminoácidos de ya sea N o C terminal respectivamente. El término “proteinasa” también se usa como un sinónimo para la endopeptidasa. Las cuatro clases mecanísticas de proteinasas son: proteinasas de serina, proteinasas de

cisteína, proteinasas aspárticas, y metalo-proteinasas. Además de estas cuatro clases mecanísticas, hay una sección de nomenclatura de enzima que se ubica para proteasas de mecanismo catalítico no identificado. Esto indica que el mecanismo catalítico no ha sido identificado.

La nomenclatura del subsitio de escisión es comúnmente adoptada de un esquema creado por Schechter and Berger (Schechter I. & Berger A., On the size of the active site in proteases. I. Padolor, Biochemical and Biophysical Research Communication, 27:157 (1967); Schechter I. & Berger A., On the active site of proteases. 3. Mapping the active site of padolor; specific inhibitor peptides of padolor, Biochemical and Biophysical Research Communication, 32:898 (1968)). De acuerdo a este modelo, los residuos de aminoácido en un sustrato que experimentan escisión se designan P1, P2, P3, P4 etc. en la dirección del N terminal del enlace escindido. Igualmente, los residuos en la dirección del C terminal se designan P1', P2', P3', P4', etc.

El experto en la materia está consciente de una variedad de herramientas para identificar el enlace de proteasa o sitios de escisión de proteasa de interés. Por ejemplo, la herramienta de software PeptideCutter está disponible a través del servidor de proteómica ExPASy (Expert Protein Analysis System) del Instituto Suizo de Bioinformática (SIB; www.expasy.org/tools/peptidecutter). PeptideCutter busca una secuencia de proteína de las bases de datos SWISS-PROT y/o TrEMBL o una secuencia de proteína ingresada por el usuario para sitios de escisión de proteasa. Las proteasas y

químicos sencillos, una selección o la lista completa de proteasas y químicos pueden usarse. Están disponibles diferentes formas de producción de los resultados: tablas de sitios de escisión ya sea agrupados alfabéticamente de acuerdo a los nombres de enzima o secuencialmente de acuerdo al número de aminoácido. Una tercera opción para producción es un mapa de sitios de escisión. La secuencia y los sitios de escisión mapeados en ella se agrupan en bloques, el tamaño de los cuales puede ser seleccionado por el usuario. Otras herramientas también son conocidas para determinar los sitios de escisión de proteasa. (Por ejemplo, Turk, B. et al., Determination of protease cleavage site motifs using mixture-based oriented peptide libraries, Nature Biotechnology, 19:661-667 (2001); Barrett A. et al., Handbook of proteolytic enzymes, Academic Press (1998)).

Las proteinasas de serina incluyen la familia de quimotripsina, que incluyen enzimas de proteasa de mamífero tal como quimotripsina, tripsina o elastasa o calicreína. Las proteinasas de serina exhiben diferentes especificidades de sustrato, que se relacionan a sustituciones de aminoácido en los varios sustitutos de enzima interactuando con los residuos de sustrato. Algunas enzimas tienen un sitio de interacción extendida con el sustrato mientras otras tienen una especificidad restringida al residuo de sustrato P1.

La tripsina preferentemente escinde a R o K en la posición P1. Un estudio estadístico desarrollado por Keil (1992) describió las influencias negativas de los residuos rodeando los enlaces Arg- y Lys- (esto es las posiciones P2 y

P1', respectivamente) durante la escisión de tripsina. (Keil, B., Specificity of proteolysis, Springer-Verlag Berlin-Heidelberg-NewYork, 335 (1992)). Un residuo de prolina en posición P1' normalmente ejerce una fuerte influencia negativa en escisión de tripsina. Similarmente, el posicionamiento de R y K en P1' resulta en una inhibición, así como también residuos negativamente cargados en posiciones P2 y P1'.

La quimotripsina preferentemente escinde en una posición W, Y o F en posición P1 (alta especificidad) y a una menor extensión a residuos L, M o H en posición P1. (Keil, 1992). Las excepciones a estas reglas son las que siguen: Cuando W se encuentra en posición P1, la escisión es bloqueada cuando M o P se encuentran en la posición P1' al mismo tiempo. Además, un residuo de prolina en posición P1' casi por completo bloquea la escisión independiente de los aminoácidos encontrados en la posición P1. Cuando un residuo M se encuentra en la posición P1, la escisión es bloqueada por la presencia de un residuo Y en la posición P1'. Finalmente, cuando H se ubica en la posición P1, la presencia de un residuo D, M o W también bloquea la escisión.

La metalo-endopeptidasa de membrana (NEP; endopeptidasa neutra, proteinasa neutra de frontera en las vellosidades del riñón, encefalinasa, EC 3.4.24.11) escinde los péptidos en el lado amino de residuos aminoácido hidrofóbicos. (Connelly, JC et al., Neutral Endopeptidase 24.11 in Human Neutrophils: Cleavage of Chemotactic Peptide, PNAS, 82(24):8737-8741 (1985)).

La trombina preferentemente escinde en un residuo R en la posición P1. (Keil, 1992). El sustrato natural de la trombina es fibrinógeno. Los sitios óptimos de escisión están cuando un residuo R está en la posición P1 y Gly está en la posición P2 y posición P1'. Igualmente, cuando los residuos de aminoácido hidrofóbicos se encuentran en la posición P4 y la posición P3, un residuo de prolina en la posición P2, un residuo R en la posición P1, y residuos de aminoácidos no ácidos en la posición P1' y la posición P2'. Un residuo muy importante para su fibrinógeno de sustrato natural es un residuo D en P10.

Las caspasas son una familia de proteasas de cisteína que tienen un sitio activo con una secuencia de aminoácidos conservada y que escinde los péptidos específicamente siguiendo los residuos D. (Earnshaw WC et al., Mammalian caspases: Structure, activation, substrates, and functions during apoptosis, Annual Review of Biochemistry, 68:383-424 (1999)).

La proteinasa Arg-C preferentemente escinde en un residuo R en la posición P1. El comportamiento de escisión parece ser sólo moderadamente afectado por residuos en la posición P1'. (Keil, 1992). La endopeptidasa Asp-N escinde específicamente con un residuo D en la posición P1'. (Keil, 1992).

Lo anterior es meramente de ejemplificación y de ninguna manera un tratamiento exhaustivo de conocimiento disponible para el experto en la materia acerca del enlace de proteína y/o sitios de escisión que el experto en la materia puede

estar interesado en eliminar en la práctica de la invención.

Las sustituciones de aminoácidos deseadas (ya sea conservadoras o no conservadoras) pueden ser determinadas por aquellos expertos en la técnica en el tiempo en el que se deseen tales sustituciones. Por ejemplo, las sustituciones de aminoácido pueden usarse para identificar residuos importantes de la secuencia de péptido, o para incrementar o disminuir la afinidad del péptido o moléculas de péptido de vehículo conjugado descritas en la presente.

Los residuos que aparecen de manera natural pueden dividirse en clases basándose en las propiedades comunes de cadena lateral:

1) hidrofóbico: norleucina (Nor o Nle), Met, Ala, Val, Leu, Ile;

2) hidrofílico neutral: Cys, Ser, Thr, Asn, Gln;

3) ácido: Asp, Glu;

4) básico: His, Lys, Arg;

5) residuos que influencian la orientación de la cadena: Gly, Pro; y

6) aromático: Trp, Tyr, Phe.

Las sustituciones de aminoácidos conservadores puede implicar el intercambio de un miembro de una de estas clases con otro miembro de la misma clase. Las sustituciones de aminoácidos conservadores pueden abarcar residuos de aminoácidos que no aparecen de manera natural, que son típicamente incorporados por síntesis de péptido química más que por síntesis en sistemas biológicos. Estos incluyen peptidomiméticos y otras formas invertidas o contrarias de

porciones de aminoácidos.

Las sustituciones no conservadoras pueden implicar el intercambio de un miembro de una de estas clases para un miembro de otra clase. Tales residuos sustituidos pueden introducirse en regiones de análogo de péptido de toxina.

En la hechura de tales cambios, de acuerdo a ciertas modalidades, el índice hidropático de aminoácidos puede considerarse. A cada aminoácido se le ha asignado un índice hidropático en la base de sus hidrofobicidad y características de carga. Estos son: isoleucina (+4.5); valina (+4.2); leucina (+3.8); fenilalanina (+2.8); cisteína/cistína (+2.5); metionina (+1.9); alanina (+1.8); glicina (-0.4); treonina (-0.7); serina (-0.8); triptofano (-0.9); tirosina (-1.3); prolina (-1.6); histidina (-3.2); glutamato (-3.5); glutamina (-3.5); aspartato (-3.5); asparagina (-3.5); lisina (-3.9); y arginina (-4.5).

La importancia del índice de aminoácido hidropático al conferir función biológica interactiva en una proteína se entiende en la técnica (ver, *por ejemplo*, Kyte *et al.*, 1982, *J. Mol. Biol.* 157:105-131). Se sabe que ciertos aminoácidos pueden ser sustituidos por otros aminoácidos que tengan un índice o puntaje hidropático similarmente aún mantengan una actividad biológica similar. Haciendo estos cambios basándose en el índice hidropático en ciertas modalidades, la sustitución de aminoácidos de cuyos índices hidropáticos están dentro de ±2 se incluye. En ciertas modalidades, aquellos que están dentro de ±1 se incluyen, y en ciertas modalidades, aquellos dentro de ±0.5 se incluyen.

También se entiende en la técnica que la sustitución de aminoácidos similares puede hacerse efectivamente en la base de la hidrofilicidad, particularmente donde la proteína o péptido biológicamente funcional así creado se pretende para su uso en modalidades inmunológicas, como se describe en la presente. En ciertas modalidades, la más grande hidrofilicidad local promedio para una proteína, que se rige por la hidrofilicidad de sus aminoácidos adyacentes, correlaciona con su inmunogenicidad y antigenicidad, *esto es*, con una propiedad biológica de la proteína.

Los siguientes valores de hidrofilicidad han sido asignados a estos residuos de aminoácidos: arginina (+3.0); lisina (+3.0); aspartato (+3.0 ± 1); glutamato (+3.0 ± 1); serina (+0.3); asparagina (+0.2); glutamina (+0.2); glicina (0); treonina (-0.4); prolina (-0.5 ± 1); alanina (-0.5); histidina (-0.5); cisteína (-1.0); metionina (-1.3); valina (-1.5); leucina (-1.8); isoleucina (-1.8); tirosina (-2.3); fenilalanina (-2.5) y triptofano (-3.4). Haciendo cambios basándose en valores similares de hidrofilicidad, en ciertas modalidades, la sustitución de aminoácidos cuyos valores de hidrofilicidad están dentro de ±2 se incluyen, en ciertas modalidades, aquellos que están dentro de ±1 se incluyen, y en ciertas modalidades, aquellos dentro ±0.5 se incluyen. Uno también puede identificar epítopos de secuencias de aminoácidos primarias en la base de hidrofilicidad. Estas regiones también se diferencian como "regiones de núcleo epitópicas".

Los ejemplos de sustituciones conservadoras incluyen la

sustitución de un residuo de aminoácido (hidrofóbico) no polar tal como isoleucina, valina, leucina, norleucina, alanina, o metionina por otro, la sustitución de un residuo de aminoácido (hidrofílico) polar por otro tal como entre arginina y lisina, entre glutamina y asparagina, entre glicina y serina, la sustitución de un residuo de aminoácido básico tal como lisina, arginina o histidina por otro, o la sustitución de un residuo ácido, tal como ácido aspártico o ácido glutámico por otro. La frase “sustitución de aminoácido conservador” también incluye el uso de un residuo químicamente derivado en lugar de un residuo no derivado, siempre y cuando tal polipéptido exhiba el requisito de bioactividad. Otras sustituciones de aminoácidos de ejemplificación que pueden ser útiles de acuerdo con la invención actual se establecen en la Tabla 4 a continuación.

Tabla 4. Algunas sustituciones útiles de aminoácidos.

Residuos originales	Sustituciones de ejemplificación
Ala	Val, Leu, Ile, Gly
Arg	Lys, Gln, Asn, His
Asn	Gln
Asp	Glu
Cys	Ser, Ala
Gln	Asn

Glu	Asp
Gly	Pro, Ala
His	Asn, Gln, Lys, Arg
Ile	Leu, Val, Met, Ala, Phe, Norleucina
Leu	Norleucina, Ile, Val, Met, Ala, Phe
Lys	Arg, ácido 1,4-Diamino-butírico, Gln, Asn, His
Met	Leu, Phe, Ile
Phe	Leu, Val, Ile, Ala, Tyr
Pro	Ala
Ser	Thr, Ala, Cys
Thr	Ser
Trp	Tyr, Phe
Tyr	Trp, Phe, Thr, Ser
Val	Ile, Met, Leu, Phe, Ala, Norleucina

A modo de ilustración, en modalidades de la invención actual dirigidas a una composición de materia que comprende un polipéptido aislado que comprende la secuencia de

aminoácidos de la fórmula:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ X_{aa} $^{3}X_{aa}^{4}X_{aa}^{5}X_{aa}^{6}X_{aa}^{7}X_{aa}^{8}X_{aa}^{9}X_{aa}^{10}X_{aa}^{11}X_{aa}^{12}X_{aa}^{13}X_{aa}^{14}Asp^{15}$ X_{aa}^{16} X_{aa}^{17} $X_{aa}^{18}X_{aa}^{19}$ X_{aa}^{20} $X_{aa}^{21}X_{aa}^{22}X_{aa}^{23}$ $X_{aa}^{24}X_{aa}^{25}$ $X_{aa}^{26}X_{aa}^{27}X_{aa}^{28}X_{aa}^{29}X_{aa}^{30}X_{aa}^{31}Lys^{32}$ $X_{aa}^{33}X_{aa}^{34}X_{aa}^{35}$ $X_{aa}^{36}X_{aa}^{37}X_{aa}^{38}$ // SEQ ID NO:475

o una sal farmacéuticamente aceptable de la misma,

en donde:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ está ausente; o X_{aa}^{1} es cualquier residuo de aminoácido y X_{aa}^{2} es cualquier residuo de aminoácido; o X_{aa}^{1} está ausente y X_{aa}^{2} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa} ^{3} es Cys, si X_{aa}^{18} es Cys; o X_{aa} ^{3} es SeCys, si X_{aa}^{18} es SeCys; o X_{aa} ^{3} es un residuo de aminoácido alquilo, si X_{aa}^{18} es un residuo de aminoácido alquilo (por ejemplo, X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} pueden ser, independientemente, residuos Ala o 2-Abu);

X_{aa}^{4} es un residuo de aminoácido hidrofílico ácido, hidrofóbico, básico, o neutral (por ejemplo, X_{aa}^{4} puede ser seleccionado de residuos Ala, Glu, Asp, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Phe, Pro, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 4-fenil-fenilalanina (Bip), Gln, Asn, Ser, Thr, y Cit);

X_{aa}^{5} es un residuo de aminoácido Gly, Ala, hidrofóbico, o básico (por ejemplo, X_{aa}^{5} puede ser seleccionado de residuos Ala, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-

aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^6 es un Gly, Ala, 2-Abu, norleucina (Nle), norvalina (Nva), o residuo de aminoácido hidrofóbico (por ejemplo, X_{aa}^6 puede ser seleccionado de residuos Ala, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, prolina, tiaprolina, metionina, glicina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclopentilglicina (Cpg), fenilglicina, N-metilleucina, N-metilfenilalanina, N-metilvalina, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^7 es un residuo de aminoácido Gly, Ala, aromático, o hidrofóbico (por ejemplo, X_{aa}^7 puede seleccionarse de residuos Gly, Ala, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Pro, 2-piridinilalanina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^8 es un residuo de aminoácido básico, ácido, o neutro hidrofílico, o un residuo Ala (por ejemplo, X_{aa}^8 puede seleccionarse de residuos Ala, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina,

homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Ser, Thr, Asn, Gln, Cit, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Asp, y Glu);

X_{aa}^{9} es un residuo de aminoácido básico o neutro hidrofílico (por ejemplo, X_{aa}^{9} puede seleccionarse de residuos Ala, Pro, Met, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Gln, Asn, Ser, Thr, y Cit);

X_{aa}^{10} es Cys si X_{aa}^{24} es Cys; o X_{aa}^{10} es SeCys si X_{aa}^{24} es SeCys;

X_{aa}^{11} es cualquier residuo de aminoácido (por ejemplo, X_{aa}^{11} puede seleccionarse de residuos Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{12} es un residuo de aminoácido Pro, ácido, neutro, o hidrofóbico (por ejemplo, X_{aa}^{12} puede seleccionarse de alanina, valina, leucina, isoleucina, prolina, serina, treonina, áido aspártico, ácido glutámico, glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, Cha, y 4-fenil-fenilalanina (Bip), ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), asparagina, glutamina, metioninas, hidroxiprolinas, fenilalanina, triptofan, y tirosina);

X_{aa}^{13} es cualquier residuo de aminoácido (por ejemplo, X_{aa}^{13} puede seleccionarse de residuos Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{14} es cualquier residuo de aminoácido (por ejemplo, X_{aa}^{14} puede seleccionarse de residuos Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{16} es un residuo de aminoácido básico, neutro hidrofílico, o ácido, o un residuo Ala (por ejemplo, X_{aa}^{16} puede seleccionarse de residuos Ala, Pro, Met, Arg, Lys, His, Pra, Atz, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Gln, Asn, Ser, Thr, Cit, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Asp, y Glu);

X_{aa}^{17} es un Cys si X_{aa}^{31} es Cys; o X_{aa}^{17} es un SeCys si X_{aa}^{31} es SeCys;

X_{aa}^{18} es un Cys, SeCys, o un residuo de aminoácido alquilo;

X_{aa}^{19} es cualquier residuo de aminoácido (por ejemplo, X_{aa}^{19} puede seleccionarse de residuos Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{20} es un residuo Pro, Gly, básico, o neutro hidrofílico (por ejemplo, X_{aa}^{20} puede seleccionarse de residuos Ala, Pro, Met, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Gln, Asn, Ser, Thr, y Cit);

X_{aa}^{21} es un residuo de aminoácido básico, hidrofóbico, o neutro (por ejemplo, X_{aa}^{21} puede seleccionarse de residuos Ala, Phe, Pro, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 4-fenil-fenilalanina (Bip), Gln, Asn, Ser, Thr, y Cit);

X_{aa}^{22} es un residuo de aminoácido hidrofóbico o básico (por ejemplo, X_{aa}^{22} puede seleccionarse de residuos Ala, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-

lisina, N-ε-metil lisina, Dab, glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{23} es un residuo de aminoácido hidrofóbico, básico, o neutro hidrofílico (por ejemplo, X_{aa}^{23} puede seleccionarse de residuos Ala, Phe, Pro, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, Pra, Atz, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 4-fenil-fenilalanina (Bip), Gln, Asn, Ser, Thr, y Cit);

X_{aa}^{24} es un residuo Cys o SeCys;

X_{aa}^{25} es un Ser, Ala, o un residuo de aminoácido hidrofílico neutro (por ejemplo, X_{aa}^{25} se selecciona de residuos Ala, Gly, Pro, Met, glicina, Gln, Asn, Ser, Thr, y Cit);

X_{aa}^{26} es un residuo de aminoácido Ala, ácido, básico, o neutro hidrofílico (por ejemplo, X_{aa}^{26} puede seleccionarse de residuos Ala, Pro, Met, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, glicina, Asp, Glu, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Gln, Asn, Ser, Thr, y Cit);

X_{aa}^{27} es un residuo de aminoácido ácido, básico, neutral hidrofílico, o hidrofóbico (por ejemplo, X_{aa}^{27} puede seleccionarse de residuos Thr, Leu, Ile, Val, Ser, Met, Gln,

Asn, Phe, Tyr, Trp, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Asp, Glu, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 4-fenil-fenilalanina (Bip), Glu, Asp, y Gly);

X_{aa}^{28} es un residuo de aminoácido aromático o básico (por ejemplo, X_{aa}^{28} puede seleccionarse de residuos Phe, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, 1-Nal, 2-Nal, 2-piridil-alanina, 3-piridil-alanina, 4-piridil-alanina, 4-piperidinil-alanina, and 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{29} es un residuo de aminoácido ácido, básico, o neutro hidrofílico (por ejemplo, X_{aa}^{29} puede seleccionarse de residuos Ala, Asp, Glu, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Phe, Gly, His, Lys, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, y Dab). En alguna modalidad útil X_{aa}^{29} es es residuo hidrofílico ácido o neutral (por ejemplo, un residuo Ala, Asp, Glu, Gly, Asn, Gln, Ser, Thr, fosfoserina, fosfotirosina, o ácido gamma-carboxiglutámico [por ejemplo, SEQ ID NOS: 1071-2798]);

X_{aa}^{30} es un residuo Trp, 5-bromoTrp, 6-bromoTrp, 5-cloroTrp, 6-cloroTrp, 1-Nal, 2-Nal, o tioTrp;

X_{aa}^{31} es un Cys o SeCys;

X_{aa}^{33} es un residuo de aminoácido hidrofóbico o aromático (por ejemplo, X_{aa}^{33} puede seleccionarse de residuos Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 2-piridil-alanina, 3-piridil-alanina, 4-piridil-alanina, 4-piperidinil-alanina, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, and 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{34} es cualquier residuo de aminoácido (por ejemplo, X_{aa}^{34} puede seleccionarse de residuos Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, 2-piridil-alanina, 3-piridil-alanina, 4-carboxi-fenilalanina, and 4-fenil-fenilalanina (Bip));

X_{aa}^{35} es un residuo de aminoácido hidrofóbico (por ejemplo, X_{aa}^{35} puede seleccionarse de residuos Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-

diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

cada uno de X_{aa}^{36} , X_{aa}^{37} , y X_{aa}^{38} es independientemente ausente o es independientemente un residuo de aminoácido neutro, básico, o hidrofóbico (por ejemplo, cada uno de X_{aa}^{36}, X_{aa}^{37}, and X_{aa}^{38} puede estar independientemente ausente o independientemente seleccionado de residuos Ala, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y 4-fenil-fenilalanina (Bip));

y en donde:

si X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{3} y residuo X_{aa}^{18}; o si X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{3} y residuo X_{aa}^{18};

si X_{aa}^{10} y X_{aa}^{24} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{10} y residuo X_{aa}^{24}; o si X_{aa}^{10} y X_{aa}^{24} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{10} y residuo X_{aa}^{24};

si X_{aa}^{17} y X_{aa}^{31} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{17} y residuo X_{aa}^{31}; o si X_{aa}^{17} y X_{aa}^{31} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{17} y residuo X_{aa}^{31};

el residuo de terminal amino está opcionalmente

acetilado, biotinilado, 4-pentinoilado, o PEGilado; y

el residuo de terminal carboxi está opcionalmente amidado. Muchos ejemplos particulares de tal C-terminalmente amidado aparecen en la Tabla 5A y Tabla 5B.

Otro ejemplo de la composición inventiva descrita inmediatamente arriba (SEQ ID NO:475) es la composición de materia en donde el polipéptido teisolado comprende la secuencia de aminoácidos de la fórmula:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ $Cys^{3}X_{aa}^{4}$ $X_{aa}^{5}Ala^{6}$ $X_{aa}^{7}X_{aa}^{8}X_{aa}^{9}Cys^{10}X_{aa}^{11}X_{aa}^{12}X_{aa}^{13}X_{aa}^{14}Asp^{15}$ X_{aa}^{16} $Cys^{17}Cys^{18}X_{aa}^{19}$ X_{aa}^{20} $X_{aa}^{21}X_{aa}^{22}X_{aa}^{23}$ $Cys^{24}X_{aa}^{25}$ $X_{aa}^{26}X_{aa}^{27}X_{aa}^{28}X_{aa}^{29}X_{aa}^{30}$ $Cys^{31}Lys^{32}X_{aa}^{33}X_{aa}^{34}X_{aa}^{35}$ $X_{aa}^{36}X_{aa}^{37}X_{aa}^{38}$// SEQ ID NO:476, y las posiciones variables de SEQ ID NO:476 se ejemplifican como en párrafos inmediatamente precedentes respecto a las posiciones variables de SEQ ID NO:475. Las modalidades particularmente útiles de la composición de materia comprenden un residuo Ala, Gly, 2-Abu, Nle, o Nva en la posición X_{aa}^{6} de SEQ ID NO:475, con algunas de estas modalidades que también tienen un residuo Glu en la posición $X_{aa}^{27}$of SEQ ID NO:475, por ejemplo, [Ala5, Glu26]GpTx-1, [Gly5, Glu26]GpTx-1, [2-Abu5, Glu26]GpTx-1, [Nle5, Glu26]GpTx-1, o [Nva5, Glu26]GpTx-1 análogos de péptido, que, opcionalmente, pueden también tener residuos de aminoácidos adicionales sustituidos en otras posiciones de aminoácidos y/o residuos adicionales en el término N y/o C terminal. Otros ejemplos útiles comprenden comprenden un residuo Asp, Glu, o Gln en la posición X_{aa}^{29} de SEQ ID NO: 475 o X_{aa}^{29} de SEQ ID NO:476, con o sin un residuo Glu en la posición X_{aa}^{27} de SEQ ID NO:475, por ejemplo, [Ala5, Asp28]GpTx-1, [Ala5, Glu28]GpTx-1, [Ala5, Gln28]GpTx-1, [Ala5, Glu26, Asp28]GpTx-1, [Ala5, Glu26,

Glu28]GpTx-1, [Ala5, Glu26, Gln28]GpTx-1, [Gly5, Asp28]GpTx-1, [Gly5, Glu28]GpTx-1, [Gly5, Gln28]GpTx-1, [Gly5, Glu26, Asp28]GpTx-1, [Gly5, Glu26, Glu28]GpTx-1, [Gly5, Glu26, Gln28]GpTx-1, [2-Abu5, Asp28]GpTx-1, [2-Abu5, Glu28]GpTx-1, [2-Abu5, Gln28]GpTx-1, [2-Abu5, Glu26, Asp28]GpTx-1, [2-Abu5, Glu26, Glu28]GpTx-1, [2-Abu5, Glu26, Gln28]GpTx-1, [Nle5, Asp28]GpTx-1, [Nle5, Glu28]GpTx-1, [Nle5, Gln28]GpTx-1, [Nle5, Glu26, Asp28]GpTx-1, [Nle5, Glu26, Glu28]GpTx-1, and [Nle5, Glu26, Gln28]GpTx-1, [Nva5, Asp28]GpTx-1, [Nva5, Glu28]GpTx-1, [Nva5, Gln28]GpTx-1, [Nva5, Glu26, Asp28]GpTx-1, [Nva5, Glu26, Glu28]GpTx-1, y [Nva5, Glu26, Gln28]GpTx-1.

Algunos ejemplos de la composición de materia que comprenden una secuencia de aminoácidos que comprende un residuo Ala en la posición X_{aa}^{6}de SEQ ID NO:475 incluyen: SEQ ID NOS: 22, 252-263, 419-439, 518-521, 524, 525, 562-580, 602, 691, 692, 696-703, 715, 721-735, 737-749, 756, 757, 761, 762, 764-771, 787-796, 798, 800, 802, 803, 809-812, 1028, 1030-1040, 1043-1047, 1062-1065, 1068-1070, 1082, 1096, 1110, 1124, 1135, 1146, 1157, 1165, 1173, 1181, 1192, 1203, 1214, 1222, 1230, 1238, 1249, 1260, 1271, 1279, 1287, 1295, 1306, 1317, 1328, 1336, 1344, 1352, 1360, 1368, 1376, 1384, 1392, 1400, 1408, 1416, 1424, 1432, 1440, 1448, 1456, 1464, 1472, 1480, 1488, 1496, 1504, 1512, 1520, 1528, 1536, 1544, 1552, 1560, 1568, 1576, 1584, 1592, 1600, 1608, 1616, 1624, 1632, 1640, 1658, 1672, 1686, 1700, 1711, 1722, 1733, 1741, 1749, 1757, 1768, 1779, 1790, 1798, 1806, 1814, 1825, 1836, 1847, 1855, 1863, 1871, 1882, 1893, 1904, 1912, 1920, 1928, 1936, 1944, 1952, 1960, 1968, 1976, 1984, 1992, 2000, 2008, 2016, 2024, 2032, 2040,

2048, 2056, 2064, 2072, 2080, 2088, 2096, 2104, 2112, 2120, 2128, 2136, 2144, 2152, 2160, 2168, 2176, 2184, 2192, 2200, 2208, 2216, 2234, 2248, 2262, 2276, 2287, 2298, 2309, 2317, 2325, 2333, 2344, 2355, 2366, 2374, 2382, 2390, 2401, 2412, 2423, 2431, 2439, 2447, 2458, 2469, 2480, 2488, 2496, 2504, 2512, 2520, 2528, 2536, 2544, 2552, 2560, 2568, 2576, 2584, 2592, 2600, 2608, 2616, 2624, 2632, 2640, 2648, 2656, 2664, 2672, 2680, 2688, 2696, 2704, 2712, 2720, 2728, 2736, 2744, 2752, 2760, 2768, 2776, 2784, 2792, 2808, 2822, 2833, 2844, 2855, 2863, 2871, 2879, 2890, 2901, 2912, 2920, 2928, 2936, 2944, 2952, 2960, 2968, 2976, 2984, 2992, 3000, 3008, 3016, 3024, 3032, 3040, 3048, 3056, 3064, 3072, y 3080, como se establece en la Tabla 5A y la Tabla 5B. Otros ejemplos comprenden un ácido libre en el C terminal (más que un residuo del C terminal amidado) de cualquiera de los anteriores, tal como SEQ ID NOS: 597-601 y 813-1027, como se establece en la Tabla 5A y Tabla 5B.

Algunos ejemplos de la composición de materia que comprende una secuencia de aminoácidos que comprenden un residuo Gly en la posición X_{aa}^{6} de SEQ ID NO:475 incluyen: SEQ ID NOS: 265, 751, 752, 754, 755, 1081, 1095, 1109, 1123, 1134, 1145, 1156, 1164, 1172, 1180, 1191, 1202, 1213, 1221, 1229, 1237, 1248, 1259, 1270, 1278, 1286, 1294, 1305, 1316, 1327, 1335, 1343, 1351, 1359, 1367, 1375, 1383, 1391, 1399, 1407, 1415, 1423, 1431, 1439, 1447, 1455, 1463, 1471, 1479, 1487, 1495, 1503, 1511, 1519, 1527, 1535, 1543, 1551, 1559, 1567, 1575, 1583, 1591, 1599, 1607, 1615, 1623, 1631, 1639, 1657, 1671, 1685, 1699, 1710, 1721, 1732, 1740, 1748, 1756, 1767, 1778,

1789, 1797, 1805, 1813, 1824, 1835, 1846, 1854, 1862, 1870, 1881, 1892, 1903, 1911, 1919, 1927, 1935, 1943, 1951, 1959, 1967, 1975, 1983, 1991, 1999, 2007, 2015, 2023, 2031, 2039, 2047, 2055, 2063, 2071, 2079, 2087, 2095, 2103, 2111, 2119, 2127, 2135, 2143, 2151, 2159, 2167, 2175, 2183, 2191, 2199, 2207, 2215, 2233, 2247, 2261, 2275, 2286, 2297, 2308, 2316, 2324, 2332, 2343, 2354, 2365, 2373, 2381, 2389, 2400, 2411, 2422, 2430, 2438, 2446, 2457, 2468, 2479, 2487, 2495, 2503, 2511, 2519, 2527, 2535, 2543, 2551, 2559, 2567, 2575, 2583, 2591, 2599, 2607, 2615, 2623, 2631, 2639, 2647, 2655, 2663, 2671, 2679, 2687, 2695, 2703, 2711, 2719, 2727, 2735, 2743, 2751, 2759, 2767, 2775, 2783, 2791, 2807, 2821, 2832, 2843, 2854, 2862, 2870, 2878, 2889, 2900, 2911, 2919, 2927, 2935, 2943, 2951, 2959, 2967, 2975, 2983, 2991, 2999, 3007, 3015, 3023, 3031, 3039, 3047, 3055, 3063, 3071, y 3079, como se establece en la Tabla 5A y Tabla 5B.

Algunos ejemplos de la composición de materia que comprenden una secuencia de aminoácidos que comprenden un residuo 2-Abu en la posición X_{aa}^{6} de SEQ ID NO:475 incluyen: SEQ ID NOS: 605, 636, 649, 706, 707, 718, 753, 758, 797, 799, 801, 804, 807, 808, 1029, 1041, 1042, 1048, 1066, 1067, 1083, 1097, 1111, 1125, 1136, 1147, 1158, 1166, 1174, 1182, 1193, 1204, 1215, 1223, 1231, 1239, 1250, 1261, 1272, 1280, 1288, 1296, 1307, 1318, 1329, 1337, 1345, 1353, 1361, 1369, 1377, 1385, 1393, 1401, 1409, 1417, 1425, 1433, 1441, 1449, 1457, 1465, 1473, 1481, 1489, 1497, 1505, 1513, 1521, 1529, 1537, 1545, 1553, 1561, 1569, 1577, 1585, 1593, 1601, 1609, 1617, 1625, 1633, 1641, 1659, 1673, 1687, 1701, 1712, 1723, 1734, 1742,

1750, 1758, 1769, 1780, 1791, 1799, 1807, 1815, 1826, 1837, 1848, 1856, 1864, 1872, 1883, 1894, 1905, 1913, 1921, 1929, 1937, 1945, 1953, 1961, 1969, 1977, 1985, 1993, 2001, 2009, 2017, 2025, 2033, 2041, 2049, 2057, 2065, 2073, 2081, 2089, 2097, 2105, 2113, 2121, 2129, 2137, 2145, 2153, 2161, 2169, 2177, 2185, 2193, 2201, 2209, 2217, 2235, 2249, 2263, 2277, 2288, 2299, 2310, 2318, 2326, 2334, 2345, 2356, 2367, 2375, 2383, 2391, 2402, 2413, 2424, 2432, 2440, 2448, 2459, 2470, 2481, 2489, 2497, 2505, 2513, 2521, 2529, 2537, 2545, 2553, 2561, 2569, 2577, 2585, 2593, 2601, 2609, 2617, 2625, 2633, 2641, 2649, 2657, 2665, 2673, 2681, 2689, 2697, 2705, 2713, 2721, 2729, 2737, 2745, 2753, 2761, 2769, 2777, 2785, 2793, 2809, 2823, 2834, 2845, 2856, 2864, 2872, 2880, 2891, 2902, 2913, 2921, 2929, 2937, 2945, 2953, 2961, 2969, 2977, 2985, 2993, 3001, 3009, 3017, 3025, 3033, 3041, 3049, 3057, 3065, 3073, y 3081, como se establecen en la Tabla 5A y Tabla 5B.

Algunos ejemplos de la composición de materia que comprenden una secuencia de aminoácidos que comprende un residuo Nle en la posición X_{aa}^{6} de SEQ ID NO:475 incluyen: SEQ ID NOS: 607, 638, 651, 1085, 1099, 1113, 1127, 1138, 1149, 1160, 1168, 1176, 1184, 1195, 1206, 1217, 1225, 1233, 1241, 1252, 1263, 1274, 1282, 1290, 1298, 1309, 1320, 1331, 1339, 1347, 1355, 1363, 1371, 1379, 1387, 1395, 1403, 1411, 1419, 1427, 1435, 1443, 1451, 1459, 1467, 1475, 1483, 1491, 1499, 1507, 1515, 1523, 1531, 1539, 1547, 1555, 1563, 1571, 1579, 1587, 1595, 1603, 1611, 1619, 1627, 1635, 1643, 1661, 1675, 1689, 1703, 1714, 1725, 1736, 1744, 1752, 1760, 1771, 1782, 1793, 1801, 1809, 1817, 1828, 1839, 1850, 1858, 1866, 1874, 1885, 1896,

1907, 1915, 1923, 1931, 1939, 1947, 1955, 1963, 1971, 1979, 1987, 1995, 2003, 2011, 2019, 2027, 2035, 2043, 2051, 2059, 2067, 2075, 2083, 2091, 2099, 2107, 2115, 2123, 2131, 2139, 2147, 2155, 2163, 2171, 2179, 2187, 2195, 2203, 2211, 2219, 2237, 2251, 2265, 2279, 2290, 2301, 2312, 2320, 2328, 2336, 2347, 2358, 2369, 2377, 2385, 2393, 2404, 2415, 2426, 2434, 2442, 2450, 2461, 2472, 2483, 2491, 2499, 2507, 2515, 2523, 2531, 2539, 2547, 2555, 2563, 2571, 2579, 2587, 2595, 2603, 2611, 2619, 2627, 2635, 2643, 2651, 2659, 2667, 2675, 2683, 2691, 2699, 2707, 2715, 2723, 2731, 2739, 2747, 2755, 2763, 2771, 2779, 2787, 2795, 2811, 2825, 2836, 2847, 2858, 2866, 2874, 2882, 2893, 2904, 2915, 2923, 2931, 2939, 2947, 2955, 2963, 2971, 2979, 2987, 2995, 3003, 3011, 3019, 3027, 3035, 3043, 3051, 3059, 3067, 3075, y 3083, como se establecen en la Tabla 5A y Tabla 5B.

Algunos ejemplos de la composición de materia que comprenden una secuencia de aminoácidos que comprende un residuo Nva en la posición X_{aa}^{6} de SEQ ID NO:475 incluyen: SEQ ID NOS: 606, 637, 650, 705, 708, 717, 759, 760, 805, 806, 1084, 1098, 1112, 1126, 1137, 1148, 1159, 1167, 1175, 1183, 1194, 1205, 1216, 1224, 1232, 1240, 1251, 1262, 1273, 1281, 1289, 1297, 1308, 1319, 1330, 1338, 1346, 1354, 1362, 1370, 1378, 1386, 1394, 1402, 1410, 1418, 1426, 1434, 1442, 1450, 1458, 1466, 1474, 1482, 1490, 1498, 1506, 1514, 1522, 1530, 1538, 1546, 1554, 1562, 1570, 1578, 1586, 1594, 1602, 1610, 1618, 1626, 1634, 1642, 1660, 1674, 1688, 1702, 1713, 1724, 1735, 1743, 1751, 1759, 1770, 1781, 1792, 1800, 1808, 1816, 1827, 1838, 1849, 1857, 1865, 1873, 1884, 1895, 1906, 1914, 1922, 1930,

1938, 1946, 1954, 1962, 1970, 1978, 1986, 1994, 2002, 2010, 2018, 2026, 2034, 2042, 2050, 2058, 2066, 2074, 2082, 2090, 2098, 2106, 2114, 2122, 2130, 2138, 2146, 2154, 2162, 2170, 2178, 2186, 2194, 2202, 2210, 2218, 2236, 2250, 2264, 2278, 2289, 2300, 2311, 2319, 2327, 2335, 2346, 2357, 2368, 2376, 2384, 2392, 2403, 2414, 2425, 2433, 2441, 2449, 2460, 2471, 2482, 2490, 2498, 2506, 2514, 2522, 2530, 2538, 2546, 2554, 2562, 2570, 2578, 2586, 2594, 2602, 2610, 2618, 2626, 2634, 2642, 2650, 2658, 2666, 2674, 2682, 2690, 2698, 2706, 2714, 2722, 2730, 2738, 2746, 2754, 2762, 2770, 2778, 2786, 2794, 2810, 2824, 2835, 2846, 2857, 2865, 2873, 2881, 2892, 2903, 2914, 2922, 2930, 2938, 2946, 2954, 2962, 2970, 2978, 2986, 2994, 3002, 3010, 3018, 3026, 3034, 3042, 3050, 3058, 3066, 3074, y 3082, como se establecen en la Tabla 5A y Tabla 5B.

Otras modalidades de ejemplificación de la composición inventiva son análogos de péptido conjugados y no conjugados de GpTx-1 que tienen una de las secuencias de aminoácidos como se establecen en la Tabla 5A, Tabla 5B, y Tabla 31. Las modalidades particulares de los polipéptidos inventivos aislados incluyen aquellos que tienen una secuencia de aminoácidos seleccionada de SEQ ID NOS: 3-134, 136-305, 307-386, 388-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-1049, y 1062-3086, y más particularmente una secuencia de aminoácidos seleccionada de SEQ ID NOS: 3-30, 32-72, 74-134, 136-178, 180-211, 218-239, 241-305, 307-363, 366-386, 388-432, 434-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-775, 777, 778, 780-788, 790-1049, y 1062-3086. Cualquiera de estos demás comprende una porción de ligadura opcional y una porción farmacéuticamente

aceptable de extensión de la vida media covalentemente ligada, como se describe en la presente, también se abarcan dentro de la invención actual. Una composición farmacéutica que comprende cualquiera de estos polipéptidos (con o sin una porción de extensión de la vida media covalentemente ligada) y un portador farmacéuticamente aceptable es también se abarcan dentro de la invención actual.

Tabla 5A. Secuencias de aminoácidos de análogos péptidos GpTx-1 y GpTx-1. {H}- = grupo amino de terminal N; -{Amida} = amidado de terminal C; Ac- = acetilado de terminal N; -{Ácido Libre} = carboxilado de terminal C; {biotina}- = biotinilado de terminal N; {4-Pen}- = 4-pentinoilado de terminal N; {bromoacetamida-PEG11-triazol}- = 3-(1-(1-bromo-2-oxo-6,9,12,15,18,21,24,27,30,33,36-undecaoxa-3-azaoctatriacontan-38-il)-1H-1,2,3-triazol-4-il)propanoil conjugado covalentemente al N terminal.

Designación	Secuencia de Aminoácido	SEQ ID NO:
GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	1
[Todos isómero D]GpTx-1(1-34)	{H}-dclgfmrkcipdndkccrpnlvcsrthkwckyvf-{Amida}	2
[SeMet6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[SeMet]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	3
[Ala12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPANDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	4

[Ala13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	5
[Ala15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDACCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	6
[Ala20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPALVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	7
[Ala22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLACSRTHKWCKYVF-{Amida}	8
[Ala25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	9
[Ala26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRAHKWCKYVF-{Amida}	10
[Ala27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTAKWCKYVF-{Amida}	11
[Ala28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHAWCKYVF-{Amida}	12
[Ala31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCAYVF-{Amida}	13
[Ala32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKAVF-{Amida}	14
[Ala33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYAF-{Amida}	15
GpTx-1(1-34)-Ala	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFA-{Amida}	16
Glu-GpTx-1(1-34)	{H}-EDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	17
[Glu1]GpTx-1(1-34)	{H}-ECLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	18
[Glu3]GpTx-1(1-34)	{H}-DCEGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	19
[Ala1]GpTx-1(1-34)	{H}-ACLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	20
[Ala3]GpTx-1(1-34)	{H}-DCAGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	21
[Ala5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	22
[Ala6]GpTx-	{H}-DCLGFARKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	23

1(1-34)	{Amida}	
[Glu4]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLEFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	24
[Glu8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRECIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	25
[Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	26
[Glu13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDEDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	27
[Glu15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDECCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	28
[Glu27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTEKWCKYVF-{Amida}	29
[Glu29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKECKYVF-{Amida}	30
[Glu31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCEYVF-{Amida}	31
[Glu32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKEVF-{Amida}	32
[Glu33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYEF-{Amida}	33
[Glu34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVE-{Amida}	34
GpTx-1(1-34)-Glu	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFE-{Amida}	35
Lys-GpTx-1(1-34)	{H}-KDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	36
[Lys1]GpTx-1(1-34)	{H}-KCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	37
[Lys3]GpTx-1(1-34)	{H}-DCKGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	38
[Lys4]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLKFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	39
[Lys7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMKKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	40
[Lys10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCKPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	41

[Lys12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPKNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	42
[Ala7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMAKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	43
[Ala8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRACIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	44
[Ala10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCAPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	45
[Ala11]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIADNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	46
[Ala29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKACKYVF-{Amida}	47
[Lys13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDKDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	48
[Lys18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCKPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	49
[Lys19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRKNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	50
[Lys20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPKLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	51
[Lys22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLKCSRTHKWCKYVF-{Amida}	52
[Lys25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSKTHKWCKYVF-{Amida}	53
[Lys26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRKHKWCKYVF-{Amida}	54
[Lys27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTKKWCKYVF-{Amida}	55
[Lys29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKKCKYVF-{Amida}	56
[Lys32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKKVF-{Amida}	57
[Lys33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYKF-{Amida}	58
[Lys34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVK-{Amida}	59
GpTx-1(1-	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFK-	60

34)-Lys	{Amida}	
Arg-GpTx-1(1-34)	{H}-RDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	61
[Arg1]GpTx-1(1-34)	{H}-RCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	62
[Arg4]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLRFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	63
[Arg6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFRRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	64
[Arg8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRRCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	65
[Arg10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCRPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	66
[Arg12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPRNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	67
[Arg15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDRCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	68
[Arg20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPRLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	69
[Arg26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRRHKWCKYVF-{Amida}	70
[Arg27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTRKWCKYVF-{Amida}	71
[Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	72
[Arg31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCRYVF-{Amida}	73
[Arg33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYRF-{Amida}	74
[Arg34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVR-{Amida}	75
GpTx-1(1-34)-Arg	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFR-{Amida}	76
[1-Nal1]GpTx-1(1-34)	{H}-[1-Nal]CLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	77
[1-	{H}-DCLGFMRKC[1-	78

Nal10]GpTx-1(1-34)	Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	
[1-Nal29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[1-Nal]CKYVF-{Amida}	79
[1-Nal34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	80
[Trp1]GpTx-1(1-34)	{H}-WCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	81
[Trp5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGWMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	82
[Trp10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCWPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	83
[Trp27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTWKWCKYVF-{Amida}	84
[Trp32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	85
[Trp34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVW-{Amida}	86
GpTx-1(1-34)-Trp	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFW-{Amida}	87
[Ile5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGIMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	88
[Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	89
[Asn10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCNPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	90
[Ser12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPSNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	91
[Gln15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDQCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	92
[Ser-Ser19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRSSNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	93
[Lys26;Thr27]GpTx-1(1-	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRKTKWCKYVF-{Amida}	94

34)		
[Gln33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYQF-{Amida}	95
[Ile34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVI-{Amida}	96
[Tyr1]GpTx-1(1-34)	{H}-YCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	97
[Gln3]GpTx-1(1-34)	{H}-DCQGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	98
[Lys32;1-Nal34]GpTx-1(1-34)-Trp	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKKV[1-Nal]W-{Amida}	99
Ala-GpTx-1(1-34)	{H}-ADCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	100
[Ala34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVA-{Amida}	101
[Glu22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLECSRTHKWCKYVF-{Amida}	102
[Arg13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDRDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	103
[Arg29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKRCKYVF-{Amida}	104
[1-Nal5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[1-Nal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	105
Trp-GpTx-1(1-34)	{H}-WDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	106
GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Ácido Libre}	107
GpTx-1(2-34)	{H}-CLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	108
[Phe27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTFKWCKYVF-{Amida}	109
[Tyr27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTYKWCKYVF-{Amida}	110
[Leu27]GpTx-	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTLKWCKYVF-	111

1(1-34)	{Amida}	
[Phe29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKFCKYVF-{Amida}	112
[Tyr29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKYCKYVF-{Amida}	113
[Leu29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKLCKYVF-{Amida}	114
[Cit7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFM[Cit]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	115
[Cit18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[Cit]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	116
[Cit25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Cit]THKWCKYVF-{Amida}	117
[Thr8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRTCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	118
[Asp10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	119
[Met21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNMVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	120
[Leu26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	121
[Leu34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVL-{Amida}	122
[Nle6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	123
[2-Abu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[2-Abu]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	124
[2-Abu2,17]GpTx-1(1-34)	{H}-D[2-Abu]LGFMRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	125
[Gly19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRGNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	126

[Lys32]GpTx-1(1-34)-Trp	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKKVFW-{Amida}	127
[2-Nal5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Nal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	128
[2-Nal29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[2-Nal]CKYVF-{Amida}	129
[2-Nal34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2-Nal]-{Amida}	130
GpTx-1(1-34)-2-Nal	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[2-Nal]-{Amida}	131
Ac-GpTx-1(1-34)	{Acetil}DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	132
GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFW {Ácido Libre}	133
[Glu18;desAsn20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCEGLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	134
[2-Abu9,23]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRK[2-Abu]IPDNDKCCRPNLV[2-Abu]SRTHKWCKYVF-{Amida}	135
[2-Nal5,34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Nal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2-Nal]-{Amida}	136
[2-Nal5;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Nal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	137
[1-Nal34]GpTx-1(1-34)-Trp	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]W-{Amida}	138
[2-Nal34]GpTx-1(1-34)-Trp	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2-Nal]W-{Amida}	139

[Ala2,17]GpTx-1(1-34)	{H}-DALGFMRKCIPDNDKCARPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	140
[Ala4]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLAFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	141
[Ala24]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCARTHKWCKYVF-{Amida}	142
[Glu5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGEMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	143
[Glu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFERKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	144
[Glu7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMEKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	145
[Glu10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	146
[Glu11]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIEDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	147
[Glu18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCEPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	148
[Glu20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPELVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	149
[Glu24]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCERTHKWCKYVF-{Amida}	150
[Glu25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	151
[Glu26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	152
[Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	153
[Lys6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFKRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	154
[Arg3]GpTx-1(1-34)	{H}-DCRGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	155
[Arg5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGRMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	156
[Arg19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRRNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	157
[Arg22]GpTx-	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLRCSRTHKWCKYVF-	158

1(1-34)	{Amida}	
[Arg32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKRVF-{Amida}	159
[1-Nal4]GpTx-1(1-34)	{H}-DCL[1-Nal]FMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	160
[1-Nal6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[1-Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	161
[1-Nal12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIP[1-Nal]NDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	162
[1-Nal13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPD[1-Nal]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	163
[1-Nal20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRP[1-Nal]LVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	164
[1-Nal21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPN[1-Nal]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	165
[1-Nal27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[1-Nal]KWCKYVF-{Amida}	166
[1-Nal32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-Nal]VF-{Amida}	167
[1-Nal33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	168
[Trp4]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLWFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	169
[Trp6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	170
[Trp11]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIWDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	171
[Trp12]GpTx-	{H}-DCLGFMRKCIPWNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	172

1(1-34)	{Amida}	
[Trp13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDWDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	173
[Trp18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCWPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	174
[Trp20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPWLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	175
[Trp21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNWVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	176
[Trp22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLWCSRTHKWCKYVF-{Amida}	177
[Trp26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRWHKWCKYVF-{Amida}	178
[Trp31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCWYVF-{Amida}	179
[Trp33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYWF-{Amida}	180
[Ser19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRSNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	181
[Gln33;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYQ[1-Nal]-{Amida}	182
[Arg28;Gln33;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYQ[1-Nal]-{Amida}	183
[Arg20;Gln33;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPRLVCSRTHKWCKYQ[1-Nal]-{Amida}	184
[Arg20,28;Gln33;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPRLVCSRTHRWCKYQ[1-Nal]-{Amida}	185
[Arg15;Gln33;1-Nal34]GpTx-	{H}-DCLGFMRKCIPDNDRCCRPNLVCSRTHKWCKYQ[1-Nal]-{Amida}	186

1(1-34)		
Arg-GpTx-1(1-34)-Trp	{H}-RDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFW-{Amida}	187
[PE1]GpTx-1(1-34)	{H}-[PE]CLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	188
[Ile1]GpTx-1(1-34)	{H}-ICLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	189
[Pro1]GpTx-1(1-34)	{H}-PCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	190
[Ser1]GpTx-1(1-34)	{H}-SCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	191
[Thr1]GpTx-1(1-34)	{H}-TCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	192
[Leu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPLNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	193
[Gly12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPGNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	194
[Ile12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPINDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	195
[Thr12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPTNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	196
[Tyr12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPYNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	197
[Gly20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPGLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	198
[Phe20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPFLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	199
[Tyr20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPYLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	200
1-Nal-GpTx-1(1-34)	{H}-[1-Nal]DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	201
[Trp3]GpTx-1(1-34)	{H}-DCWGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	202
[1-	{H}-DC[1-	203

Nal3]GpTx-1(1-34)	Nal]GFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	
[Lys5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGKMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	204
[Trp7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMWKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	205
[1-Nal7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFM[1-Nal]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	206
[Trp8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRWCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	207
[1-Nal8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMR[1-Nal]CIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	208
[Lys11]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIKDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	209
[Arg11]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIRDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	210
[1-Nal11]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCI[1-Nal]DNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	211
[Ala14]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNAKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	212
[Glu14]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNEKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	213
[Lys14]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNKKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	214
[Arg14]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNRKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	215
[Trp14]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNWKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	216
[1-Nal14]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDN[1-Nal]KCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	217
[Trp15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDWCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	218
[1-	{H}-DCLGFMRKCIPDND[1-	219

Nal15]GpTx-1(1-34)	Nal]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	
[Ala18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCAPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	220
[1-Nal18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[1-Nal]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	221
[Ala19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRANLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	222
[Glu19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRENLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	223
[Trp19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRWNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	224
[1-Nal19]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCR[1-Nal]NLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	225
[Ala21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNAVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	226
[Glu21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNEVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	227
[Lys21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNKVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	228
[Arg21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNRVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	229
[1-Nal22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[1-Nal]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	230
[Lys24]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCKRTHKWCKYVF-{Amida}	231
[Arg24]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCRRTHKWCKYVF-{Amida}	232
[Trp24]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCWRTHKWCKYVF-{Amida}	233
[1-Nal24]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVC[1-Nal]RTHKWCKYVF-{Amida}	234
[Trp25]GpTx-	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSWTHKWCKYVF-	235

1(1-34)	{Amida}	
[1-Nal25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[1-Nal]THKWCKYVF-{Amida}	236
[1-Nal26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSR[1-Nal]HKWCKYVF-{Amida}	237
[Trp28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHWWCKYVF-{Amida}	238
[1-Nal28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[1-Nal]WCKYVF-{Amida}	239
[1-Nal31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWC[1-Nal]YVF-{Amida}	240
GpTx-1(1-34)-1-Nal	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[1Nal]-{Amida}	241
[Bip5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Bip]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	242
[Cha5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Cha]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	243
[Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	244
[Cha6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[Cha]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	245
[1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	246
[pI-Phe5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[pI-Phe]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	247
[Ile33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYIF-{Amida}	248

[pI-Phe33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[pI-Phe]F-{Amida}	249
[1'NMeW33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1'NMeW]F-{Amida}	250
[Arg28;1-Nal32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCK[1-Nal]VF-{Amida}	251
[Ala5;Trp33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYWF-{Amida}	252
[Ala5;Trp32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	253
[Ala5;1-Nal32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-Nal]VF-{Amida}	254
[Ala5;Leu26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	255
[Ala5;1-Nal6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[1-Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	256
[Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	257
[Ala5;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	258
[Ala5;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	259

[Ala5;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	260
[Ala5;Trp6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	261
[Ala5;Phe6;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	262
[Ala5;Phe6;Leu26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	263
[1'NMeW5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[1'NMeW]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	264
[Gly5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGGMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	265
[His5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGHMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	266
[Leu5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGLMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	267
[Met5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGMMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	268
[Pro5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGPMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	269
[Thr5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGTMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	270
[Tyr5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGYMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	271
[Val5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	272
[D-Phe5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGfMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	273
[NMeTrp5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMeTrp]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV	274

	F-{Amida}	
[Phg5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Phg]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	275
[4CO2-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4CO2-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	276
[2PAL5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2PAL]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	277
[Asn6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFNRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	278
[Gln6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFQRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	279
[Gly6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFGRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	280
[His6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFHRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	281
[Ile6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFIRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	282
[Pro6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFPRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	283
[Ser6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFSRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	284
[Thr6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFTRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	285
[Tyr6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFYRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	286
[Val6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFVRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	287
[Phg6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[Phg]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	288
[NMeTrp6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[NMeTrp]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	289
[NMePhe6]GpT	{H}-	290

x-1(1-34)	DCLGF[NMePhe]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV F-{Amida}	
[pI-Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[pI-Phe]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	291
[1'NMeW6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[1'NMeW]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV F-{Amida}	292
[4CO2-F6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[4CO2-F]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	293
[2PAL6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[2PAL]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	294
[K(Me2)7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFM[K(Me2)]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV F-{Amida}	295
[SDMA7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFM[SDMA]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	296
[SDMA8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMR[SDMA]CIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	297
[K(Me2)8]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMR[K(Me2)]CIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV F-{Amida}	298
[Tyr10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCYPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	299
[NMeTrp10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[NMeTrp]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV F-{Amida}	300
[Val10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCVPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	301
[Phe10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCFPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	302
[Leu10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCLPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	303

[His10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCHPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	304
[Ser10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCSPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	305
[Met10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCMPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	307
[Pro10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCPPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	308
[Thr10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCTPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	309
[4CO2-F10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[4CO2-F]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	310
[2PAL10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[2PAL]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	311
[SDMA15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDND[SDMA]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	312
[K(Me2)15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDND[K(Me2)]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	313
[K(Me2)18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[K(Me2)]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	314
[SDMA18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[SDMA]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	315
[2PAL18]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[2PAL]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	316
[4CO2-F21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPN[4CO2-F]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	317
[2PAL21]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPN[2PAL]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	318

[Phe22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLFCSRTHKWCKYVF-{Amida}	319
[Pro22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLPCSRTHKWCKYVF-{Amida}	320
[Ile22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLICSRTHKWCKYVF-{Amida}	321
[Leu22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLLCSRTHKWCKYVF-{Amida}	322
[Ser22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLSCSRTHKWCKYVF-{Amida}	323
[Gly22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLGCSRTHKWCKYVF-{Amida}	324
[Asn22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLNCSRTHKWCKYVF-{Amida}	325
[His22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLHCSRTHKWCKYVF-{Amida}	326
[Asp22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLDCSRTHKWCKYVF-{Amida}	327
[NMePhe22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[NMePhe]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	328
[Thr22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLTCSRTHKWCKYVF-{Amida}	329
[Phg22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[Phg]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	330
[Tyr22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLYCSRTHKWCKYVF-{Amida}	331
[Met22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLMCSRTHKWCKYVF-{Amida}	332
[4CO2-F22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[4CO2-F]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	333
[2PAL22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[2PAL]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	334
[K(Me2)25]Gp	{H}-	335

Tx-1(1-34)	DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[K(Me2)]THKWCKYVF-{Amida}	
[SDMA25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[SDMA]THKWCKYVF-{Amida}	336
[His26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRHHKWCKYVF-{Amida}	337
[Ser26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRSHKWCKYVF-{Amida}	338
[Gln26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRQHKWCKYVF-{Amida}	339
[Tyr26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRYHKWCKYVF-{Amida}	340
[Phe26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRFHKWCKYVF-{Amida}	341
[Asn26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRNHKWCKYVF-{Amida}	342
[Gly26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRGHKWCKYVF-{Amida}	343
[Val26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRVHKWCKYVF-{Amida}	344
[Pro26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRPHKWCKYVF-{Amida}	345
[Met26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRMHKWCKYVF-{Amida}	346
[Asp26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRDHKWCKYVF-{Amida}	347
[Ile26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRIHKWCKYVF-{Amida}	348
[2PAL26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSR[2PAL]HKWCKYVF-{Amida}	349
[4CO2-F26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSR[4CO2-F]HKWCKYVF-{Amida}	350
[4CO2-F27]GpTx-	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[4CO2-F]KWCKYVF-{Amida}	351

1(1-34)		
[2PAL27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[2PAL]KWCKYVF-{Amida}	352
[SDMA27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[SDMA]KWCKYVF-{Amida}	353
[K(Me2)27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[K(Me2)]KWCKYVF-{Amida}	354
[K(Me2)28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[K(Me2)]WCKYVF-{Amida}	355
[SDMA28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[SDMA]WCKYVF-{Amida}	356
[NMeTrp29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[NMeTrp]CKYVF-{Amida}	357
[pI-Phe29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[pI-Phe]CKYVF-{Amida}	358
[NMePhe29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[NMePhe]CKYVF-{Amida}	359
[Bip29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[Bip]CKYVF-{Amida}	360
[1'NMeW29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[1'NMeW]CKYVF-{Amida}	361
[Phg29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[Phg]CKYVF-{Amida}	362
[4CO2-F29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[4CO2-F]CKYVF-{Amida}	363

[2PAL31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWC[2PAL]YVF-{Amida}	364
[SDMA31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWC[SDMA]YVF-{Amida}	365
[Gln32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKQVF-{Amida}	366
[Ile32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKIVF-{Amida}	367
[Met32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKMVF-{Amida}	368
[Thr32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKTVF-{Amida}	369
[NMePhe32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[NMePhe]VF-{Amida}	370
[NMeTrp32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[NMeTrp]VF-{Amida}	371
[Val32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKVVF-{Amida}	372
[Leu32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKLVF-{Amida}	373
[Phg32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Phg]VF-{Amida}	374
[Cha32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Cha]VF-{Amida}	375
[Bip32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Bip]VF-{Amida}	376
[Phe32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKFVF-{Amida}	377
[Gly32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKGVF-{Amida}	378

[Asn32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKNVF-{Amida}	379
[His32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKHVF-{Amida}	380
[pI-Phe32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[pI-Phe]VF-{Amida}	381
[Ser32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKSVF-{Amida}	382
[Pro32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKPVF-{Amida}	383
[2PAL32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[2PAL]VF-{Amida}	384
[4CO2-F32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[4CO2-F]VF-{Amida}	385
[Cha33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[Cha]F-{Amida}	386
[NMePhe33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[NMePhe]F-{Amida}	388
[NMeTrp33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[NMeTrp]F-{Amida}	389
[Phe33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYFF-{Amida}	390
[Met33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYMF-{Amida}	391
[His33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYHF-{Amida}	392
[Phg33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[Phg]F-{Amida}	393
[Asn33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYNF-{Amida}	394

[Asp33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYDF-{Amida}	395
[Thr33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYTF-{Amida}	396
[Ser33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYSF-{Amida}	397
[Pro33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYPF-{Amida}	398
[Tyr33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYYF-{Amida}	399
[Leu33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYLF-{Amida}	400
[Gly33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYGF-{Amida}	401
[2PAL33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[2PAL]F-{Amida}	402
[4CO2-F33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[4CO2-F]F-{Amida}	403
[D-Phe34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVf-{Amida}	404
[Cha34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[Cha]-{Amida}	405
[Phg34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[Phg]-{Amida}	406
[NMeTrp34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[NMeTrp]-{Amida}	407
[NMePhe34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[NMePhe]-{Amida}	408
[1'NMeW34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1'NMeW	409

	]-{Amida}	
[4CO2-F34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[4CO2-F]-{Amida}	410
[2PAL34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2PAL]-{Amida}	411
GpTx-1(1-34)-2-Nal	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[2-Nal]-{Amida}	412
GpTx-1(1-34)-4CO2-F	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[4CO2-F]-{Amida}	413
GpTx-1(1-34)-2PAL	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[2PAL]-{Amida}	414
GpTx-1(1-33)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV-{Amida}	415
GpTx-1(1-32)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY-{Amida}	416
GpTx-1(1-31)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK-{Amida}	417
GpTx-1(1-30)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWC-{Amida}	418
[Ala5;Glu33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYEF-{Amida}	419
[Ala5;Arg28;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKY[1-Nal]F-{Amida}	420
[Ala5;1-Nal20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRP[1-Nal]LVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	421
[Ala5;Trp20]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPWLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	422
[Ala5;Trp12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPWNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	423

[Trp4;Ala5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLWAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	424
[1-Nal1;Ala5]GpTx-1(1-34)	{H}-[1-Nal]CLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	425
[Ala5,33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYAF-{Amida}	426
[Ala5;1-Nal13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPD[1-Nal]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	427
[Ala5;Trp13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDWDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	428
[Glu4;Ala5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLEAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	429
[Ala5;Glu34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVE-{Amida}	430
[Ala5,34]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVA-{Amida}	431
[Ala5,32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKAVF-{Amida}	432
[Ala5,31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCAYVF-{Amida}	433
[Ala5,29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKACKYVF-{Amida}	434
[Ala5;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	435
[Ala5;Glu7]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMEKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	436
[Ala5;Glu29]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKECKYVF-{Amida}	437
[Ala5;Glu25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	438
[Ala5;Glu15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDECCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	439
[1-Nal10;Trp32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	440

[1-Nal10;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	441
[Arg28;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKY[1-Nal]F-{Amida}	442
[Arg28;Trp32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKWVF-{Amida}	443
[Arg28;Trp33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYWF-{Amida}	444
[Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	445
[Leu26;Trp32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKWVF-{Amida}	446
[Leu26;Trp33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYWF-{Amida}	447
[Trp6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	448
[Trp6,32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	449
[Trp32,33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWWF-{Amida}	450
[1-Nal6;Trp32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGF[1-Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	451
[1-Nal10,32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-Nal]VF-{Amida}	452
[Leu26;1-Nal32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCK[1-Nal]VF-{Amida}	453
[1-	{H}-DCLGF[1-	454

Nal6;Arg28]GpTx-1(1-34)	Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	
[Trp32;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKW[1-Nal]F-{Amida}	455
[Trp6;Leu26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	456
[1-Nal10;Leu26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	457
[Trp6;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFWRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	458
[1-Nal10;Trp12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PWNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	459
[1-Nal32;Trp33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-Nal]WF-{Amida}	460
[Trp6;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	461
[1-Nal10,33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	462
[Leu26;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	463
Trp-[1-Nal10]GpTx-1(1-34)	{H}-WDCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	464
[Trp1;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	{H}-WCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	465
[1-Nal1,10]GpTx-1(1-34)	{H}-[1-Nal]CLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	466

GpTx-2	{H}-DCLGFMRKCSPDNDKCCRPNLVCSRKHKWCKYEI-{Amida}	467
GpTx-3	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCEGYKCNRRDKWCKYKL-{Amida}	468
GpTx-4	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCENYKCNRREQWCKYKL-{Amida}	469
GpTx-5(1-35)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFK-{Ácido Libre}	470
GpTx-6(1-35)	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCEGYKCNRRDKWCKYKLWK-{Ácido Libre}	471
GpTx-6(1-34)	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCEGYKCNRRDKWCKYKLW-{Ácido Libre}	472
GpTx-7(1-35)	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCENYKCNRRDKWCKYKLWK-{Ácido Libre}	473
GpTx-7(1-34)	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCENYKCNRRDKWCKYKLW-{Ácido Libre}	474
[Phe6;Atz(20 kDa PEG)13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFFRKCIPD[Atz(20kDa PEG)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	590
[Phe6;Atz13] GpTx-1(1-34)	DCLGFFRKCIPD[Atz]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF{Amida}	591
[Phe6,Atz(20 kDa Peg)28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Atz(20kDa PEG)]WCKYVF-{Amida}	593
[Phe6,Atz(20 kDa Peg)22]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNL[Atz(20kDa PEG)]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	594
[1-Nal10;Glu29] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKECKYVF-{Amida}	595
[3Pal5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[3Pal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	596
[Ala5;Phe6;T	{H}-DCLGAFRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-	597

yr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{Ácido Libre}	
[Ala5;Leu6;Gly28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHGWCKYVF-{Ácido Libre}	598
[Ala5;Leu6;His28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHHWCKYVF-{Ácido Libre}	599
[Ala5;Leu6]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Ácido Libre}	600
[Ala5;Leu6;Asn28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHNWCKYVF-{Ácido Libre}	601
[D-Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGaFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	602
[bAla5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[bAla]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	603
[Aib5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Aib]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	604
[2-Abu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	605
[Nva5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nva]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	606
[Nle5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nle]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	607
[OctylG5;Phe	{H}-	608

6]GpTx-1(1-34)	DCLG[OctylG]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	
[Tle5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Tle]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	609
[hLeu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[hLeu]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	610
[Met5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGMFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	611
[Leu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGLFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	612
[3Pal5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[3Pal]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	613
[Thi5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Thi]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	614
[Cpg5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Cpg]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	615
[Chg5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Chg]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	616
[Ser5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGSFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	617
[Val5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	618
[4-Bz-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-Bz-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	619
[DiMeO-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[DiMeO-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	620
[DiCl-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[DiCl-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	621

[pI-Phe5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[pI-Phe]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	622
[4CF3-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4CF3-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	623
[4-F-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-F-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	624
[4-Me-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-Me-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	625
[4tBu-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4tBu-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	626
[NMeVal5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMeVal]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	627
[NMeLeu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMeLeu]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	628
[NMePhe5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMePhe]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	629
[2-Cl-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Cl-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	630
[hPhe5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[hPhe]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	631
[Sar5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Sar]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	632
[D-Ala5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGaLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	633
[bAla5;Leu6]	{H}-	634

GpTx-1(1-34)	DCLG[bAla]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	
[Aib5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Aib]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	635
[2-Abu5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	636
[Nva5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	637
[Nle5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nle]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	638
[OctylG5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[OctylG]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	639
[Ala5,Phe6,Pra13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	640
[Met5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGMLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	641
[3Pal5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[3Pal]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	642
[Ser5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGSLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	643
[Val5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	644
[DiMeO-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[DiMeO-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	645
[Sar5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Sar]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	646
[D-	{H}-DCLGaMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	647

Ala5]GpTx-1(1-34)	{Amida}	
[bAla5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[bAla]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	648
[2-Abu5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	649
[Nva5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nva]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	650
[Nle5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nle]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	651
[DiMeO-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[DiMeO-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	652
[DiCl-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[DiCl-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	653
[4CF3-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4CF3-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	654
[4-F-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-F-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	655
[NMeVal5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMeVal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	656
[NMePhe5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMePhe]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	657
[Sar5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Sar]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	658
[Tle5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Tle]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	659

	{Amida}	
[hLeu5;Leu6] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[hLeu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	660
[Leu5,6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGLLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	661
[Thi5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Thi]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	662
[Cpg5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Cpg]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	663
[Chg5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Chg]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	664
[4-Bz-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-Bz-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	665
[DiCl-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[DiCl-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	666
[pI-Phe5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[pI-Phe]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	667
[4CF3-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4CF3-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	668
[4-F-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-F-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	669
[4-Me-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-Me-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	670
[4tBu-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4tBu-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	671
[NMeVal5;Leu	{H}-	672

6]GpTx-1(1-34)	DCLG[NMeVal]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	
[NMeLeu5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMeLeu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	673
[NMePhe5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMePhe]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	674
[2-Cl-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Cl-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	675
[hPhe5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[hPhe]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	676
[OctylG5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[OctylG]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	677
[Tle5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Tle]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	678
[hLeu5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[hLeu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	679
[Cha5;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Cha]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	680
[Cha5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Cha]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	681
[Thi5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Thi]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	682
[Cpg5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Cpg]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	683
[Chg5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Chg]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	684

	{Amida}	
[4-Bz-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-Bz-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	685
[4-Me-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4-Me-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	686
[4tBu-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[4tBu-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	687
[NMeLeu5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[NMeLeu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	688
[2-Cl-F5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Cl-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	689
[hPhe5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[hPhe]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	690
[Ala5;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	691
[Ala5;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	692
[Met5;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGMMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	693
[Arg4;Met5]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLRMMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	694
[Ser19;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRSNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	695
[Ala5;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	696
[Ala5;Gly6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAGRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	697
[Ala5;Tyr6]G	{H}-DCLGAYRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	698

pTx-1(1-34)	{Amida}	
[Ala5;1'NMeW6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[1'NMeW]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	699
[Ala5;Asp10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	700
[Ala5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCDPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	701
[Ala5;Phe6;Asp10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	702
[Ala5;Phe6;Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	703
[Val5;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	704
[Nva5;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nva]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	705
[2-Abu5;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	706
[2-Abu5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	707
[Nva5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	708
[Val5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	709
[Val5;Asp10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	710
[Val5;Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVMRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	711

[Val5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVMRKCDPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	712
[Val5;Cit25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGVMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Cit]THKWCKYVF-{Amida}	713
[Thr5;Asp10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGTMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	714
[Ala5;Gly28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHGWCKYVF-{Amida}	715
[2-Abu2,17;Ala5;Asp10]GpTx-1(1-34)	{H}-D[2-Abu]LGAMRKCDPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	716
[2-Abu2,17;Nva5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-D[2-Abu]LG[Nva]LRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	717
[2-Abu2,5,17;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-D[2-Abu]LG[2-Abu]LRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	718
[2-Abu2,17;Ala5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-D[2-Abu]LGALRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	719
[2-Abu2,17;Val5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-D[2-Abu]LGVLRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	720
[Ala5;Nle6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	721
[Ala5;Nle6;Glu10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[Nle]RKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	722
[Ala5;Leu6;G	{H}-DCLGALRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	723

lu10]GpTx-1(1-34)	{Amida}	
[Ala5;Phe6;Glu10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	724
[Ala5;Nle6;Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	725
[Ala5;Leu6;Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	726
[Ala5;Nle6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	727
[Ala5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	728
[Ala5;Phe6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	729
[Ala5,25;Nle6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	730
[Ala5,25;Leu6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	731
[Ala5,25;Phe6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	732
[Ala5;Nle6;Glu25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	733
[Ala5;Leu6;Glu25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	734
[Ala5;Phe6;Glu25]GpTx-	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	735

1(1-34)		
[Phe6,Pra15] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFFRKCIPDND[Pra]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	736
[Ala5;His28] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHHWCKYVF-{Amida}	737
[Ala5;Ser28] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHSWCKYVF-{Amida}	738
[Ala5;Gln28] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	739
[Ala5;3Pal28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[3Pal]WCKYVF-{Amida}	740
[Ala5;4-aminoF28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[4-aminoF]WCKYVF-{Amida}	741
[Ala5;K(Ac)28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[K(Ac)]WCKYVF-{Amida}	742
[Ala5;SDMA28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[SDMA]WCKYVF-{Amida}	743
[Ala5;hArg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[hArg]WCKYVF-{Amida}	744
[Ala5;R(Me)28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[R(Me)]WCKYVF-{Amida}	745
[Ala5;Orn28] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Orn]WCKYVF-{Amida}	746
[Ala5;Dap28] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Dap]WCKYVF-{Amida}	747
[Ala5;Cit28] GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Cit]WCKYVF-{Amida}	748

[Ala5;HCit28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[HCit]WCKYVF-{Amida}	749
[Asp28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	750
[Gly5;Val6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGGVRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	751
[Gly5;Ile6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGGIRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	752
[2-Abu5;Nle6]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	753
[Gly5;Phe6;Glu10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGGFRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	754
[Gly5;Phe6;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGGFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	755
4-Pen-[Ala5;Phe6;2-Abu13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{4-Pen}-DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	756
4-Pen-[Ala5;Phe6;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	{4-Pen}-DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	757
4-Pen-[2-Abu5,13;Leu6]GpTx-1(1-34)	{4-Pen}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	758
4-Pen-[Nva5;Leu6;2-Abu13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{4-Pen}-DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	759
4-Pen-	{4-Pen}-DCLG[Nva]LRKCIPD[2-	760

[Nva5;Leu6;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	Abu]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	
[Ala5;Guf28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Guf]WCKYVF-{Amida}	761
[Ala5;Dab28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Dab]WCKYVF-{Amida}	762
[Gln28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	763
[Ala5;Phe28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHFWCKYVF-{Amida}	764
[Ala5;Tyr28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHYWCKYVF-{Amida}	765
[Ala5;Leu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHLWCKYVF-{Amida}	766
[Ala5;Asn28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHNWCKYVF-{Amida}	767
[Ala5;Cit25]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Cit]THKWCKYVF-{Amida}	768
[Ala5;Asp28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	769
[Ala5;Met28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHMWCKYVF-{Amida}	770
[Ala5;K(Me)28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[K(Me)]WCKYVF-{Amida}	771
[pS28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[pS]WCKYVF-{Amida}	772
[Thr5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGTMRKCDPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	773
[1-Nal10;Glu33]	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYEF-{Amida}	774

GpTx-1(1-34)		
[1-Nal10;Glu32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKEVF-{Amida}	775
[1-Nal10;Glu31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCEYVF-{Amida}	776
[1-Nal10;Ala33]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYAF-{Amida}	777
[1-Nal10;Ala32]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKAVF-{Amida}	778
[1-Nal10;Ala31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCAYVF-{Amida}	779
[1-Nal10;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	780
[1-Nal10;Glu15]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDECCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	781
[Glu8;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGFMREC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	782
[Glu4;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLEFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	783
[1-Nal1;Glu8]GpTx-1(1-34)	{H}-[1-Nal]CLGFMRECIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	784
[1-Nal1;Glu7]GpTx-1(1-34)	{H}-[1-Nal]CLGFMEKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	785
[1-Nal1;Glu6]GpTx-1(1-34)	{H}-[1-Nal]CLGFERKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	786

[Ala5;Glu26]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	787
[Ala5;Glu27]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTEKWCKYVF-{Amida}	788
[Ala5;Glu31]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCEYVF-{Amida}	789
[Ala5]GpTx-1(1-34)-Glu	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFE-{Amida}	790
[Ala5,Met(O)6]GpTx-1 isomer1	{H}-DCLGA[METO1]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	791
[Ala5,Met(O)6]GpTx-1 isomer2	{H}-DCLGA[METO1]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	792
[Ala5;Phe6;Pra13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	793
[Ala5;Phe6;K(Ac-Pra)13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[K(Ac-Pra)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	794
[Ala5;Phe6;K(Ac-Pra)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[K(Ac-Pra)]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	795
[Ala5;Leu6,26;Pra13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	796
[2-Abu5;Leu6;Pra13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	797
[Ala5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Arg28]G	{H}-DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	798

pTx-1(1-34)		
[2-Abu5;Leu6;K(Ac-Pra)13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[K(Ac-Pra)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	799
[Ala5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	800
[2-Abu5;Leu6;K(4-Pen)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	801
[Ala5;Leu6,26;Pra12;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIP[Pra]NDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	802
[Ala5;Phe6;Pra12;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIP[Pra]NDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	803
[2-Abu5;Phe6;K(4-Pen)13]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]FRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	804
[Nva5;Leu6;K(4-Pen)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	805
[Nva5;Leu6;K(4-Pen)13]GpTx-	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	806

1(1-34)		
4-Pen-[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{4-Pen}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	807
[2-Abu5;Leu6;K(4-Pen)13;Glu28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	808
[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	809
[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	810
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	811
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	812
[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-{Ácido Libre}	813
[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-{Ácido Libre}	814
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-{Ácido Libre}	815

Ácido Libre		
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-{Ácido Libre}	816
[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	817
[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	818
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	819
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	820
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	821
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	822
[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	823

Ácido Libre		
[Ala5,28;Phe6]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHAWCKYVF-{Ácido Libre}	824
[Ala5;Phe6;Asp28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Ácido Libre}	825
[Ala5;Phe6;Glu28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Ácido Libre}	826
[Ala5;Phe6;Gly28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHGWCKYVF-{Ácido Libre}	827
[Ala5;Phe6;His28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHHWCKYVF-{Ácido Libre}	828
[Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Ácido Libre}	829
[Ala5;Phe6;Leu28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHLWCKYVF-{Ácido Libre}	830
[Ala5;Phe6;Met28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHMWCKYVF-{Ácido Libre}	831
[Ala5;Phe6;Asn28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHNWCKYVF-{Ácido Libre}	832
[Ala5;Phe6;P	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHPWCKYVF-	833

ro28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{Ácido Libre}	
[Ala5;Phe6;Gln28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Ácido Libre}	834
[Ala5;Phe6;Ser28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHSWCKYVF-{Ácido Libre}	835
[Ala5,13;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	836
[Ala5;Phe6;Asp13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDDDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	837
[Ala5;Phe6;Glu13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDEDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	838
[Ala5;Phe6,13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	839
[Ala5;Phe6;Gly13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDGDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	840
[Ala5;Phe6;His13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDHDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	841
[Ala5;Phe6;Ile13;Arg28]G	{H}-DCLGAFRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	842

pTx-1(1-34)-Ácido Libre		
[Ala5;Phe6;Lys13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDKDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	843
[Ala5;Phe6;Leu13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDLDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	844
[Ala5;Phe6;Met13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	845
[Ala5;Phe6;Pro13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDPDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	846
[Ala5;Phe6;Gln13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDQDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	847
[Ala5;Phe6;Arg13,28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDRDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	848
[Ala5;Phe6;Ser13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	849
[Ala5;Phe6;Thr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDTDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	850
[Ala5;Phe6;Val13;Arg28]GpTx-1(1-34)-	{H}-DCLGAFRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	851

Ácido Libre		
[Ala5;Phe6;Trp13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGAFRKCIPDWDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	852
[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	853
[Ala5;Leu6;Asp28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Ácido Libre}	854
[Ala5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Ácido Libre}	855
[Ala5;Leu6,28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHLWCKYVF-{Ácido Libre}	856
[Ala5;Leu6;Met28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHMWCKYVF-{Ácido Libre}	857
[Ala5;Leu6;Gln28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Ácido Libre}	858
[Ala5;Leu6;Ser28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHSWCKYVF-{Ácido Libre}	859
[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	860

[Ala5;Leu6;Asp13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDDDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	861
[Ala5;Leu6;Glu13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDEDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	862
[Ala5;Leu6;Phe13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	863
[Ala5;Leu6;His13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDHDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	864
[Ala5;Leu6;Ile13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	865
[Ala5;Leu6;Lys13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDKDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	866
[Ala5;Leu6,13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDLDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	867
[Ala5;Leu6;Met13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	868
[Ala5;Leu6;Gln13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDQDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	869
[Ala5;Leu6;A	{H}-DCLGALRKCIPDRDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-	870

rg13,28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{Ácido Libre}	
[Ala5;Leu6;Ser13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	871
[Ala5;Leu6;Val13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	872
[Ala5;Leu6;Tyr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	{H}-DCLGALRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	873
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Gly-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFG-{Ácido Libre}	874
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Gly-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFG-{Ácido Libre}	875
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Gly-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFG-{Ácido Libre}	876
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ile-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFI-{Ácido Libre}	877

Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ile-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFI-{Ácido Libre}	878
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ile-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFI-{Ácido Libre}	879
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ile-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFI-{Ácido Libre}	880
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Leu-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFL-{Ácido Libre}	881
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Leu-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFL-{Ácido Libre}	882
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Leu-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFL-{Ácido Libre}	883
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFL-	884

6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Leu-Ácido Libre	{Ácido Libre}	
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ser-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFS-{Ácido Libre}	885
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ser-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFS-{Ácido Libre}	886
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ser-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFS-{Ácido Libre}	887
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ser-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFS-{Ácido Libre}	888
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Thr-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFT-{Ácido Libre}	889
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Thr-Ácido	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFT-{Ácido Libre}	890

Libre		
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Thr-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFT-{Ácido Libre}	891
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Thr-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFT-{Ácido Libre}	892
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Tyr-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFY-{Ácido Libre}	893
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Tyr-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFY-{Ácido Libre}	894
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Tyr-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFY-{Ácido Libre}	895
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Tyr-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFY-{Ácido Libre}	896
Gly-Ser-	{H}-	897

[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ala-Ácido Libre	GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFA -{Ácido Libre}	
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFA -{Ácido Libre}	898
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Phe-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFFA -{Ácido Libre}	899
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Tyr-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFYA -{Ácido Libre}	900
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Leu-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFLA -{Ácido Libre}	901
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ile-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFIA -{Ácido Libre}	902
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFAA -{Ácido Libre}	903

1(1-34)-Phe-Ala-Ala-Ácido Libre		
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ser-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFSA-{Ácido Libre}	904
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Thr-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFTA-{Ácido Libre}	905
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ala-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFAA-{Ácido Libre}	906
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Gly-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFGA-{Ácido Libre}	907
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFA -{Ácido Libre}	908
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFA -{Ácido Libre}	909

Phe-Ala-Ácido Libre		
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Phe-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFFA-{Ácido Libre}	910
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Tyr-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFYA-{Ácido Libre}	911
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Leu-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFLA-{Ácido Libre}	912
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ile-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFIA-{Ácido Libre}	913
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ala-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFAA-{Ácido Libre}	914
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ser-Ala-	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFSA-{Ácido Libre}	915

Ácido Libre		
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Thr-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFTA-{Ácido Libre}	916
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ala-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFAA-{Ácido Libre}	917
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Gly-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFGA-{Ácido Libre}	918
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFA-{Ácido Libre}	919
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFA-{Ácido Libre}	920
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ala-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFA-{Ácido Libre}	921
Gly-Ser-	{H}-	922

[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ala-Ácido Libre	GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFA-{Ácido Libre}	
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFFF-{Ácido Libre}	923
Gly-Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	924
Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	925
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	926
Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-SGGGGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	927
Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-	{H}-GSGGGGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	928

[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre		
Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSGGGGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	929
Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGSGGGGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	930
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	931
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	932
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-	{H}-GGGGSGGGGSDCLGAFRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	933

Ser-[Ala5,13;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre		
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	934
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Gly-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFGF-{Ácido Libre}	935
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	936
Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	937
Gly-Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	938
Gly-Gly-Gly-	{H}-	939

Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	GGGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	940
Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-SGGGGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	941
Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSGGGGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	942
Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSGGGGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	943
Gly-Gly-Gly-	{H}-	944

Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	GGGSGGGGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSDCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	945
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Gly13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDGDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	946
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Ser13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	947
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Ile13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	948
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Pro13;Arg28]G	{H}-GSDCLGALRKCIPDPDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	949

pTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre		
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Met13;Arg28]Gpx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	950
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Val13;Arg28]Gpx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	951
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Thr13;Arg28]Gpx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDTDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	952
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Phe13;Arg28]Gpx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	953
Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Tyr13;Arg28]Gpx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGALRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	954
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Gly13;Arg28]Gpx-1(1-34)-	{H}-GSDCLGAFRKCIPDGDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	955

Phe-Ácido Libre		
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Ser13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	956
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Ile13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	957
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Leu13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDLDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	958
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Met13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	959
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Val13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	960
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Thr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido	{H}-GSDCLGAFRKCIPDTDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	961

Libre		
Gly-Ser-[Ala5;Phe6,13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	962
Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Tyr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GSDCLGAFRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	963
Gly-Ile-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GIDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	964
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	965
Gly-Thr-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GTDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	966
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	967
Gly-Gly-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-	{H}-GGDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	968

Ácido Libre		
Gly-Phe-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GFDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	969
Gly-Tyr-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GYDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	970
Gly-Leu-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GLDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	971
Gly-Val-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GVDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	972
Gly-Ile-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GIDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	973
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	974
Gly-Thr-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GTDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	975
Gly-Ala-	{H}-	976

[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	GADCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	
Gly-Gly-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	977
Gly-Phe-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GFDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	978
Gly-Tyr-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GYDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	979
Gly-Leu-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GLDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	980
Gly-Val-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GVDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	981
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Gly13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDGDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	982
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;S	{H}-GADCLGAFRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-	983

er13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{Ácido Libre}	
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Ile13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	984
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Leu13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDLDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	985
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Met13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	986
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Val13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	987
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Thr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDTDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	988
Gly-Ala-[Ala5;Phe6,13;Arg28]GpTx	{H}-GADCLGAFRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	989

-1(1-34)-Phe-Ácido Libre		
Gly-Ala-[Ala5;Phe6;Tyr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGAFRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	990
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Gly13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDGDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	991
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Ser13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	992
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Ile13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	993
Gly-Ala-[Ala5;Leu6,13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDLDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	994
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Met13;Arg28]GpTx-1(1-34)-	{H}-GADCLGALRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	995

Phe-Ácido Libre		
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Val13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	996
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Thr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDTDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	997
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Phe13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	998
Gly-Ala-[Ala5;Leu6;Tyr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GADCLGALRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	999
Gly-Gly-[Ser1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1000
Gly-Gly-[Trp1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido	{H}-GGWCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1001

Libre		
Gly-Gly-[Phe1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGFCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1002
Gly-Gly-[Ile1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGICLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1003
Gly-Gly-Ser-[Ser1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSSCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1004
Gly-Gly-Ser-[Trp1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSWCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1005
Gly-Gly-Ser-[Phe1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSFCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1006
Gly-Gly-Ser-[Ile1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSICLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1007

Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ile1;Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSICLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1008
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Phe1;Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSFCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1009
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Trp1;Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSWCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1010
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ile1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSICLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1011
Gly-Gly-Gly-	{H}-	1012

Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Phe1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	GGGGSGGGGSFCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Trp1;Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSWCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1013
Gly-Gly-[Ser1;Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1014
Gly-Gly-[Trp1;Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGWCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1015
Gly-Gly-[Phe1,6;Ala5;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGFCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1016
Gly-Gly-[Ile1;Ala5;Phe6;Arg28]Gp	{H}-GGICLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1017

Tx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre		
Gly-Gly-Ser-[Ser1;Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSSCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1018
Gly-Gly-Ser-[Trp1;Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSWCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1019
Gly-Gly-Ser-[Phe1,6;Ala5;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSFCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1020
Gly-Gly-Ser-[Ile1;Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGSICLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1021
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ile1;Ala5,13;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSICLGAFRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1022
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-	{H}-GGGGSGGGGSFCLGAFRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWC	1023

Gly-Gly-Gly-Ser-[Phe1,6;Ala5,13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	KYVFF-{Ácido Libre}	
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Trp1;Ala5,13;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSWCLGAFRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1024
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Ile1;Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSICLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1025
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-[Phe1,6;Ala5;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	{H}-GGGGSGGGGSFCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1026
Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-Gly-Gly-Gly-Gly-Ser-	{H}-GGGGSGGGGSWCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	1027

[Trp1;Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre		
[Ala5;Phe6;Atz13]GpTx-1(1-34)	DCLGAFRKCIPD[Atz]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	1028
Biotin-Ahx-[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{Biotin}-[Ahx]DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1029
[Ala5;Phe6;Glu10;K(Biotin)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCEPD[K(Biotin)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1030
Biotin-Ahx--[Ala5,Phe6,Atz13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)}	{Biotin}[Ahx]DCLGAFRKCIPD[Atz]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1031
DOTA-[Ala5]GpTx-1(1-34)	{DOTA}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	1032
[Ala5;Phe6;K(DOTA)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPDK(DOTA)DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1033
[Ala5,Phe6,2-Abu13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1034
[Ala5,Phe6,Glu10,2-	{H}-DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1035

Abu13,Leu26, Arg28]GpTx-1(1-34)		
[Ala5,Leu6,2-Abu13,Leu26, Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1036
[Ala5,Phe6,Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13,Leu26,Arg28]GpTx-1	{H}-DCLGAFRKCIPD[Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1037
[Ala5,Phe6,Atz(**PEG3**-(2-hidroxietil)tioacetamida)13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[Atz(PEG3-((2-hidroxietil)tio)acetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1038
[Ala5;Phe6;**Glu10**;Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCEPD[Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1039
[Ala5;Phe6;**Glu10**;Atz(**PEG3**-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Leu26;Arg28]GpTx-	{H}-DCLGAFRKCEPD[Atz(PEG3-((2-hidroxietil)tio)acetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1040

1(1-34)		
((2-Hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-triazol-[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{((2-Hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-triazol}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1041
[2-Abu5,Leu6,K(etil-triazol-PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13,Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPDK(etil-triazol-PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1042
[Ala5;**Leu6**,26;Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPD[Atz(PEG3-((2-hidroxietil)tio)acetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1043
[Ala5;**Leu6**,26;**Glu10**;Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCEPD[Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1044
((2-hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-triazol-	{((2-Hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-triazol}-DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1045

[Ala5,Phe6,2-Abu13,Arg28]GpTx-1(1-34)		
[Ala5;Phe6;Atz13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[Atz]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1046
[Ala5;Phe6;Glu10;Atz13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCEPD[Atz]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1047
[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1048
[Ala5,Phe6,Atz(PEG11-bromoacetamida)13,Leu26,Arg28]GpTx-1	{H}-DCLGAFRKCIPD[Atz(PEG11-bromoacetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1062
[Ala5,Phe6,Atz(**PEG3**-bromoacetamida)13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCIPD[Atz(PEG3-bromoacetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1063
[Ala5;Phe6;Glu10;Atz(PEG11-bromoacetamida)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGAFRKCEPD[Atz(PEG11-bromoacetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1064
[Ala5;Phe6;Glu10;Atz(PEG3-	{H}-DCLGAFRKCEPD[Atz(PEG3-bromoacetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1065

bromoacetamida)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)		
bromoacetamida-PEG11-triazol-[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	{bromoacetamida-PEG11-triazol}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1066
[2-Abu5,Leu6,K(etil-triazol-PEG11-bromoacetamida)13,Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPDK(etil-triazol-PEG11-bromoacetamida)DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1067
[Ala5;Leu6,26;Atz(PEG11-bromoacetamida)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCIPD[Atz(PEG3-bromoacetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1068
[Ala5;Leu6,26;Glu10;Atz(PEG11-bromoacetamida)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	{H}-DCLGALRKCEPD[Atz(PEG11-bromoacetamida)]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	1069
bromoacetamida-PEG11-triazol-[Ala5,Phe6,2-Abu13,Arg28]GpTx-1(1-34)	{bromoacetamida-PEG11-triazol}-DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	1070

Tabla 5B. Secuencias de aminoácido de análogos péptidos GpTx-1 y GpTx-1. -{Amida} = amidado de terminal C.

Secuencia de Aminoácido	Designación	SEQ ID NO.
DCLGFMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1071
DCLGFMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1072
DCLGFMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1073
DCLGFMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1074
DCLGFMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1075
DCLGFMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1076
DCLGFMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1077
DCLGFFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1078
DCLGFLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1079
DCLGF[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1080
DCLGGMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1081
DCLGAMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1082
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1083
DCLG[Nva]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1084

DCLG[Nle]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1085
DCLGVMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1086
DCLGLMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1087
DCLGIMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1088
DCLGFMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1089
DCLGFMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1090
DCLGFMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1091
DCLGFFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1092
DCLGFLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1093
DCLGF[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1094
DCLGGMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1095
DCLGAMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1096
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1097
DCLG[Nva]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1098
DCLG[Nle]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1099
DCLGVMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1100
DCLGLMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1101
DCLGIMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1102

DCLGFMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1103
DCLGFMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1104
DCLGFMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1105
DCLGFFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1106
DCLGFLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1107
DCLGF[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1108
DCLGGMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1109
DCLGAMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1110
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1111
DCLG[Nva]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1112
DCLG[Nle]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1113
DCLGVMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1114
DCLGLMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1115
DCLGIMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1116
DCLGFMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1117
DCLGFMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1118
DCLGFMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1119
DCLGFFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1120
DCLGFLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1121

DCLGF[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1122
DCLGGMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1123
DCLGAMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1124
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1125
DCLG[Nva]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1126
DCLG[Nle]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1127
DCLGVMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1128
DCLGLMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1129
DCLGIMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1130
DCLGFFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1131
DCLGFLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1132
DCLGF[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1133
DCLGGMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1134
DCLGAMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1135
DCLG[2-Abu]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu11,28]GpTx-1(1-34)	1136
DCLG[Nva]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1137

DCLG[Nle]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1138
DCLGVMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1139
DCLGLMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1140
DCLGIMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1141
DCLGFFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1142
DCLGFLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1143
DCLGF[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1144
DCLGGMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1145
DCLGAMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1146
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu10,28]GpTx-1(1-34)	1147
DCLG[Nva]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1148
DCLG[Nle]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1149
DCLGVMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1150
DCLGLMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1151
DCLGIMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1152
DCLGFFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1153
DCLGFLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1154
DCLGF[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-	[Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1155

{Amida}		
DCLGGMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1156
DCLGAMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1157
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp10;Glu28]GpTx-1(1-34)	1158
DCLG[Nva]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1159
DCLG[Nle]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1160
DCLGVMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1161
DCLGLMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1162
DCLGIMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1163
DCLGGFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1164
DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1165
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu28]GpTx-1(1-34)	1166
DCLG[Nva]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1167
DCLG[Nle]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1168
DCLGVFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1169
DCLGLFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1170
DCLGIFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1171

DCLGGLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1172
DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1173
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	1174
DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1175
DCLG[Nle]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1176
DCLGVLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1177
DCLGLLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1178
DCLGILRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1179
DCLGG[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1180
DCLGA[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1181
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu28]GpTx-1(1-34)	1182
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1183
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1184
DCLGV[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1185

DCLGL[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1186
DCLGI[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1187
DCLGFFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1188
DCLGFLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1189
DCLGF[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1190
DCLGGMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1191
DCLGAMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1192
DCLG[2-Abu]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1193
DCLG[Nva]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1194
DCLG[Nle]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1195
DCLGVMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1196
DCLGLMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1197
DCLGIMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1198
DCLGFFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1199
DCLGFLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1200
DCLGF[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1201

DCLGGMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1202
DCLGAMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1203
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1204
DCLG[Nva]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1205
DCLG[Nle]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1206
DCLGVMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1207
DCLGLMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1208
DCLGIMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1209
DCLGFFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1210
DCLGFLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1211
DCLGF[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1212
DCLGGMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1213
DCLGAMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1214
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1215
DCLG[Nva]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1216
DCLG[Nle]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1217

DCLGVMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1218
DCLGLMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1219
DCLGIMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1220
DCLGGFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1221
DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1222
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1223
DCLG[Nva]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1224
DCLG[Nle]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1225
DCLGVFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1226
DCLGLFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1227
DCLGIFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1228
DCLGGLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1229
DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1230
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1231
DCLG[Nva]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1232
DCLG[Nle]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1233
DCLGVLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1234

DCLGLLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1235
DCLGILRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1236
DCLGG[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1237
DCLGA[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1238
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1239
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1240
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1241
DCLGV[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1242
DCLGL[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1243
DCLGI[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1244
DCLGFFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1245
DCLGFLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1246
DCLGF[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-	[Nle6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-	1247

{Amida}	34)	
DCLGGMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1248
DCLGAMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1249
DCLG[2-Abu]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu11,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	1250
DCLG[Nva]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1251
DCLG[Nle]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1252
DCLGVMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1253
DCLGLMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1254
DCLGIMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1255
DCLGFFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1256
DCLGFLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1257
DCLGF[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1258
DCLGGMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1259

DCLGAMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1260
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu10,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	1261
DCLG[Nva]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1262
DCLG[Nle]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1263
DCLGVMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1264
DCLGLMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1265
DCLGIMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1266
DCLGFFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1267
DCLGFLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1268
DCLGF[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1269
DCLGGMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1270
DCLGAMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1271

DCLG[2-Abu]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp10;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1272
DCLG[Nva]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1273
DCLG[Nle]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1274
DCLGVMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1275
DCLGLMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1276
DCLGIMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1277
DCLGGFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1278
DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1279
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1280
DCLG[Nva]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1281
DCLG[Nle]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1282
DCLGVFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-	1283

	34)	
DCLGLFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1284
DCLGIFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1285
DCLGGLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1286
DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1287
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1288
DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1289
DCLG[Nle]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1290
DCLGVLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1291
DCLGLLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1292
DCLGILRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1293
DCLGG[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1294
DCLGA[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1295
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1296
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1297

DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1298
DCLGV[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1299
DCLGL[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1300
DCLGI[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1301
DCLGFFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1302
DCLGFLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1303
DCLGF[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1304
DCLGGMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1305
DCLGAMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1306
DCLG[2-Abu]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1307
DCLG[Nva]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1308
DCLG[Nle]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1309
DCLGVMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1310
DCLGLMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1311
DCLGIMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1312

DCLGFFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1313
DCLGFLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1314
DCLGF[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1315
DCLGGMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1316
DCLGAMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1317
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1318
DCLG[Nva]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1319
DCLG[Nle]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1320
DCLGVMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1321
DCLGLMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1322
DCLGIMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1323
DCLGFFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1324
DCLGFLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1325
DCLGF[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1326
DCLGGMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1327
DCLGAMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-	1328

	34)	
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1329
DCLG[Nva]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1330
DCLG[Nle]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1331
DCLGVMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1332
DCLGLMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1333
DCLGIMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1334
DCLGGFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1335
DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1336
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1337
DCLG[Nva]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1338
DCLG[Nle]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1339
DCLGVFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-	1340

	34)	
DCLGLFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1341
DCLGIFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1342
DCLGGLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1343
DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1344
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1345
DCLG[Nva]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1346
DCLG[Nle]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1347
DCLGVLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1348
DCLGLLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1349
DCLGILRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1350
DCLGG[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1351
DCLGA[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1352
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1353
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-	[Nva5;Nle6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-	1354

{Amida}	34)	
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1355
DCLGV[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1356
DCLGL[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1357
DCLGI[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1358
DCLGGFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1359
DCLGAFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1360
DCLG[2-Abu]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu11,28]GpTx-1(1-34)	1361
DCLG[Nva]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1362
DCLG[Nle]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1363
DCLGVFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1364
DCLGLFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1365
DCLGIFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1366
DCLGGLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1367
DCLGALRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1368
DCLG[2-Abu]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-	[2-Abu5,13;Leu6;Glu11,28]GpTx-1(1-34)	1369

{Amida}		
DCLG[Nva]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1370
DCLG[Nle]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1371
DCLGVLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1372
DCLGLLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1373
DCLGILRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1374
DCLGG[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1375
DCLGA[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1376
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu11,28]GpTx-1(1-34)	1377
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1378
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1379
DCLGV[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1380
DCLGL[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1381
DCLGI[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-	[Ile5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1382

{Amida}		
DCLGGFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1383
DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1384
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu10,28]GpTx-1(1-34)	1385
DCLG[Nva]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1386
DCLG[Nle]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1387
DCLGVFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1388
DCLGLFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1389
DCLGIFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1390
DCLGGLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1391
DCLGALRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1392
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu10,28]GpTx-1(1-34)	1393
DCLG[Nva]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1394
DCLG[Nle]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1395
DCLGVLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1396
DCLGLLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1397
DCLGILRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1398

DCLGG[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1399
DCLGA[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1400
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu10,28]GpTx-1(1-34)	1401
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1402
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1403
DCLGV[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1404
DCLGL[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1405
DCLGI[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1406
DCLGGFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1407
DCLGAFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1408
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp10;Glu28]GpTx-1(1-34)	1409
DCLG[Nva]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-	[Nva5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-	1410

{Amida}	34)	
DCLG[Nle]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1411
DCLGVFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1412
DCLGLFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1413
DCLGIFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1414
DCLGGLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1415
DCLGALRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1416
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Asp10;Glu28]GpTx-1(1-34)	1417
DCLG[Nva]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1418
DCLG[Nle]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1419
DCLGVLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1420
DCLGLLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1421
DCLGILRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-	1422

	34)	
DCLGG[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1423
DCLGA[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1424
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp10;Glu28]GpTx-1(1-34)	1425
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1426
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1427
DCLGV[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1428
DCLGL[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1429
DCLGI[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1430
DCLGGFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1431
DCLGAFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1432
DCLG[2-Abu]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1433
DCLG[Nva]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1434

DCLG[Nle]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1435
DCLGVFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1436
DCLGLFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1437
DCLGIFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1438
DCLGGLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1439
DCLGALRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1440
DCLG[2-Abu]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1441
DCLG[Nva]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1442
DCLG[Nle]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1443
DCLGVLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1444
DCLGLLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1445
DCLGILRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1446
DCLGG[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1447
DCLGA[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1448
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1449

DCLG[Nva][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1450
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1451
DCLGV[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1452
DCLGL[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1453
DCLGI[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1454
DCLGGFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1455
DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1456
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1457
DCLG[Nva]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1458
DCLG[Nle]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1459
DCLGVFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1460
DCLGLFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1461
DCLGIFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1462
DCLGGLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1463
DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1464

DCLG[2-Abu]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1465
DCLG[Nva]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1466
DCLG[Nle]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1467
DCLGVLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1468
DCLGLLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1469
DCLGILRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1470
DCLGG[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1471
DCLGA[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1472
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1473
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1474
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1475
DCLGV[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1476
DCLGL[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-	[Leu5;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1477

{Amida}		
DCLGI[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1478
DCLGGFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1479
DCLGAFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1480
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1481
DCLG[Nva]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1482
DCLG[Nle]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1483
DCLGVFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1484
DCLGLFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1485
DCLGIFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1486
DCLGGLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1487
DCLGALRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1488

DCLG[2-Abu]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1489
DCLG[Nva]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1490
DCLG[Nle]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1491
DCLGVLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1492
DCLGLLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1493
DCLGILRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1494
DCLGG[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1495
DCLGA[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1496
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1497
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1498
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1499
DCLGV[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-	[Val5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-	1500

{Amida}	34)	
DCLGL[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1501
DCLGI[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1502
DCLGGFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1503
DCLGAFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1504
DCLG[2-Abu]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu11,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	1505
DCLG[Nva]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1506
DCLG[Nle]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1507
DCLGVFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1508
DCLGLFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1509
DCLGIFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1510
DCLGGLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1511

DCLGALRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1512
DCLG[2-Abu]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Glu11,28]GpTx-1(1-34)	1513
DCLG[Nva]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1514
DCLG[Nle]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1515
DCLGVLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1516
DCLGLLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1517
DCLGILRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1518
DCLGG[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1519
DCLGA[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1520
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu11,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	1521
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1522
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1523

DCLGV[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1524
DCLGL[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu11,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1525
DCLGI[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1526
DCLGGFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1527
DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1528
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu10,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	1529
DCLG[Nva]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1530
DCLG[Nle]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1531
DCLGVFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1532
DCLGLFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1533
DCLGIFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1534
DCLGGLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-	1535

	34)	
DCLGALRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1536
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Glu10,28]GpTx-1(1-34)	1537
DCLG[Nva]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1538
DCLG[Nle]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1539
DCLGVLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1540
DCLGLLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1541
DCLGILRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1542
DCLGG[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1543
DCLGA[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1544
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu10,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	1545
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1546
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[2-	[Nle5,6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-	1547

Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	34)	
DCLGV[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1548
DCLGL[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1549
DCLGI[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1550
DCLGGFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1551
DCLGAFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1552
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp10;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1553
DCLG[Nva]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1554
DCLG[Nle]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1555
DCLGVFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1556
DCLGLFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1557
DCLGIFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1558

DCLGGLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1559
DCLGALRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1560
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Asp10;Glu28]GpTx-1(1-34)	1561
DCLG[Nva]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1562
DCLG[Nle]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1563
DCLGVLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1564
DCLGLLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1565
DCLGILRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1566
DCLGG[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1567
DCLGA[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1568
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp10;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1569
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[2-	[Nva5;Nle6;Asp10;2-	1570

Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1571
DCLGV[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1572
DCLGL[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1573
DCLGI[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1574
DCLGGFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1575
DCLGAFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1576
DCLG[2-Abu]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1577
DCLG[Nva]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1578
DCLG[Nle]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1579
DCLGVFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1580
DCLGLFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1581

DCLGIFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1582
DCLGGLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1583
DCLGALRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1584
DCLG[2-Abu]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1585
DCLG[Nva]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1586
DCLG[Nle]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1587
DCLGVLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1588
DCLGLLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1589
DCLGILRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1590
DCLGG[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1591
DCLGA[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1592
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-	[2-Abu5;Nle6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1593

{Amida}		
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1594
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1595
DCLGV[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1596
DCLGL[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu11,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1597
DCLGI[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1598
DCLGGFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1599
DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1600
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1601
DCLG[Nva]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1602
DCLG[Nle]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1603
DCLGVFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1604

DCLGLFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1605
DCLGIFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1606
DCLGGLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1607
DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1608
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1609
DCLG[Nva]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1610
DCLG[Nle]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1611
DCLGVLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1612
DCLGLLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1613
DCLGILRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1614
DCLGG[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1615
DCLGA[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1616

DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1617
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1618
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1619
DCLGV[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1620
DCLGL[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1621
DCLGI[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1622
DCLGGFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1623
DCLGAFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1624
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1625
DCLG[Nva]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1626
DCLG[Nle]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-	[Nle5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-	1627

{Amida}	1(1-34)	
DCLGVFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1628
DCLGLFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1629
DCLGIFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1630
DCLGGLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1631
DCLGALRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1632
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1633
DCLG[Nva]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1634
DCLG[Nle]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1635
DCLGVLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1636
DCLGLLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1637
DCLGILRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1638

DCLGG[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1639
DCLGA[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1640
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1641
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1642
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1643
DCLGV[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1644
DCLGL[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Asp10;Pra13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1645
DCLGI[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHEWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Glu28]GpTx-1(1-34)	1646
DCLGFMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1647
DCLGFMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1648
DCLGFMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1649
DCLGFMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1650
DCLGFMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1651
DCLGFMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1652

DCLGFMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1653
DCLGFFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1654
DCLGFLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1655
DCLGF[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1656
DCLGGMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1657
DCLGAMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1658
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1659
DCLG[Nva]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1660
DCLG[Nle]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1661
DCLGVMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1662
DCLGLMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1663
DCLGIMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1664
DCLGFMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1665
DCLGFMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1666
DCLGFMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1667
DCLGFFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1668
DCLGFLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1669
DCLGF[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1670

DCLGGMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1671
DCLGAMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1672
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1673
DCLG[Nva]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1674
DCLG[Nle]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1675
DCLGVMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1676
DCLGLMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1677
DCLGIMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1678
DCLGFMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1679
DCLGFMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1680
DCLGFMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1681
DCLGFFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1682
DCLGFLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1683
DCLGF[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1684
DCLGGMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1685
DCLGAMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1686
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1687
DCLG[Nva]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-	[Nva5;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1688

{Amida}		
DCLG[Nle]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1689
DCLGVMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1690
DCLGLMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1691
DCLGIMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1692
DCLGFMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1693
DCLGFMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1694
DCLGFMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1695
DCLGFFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1696
DCLGFLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1697
DCLGF[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1698
DCLGGMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1699
DCLGAMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1700
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1701
DCLG[Nva]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1702
DCLG[Nle]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1703
DCLGVMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1704
DCLGLMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1705

DCLGIMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1706
DCLGFFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1707
DCLGFLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1708
DCLGF[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1709
DCLGGMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1710
DCLGAMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1711
DCLG[2-Abu]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu11;Asp28]GpTx-1(1-34)	1712
DCLG[Nva]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1713
DCLG[Nle]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1714
DCLGVMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1715
DCLGLMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1716
DCLGIMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1717
DCLGFFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1718
DCLGFLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1719
DCLGF[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1720
DCLGGMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1721
DCLGAMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1722
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-	[2-Abu5,13;Glu10;Asp28]GpTx-1(1-34)	1723

{Amida}		
DCLG[Nva]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1724
DCLG[Nle]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1725
DCLGVMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1726
DCLGLMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1727
DCLGIMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1728
DCLGFFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1729
DCLGFLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1730
DCLGF[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1731
DCLGGMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1732
DCLGAMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1733
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp10,28]GpTx-1(1-34)	1734
DCLG[Nva]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1735
DCLG[Nle]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1736
DCLGVMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1737
DCLGLMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1738
DCLGIMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1739

DCLGGFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1740
DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1741
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp28]GpTx-1(1-34)	1742
DCLG[Nva]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1743
DCLG[Nle]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1744
DCLGVFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1745
DCLGLFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1746
DCLGIFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1747
DCLGGLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1748
DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1749
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Asp28]GpTx-1(1-34)	1750
DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1751
DCLG[Nle]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1752
DCLGVLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1753
DCLGLLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1754
DCLGILRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1755
DCLGG[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-	[Gly5;Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1756

{Amida}		
DCLGA[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1757
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp28]GpTx-1(1-34)	1758
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1759
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1760
DCLGV[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1761
DCLGL[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1762
DCLGI[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1763
DCLGFFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1764
DCLGFLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1765
DCLGF[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1766
DCLGGMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1767
DCLGAMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1768
DCLG[2-Abu]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1769

DCLG[Nva]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1770
DCLG[Nle]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1771
DCLGVMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1772
DCLGLMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1773
DCLGIMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1774
DCLGFFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1775
DCLGFLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1776
DCLGF[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1777
DCLGGMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1778
DCLGAMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1779
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1780
DCLG[Nva]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1781
DCLG[Nle]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1782
DCLGVMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1783
DCLGLMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1784
DCLGIMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1785
DCLGFFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1786

DCLGFLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1787
DCLGF[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1788
DCLGGMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1789
DCLGAMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1790
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1791
DCLG[Nva]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1792
DCLG[Nle]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1793
DCLGVMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1794
DCLGLMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1795
DCLGIMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1796
DCLGGFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1797
DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1798
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1799
DCLG[Nva]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1800
DCLG[Nle]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1801
DCLGVFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1802

DCLGLFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1803
DCLGIFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1804
DCLGGLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1805
DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1806
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1807
DCLG[Nva]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1808
DCLG[Nle]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1809
DCLGVLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1810
DCLGLLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1811
DCLGILRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1812
DCLGG[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1813
DCLGA[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1814
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1815
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1816
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-	[Nle5,6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1817

{Amida}		
DCLGV[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1818
DCLGL[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1819
DCLGI[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1820
DCLGFFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1821
DCLGFLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1822
DCLGF[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1823
DCLGGMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1824
DCLGAMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1825
DCLG[2-Abu]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu11;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1826
DCLG[Nva]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1827
DCLG[Nle]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1828

DCLGVMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1829
DCLGLMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1830
DCLGIMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1831
DCLGFFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1832
DCLGFLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1833
DCLGF[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1834
DCLGGMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1835
DCLGAMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1836
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu10;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1837
DCLG[Nva]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1838
DCLG[Nle]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1839
DCLGVMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-	1840

	1(1-34)	
DCLGLMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1841
DCLGIMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1842
DCLGFFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1843
DCLGFLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1844
DCLGF[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1845
DCLGGMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1846
DCLGAMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1847
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp10,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	1848
DCLG[Nva]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1849
DCLG[Nle]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1850
DCLGVMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1851
DCLGLMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1852

DCLGIMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1853
DCLGGFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1854
DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1855
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1856
DCLG[Nva]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1857
DCLG[Nle]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1858
DCLGVFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1859
DCLGLFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1860
DCLGIFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1861
DCLGGLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1862
DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1863
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1864
DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1865

DCLG[Nle]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1866
DCLGVLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1867
DCLGLLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1868
DCLGILRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1869
DCLGG[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1870
DCLGA[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1871
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1872
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1873
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1874
DCLGV[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1875
DCLGL[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1876
DCLGI[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1877
DCLGFFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1878

DCLGFLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1879
DCLGF[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1880
DCLGGMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1881
DCLGAMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1882
DCLG[2-Abu]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1883
DCLG[Nva]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1884
DCLG[Nle]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1885
DCLGVMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1886
DCLGLMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1887
DCLGIMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1888
DCLGFFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1889
DCLGFLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1890
DCLGF[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1891

DCLGGMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1892
DCLGAMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1893
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1894
DCLG[Nva]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1895
DCLG[Nle]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1896
DCLGVMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1897
DCLGLMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1898
DCLGIMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1899
DCLGFFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1900
DCLGFLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1901
DCLGF[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1902
DCLGGMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1903
DCLGAMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1904
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1905

DCLG[Nva]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1906
DCLG[Nle]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1907
DCLGVMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1908
DCLGLMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	1909
DCLGIMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	1910
DCLGGFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1911
DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1912
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1913
DCLG[Nva]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1914
DCLG[Nle]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1915
DCLGVFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1916
DCLGLFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1917
DCLGIFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1918
DCLGGLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1919

DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1920
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1921
DCLG[Nva]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1922
DCLG[Nle]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1923
DCLGVLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1924
DCLGLLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1925
DCLGILRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1926
DCLGG[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1927
DCLGA[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1928
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1929
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1930
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1931
DCLGV[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1932

DCLGL[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1933
DCLGI[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	1934
DCLGGFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1935
DCLGAFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1936
DCLG[2-Abu]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu11;Asp28]GpTx-1(1-34)	1937
DCLG[Nva]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1938
DCLG[Nle]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1939
DCLGVFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1940
DCLGLFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1941
DCLGIFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1942
DCLGGLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1943
DCLGALRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-	1944

	34)	
DCLG[2-Abu]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu11;Asp28]GpTx-1(1-34)	1945
DCLG[Nva]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1946
DCLG[Nle]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1947
DCLGVLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1948
DCLGLLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1949
DCLGILRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1950
DCLGG[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1951
DCLGA[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1952
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu11;Asp28]GpTx-1(1-34)	1953
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1954
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1955
DCLGV[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-	[Val5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-	1956

{Amida}	34)	
DCLGL[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1957
DCLGI[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1958
DCLGGFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1959
DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1960
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu10;Asp28]GpTx-1(1-34)	1961
DCLG[Nva]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1962
DCLG[Nle]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1963
DCLGVFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1964
DCLGLFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1965
DCLGIFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1966
DCLGGLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1967

DCLGALRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1968
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu10;Asp28]GpTx-1(1-34)	1969
DCLG[Nva]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1970
DCLG[Nle]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1971
DCLGVLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1972
DCLGLLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1973
DCLGILRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1974
DCLGG[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1975
DCLGA[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1976
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu10;Asp28]GpTx-1(1-34)	1977
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1978
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1979

DCLGV[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1980
DCLGL[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1981
DCLGI[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	1982
DCLGGFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1983
DCLGAFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1984
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp10,28]GpTx-1(1-34)	1985
DCLG[Nva]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1986
DCLG[Nle]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1987
DCLGVFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1988
DCLGLFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1989
DCLGIFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1990
DCLGGLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1991
DCLGALRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1992
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Asp10,28]GpTx-1(1-34)	1993
DCLG[Nva]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1994

DCLG[Nle]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1995
DCLGVLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1996
DCLGLLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1997
DCLGILRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1998
DCLGG[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	1999
DCLGA[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2000
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp10,28]GpTx-1(1-34)	2001
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2002
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2003
DCLGV[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2004
DCLGL[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2005
DCLGI[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2006
DCLGGFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2007

DCLGAFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2008
DCLG[2-Abu]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2009
DCLG[Nva]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2010
DCLG[Nle]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2011
DCLGVFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2012
DCLGLFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2013
DCLGIFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2014
DCLGGLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2015
DCLGALRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2016
DCLG[2-Abu]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2017
DCLG[Nva]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2018
DCLG[Nle]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-	[Nle5;Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-	2019

{Amida}	34)	
DCLGVLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2020
DCLGLLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2021
DCLGILRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2022
DCLGG[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2023
DCLGA[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2024
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2025
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2026
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2027
DCLGV[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2028
DCLGL[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2029
DCLGI[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2030

DCLGGFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2031
DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2032
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2033
DCLG[Nva]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2034
DCLG[Nle]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2035
DCLGVFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2036
DCLGLFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2037
DCLGIFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2038
DCLGGLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2039
DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2040
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2041
DCLG[Nva]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-	[Nva5;Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-	2042

{Amida}	34)	
DCLG[Nle]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2043
DCLGVLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2044
DCLGLLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2045
DCLGILRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2046
DCLGG[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2047
DCLGA[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2048
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2049
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2050
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2051
DCLGV[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2052
DCLGL[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2053

DCLGI[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2054
DCLGGFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2055
DCLGAFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2056
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2057
DCLG[Nva]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2058
DCLG[Nle]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2059
DCLGVFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2060
DCLGLFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2061
DCLGIFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2062
DCLGGLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2063
DCLGALRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2064
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2065
DCLG[Nva]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2066
DCLG[Nle]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2067
DCLGVLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2068
DCLGLLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2069

DCLGILRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2070
DCLGG[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2071
DCLGA[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2072
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2073
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2074
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2075
DCLGV[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2076
DCLGL[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2077
DCLGI[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2078
DCLGGFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2079
DCLGAFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2080
DCLG[2-Abu]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-	[2-Abu5,13;Phe6;Glu11;Leu26;Asp28]GpTx-	2081

{Amida}	1(1-34)	
DCLG[Nva]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2082
DCLG[Nle]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2083
DCLGVFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2084
DCLGLFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2085
DCLGIFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2086
DCLGGLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2087
DCLGALRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2088
DCLG[2-Abu]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Glu11;Asp28]GpTx-1(1-34)	2089
DCLG[Nva]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2090
DCLG[Nle]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2091
DCLGVLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2092

DCLGLLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2093
DCLGILRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2094
DCLGG[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2095
DCLGA[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2096
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu11;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2097
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2098
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2099
DCLGV[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2100
DCLGL[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu11;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2101
DCLGI[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2102
DCLGGFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2103
DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;2-	2104

	Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu10;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2105
DCLG[Nva]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2106
DCLG[Nle]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2107
DCLGVFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2108
DCLGLFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2109
DCLGIFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2110
DCLGGLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2111
DCLGALRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2112
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Glu10;Asp28]GpTx-1(1-34)	2113
DCLG[Nva]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2114
DCLG[Nle]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2115

DCLGVLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2116
DCLGLLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2117
DCLGILRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2118
DCLGG[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2119
DCLGA[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2120
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu10;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2121
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2122
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2123
DCLGV[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2124
DCLGL[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu10;2-Abu13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2125
DCLGI[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2126
DCLGGFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-	2127

	1(1-34)	
DCLGAFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2128
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp10,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	2129
DCLG[Nva]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2130
DCLG[Nle]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2131
DCLGVFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2132
DCLGLFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2133
DCLGIFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2134
DCLGGLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2135
DCLGALRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2136
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Asp10,28]GpTx-1(1-34)	2137
DCLG[Nva]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2138

DCLG[Nle]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2139
DCLGVLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2140
DCLGLLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2141
DCLGILRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2142
DCLGG[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2143
DCLGA[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2144
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp10,28;Leu26]GpTx-1(1-34)	2145
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2146
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2147
DCLGV[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2148
DCLGL[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Asp10,28;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2149
DCLGI[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10,28;2-Abu13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2150

DCLGGFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2151
DCLGAFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2152
DCLG[2-Abu]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2153
DCLG[Nva]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2154
DCLG[Nle]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2155
DCLGVFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2156
DCLGLFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2157
DCLGIFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2158
DCLGGLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2159
DCLGALRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2160
DCLG[2-Abu]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2161

DCLG[Nva]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2162
DCLG[Nle]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2163
DCLGVLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2164
DCLGLLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2165
DCLGILRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2166
DCLGG[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2167
DCLGA[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2168
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2169
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2170
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2171
DCLGV[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2172

DCLGL[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu11;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2173
DCLGI[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2174
DCLGGFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2175
DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2176
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2177
DCLG[Nva]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2178
DCLG[Nle]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2179
DCLGVFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2180
DCLGLFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2181
DCLGIFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2182
DCLGGLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2183

DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2184
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2185
DCLG[Nva]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2186
DCLG[Nle]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2187
DCLGVLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2188
DCLGLLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2189
DCLGILRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2190
DCLGG[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2191
DCLGA[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2192
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2193
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2194

DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2195
DCLGV[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2196
DCLGL[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu10;Pra13;Asp28]GpTx-1(1-34)	2197
DCLGI[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Asp28]GpTx-1(1-34)	2198
DCLGGFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2199
DCLGAFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2200
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2201
DCLG[Nva]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2202
DCLG[Nle]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2203
DCLGVFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2204
DCLGLFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2205
DCLGIFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-	2206

	1(1-34)	
DCLGGLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2207
DCLGALRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2208
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2209
DCLG[Nva]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2210
DCLG[Nle]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2211
DCLGVLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2212
DCLGLLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2213
DCLGILRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2214
DCLGG[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2215
DCLGA[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2216
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2217

DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2218
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2219
DCLGV[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2220
DCLGL[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Asp10,28;Pra13]GpTx-1(1-34)	2221
DCLGI[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHDWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10,28;Pra13;Leu26]GpTx-1(1-34)	2222
DCLGFMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2223
DCLGFMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2224
DCLGFMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2225
DCLGFMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2226
DCLGFMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2227
DCLGFMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2228
DCLGFMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2229
DCLGFFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2230
DCLGFLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2231
DCLGF[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2232
DCLGGMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2233
DCLGAMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2234

DCLG[2-Abu]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2235
DCLG[Nva]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2236
DCLG[Nle]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2237
DCLGVMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2238
DCLGLMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2239
DCLGIMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2240
DCLGFMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2241
DCLGFMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2242
DCLGFMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2243
DCLGFFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2244
DCLGFLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2245
DCLGF[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2246
DCLGGMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2247
DCLGAMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2248
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2249
DCLG[Nva]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2250
DCLG[Nle]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-	[Nle5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2251

{Amida}		
DCLGVMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2252
DCLGLMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2253
DCLGIMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2254
DCLGFMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2255
DCLGFMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2256
DCLGFMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2257
DCLGFFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2258
DCLGFLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2259
DCLGF[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2260
DCLGGMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2261
DCLGAMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2262
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2263
DCLG[Nva]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2264
DCLG[Nle]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2265
DCLGVMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2266
DCLGLMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2267
DCLGIMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2268
DCLGFMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2269

DCLGFMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2270
DCLGFMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2271
DCLGFFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2272
DCLGFLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2273
DCLGF[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2274
DCLGGMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2275
DCLGAMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2276
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2277
DCLG[Nva]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2278
DCLG[Nle]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2279
DCLGVMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2280
DCLGLMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2281
DCLGIMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2282
DCLGFFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2283
DCLGFLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2284
DCLGF[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2285
DCLGGMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2286
DCLGAMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2287

DCLG[2-Abu]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu11;Gln28]GpTx-1(1-34)	2288
DCLG[Nva]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2289
DCLG[Nle]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2290
DCLGVMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2291
DCLGLMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2292
DCLGIMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2293
DCLGFFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2294
DCLGFLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2295
DCLGF[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2296
DCLGGMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2297
DCLGAMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2298
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2299
DCLG[Nva]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2300
DCLG[Nle]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2301
DCLGVMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2302
DCLGLMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2303

DCLGIMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2304
DCLGFFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2305
DCLGFLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2306
DCLGF[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2307
DCLGGMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2308
DCLGAMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2309
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2310
DCLG[Nva]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2311
DCLG[Nle]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2312
DCLGVMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2313
DCLGLMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2314
DCLGIMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2315
DCLGGFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2316
DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2317
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Gln28]GpTx-1(1-34)	2318
DCLG[Nva]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2319
DCLG[Nle]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-	[Nle5;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2320

{Amida}		
DCLGVFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2321
DCLGLFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2322
DCLGIFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2323
DCLGGLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2324
DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2325
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Gln28]GpTx-1(1-34)	2326
DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2327
DCLG[Nle]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2328
DCLGVLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2329
DCLGLLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2330
DCLGILRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2331
DCLGG[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2332
DCLGA[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2333
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Gln28]GpTx-1(1-34)	2334
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2335

DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2336
DCLGV[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2337
DCLGL[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2338
DCLGI[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2339
DCLGFFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2340
DCLGFLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2341
DCLGF[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2342
DCLGGMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2343
DCLGAMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2344
DCLG[2-Abu]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2345
DCLG[Nva]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2346
DCLG[Nle]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2347
DCLGVMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2348
DCLGLMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2349
DCLGIMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2350

DCLGFFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2351
DCLGFLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2352
DCLGF[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2353
DCLGGMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2354
DCLGAMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2355
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2356
DCLG[Nva]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2357
DCLG[Nle]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2358
DCLGVMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2359
DCLGLMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2360
DCLGIMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2361
DCLGFFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2362
DCLGFLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2363
DCLGF[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2364
DCLGGMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2365
DCLGAMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2366
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2367

DCLG[Nva]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2368
DCLG[Nle]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2369
DCLGVMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2370
DCLGLMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2371
DCLGIMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2372
DCLGGFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2373
DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2374
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2375
DCLG[Nva]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2376
DCLG[Nle]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2377
DCLGVFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2378
DCLGLFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2379
DCLGIFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2380
DCLGGLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2381
DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2382
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2383
DCLG[Nva]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-	[Nva5;Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2384

{Amida}		
DCLG[Nle]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2385
DCLGVLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2386
DCLGLLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2387
DCLGILRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2388
DCLGG[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2389
DCLGA[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2390
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2391
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2392
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2393
DCLGV[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2394
DCLGL[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2395
DCLGI[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2396

DCLGFFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2397
DCLGFLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2398
DCLGF[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2399
DCLGGMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2400
DCLGAMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2401
DCLG[2-Abu]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu11;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2402
DCLG[Nva]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2403
DCLG[Nle]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2404
DCLGVMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2405
DCLGLMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2406
DCLGIMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2407
DCLGFFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-	2408

	1(1-34)	
DCLGFLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2409
DCLGF[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2410
DCLGGMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2411
DCLGAMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2412
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu10;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2413
DCLG[Nva]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2414
DCLG[Nle]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2415
DCLGVMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2416
DCLGLMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2417
DCLGIMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2418
DCLGFFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2419

DCLGFLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2420
DCLGF[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2421
DCLGGMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2422
DCLGAMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2423
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp10;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2424
DCLG[Nva]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2425
DCLG[Nle]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2426
DCLGVMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2427
DCLGLMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2428
DCLGIMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2429
DCLGGFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2430
DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-	2431

	34)	
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2432
DCLG[Nva]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2433
DCLG[Nle]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2434
DCLGVFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2435
DCLGLFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2436
DCLGIFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2437
DCLGGLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2438
DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2439
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2440
DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2441
DCLG[Nle]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2442
DCLGVLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2443
DCLGLLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2444
DCLGILRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2445

DCLGG[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2446
DCLGA[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2447
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2448
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2449
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2450
DCLGV[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2451
DCLGL[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2452
DCLGI[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2453
DCLGFFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2454
DCLGFLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2455
DCLGF[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2456
DCLGGMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2457

DCLGAMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2458
DCLG[2-Abu]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2459
DCLG[Nva]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2460
DCLG[Nle]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2461
DCLGVMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2462
DCLGLMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2463
DCLGIMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2464
DCLGFFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2465
DCLGFLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2466
DCLGF[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2467
DCLGGMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2468
DCLGAMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2469
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-	[2-Abu5;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-	2470

{Amida}	1(1-34)	
DCLG[Nva]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2471
DCLG[Nle]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2472
DCLGVMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2473
DCLGLMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2474
DCLGIMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2475
DCLGFFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2476
DCLGFLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2477
DCLGF[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2478
DCLGGMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2479
DCLGAMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2480
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2481
DCLG[Nva]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2482

DCLG[Nle]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2483
DCLGVMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2484
DCLGLMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2485
DCLGIMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2486
DCLGGFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2487
DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2488
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2489
DCLG[Nva]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2490
DCLG[Nle]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2491
DCLGVFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2492
DCLGLFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2493
DCLGIFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2494
DCLGGLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2495

DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2496
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2497
DCLG[Nva]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2498
DCLG[Nle]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2499
DCLGVLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2500
DCLGLLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2501
DCLGILRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2502
DCLGG[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2503
DCLGA[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2504
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2505
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2506
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2507
DCLGV[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2508

DCLGL[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2509
DCLGI[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2510
DCLGGFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2511
DCLGAFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2512
DCLG[2-Abu]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu11;Gln28]GpTx-1(1-34)	2513
DCLG[Nva]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2514
DCLG[Nle]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2515
DCLGVFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2516
DCLGLFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2517
DCLGIFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2518
DCLGGLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2519
DCLGALRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-	2520

	34)	
DCLG[2-Abu]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu11;Gln28]GpTx-1(1-34)	2521
DCLG[Nva]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2522
DCLG[Nle]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2523
DCLGVLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2524
DCLGLLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2525
DCLGILRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2526
DCLGG[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2527
DCLGA[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2528
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu11;Gln28]GpTx-1(1-34)	2529
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2530
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2531
DCLGV[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-	[Val5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-	2532

{Amida}	34)	
DCLGL[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2533
DCLGI[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2534
DCLGGFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2535
DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2536
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2537
DCLG[Nva]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2538
DCLG[Nle]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2539
DCLGVFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2540
DCLGLFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2541
DCLGIFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2542
DCLGGLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2543

DCLGALRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2544
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2545
DCLG[Nva]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2546
DCLG[Nle]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2547
DCLGVLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2548
DCLGLLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2549
DCLGILRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2550
DCLGG[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2551
DCLGA[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2552
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2553
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2554
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2555

DCLGV[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2556
DCLGL[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2557
DCLGI[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2558
DCLGGFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2559
DCLGAFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2560
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2561
DCLG[Nva]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2562
DCLG[Nle]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2563
DCLGVFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2564
DCLGLFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2565
DCLGIFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2566
DCLGGLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-	2567

	34)	
DCLGALRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2568
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Asp10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2569
DCLG[Nva]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2570
DCLG[Nle]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2571
DCLGVLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2572
DCLGLLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2573
DCLGILRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2574
DCLGG[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2575
DCLGA[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2576
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2577
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2578
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[2-	[Nle5,6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2579

Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}		
DCLGV[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2580
DCLGL[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2581
DCLGI[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2582
DCLGGFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2583
DCLGAFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2584
DCLG[2-Abu]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2585
DCLG[Nva]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2586
DCLG[Nle]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2587
DCLGVFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2588
DCLGLFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2589
DCLGIFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2590

DCLGGLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2591
DCLGALRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2592
DCLG[2-Abu]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2593
DCLG[Nva]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2594
DCLG[Nle]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2595
DCLGVLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2596
DCLGLLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2597
DCLGILRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2598
DCLGG[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2599
DCLGA[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2600
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2601
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-	[Nva5;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-	2602

{Amida}	34)	
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2603
DCLGV[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2604
DCLGL[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2605
DCLGI[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2606
DCLGGFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2607
DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2608
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2609
DCLG[Nva]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2610
DCLG[Nle]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2611
DCLGVFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2612
DCLGLFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2613

DCLGIFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2614
DCLGGLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2615
DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2616
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2617
DCLG[Nva]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2618
DCLG[Nle]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2619
DCLGVLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2620
DCLGLLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2621
DCLGILRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2622
DCLGG[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2623
DCLGA[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2624
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-	[2-Abu5;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2625

{Amida}		
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2626
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2627
DCLGV[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2628
DCLGL[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2629
DCLGI[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2630
DCLGGFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2631
DCLGAFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2632
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2633
DCLG[Nva]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2634
DCLG[Nle]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2635
DCLGVFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2636

DCLGLFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2637
DCLGIFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2638
DCLGGLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2639
DCLGALRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2640
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2641
DCLG[Nva]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2642
DCLG[Nle]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2643
DCLGVLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2644
DCLGLLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2645
DCLGILRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2646
DCLGG[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2647
DCLGA[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2648

DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2649
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2650
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2651
DCLGV[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2652
DCLGL[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2653
DCLGI[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2654
DCLGGFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2655
DCLGAFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2656
DCLG[2-Abu]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu11;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2657
DCLG[Nva]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2658
DCLG[Nle]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2659

DCLGVFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2660
DCLGLFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2661
DCLGIFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2662
DCLGGLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2663
DCLGALRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2664
DCLG[2-Abu]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Glu11;Gln28]GpTx-1(1-34)	2665
DCLG[Nva]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2666
DCLG[Nle]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2667
DCLGVLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2668
DCLGLLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2669
DCLGILRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2670
DCLGG[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-	[Gly5;Nle6;Glu11;2-	2671

{Amida}	Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	
DCLGA[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2672
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu11;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2673
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2674
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2675
DCLGV[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2676
DCLGL[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu11;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2677
DCLGI[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2678
DCLGGFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2679
DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2680
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu10;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2681
DCLG[Nva]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2682

DCLG[Nle]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2683
DCLGVFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2684
DCLGLFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2685
DCLGIFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2686
DCLGGLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2687
DCLGALRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2688
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Glu10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2689
DCLG[Nva]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2690
DCLG[Nle]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2691
DCLGVLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2692
DCLGLLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2693
DCLGILRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-	2694

	1(1-34)	
DCLGG[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2695
DCLGA[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2696
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu10;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2697
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2698
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2699
DCLGV[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2700
DCLGL[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2701
DCLGI[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2702
DCLGGFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2703
DCLGAFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2704
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp10;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2705

DCLG[Nva]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2706
DCLG[Nle]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2707
DCLGVFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2708
DCLGLFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2709
DCLGIFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2710
DCLGGLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2711
DCLGALRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2712
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6,26;Asp10;Gln28]GpTx-1(1-34)	2713
DCLG[Nva]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2714
DCLG[Nle]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2715
DCLGVLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2716
DCLGLLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-	2717

	34)	
DCLGILRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2718
DCLGG[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2719
DCLGA[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2720
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp10;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2721
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2722
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2723
DCLGV[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2724
DCLGL[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Asp10;2-Abu13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2725
DCLGI[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2726
DCLGGFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2727
DCLGAFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2728

DCLG[2-Abu]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2729
DCLG[Nva]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2730
DCLG[Nle]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2731
DCLGVFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2732
DCLGLFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2733
DCLGIFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2734
DCLGGLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2735
DCLGALRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2736
DCLG[2-Abu]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2737
DCLG[Nva]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2738
DCLG[Nle]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2739

DCLGVLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2740
DCLGLLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2741
DCLGILRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2742
DCLGG[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2743
DCLGA[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2744
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2745
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2746
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2747
DCLGV[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2748
DCLGL[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu11;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2749
DCLGI[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2750

DCLGGFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2751
DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2752
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2753
DCLG[Nva]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2754
DCLG[Nle]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2755
DCLGVFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2756
DCLGLFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2757
DCLGIFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2758
DCLGGLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2759
DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2760
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2761

DCLG[Nva]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2762
DCLG[Nle]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2763
DCLGVLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2764
DCLGLLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2765
DCLGILRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2766
DCLGG[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2767
DCLGA[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2768
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2769
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2770
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2771
DCLGV[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2772

DCLGL[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Glu10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2773
DCLGI[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2774
DCLGGFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2775
DCLGAFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2776
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2777
DCLG[Nva]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2778
DCLG[Nle]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2779
DCLGVFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2780
DCLGLFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Phe6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2781
DCLGIFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2782
DCLGGLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2783

DCLGALRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2784
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2785
DCLG[Nva]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2786
DCLG[Nle]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2787
DCLGVLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2788
DCLGLLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2789
DCLGILRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6,26;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2790
DCLGG[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2791
DCLGA[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2792
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2793
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2794

DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2795
DCLGV[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2796
DCLGL[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Leu5,26;Nle6;Asp10;Pra13;Gln28]GpTx-1(1-34)	2797
DCLGI[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHQWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;Pra13;Leu26;Gln28]GpTx-1(1-34)	2798
DCLGFMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2799
DCLGFMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2800
DCLGFMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2801
DCLGFMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2802
DCLGFMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2803
DCLGFFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2804
DCLGFLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2805
DCLGF[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2806
DCLGGMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2807
DCLGAMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2808
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2809
DCLG[Nva]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2810

DCLG[Nle]MRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2811
DCLGVMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2812
DCLGLMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2813
DCLGIMRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2814
DCLGFMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2815
DCLGFMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2816
DCLGFMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2817
DCLGFFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2818
DCLGFLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2819
DCLGF[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2820
DCLGGMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2821
DCLGAMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2822
DCLG[2-Abu]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2823
DCLG[Nva]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2824
DCLG[Nle]MRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2825
DCLGVMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2826
DCLGLMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2827
DCLGIMRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2828

DCLGFFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2829
DCLGFLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2830
DCLGF[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2831
DCLGGMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2832
DCLGAMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2833
DCLG[2-Abu]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu11,26]GpTx-1(1-34)	2834
DCLG[Nva]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2835
DCLG[Nle]MRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2836
DCLGVMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2837
DCLGLMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2838
DCLGIMRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2839
DCLGFFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2840
DCLGFLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2841
DCLGF[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2842
DCLGGMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2843
DCLGAMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2844
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Glu10,26]GpTx-1(1-34)	2845

DCLG[Nva]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2846
DCLG[Nle]MRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2847
DCLGVMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2848
DCLGLMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2849
DCLGIMRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2850
DCLGFFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2851
DCLGFLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2852
DCLGF[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2853
DCLGGMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2854
DCLGAMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2855
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Asp10;Glu26]GpTx-1(1-34)	2856
DCLG[Nva]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2857
DCLG[Nle]MRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2858
DCLGVMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2859
DCLGLMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2860
DCLGIMRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2861
DCLGGFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2862

DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2863
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu26]GpTx-1(1-34)	2864
DCLG[Nva]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2865
DCLG[Nle]FRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2866
DCLGVFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2867
DCLGLFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2868
DCLGIFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2869
DCLGGLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2870
DCLGALRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2871
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu26]GpTx-1(1-34)	2872
DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2873
DCLG[Nle]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2874
DCLGVLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2875
DCLGLLRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2876
DCLGILRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2877
DCLGG[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2878

DCLGA[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2879
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu26]GpTx-1(1-34)	2880
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2881
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2882
DCLGV[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2883
DCLGL[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2884
DCLGI[Nle]RKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2885
DCLGFFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2886
DCLGFLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2887
DCLGF[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2888
DCLGGMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2889
DCLGAMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2890
DCLG[2-Abu]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2891
DCLG[Nva]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-	[Nva5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2892

{Amida}		
DCLG[Nle]MRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2893
DCLGVMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2894
DCLGLMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2895
DCLGIMRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2896
DCLGFFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2897
DCLGFLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2898
DCLGF[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2899
DCLGGMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2900
DCLGAMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2901
DCLG[2-Abu]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2902
DCLG[Nva]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2903
DCLG[Nle]MRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2904
DCLGVMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2905
DCLGLMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2906
DCLGIMRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	2907
DCLGFFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2908
DCLGFLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2909

DCLGF[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2910
DCLGGMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2911
DCLGAMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2912
DCLG[2-Abu]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2913
DCLG[Nva]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2914
DCLG[Nle]MRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2915
DCLGVMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2916
DCLGLMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2917
DCLGIMRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2918
DCLGGFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2919
DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2920
DCLG[2-Abu]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2921
DCLG[Nva]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2922
DCLG[Nle]FRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2923
DCLGVFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2924
DCLGLFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2925

DCLGIFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2926
DCLGGLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2927
DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2928
DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2929
DCLG[Nva]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2930
DCLG[Nle]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2931
DCLGVLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2932
DCLGLLRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2933
DCLGILRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2934
DCLGG[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2935
DCLGA[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2936
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2937
DCLG[Nva][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2938
DCLG[Nle][Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2939

DCLGV[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2940
DCLGL[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2941
DCLGI[Nle]RKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2942
DCLGGFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2943
DCLGAFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2944
DCLG[2-Abu]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu11,26]GpTx-1(1-34)	2945
DCLG[Nva]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2946
DCLG[Nle]FRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2947
DCLGVFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2948
DCLGLFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2949
DCLGIFRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2950
DCLGGLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2951
DCLGALRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2952
DCLG[2-Abu]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu11,26]GpTx-1(1-34)	2953
DCLG[Nva]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2954

DCLG[Nle]LRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2955
DCLGVLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2956
DCLGLLRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2957
DCLGILRKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2958
DCLGG[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2959
DCLGA[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2960
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Glu11,26]GpTx-1(1-34)	2961
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2962
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2963
DCLGV[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2964
DCLGL[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2965
DCLGI[Nle]RKCIED[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2966
DCLGGFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2967
DCLGAFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2968
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Glu10,26]GpTx-1(1-34)	2969

DCLG[Nva]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2970
DCLG[Nle]FRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2971
DCLGVFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2972
DCLGLFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2973
DCLGIFRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2974
DCLGGLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2975
DCLGALRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2976
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Glu10,26]GpTx-1(1-34)	2977
DCLG[Nva]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2978
DCLG[Nle]LRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2979
DCLGVLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2980
DCLGLLRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2981
DCLGILRKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2982
DCLGG[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2983
DCLGA[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2984
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[2-	[2-Abu5,13;Nle6;Glu10,26]GpTx-1(1-34)	2985

Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}		
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2986
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2987
DCLGV[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2988
DCLGL[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2989
DCLGI[Nle]RKCEPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10,26;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	2990
DCLGGFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2991
DCLGAFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2992
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Phe6;Asp10;Glu26]GpTx-1(1-34)	2993
DCLG[Nva]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2994
DCLG[Nle]FRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2995
DCLGVFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2996

DCLGLFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2997
DCLGIFRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2998
DCLGGLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	2999
DCLGALRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3000
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Leu6;Asp10;Glu26]GpTx-1(1-34)	3001
DCLG[Nva]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3002
DCLG[Nle]LRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3003
DCLGVLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3004
DCLGLLRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3005
DCLGILRKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3006
DCLGG[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3007
DCLGA[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3008

DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5,13;Nle6;Asp10;Glu26]GpTx-1(1-34)	3009
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3010
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3011
DCLGV[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3012
DCLGL[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3013
DCLGI[Nle]RKCDPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;2-Abu13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3014
DCLGGFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3015
DCLGAFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3016
DCLG[2-Abu]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3017
DCLG[Nva]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3018
DCLG[Nle]FRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3019
DCLGVFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3020
DCLGLFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3021
DCLGIFRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3022

DCLGGLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3023
DCLGALRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3024
DCLG[2-Abu]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3025
DCLG[Nva]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3026
DCLG[Nle]LRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3027
DCLGVLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3028
DCLGLLRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3029
DCLGILRKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3030
DCLGG[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3031
DCLGA[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3032
DCLG[2-Abu][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3033
DCLG[Nva][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3034
DCLG[Nle][Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3035
DCLGV[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-	[Val5;Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3036

{Amida}		
DCLGL[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3037
DCLGI[Nle]RKCIED[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu11,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3038
DCLGGFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3039
DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3040
DCLG[2-Abu]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3041
DCLG[Nva]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3042
DCLG[Nle]FRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3043
DCLGVFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3044
DCLGLFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3045
DCLGIFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3046
DCLGGLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3047
DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3048
DCLG[2-Abu]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3049
DCLG[Nva]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3050
DCLG[Nle]LRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-	[Nle5;Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3051

{Amida}		
DCLGVLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3052
DCLGLLRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3053
DCLGILRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3054
DCLGG[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3055
DCLGA[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3056
DCLG[2-Abu][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3057
DCLG[Nva][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3058
DCLG[Nle][Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3059
DCLGV[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3060
DCLGL[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3061
DCLGI[Nle]RKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Glu10,26;Pra13]GpTx-1(1-34)	3062
DCLGGFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3063

DCLGAFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3064
DCLG[2-Abu]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3065
DCLG[Nva]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3066
DCLG[Nle]FRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3067
DCLGVFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3068
DCLGLFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3069
DCLGIFRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Phe6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3070
DCLGGLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3071
DCLGALRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3072
DCLG[2-Abu]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3073
DCLG[Nva]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3074
DCLG[Nle]LRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-	[Nle5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-	3075

{Amida}	34)	
DCLGVLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3076
DCLGLLRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3077
DCLGILRKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Leu6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3078
DCLGG[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3079
DCLGA[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3080
DCLG[2-Abu][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3081
DCLG[Nva][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3082
DCLG[Nle][Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5,6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3083
DCLGV[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3084
DCLGL[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3085
DCLGI[Nle]RKCDPD[Pra]DKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5;Nle6;Asp10;Pra13;Glu26]GpTx-1(1-34)	3086

Como se establece anteriormente, de acuerdo con la invención actual, las porciones de péptido de la composición de materia inventiva también puede derivarse químicamente en uno o más residuos de aminoácido por técnicas de química orgánica conocidas. “Derivado químico” o “químicamente derivado” se refiere a un péptido objetivo que tiene uno o más residuos químicamente derivados por reacción de un grupo lateral funcional. Tales moléculas derivadas incluyen, por ejemplo, aquellas moléculas en las cuales los grupos amino libres se han derivado para formar clorohidratos de amina, grupos p-toluen sulfonilo, grupos carbobenzoxi, grupos t-butiloxicarbonilo, grupos cloroacetilo o grupos formilo. Los grupos carboxilo libres pueden derivarse para formar sales, ésteres de metilo y etilo u otros tipos de ésteres o hidrazidas. Los grupos hidroxilo libres pueden derivarse para formar derivados de O-acilo u O-alquilo. El imidazol nitrógeno de histidina puede derivarse para formar N-im-bencilhistidina. También se incluyen como derivados químicos aquellos péptidos que contienen uno o más derivados de aminoácido que se presentan naturalmente de los veinte aminoácidos canónicos, ya sea en forma L o D. Por ejemplo, la 4-hidroxiprolina puede sustituirse por prolina; la 5-hidroxilisina puede sustituirse por lisina; la 3-metilhistidina puede sustituirse por histidina; la homoserina puede sustituirse por serina; y la ornitina puede sustituirse por lisina.

Las derivaciones útiles incluyen, en algunas modalidades, aquellas en las cuales la terminal amino del

péptido se bloquea químicamente de manera que la conjugación con el vehículo se prevendrá que tome lugar en un grupo amino libre de terminal N. también hay otros efectos benéficos de tal modificación, por ejemplo una reducción en la susceptibilidad del análogo péptido de toxina a la proteólisis enzimática. El N terminal puede acilarse o modificarse a una amina sustituida, o derivarse con otro grupo funcional, tal como una porción aromática (por ejemplo, un ácido indol, bencilo (Bzl o Bn), dibencilo (DiBzl o Bn_2), o benciloxicarbonilo (Cbz o Z)), *N,N*-dimetilglicina o creatina. Por ejemplo, en algunas modalidades, una porción acilo, tal como, pero no limitada a, un formilo, acetilo (Ac), propanoilo, butanilo, heptanilo, hexanoilo, octanoilo, o nonanoilo, puede ligarse covalentemente al extremo de terminal N del péptido, que puede prevenir las reacciones colaterales indeseadas durante el conjugado del vehículo al péptido. Otros grupos derivados del N terminal ejemplares incluyen $-NRR^1$ (diferente a $-NH_2$), $-NRC(O)R^1$, $-NRC(O)OR^1$, $-NRS(O)_2R^1$, $-NHC(O)NHR^1$, succinimida, o benciloxicarbonilo-NH- (Cbz-NH-), en donde R y R^1 son cada uno independientemente hidrógeno o alquilo inferior y en donde el anillo fenilo puede sustituirse con 1 hasta 3 sustituyentes seleccionados de alquilo C_1-C_4, alcoxi C_1-C_4, cloro, y bromo.

En algunas modalidades, una o más ligaduras peptidilo [-C(O)NR-] (enlaces) entre residuos de aminoácido pueden remplazarse por una ligadura no peptidilo. Las ligaduras no peptidilo ejemplares son $-CH_2$-carbamato [$-CH_2$-OC(O)NR-], fosfonato, $-CH_2$-sulfonamida [$-CH_2$-$S(O)_2$NR-], urea [-NHC(O)NH-

], -CH_2-amina secundaria, y péptido alquilado [-C(O)NR^6- en donde R^6 es alquilo inferior].

En algunas modalidades, uno o más residuos de aminoácido individuales pueden derivarse. Se conocen varios agentes derivados por reaccionar específicamente con cadenas laterales o residuos terminales seleccionados, como se describe en detalle enseguida a modo de ejemplo.

Los residuos de lisinilo y residuos de terminal amino pueden hacerse reaccionar con anhídrido succínico y otros anhídridos de ácido carboxílico, que invierten la carga de los residuos de lisinilo. Otros reactivos apropiados para derivar los residuos que contienen alfa-amino incluyen imidoésteres tales como metil picolinimidato; piridoxal fosfato; piridoxal; cloroborohidruro; ácido trinitrobencensulfónico; O-metilisourea; 2,4 pentanediona; y reacción catalizada por transaminasa con glioxilato.

Los residuos de arginilo pueden modificarse por reacción con cualquiera o una combinación de varios reactivos convencionales, incluyendo fenilglioxal, 2,3-butanediona, 1,2-ciclohexandiona, y ninhidrina. La derivación de residuos de arginina requiere que la reacción se desempeñe en condiciones alcalinas debido al alto pKa de grupo funcional uanidina. Adicionales, estos reactivos pueden reaccionar con los grupos de lisina así como el grupo aginina épsilon-amino.

Se ha estudiado extensivamente la modificación específica de residuos de tirosilo, con interés particular en introducir etiquetas espectrales en residuos de tirosilo por reacción con compuestos de diazonio aromáticos o

tetranitrometano. Más comúnmente, N-acetilimidizol y tetranitrometano se usan para formar especies de O-acetil tirosilo y derivados de 3-nitro, respectivamente.

Los grupos de cadena lateral de carboxilo (aspartilo o glutamilo) pueden modificarse selectivamente por la reacción con carbodiimidas (R'-N=C=N-R') tal como 1-ciclohexil-3-(2-morfolinil-(4-etil) carbodiimida o 1-etil-3-(4-azonia-4,4-dimetilpentil) carbodiimida. Adicionalmente, los residuos de aspartilo y glutamilo pueden convertirse a residuos de asparaginilo y glutaminilo por la reacción con iones de amonio.

Los residuos de glutaminilo y asparaginilo pueden desaminarse a los correspondientes residuos de glutamilo y aspartilo. Alternativamente, estos residuos se desaminan bajo condiciones moderadamente ácidas. Cualquier forma de estos residuos cae dentro del alcance de la invención.

Los residuos de cisteinilo pueden remplazarse por residuos de aminoácidos u otras porciones ya sea para eliminar el enlazado de disulfuro o, a la inversa, para estabilizar el reticulado. (ver, por ejemplo, Bhatnagar et al., J. Med. Chem., 39:3814-3819 (1996)).

La derivación con agentes bifuncionales es útil para reticular los péptidos o sus derivados funcionales a una matriz de soporte insoluble en agua, si se desea, o a otros vehículos macromoleculares. Los agentes reticulantes comúnmente usados incluyen, por ejemplo, 1,1-bis(diazoacetil)-2-feniletano, glutaraldehído, ésteres de N-hidroxisuccinimida, por ejemplo, ésteres con ácido 4-

azidosalicílico, imidopesteres homobifunccionales, incluyendo ésteres de disuccinimidilo tal como 3,3'-ditiobis(succinimidilpropionato), y maleimidas bifuncionales tales como bis-N-maleimido-1,8-octano. Los agentes derivados tales como metil-3-[(p-azidofenil)ditio]propioimidato proporcionan intermediarios fotoactivables que son capaces de formar reticulantes en presencia de luz. Alternativamente, las matrices insolubles en agua reactivas tales como carbohidratos activados con bromuro de cianógeno y los sustratos ractivos, por ejemplo, como se describe en las Pat. E.U.A. Nos. 3,969,287; 3,691,016; 4,195,128; 4,247,642; 4,229,537; y 4,330,440, se emplean para inmovilización de proteína.

Otras modificaciones posibles incluyen hidroxilación de prolina y lisina, fosforilación de grupos hidroxilo de residuos de serilo o treonilo, oxidación del átomo de azufre en Cys, metilación de los grupos alfa-amino de cadena lateral de lisina, arginina e histidina. Creighton, Proteins: Structure and Molecule Properties (W. H. Freeman & Co., San Francisco), 79-86 (1983).

Los ejemplos anteriores de derivaciones no se pretenden que sean un tratamiento exhaustivo, sino meramente ilustrativo.

La producción de la composición de materia también puede involucrar técnicas de purificación de proteína apropiadas, cuando aplica. En algunas modalidades de la composición de materia de la invención, la molécula puede prepararse para incluir una etiqueta isotópica apropiada (por ejemplo, ^{125}I,

^{14}C, ^{13}C, ^{35}S, ^{3}H, ^{2}H, ^{13}N, ^{15}N, ^{18}O, ^{17}O, *etc.*), para facilidad de cuantificación o detección.

Porciones que extienden la vida media. Opcionalmente, para la modulación del perfil farmacocinético de la molécula para ajustar la necesidad terapéutica, la composición de la invención actual puede incluir una o más porciones que extienden la vida media de varias masas y configuraciones, cuya porción que extiende la vida media, o porciones, puede fusionarse, enlazarse, ligarse o conjugarse covalentemente al análogo péptido de toxina. Una “porción que extiende la vida media” se refiere a una molécula que previene o mitiga la degradación in vivo por proteólisis u otra modificación química que disminuye la actividad, incrementa la vida media in vivo u otras propiedades farmacocinéticas tales como pero no limitadas al incremento en la velocidad de absorción, toxicidad reducida, inmunogenicidad reducida, solubilidad mejorada, actividad biológica incrementada y/o selectividad objetivo del análogo péptido de toxina con respecto a un objetivo de interés, y/o capacidad de fabricación incrementada, comparada a una forma no conjugada del análogo péptido de toxina. De acuerdo con la invención, la porción que extiende la vida media es una que es farmacéuticamente aceptable.

La porción que extiende la vida media puede seleccionarse de tal manera que la composición inventiva alcance un tamaño hidrodinámico suficiente para prevenir la liberación por filtración renal in vivo. Por ejemplo, una porción que extiende la vida media puede seleccionarse de

manera que sea una macromolécula polimérica, que es sustancialmente de cadena lineal, cadena ramificada (br) , o dendrítica en su forma. Alternativamente, una porción que extiende la vida media puede seleccionarse de tal manera que, in vivo, la composición de materia inventiva se enlazará a una proteína de suero para formar un complejo, de tal manera que el complejo formado de esta manera evita la liberación renal sustancial. La porción que extiende la vida media puede, por ejemplo, ser un lípido; un grupo colesterol (tal como un esteroide); un carbohidrato u oligosacárido; o cualquier proteína natural o sintética, polipéptido o péptido que se anlaza a un receptor rescatado.

Las porciones que extienden la vida media ejemplares que pueden usarse, de acuerdo con la invención actual, incluyen un dominio Fc de inmunoglobulina, o una porción del mismo, o un polímero o copolímero biológicamente apropiado, por ejemplo, un compuesto de polialquilenglicol, tal como un polietilenglicol (PEG) o un popipropilenglicol. Otros compuestos de polialquilenglicol apropiados incluyen, pero no se limitan a, polímeros cargados o neutros de los siguientes tipos: dextrano, polilisina, ácidos colomínicos u otros polímeros basados en carbohidratos, polímeros de aminoácidos, y derivados de biotina. En algunas modalidades de proteína de fusión o conjugada monomérica, una inmunoglobulina (incluyendo cadenas ligera y pesada) o una porción de la misma, puede usarse como una porción que extiende la vida media, preferiblemente una inmunoglobulina de origen humano, e incluyendo cualquiera de las inmunoglobulinas, tales como,

pero no limitado a, IgG1, IgG2, IgG3 o IgG4.

Otros ejemplos de la porción que extiende la vida media, de acuerdo con la invención, incluye un copolímero de etilenglicol, un copolímero de propilen glicol, una carboximetilcelulosa, una polivinil pirrolidona, un poli-1,3-dioxolano, un poli-1,3,6-trioxano, un copolímero anhídrido etilen maleico, un poliaminoácido (por ejemplo, polilisina o poliornitina), una dextran n-vinil pirrolidona, un poli n-vinil pirrolidona, un homopolímero de propilen glicol, un polímero de óxido de propileno, un polímero de óxido de etileno, un poliol polioxietilado, un alcohol polivinílico, una cadena glicosilada lineal o ramificada, un poliacetal, un ácido graso de cadena larga, un grupo alifático hidrofóbico de cadena larga, o un ácido polisiálico (por ejemplo, tecnología PolyXen™; Gregoriadis et al., Improving the therapeutic efficacy of peptides and proteins: a role for polisialic acids, Intl. J. Pharmaceutics, 300:125-30 (2005), incorporado en la presente para referencia en su totalidad).

En otras modalidades de la composición de materia, la porción que extiende la vida media es una entidad química aniónicamente carga, ligada covalentemente al N terminal del análogo péptido de toxina, cuyas entidades químicas aniónicamente cargadas incluyen, pero no se limitan a, fosfotirosina, fosfoserina, p-fosfono(difluoro-metil)-fenilalanina (Pfp), p-fosfono-metil-fenilalanina (Pmp), p-fosfatidil-fenilalanina (Ppa), o p-fosfono-metilceto-fenilalanina (Pkp), que pueden ligarse covalentemente al N terminal del análogo péptido de toxina, opcionalmente de

manera indirecta, por medio de una ligadura AEEA u otra ligadura como se describe en la presente. (Ver, Chandy et al., Analogs of ShK toxin and their uses in selective inhibition of Kv1.3 potassium channels, WO 2006/042151 A2; Beeton et al., Targeting effector memory T cells with a selective peptide inhibitor of Kv1.3 channels for therapy of autoimmune diseases, Molec. Pharmacol. 67(4):1369-81 (2005); Pennington et al., Engineering a stable and selective peptide blocker of the Kv1.3 channel in T lymphocytes, Molecular Pharmacology Fast Forward, published 2 enero 2009 como doi:10.1124/mol.108.052704 (2009), todas estas referencias se incorporan en la presente para referencia en su totalidad). El AEEA es ácido 2-(2-(2-aminoetoxi)etoxi)acético (también conocido como Ácido 8-Amino-3,6-Dioxaoctanoico). (Ver, por ejemplo, Beeton et al., Targeting effector memory T cells with a selective peptide inhibitor of Kv1.3 channels for therapy of autoimmune diseases, Molec. Pharmacol. 67(4):1369-81 (2005)).

Otras modalidades de la porción que extiende la vida media, de acuerdo con la invención, incluye ligandos de péptido o ligandos de molécula de pequeños (orgánico) que tienen afinidad de enlace para una proteína de suero de vida media larga bajo condiciones fisiológicas de temperatura, pH, y resistencia iónica. Los ejemplos incluyen un péptido enlazado a albúmina o ligando de molécula pequeña, un péptido enlazado a transtiretina o ligando de molécula pequeña, un péptido enlazado a globulina enlazada a tiroxina o ligando de molécula pequeña, un péptido enlazado al anticuerpo o ligando

de molécula pequeña, u otro péptido o molécula pequeña que tiene afinidad para una proteína de suero de vida media larga. (Ver, por ejemplo, Blaney et al., Method and compositions for increasing the serum half-life of pharmacologically active agents by binding to transthyretin-selective ligands, Patente E.U.A. No. 5,714,142; Sato et al., Serum albumin binding moieties, US 2003/0069395 A1; Jones et al., Pharmaceutical active conjugates, Patente E.U.A. No. 6,342,225). Una “proteína de suero de vida media larga” es una de los cientos de proteínas diferentes disueltas en plasma sanguíeo de mamífero, incluyendo las llamadas “proteínas portadoras” (tal como albúmina, transferrina y haptoglobina), fibrinógeno y otros factores de coagulación sanguínea, componentes de complemento, inmunoglobulinas, inhibidores de enzima, precursores de sustancias tales como angiotensina y bradicinina y muchos otros tipos de proteínas. La invención abarca el uso de cualquiera de las especies sencillas de porción que extiende la vida media farmacéuticamente aceptable, tal como, pero no limitado a, aquellas descritas en la presente, o el uso de una combinación de dos o más porciones que extienden la vida media diferentes, tal como PEG y dominio Fc de inmunoglobulina o una porción del mismo (Ver, por ejemplo, Feige et al., Modified peptides as therapeutic agents, Patente E.U.A. No. 6,660,843), tal como un dominio CH2 de Fc, albúmina (por ejemplo, albúmina de suero humana (HSA); ver, por ejemplo, Rosen et al., Albumin fusion proteins, Patente E.U.A. No. 6,926,898 y US 2005/0054051; Bridon et al.,

Protection of endogenous therapeutic peptides from peptidase activity through conjugation to blood components, US 6,887,470), una transtiretina (TTR; ver, por ejemplo, Walker et al., Use of transthyretin peptide/protein fusions to increase the serum half-life of pharmacologically active peptides/proteins, US 2003/0195154 A1; 2003/0191056 A1), o una globulina enlazada a tiroxina (TBG), o una combinación tal como inmunoglobulina (cadena ligera+cadena pesada) y dominio Fc (la combinación heterotrimérica llamada "hemicuerpo"), por ejemplo como se describe en Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, PCT/US2007/022831, publicada como WO 2008/088422, que es incorporado en la presente para referencia en su totalidad.

La conjugación de los análogos péptidos de toxinas a la porción que extiende la vida media, o porciones, puede ser por medio del N terminal y/o el C terminal del péptido de toxina, o puede ser insertada de manera que sea la secuencia de aminoácido primaria, F1 es la ligadura más cercana al terminal N del análogo del péptido de toxina.

Las porciones que extienden la vida media particularmente útiles incluyen inmunoglobulinas (por ejemplo, inmunoglobulina humana, incluyendo IgG1, IgG2, IgG3 o IgG4). El término "inmunoglobulina" abarca anticuerpos completos que comprenden dos cadenas pesadas dimerizadas (HC), cada una ligada covalentemente a una cadena ligera (LC); una cadena pesada de inmunoglobulina no dimerizada sencilla y cadena ligera ligada covalentemente (HC + LC); o una inmunoglobulina quimérica (cadena ligera + cadena

pesada)-heterotrímero Fc (un llamado “hemicuerpo”). Las Figuras 12A-12N y las Figuras 88-91 ilustran varias modalidades diferentes de tales conjugados de péptido de toxina-inmunoglobulina.

La fusión recombinante o conjugado químico de los análogos de péptido GpTx-1 a una inmunoglobulina recombinante de cualquiera de los isotipos IgG1, IgG2, IgG3 o IgG4 puede ser útiles para extender la vida media farmacocinética. (Ver, por ejemplo, Doellgast et al., WO 2010/108153 A2). Cualquiera de las inmunoglobulinas portadoras descritas en Doellgast et al., WO 2010/108153 A2 o Walker et al., PCT/US2011/052841, o conversiones de isotipo de cualquiera de estas que comprenden diferentes dominios constantes de isotipo, u otras inmunoglobulinas portadoras conocidas en el campo, pueden usarse como porciones que extienden la vida media dentro del alcance de la invención.

Un ejemplo de un dominio constante de cadena pesada (HC) IgG2 humano tiene la secuencia de aminoácidos:

ASTKGPSVFPLAPCSRSTSESTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSG
LYSLSSVVTVPSSNFGTQTYTCNVDHKPSNTKVDKTVERKCCVECPPCPAPPVAGPSVFLF
PPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTFRVVS
VLTVVHQDWLNGKEYKCKVSNKGLPAPIEKTISKTKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSL
TCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPMLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
VMHEALHNHYTQKSLSLSPGK// SEQ. ID NO:3090.

Las secuencias de región constante de otros isotipos IgG se conocen en el campo para un isotipo de inmunoglobulina IgG1, IgG2, IgG3, o IgG4, si se desea. En general, puede usarse IgG2 humana para objetivos donde no se desean

funciones efectoras, e IgG1 humana en situaciones donde se desean tales funciones efectoras (por ejemplo, citotoxicidad dependiente del anticuerpo (ADCC)). La IgG3 humana tiene una vida media relativamente corta y la IgG4 humana forma “moléculas medias” de anticuerpo. Hay cuatro alotipos conocidos de IgG1 humana. El alotipo preferido se refiere como “hIgG1z”, también conocido como el alotipo “KEEM”. Los alotipos IgG1 humanos “hIgG1za” (KDEL), “hIgG1f” (REEM), y “hIgG1fa” también son útiles; todos parecen tener una función efectora ADCC.

El dominio constante de cadena pesada (HC) hIgG1z humano tiene la secuencia de aminoácidos:

ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSG
LYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGPS
VFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTY
RVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKN
QVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK// SEQ ID NO:3091.

El dominio constante de cadena pesada (HC) hIgG1za humano tiene la secuencia de aminoácidos:

ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSG
LYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGPS
VFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTY
RVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRDELTKN
QVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK// SEQ ID NO:3092.

El dominio constante de cadena pesada (HC) hIgG1f humano tiene la secuencia de aminoácidos:

ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSG
LYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKRVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGPS
VFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTY
RVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKN
QVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK// SEQ ID NO:3093.

El dominio constante de cadena pesada (HC) hIgG1fa humano tiene la secuencia de aminoácidos:

ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSG
LYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKRVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGPS
VFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTY
RVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRDELTKN
QVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK// SEQ ID NO:3094.

Un ejemplo de una secuencia de región constante de cadena ligera (LC) de inmunoglobulina humana es el siguiente (designado “CL-1”):

GQPKANPTVTLFPPSSEELQANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADGSPVKAGVETTKPSKQ
SNNKYAASSYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPTECS// SEQ ID NO:3095.

CL-1 es útil para incrementar el pI de anticuerpos y es conveniente. Hay otras tres regiones constantes de cadena ligera de inmunoglobulina humana, designadas “CL-2”, “CL-3” y “CL-7”, que también pueden usarse dentro del alcance de la invención actual. CL-2 and CL-3 son más comúnes en la población humana.

El dominio constante de cadena ligera (LC) CL-2 humano tiene la secuencia de aminoácidos:

GQPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAGVETTTPSKQ SNNKYAASSYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPTECS// SEQ ID NO:3096.

El dominio constante LC CL-3 humano tiene la secuencia de aminoácidos:

GQPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAGVETTTPSKQ SNNKYAASSYLSLTPEQWKSHKSYSCQVTHEGSTVEKTVAPTECS// SEQ ID NO:3097.

El dominio constante LC CL-7 humano tiene la secuencia de aminoácidos:

GQPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLVCLVSDFYPGAVTVAWKADGSPVKVGVETTKPSKQ SNNKYAASSYLSLTPEQWKSHRSYSCRVTHEGSTVEKTVAPAECS// SEQ ID NO:3098.

Las regiones variables de cadenas de inmunoglobulina exhiben generalmente la misma estructura general, que comprende regiones de marco (FR) relativamente conservadas unidas por tres regiones hipervariables, más a menudo llamadas “regiones complementariamente determinantes” o CDRs. Las CDRs de las dos cadenas de cada par cadena pesada/cadena ligera mencionadas arriba se alinean típicamente por las regiones de marco para formar una estructura que se enlaza específicamente con un epítopo o dominio específico en la proteína objetivo, si hay. Del N terminal al C terminal, las regiones variables de cadena pesada y ligera que se presentan naturalmente típicamente están ambas conforme al siguiente orden de estos elementos: FR1, CDR1, FR2, CDR2, FR3, CDR3 y FR4. Se ha ideado un sistema de numeración para asignar números a los aminoácidos que ocupan posiciones en cada uno

de estos dominios. Este sistema de numeración se define en Kabat Sequences of Proteins of Immunological Interest (1987 y 1991, NIH, Bethesda, MD), o Chothia & Lesk, 1987, *J. Mol. Biol.* 196:901-917; Chothia *et al.*, 1989, *Nature* 342:878-883.

Un “anticuerpo”, o de manera intercambiable “Ab”, es una glicoproteína tetramérica. En un anticuerpo que se presenta naturalmente, cada tetrámero está compuesto de dos pares idénticos de cadenas de polipéptido, cada par tiene una cadena “ligera” de alrededor de 220 aminoácidos (alrededor de 25 kDa) y una cadena “pesada” de alrededor de 440 aminoácidos (alrededor de 50-70 kDa). La porción de terminal amino de cada cadena incluye una región “variable” (“V”) de alrededor de 100 hasta 110 o más aminoácidos responsables principalmente para el reconocimiento del antígeno. La porción de terminal carboxi de cada cadena define una región constante responsable principalmente para la función efectora. La región variable difiere entre diferentes anticuerpos. La región constante es la misma entre diferentes anticuerpos. Dentro de la región variable de cada cadena pesada o ligera, hay tres subregiones hipervariables que ayudan a determinar la especificidad del anticuerpo para el antígeno. Los residuos de dominio variable entre las regiones hipervariables se llaman los residuos de marco y generalmente son de alguna manera homólogos entre diferentes anticuerpos. Las inmunoglobulinas pueden asignarse a diferentes clases dependiendo de la secuencia de aminoácidos de la región constante de sus cadenas pesadas. Las cadenas ligeras humanas se clasifican como cadenas ligeras kappa (κ)

y lambda (λ). Dentro de las cadenas ligera y pesada, las regiones variable y constante se unen por una región “J” de alrededor de 12 o más aminoácidos, con la cadena pesada también incluyendo una región “D” de alrededor de 10 más aminoácidos. Ver generalmente, Fundamental Immunology, Cap. 7 (Paul, W., ed., 2ª ed. Raven Press, N.Y. (1989)). Dentro del alcance de la invención, un “anticuerpo” también abarca un anticuerpo hecho recombinante, y anticuerpos que carecen de glicosilación.

El término “cadena pesada” o “cadena pesada de inmunoglobulina” incluye una cadena pesada de longitud completa y fragmentos de la misma que tiene una secuencia de región variable suficiente para conferir especificidad de enlace. Una cadena pesada de longitud completa incluye un dominio de región variable, V_H, y tres dominios de región constante, C_H1, C_H2, y C_H3. El dominio V_H está en la terminal amino del polipéptido, y los dominios C_H están en el terminal carboxilo, con el C_H3 siendo el más cercano a el terminal carboxi del polipéptido. Las cadenas pesadas se clasifican como mu (μ), delta (Δ), gamma (γ), alfa (α), y epsilon (ε), y define el isotipo del anticuerpo como IgM, IgD, IgG, IgA, y IgE, respectivamente. En modalidades separadas de la invención, las cadenas pesadas pueden ser de cualquier isotipo, incluyendo IgG (incluyendo subtipos IgG1, IgG2, IgG3 e IgG4), IgA (incluyendo subtipos IgA1 e IgA2), IgM e IgE. Varios de estos pueden además dividirse en subclases o isotipos, por ejemplo IgG1, IgG2, IgG3, IgG4, IgA1 e IgA2. Diferentes isotipos IgG pueden tener diferentes funciones

efectoras (mediadas por la región Fc), tal como citotoxicidad celular dependiente del anticuerpo (ADCC) y citotoxicidad dependiente del complemento (CDC). En ADCC, la región Fc de un anticuerpo se enlaza a los receptores Fc ($Fc_{\gamma}Rs$) en la superficie de células efectoras inmunitarias tales como eliminadoras naturales y macrófagos, lo que lleva a la fagocitosis o lisis de las células objetivo. En CDC, los anticuerpos eliminan las células dirigidas al disparar la cascada de complemento en la superficie celular.

Una “región Fc”, o usada intercambiablemente en la presente, “dominio Fc” o “dominio Fc de inmunoglobulina”, contiene dos fragmentos de cadena pesada, que en un anticuerpo comprende los dominios C_H1 y C_H2 del anticuerpo. Los dos fragmentos de cadena pesada se unen en conjunto por dos o más enlaces disulfuro y por interacciones hidrofóbicas de los dominios C_H3.

El término “epítopo enlazado al receptor rescatado” se refiere a un epítopo de la región Fc de una molécula IgG (*por ejemplo,* IgG_1, IgG_2, IgG_3, o IgG_4) que es responsable para incrementar la vida media en suero in vivo de la molécula IgG.

Los “alotipos” son variaciones en la secuencia de anticuerpo, a menudo en la región constante, que pueden ser inmunogénicas y se codifican por alelos específicos en humanos. Los alotipos se han identificado por cinco de los genes IGHC humanos, los genes IGHG1, IGHG2, IGHG3, IGHA2 e IGHE, y se designan como alotipos G1m, G2m, G3m, A2m, y Em, respectivamente. Se conocen al menos 18 alotipos Gm: nG1m(1),

nG1m(2), G1m (1, 2, 3, 17) o G1m (a, x, f, z), G2m (23) o G2m (n), G3m (5, 6, 10, 11, 13, 14, 15, 16, 21, 24, 26, 27, 28) o G3m (b1, c3, b5, b0, b3, b4, s, t, g1, c5, u, v, g5). Hay dos alotipos A2m A2m(1) y A2m(2).

Para una descripción detallada de la estructura y generación de anticuerpo, ver Roth, D.B., and Craig, N.L., *Cell*, 94:411-414 (1998), incorporada en la presente para referencia en su totalidad. Brevemente, el proceso para generar ADN que codifica las secuencias de inmunoglobulina de cadena pesada y ligera ocurre primariamente en las células B desarrolladas. Antes de la reconfiguración y unión de varios segmentos del gen de inmunoglobulina, los segmentos del gen V, D, J y de constante (C) se encuentran generalmente en proximidad relativamente cercana en un cromosoma sencillo. Durante la diferenciación de célula B, una de cada una de los miembros de la familia apropiada de los segmentos de gen V, D, J (o sólo V y J en el caso de genes de cadena ligera) se recombinan para formar regiones variables reconfiguradas funcionalmente de los genes de inmunoglobulina pesada y ligera. Este proceso de reconfiguración de segmento de genes parece ser secuencial. Primero, se hacen las uniones D hasta J de la cadena pesada, seguidas por las uniones V hasta DJ de cadena pesada y uniones V hasta J de cadena ligera. Además de la reconfiguración de los segmentos V, D y J, se genera diversidad adicional en el repertorio primario de cadenas pesada y ligera de inmunoglobulina a modo de recombinación variable en als ubicaciones donde los segmentos V y J en la cadena ligera se unen y donde los segmentos D y J de la

cadena pesada se unen. Tales variaciones en la cadena ligera ocurren típicamente con el último codón del segmento de gen V y el primer codón del segmento J. Se presenta una imprecisión similar en la unión en el cromosoma de cadena pesada entre los segmentos D y J_H y puede extenderse sobre tanto como 10 nucleótidos. Adicionalmente, varios nucleótidos pueden insertarse entre los segmentos de genl D y J_H y entre el V_H y D que no se codifican por ADN genómico. La adición de estos nucleótidos se conoce como diversidad de región N. El efecto total de tales reconfiguraciones en los segmentos de gen de región variable y la recombinación variable que puede presentarse durante tal unión es la producción de un repertorio de anticuerpo primario.

El término región “hipervariable” se refiere a los residuos de aminoácido de un anticuerpo que son responsables para el enlace del antígeno. La región hipervariable comprende residuos de aminoácido desde una región complementariament determinante o CDR [es decir, residuos 24-34 (L1), 50-56 (L2) y 89-97 (L3) en el dominio variable de cadena ligera y 31-35 (H1), 50-65 (H2) y 95-102 (H3) en el dominio variable de cadena pesada como se describe por Kabat et al., Sequences of Proteins of Immunological Interest, 5ª Ed. Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, Md. (1991)]. Aún una CDR sencilla puede reconocer y enlazar un antígeno, aunque con una afinidad más baja que el sitio de enlace del antígeno completo que contiene todas las CDRs.

Una definición alternativa de los residuos de un “rizo”

hipervariable se describe por Chothia et al., *J. Mol.Biol. 196*: 901-917 (1987) como residuos 26-32 (L1), 50-52 (L2) and 91-96 (L3) en el dominio variable de cadena ligera y 26-32 (H1), 53-55 (H2) y 96-101 (H3) en el dominio variable de cadena pesada.

Residuos de “marco” o “FR” son aquellos residuos de región variable diferentes a los residuos de región hipervariable.

Los “fragmentos de anticuerpo” comprenden una porción de un anticuerpo de longitud completa intacto, preferiblemente el antígeno enlazado o región variable del anticuerpo intacto. Los ejemplos de fragmentos de anticuerpo incluyen fragmentos Fab, Fab', $F(ab')_2$, y Fv; diacuerpos; anticuerpos lineales (Zapata et al., Protein Eng., 8(10):1057-1062 (1995)); moléculas de anticuerpo de cadena sencilla; y anticuerpos multiespecíficos formados a partir de fragmentos de anticuerpo.

La digestión de papaína de los anticuerpos produce dos fragmentos idénticos enlazados al antígeno, llamados fragmentos “Fab”, cada uno con un sitio enlazado al antígeno sencillo, y un fragmento “Fc” residual que contiene la región constante. El fragmento Fab contiene todo el dominio variable, así como el dominio constante de la cadena ligera y el primer dominio constante (CH1) de la cadena pesada. El fragmento Fc exhibe carbohidratos y es responsable de muchas funciones efectoras del anticuerpo (tal como complemento de enlace y receptores celulares), que distinguen una clase de anticuerpo de otra.

El tratamiento de pepsina proporciona un fragmento $F(ab')_2$ que tiene dos fragmentos de anticuerpo “Fv de cadena sencilla” o “scFv” que comprenden los dominios VH y VL del anticuerpo, en donde estos dominios están presentes en la cadena de polipéptido sencilla. Los fragmentos Fab difieren de los fragmentos Fab' por la inclusión de algunos residuos adicionales en el terminal carboxi del dominio CH1 de cadena pesada incluyendo una o más cisteínas de la región de bisagra de anticuerpo. Preferiblemente, el polipéptido Fv comprende además una ligadura de polipéptido entre los dominios VH y VL que permiten que el Fv forme la estructura deseada para enlace del antígeno. Para una revisión de scFv ver Pluckthun in The Pharmacology of Monoclonal Antibodies, vol. 1 13, Rosenburg and Moore eds., Springer-Verlag, New York, pp. 269-315 (1994).

Un “fragmento Fab” está comprendido de una cadena ligera y la C_H1 y regiones variables de una cadena pesada. La cadena pesada de una molécula Fab no forma un enlace disulfuro con otra molécula de cadena pesada.

Un “fragmento Fab'” contiene una cadena ligera y una porción de una cadena pesada que contiene el dominio V_H y el dominio C_H1 y también la región entre los dominios C_H1 y C_H2, de tal manera que un enlace disulfuro intercadena pueed formarse entre las dos cadenas pesadas de dos fragmentos Fab' para formar una molécula $F(ab')_2$.

Un “fragmento $F(ab')_2$” contiene dos cadenas ligeras y dos cadenas pesadas que contienen una porción de la región constante entre los dominios C_H1 and C_H2, de tal manera que se

forma un enlace disulfuro intercadena entre las dos cadenas pesadas. De esta manera un fragmento $F(ab')_2$ está compuesto de dos fragmentos Fab' que se mantienen juntos por un enlace disulfuro entre las dos cadena pesadas.

"Fv" es el fragmento de anticuerpo mínimo que contiene un reconocimiento del antígeno completo y un sitio de enlace. Esta región consiste de un dímero de un dominio variable de cadena pesada y uno de cadena ligera en asociación no covalente, estrecha. Es en esta configuración que las tres CDRs de cada dominio variable interactúan para definir un sitio enlazado al antígeno en la superficie del dímero VH VL. Un dominio variable sencilla (o la mitad de un Fv que comprende sólo tres CDRs específicas para un antígeno) tiene la capacidad de reconocer y enlazar el antígeno, aunque a una afinidad más baja que el sitio de enlace completo.

Los "anticuerpo de cadena sencilla" son moléculas Fv en las cuales las regiones variables de cadena pesada y ligera se ha conectado por una ligadura flexible para formar una cadena de polipéptido sencilla, que forma una región enlazada al antígeno. Los anticuerpos de cadena sencilla se discuten en detalle en la Publicación de Solicitud de Patente No. WO 88/01649 y la Patente de los Estados Unidos de América No. 4,946,778 y No. 5,260,203, las descripciones de las cuales se incorporan para referencia en su totalidad.

Los fragmentos de anticuerpo "Fv de cadena sencilla" o "scFv" comprenden los dominios V_H y V_L del anticuerpo, en donde estos dominios se presentan en una cadena de polipéptido sencilla, y opcionalmente comprenden una ligadura

polipéptido entre los dominios V_H y V_L que permite que Fv forme la estructura deseada para el enlace del antígeno (Bird et al., *Science* 242:423-426, 1988, y Huston et al., *Proc. Natl. Acad. Sci. USA* 85:5879-5883, 1988). Un fragmento "Fd" consiste de los dominios V_H y C_H1.

El término "diacuerpos" se refiere a fragmentos de anticuerpo pequeños con dos sitios enlazados al antígeno, cuyos fragmentos comprenden un dominio variable de cadena pesada (VH) conectado a un dominio variable de cadena ligera (VL) en la misma cadena de polipéptido (VH VL). Al usar una ligadura que sea tan corta para permitir la formación de pares entre los dos dominios en la misma cadena, los dominios son forzados a formar pares con los dominios complementarios de otra cadena y crear dos sitios enlazados al antígeno. Los diacuerpos se describen más completamente en, por ejemplo, EP 404,097; WO 93/11161; y Hollinger et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 90:6444-6448 (1993).

Un "anticuerpo de dominio" es un fragmento de inmunoglobulina inmunológicamente funcional que sólo contiene la región variable de una cadena pesada o la región variable de una cadena ligera. En algunos casos, se unen covalentemente dos o más regiones V_H con una ligadura péptido para crear un anticuerpo de dominio divalente. Las dos regiones V_H del anticuerpo de dominio divalente pueden dirigir los mismos o diferentes antígenos.

El término "epítopo" es la porción de una molécula que se enlaza por una proteína enlazada al antígeno (por ejemplo, un anticuerpo). El término incluye cualquier determinante

capaz de enlazarse específicamente a una proteína enlazada al antígeno, tal como un anticuerpo o a un receptor de célula T. un epítopo puede ser contiguo o no contiguo (por ejemplo, en un polipéptido de cadena sencilla, los residuos de aminoácido que no son contiguos uno al otro en la secuencia de polipéptido pero que dentro del contexto de la molécula se enlazan por la proteína enlazada al antígeno). En ciertas modalidades, los epítopos pueden ser miméticos en que comprenden una estructura tridimensional que es similar a un epítopo usado para generar la proteína enlazada al antígeno, comprenden aún ninguno o sólo algunos de los residuos de aminoácidos encontrados en tal epítopo usado para generar la proteína enlazada al antígeno. Más a menudo, los epítopos residen en proteínas, pero en algunos casos pueden residir en otros tipos de moléculas, tal como ácidos nucleicos. Las determinantes de epítopo pueden incluir agrupamientos de moléculas de superficie químicamente activa tal como aminoácidos, cadenas laterales de azúcar, grupos fosforilo o sulfonilo, y pueden tener características estructurales tridimensionales, y/o características de carga específica. Generalmente, los anticuerpos específicos para un antígeno objetivo particular preferiblemente reconocerán un epítopo en el antígeno objetivo en una mezcla en complejo de proteínas y/o macromoléculas.

El término “identidad” se refiere a una relación entre las secuencias de dos o más moléculas de polipéptido o dos o más moléculas de ácido nculeico, como se determina por la alineación y comparación de las secuencias. “Porcentaje de

identidad” significa el porcentaje de residuos idénticos entre los aminoácidos o nucleótidos en las moléculas comparadas y se calcula con base en el tamaño de la más pequeña de las moléculas a compararse. Para estos cálculos, los espacios (si hay) deberán direccionarse por un modelo matemático particular o programa de computadora (es decir, un “algoritmo”). Los métodos que pueden usarse para calcular la dientidad de los ácidos nucleicos o polipépidos alineados incluyen aquellos descritos en Computational Molecular Biology, (Lesk, A. M., ed.), 1988, Nueva York: Oxford University Press; Biocomputing Informatics and Genome Projects, (Smith, D. W., ed.), 1993, Nueva York: Academic Press; Computer Analysis of Sequence Data, Parte I, (Griffin, A. M., and Griffin, H. G., eds.), 1994, Nueva Jersey: Humana Press; von Heinje, G., 1987, Sequence Analysis in Molecular Biology, Nueva York: Academic Press; Sequence Analysis Primer, (Gribskov, M. and Devereux, J., eds.), 1991, Nueva York: M. Stockton Press; y Carillo et al., 1988, SIAM J. Applied Math. 48:1073. Por ejemplo, puede determinarse la identidad de secuencia por métodos estándar que se usan comúnmente para comparar la similitud en la posición de los aminoácidos de dos polipéptidos. Usando un programa de computadora tal como BLAST o FASTA, se alinean dos secuencias de polipéptidos o dos de polinucleótido para la coincidencia óptima de sus respectivos residuos (ya sea a lo largo de la longitud completa de una o ambas secuencias, o a lo largo de una porción pre-determinada de una o ambas secuencias). Los programas proporcionan una penalización de abertura

predeterminada y una penalización de espacio predeterminada, y puede usarse una matriz de clasificación tal como PAM 250 [una matraz de clasificación estándar; ver Dayhoff et al., en *Atlas of Protein Sequence and Structure*, vol. 5, supp. 3 (1978)] en conjunto con el programa de computadora. Por ejemplo, el porcentaje de identidad puede calcularse entonces como: el número total de coincidencias idénticas multiplicado por 100 y luego dividido por la suma de la longitud de la secuencia más larga dentro del intervalo de coincidencia y el número de espacios introducido en las secuencias más largas con objeto de alinear las dos secuencias. Al calcular el porcentaje de identidad, las secuencias comparadas se alinean de manera que da la coincidencia más larga entre las secuencias.

El paquete de programa GCG es un programa de computadora que puede usarse para determinar el porcentaje de identidad, cuyo paquete incluye GAP (Devereux et al., 1984, Nucl. Acid Res. 12:387; Genetics Computer Group, University of Wisconsin, Madison, WI). El algoritmo GAP de computadora se usa para alinear los dos péptidos o dos polinucleótidos para los cuales el porcentaje de identidad de secuencia se determina. Se alinean las secuencias para coincidencia óptima de sus respectivos aminoácidos o nucleótidos (el “intervalo de coincidencia”, como se determina por el algoritmo). Una penalización de abertura de espacio (que se calcula como 3x la diagonal promedio, en donde la “diagonal promedio” es el promedio de la diagonal de la matriz de comparación a usarse; la “diagonal” es el registro o número asignado a cada

aminoácido perfecto en coincidencia por la matriz de comparación particular) y una penalización de extensión de espacio (que usualmente es 1/10 veces la penalización de abertura de espacio), así como una matriz de comparación tal como PAM 250 o BLOSUM 62 se usan en conjunto con el algoritmo. En ciertas modalidades, la matriz de comparación estándar (Ver, Dayhoff et al., 1978, Atlas of Protein Sequence and Structure 5:345-352 para la matriz de comparación PAM 250; Henikoff et al., 1992, Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A. 89:10915-10919 para la matriz de comparación BLOSUM 62) también se usa por el algoritmo.

Los parámetros recomendados para determinar el porcentaje de identidad para polipéptidos o secuencias de nucleótido que usan el programa GAP incluyen los siguientes:

Algoritmo: Needleman et al., 1970, J. Mol. Biol. 48:443-453;

Matriz de comparación: BLOSUM 62 de Henikoff et al., 1992, supra;

Penalización por Espacio: 12 (pero sin penalización por espacios finales)

Penalización por Longitud de Espacio: 4

Umbral de Similitud: 0

Ciertos esquemas de alineación para alinear dos secuencias de aminoácido puede resultar en la coincidencia de sólo una región corta de las dos secuencias, y esta región alineada pequeña puede tener muy alta identidad de secuencia aunque no es importante la relación entre las dos secuencias de longitud completa. En consecuencia, el método de

alineación seleccionada (programa GAP) puede ajustarse si así se desea para resultar en una alineación que abarca al menos 50 aminoácidos contiguos del polipéptido objetivo.

El término “modificación” cuando se usa en conexión con inmunoglobulinas, incluyendo anticuerpos y fragmentos de anticuerpo, de la invención, incluyen, pero no se limitan a, uno o más cambios de aminoácido (incluyendo sustituciones, inserciones o eliminaciones); modificaciones químicas; modificación covalente por conjugado a agentes terapéuticos o de diagnóstico; etiquetado (por ejemplo, con radionúclidos o varias enzimas); enlace de polímero covalente tal como PEGilación (derivación con polietilenglicol) e inserción o sustitución por síntesis química de aminoácidos no naturales.

El término “derivado” cuando se usa en conexión con una inmunoglobulina (incluyendo anticuerpos y fragmentos de anticuerpo) dentro del alcance de la invención se refiere a proteínas de inmunoglobulina que se modifican covalentemente por conjugado a agentes terapéuticos o de diagnóstico, etiquetado (por ejemplo, con radionúclidos o varias enzimas), enlace de polímero covalente tal como PEGilación (derivación con polietilenglicol) e inserción o sustitución por síntesis química de aminoácidos no naturales. Los derivados de la invención mantendrán las propiedades de enlace de moléculas no derivadas de la invención.

En algunas modalidades de la invención, la porción que extiende la vida media es un dominio Fc de inmunoglobulina (por ejemplo, un dominio Fc de inmunoglobulina humano, incluyendo Fc de alotipo IgG1, IgG2, IgG3 o IgG4) o una

porción del mismo (por ejemplo, dominio CH2 del dominio Fc), albúmina de suero humano (HSA), o poli(etilenglicol) (PEG), en particular PEG de peso molecular de alrededor de 1000 Da hasta alrededor de 100000 Da.

Las fusiones o conjugados de análogo péptido de toxina Fc diméricos monovalentes o diméricos divalentes son modalidades útiles de la composición de materia inventiva. Un conjugado o análogo de fusión péptido de toxina Fc “dimérico monovalente”, o intercambiablemente, “dímero monovalente”, o intercambiablemente, “heterodímero monovalente”, es un conjugado o análogo de fusión péptido de toxina Fc que incluye un análogo péptido de toxina conjugado con sólo uno de los dominos Fc dimerizados (por ejemplo, como se representa esquemáticamente en la Figura 2B de Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, US2007/0071764 y Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, PCT/US2007/022831, publicado como WO 2008/088422, que son ambos incorporados en la presente para referencia en su totalidad). Un análogo de fusión péptido de toxina Fc “dimérico divalente”, o intercambiablemente, “dímero divalente” o “homodímero divalente”, es un conjugado o análogo de fusión péptido de toxina Fc que tiene ambos dominios Fc dimerizados cada uno conjugado de manera separada con un análogo péptido de toxina (por ejemplo, como se representa esquemáticamente en la Figura 2C de Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, US2007/0071764 y Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, PCT/US2007/022831, publicada como WO 2008/088422).

Los dominios fc de inmunoglobulina incluyen variantes Fc, que son porciones que extienden la vida media, apropiadas dentro del alcance de esta invención. Un Fc nativo puede modificarse extensivamente para formar una variante Fc de acuerdo con esta invención, proporcionando enlace para mantener el receptor rescatado; ver, por ejemplo WO 97/34631, WO 96/32478, y WO 04/110 472. En tales variantes Fc, puede removerse uno o más sitios de un Fc nativo que proporcionan características estructurales o actividad funcional no requerida por las moléculas de fusión o conjugadas de esta invención. Puede removerse estos sitios, por ejemplo, al sustituir o eliminar residuos, insertar residuos en el sitio, o truncar porciones que contienen el sitio. Los residuos insertados o sustituidos también pueden ser aminoácidos alterados, tales como peptidomiméticos o aminoácidos D. las variantes Fc pueden ser deseables por un número de razones, varias de las cuales se describen enseguida. Las variantes Fc ejemplares incluyen moléculas y secuencias en las cuales:

1. Los sitios involucrados en la formación de enlace disulfuro se remueven. Tal remoción puede evitar la reacción con otras proteínas que contienen cisteína presentes en la célula hospedera usada para producir las moléculas de la invención. Para este propósito, el segmento que contiene cisteína en el N terminal puede truncarse o los residuos de cisteína pueden eliminarse o sustituirse con otros aminoácidos (por ejemplo, alanilo, serilo). En particular, puede truncarse el segmento de 20 aminoácidos de terminal N de la SEQ ID NO: 478:

Met Glu Trp Ser Trp Val Phe Leu Phe Phe Leu Ser Val Thr Thr Gly
Val His Ser Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu
Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp
Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp
Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly
Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn
Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp
Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro
Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu
Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn
Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile
Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr
Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys
Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys
Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu
Ser Leu Ser Pro Gly Lys// SEQ ID NO:478.

o eliminar o sustituir los residuos de cisteína en las posiciones 7 y 10 de la SEQ ID NO: 478. Aún cuando los residuos de cisteína se remueven, los dominios Fc de cadena sencilla todavía pueden formar un dominio Fc dimérico que se mantiene junto no covalentemente.

2. Un Fc nativo se modifica para hacerlo más compatible con una célula hospedera seleccionada. Por ejemplo, puede removerse la secuencia de dipéptido PA cerca del N terminal de un Fc nativo típico, que puede reconocerse por una enzima digestiva en *E. coli* tal como prolina iminopeptidasa. También puede agregarse un residuo de metionina de terminal N,

especialmente cuando la molécula se expresa recombinantemente en una célula bacteriana tal como *E. coli*. El dominio Fc de la SEQ ID NO: 478 es uno de tal variante Fc.

3. Una porción del N terminal de un Fc nativo se remueve para prevenir la heterogeneidad de terminal N cuando se expresa en una célula hospedera seleccionada. Para este propósito, puede eliminarse cualquiera de los primeros 20 residuos de aminoácido en el N terminal, particularmente aquellos en las posiciones 1, 2, 3, 4 y 5.

4. Uno o más sitios de glicosilación se remueven. Los residuos que son típicamente glicosilados (por ejemplo, asparagina) pueden conferir respuesta citolítica. Tales residuos pueden eliminarse o sustituirse con residuos no glicosilados (por ejemplo, alanina).

5. Los sitios involucrados en interacción con complemento, tal como el sitio de enlace C1q, se remueven. Por ejemplo, puede eliminarse o sustituirse la secuencia de tripéptido EKK de IgG1 humano. El reclutamiento de complemento puede no ser ventajoso para las moléculas de esta invención y de esta manera puede evitarse con tal variante Fc.

6. Se remueven los sitios que afectan el enlace a receptores Fc diferentes a un receptor rescatado. Un Fc nativo puede tener sitios para interacción con ciertas células de glóbulos blancos que no se requieren para las moléculas de fusión o conjugado de la invención actual y de esta manera pueden removerse.

7. El sitio ADCC se remueve para reducir o eliminar la

función efectora ADCC, o alternativamente, se modifica para aumentar la función efectora ADCC por no fucosilación o desfucosilación. Los sitios ADCC se conocen en el campo; ver, por ejemplo, Molec. Immunol. 29 (5): 633-9 (1992) con respecto a sitios ADCC en IgG1. Estos sitios, también, no se requieren para las moléculas de fusión o conjugado de la invención actual y de esta manera pueden removerse, o aumentarse para función efectora ADCC, como pueda desearse. (Ver, Iida et al., Two mechanisms of the enhanced antibody-dependent cellular cytotoxicity (ADCC) efficacy of non-fucosylated therapeutic anticuerpos in human blood, BMC Cancer 9:58 doi:10.1186/1471-2407-9-58 (2009)).

8. cuando el Fc nativo se deriva de un anticuerpo no humano, el Fc nativo puede humanizarse. Típicamente, para humanizar un Fc nativo, se sustituirán los residuos seleccionados en el Fc nativo no humano con residuos que normalmente se encuentran en Fc nativo humano. Las técnicas para humanización de anticuerpo son bien conocidas en el campo.

9. Una o más secuencia análogas péptidos de toxina pueden insertarse en un sitio de conjugación interno, o sitios, con un región rizo de un dominio Fc de inmunoglobulina, como se describe en las Patentes E.U.A. Nos. 7,442,778; 7,645,861; 7,655,764; 7,655,765; 7,662,931; 7,750,127, y 7,750,128. El término región “rizo” o región “Fc-rizo” se refiere a una secuencia primaria de residuos de aminoácido que conecta dos regiones que comprenden estructura secundaria, tal como una hélice α o una lámina β, en las

direcciones de N terminal y C terminal inmediatas de estructura primaria para la región rizo. Los ejemplos incluyen, pero no se limitan a, regiones rizo CH2 o CH3. Alguien experto en el campo entiende que una región rizo, aunque no por sí misma comprende una estructura secundaria, puede tener influencia o contribuir a una pestructura de proteína secundaria o de orden superior. El termino sitio de conjugación “interno” significa que la porción análoga péptido de toxina, o porciones, no es terminal, es decir, no atraviesa el sitio α-amino o el sitio α-carboxi del dominio Fc, aunque opcionalmente puede haber también porciones adicionales conjugadas terminalmente en el N terminal y/o C terminal del dominio Fc.

10. Una ligadura de longitud apropiada y carga neutra, tal como “L25” (GGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGS; SEQ ID NO:493) o “L20” (GGGGSGGGGSGGGGSGGGGS; SEQ ID NO:477), puede fusionarse covalentemente entre el C terminal de un monómero de un dominio Fc y el N terminal de un segundo monómero de dominio Fc, con un análogo péptido de toxina fusionado al N terminal del primer monómero de dominio Fc o el C terminal del segundo monómero de dominio Fc, o dentro de la región rizo del primero y/o segundo monómero de dominio Fc. Tal molécula puede expresarse recombinantemente en células de bacteria o mamífero para producir un conjugado o análogo de fusión péptido de toxina Fc “dimérico monovalente” variante con la formación de enlace disulfuro típico entre los monómeros Fc. (Ver, por ejemplo, Ejemplo 13 en la presente). Otros ejemplos de variantes Fc incluyen las siguientes: En la SEQ ID NO:

478, la leucina en la posición 15 puede sustituirse con glutamato; el glutamato en la posición 99, con alanina; y las lisinas en las posiciones 101 y 103, con alaninas. Además, los residuos de fenilalanina pueden remplazar uno o más residuos de tirosina. Para propósitos de la invención, el dominio Fc variante también pueed ser parte de una cadena pesada de inmunoglobulina monomérica, un anticuerpo, o un hemicuerpo heterotrimérico (LC+HC+Fc).

Una porción que extiende la vida media alternativa sería una proteína, polipéptido, péptido, anticuerpo, fragmento de anticuerpo, o molécula pequeña (por ejemplo, un compuesto peptidomimético) capaz de enlazarse a un receptor rescatado. Por ejemplo, puede usarse como una porción que extiende la vida media un polipéptido como se describe en la Pat. E.U.A. No. 5,739,277, publicada el 14 de abril de 1998 para Presta et al. Los péptidos también pueden seleccionarse por exhibición de fago para enlazarse al receptor rescatado FcRn. Tales compuestos enlazados al receptor rescatado también se incluyen dentro del significado de “porción que extiende la vida media” y están dentro del alcance de esta invención. Tales porciones que extienden la vida media deberán seleccionarse para incrementar la vida media (por ejemplo, al evitar que las secuencias sean reconocidas por proteasas) y reducir la inmunogenicidad (por ejemplo, al favorecer secuencias no inmunogénicas, como se descubre en la humanización de anticuerpo).

Como se nota anteriormente, también peude usarse porciones que extienden la vida media de polímero. Están

actualmente disponibles varios medios para enlazar porciones químicas útiles como porciones que extienden la vida media, ver, por ejemplo, Tratado de Cooperación en Materia de Patentes (“PCT”) Publicación Internacional No. WO 96/11953, titulada “N-Terminally Chemically Modified Protein Compositions and Methods,” incorporada en la presente para referencia en su totalidad. Esta publicación PCT describe, entre otras cosas, el enlace selectivo de polímeros solubles en agua al N terminal de proteínas.

En algunas modalidades de las composiciones inventivas, la porción que extiende la vida media de polímero es polietilenglicol (PEG), ligado covalentemente al N terminal, C terminal o en una o más cadenas laterales intercaladas de análogo péptido de toxina. Algunas modalidades de la composición de materia inventiva incluyen además una o más porciones PEG conjugadas a una porción que extiende la vida media no PEG o al análogo péptido de toxina, o a cualquier combinación de cualquiera de estos. Por ejemplo, un dominio Fc o porción del mismo en la composición inventiva puede hacerse mono-PEGilado, di-PEGilado, o de otra manera multi-PEGilado, por el proceso de alquilación reductiva.

La conjugación covalente de proteínas y péptidos con poli(etilenglicol) (PEG) se ha reconocido ampliamente como un enfoque para extender significativamente la vida media circulante in vivo de proteínas terapéuticas. La PEGilación alcanza este efecto predominantemente al retardar la liberación renal, ya que la porción PEG agrega radio hidrodinámico considerable a la proteína. (Zalipsky, S., et

al., Use of functionalized poly(ethylen glycol)s for modification of polipeptides., in poly(ethylen glycol) chemistry: Biotechnical and biomedical applications., J.M. Harris, Ed., Plenum Press: New York., 347-370 (1992)). Los beneficios adicionales a menudo se confieren por PEGilación de proteínas y péptidos incluyen solubilidad incrementada, resistencia a degradación proteolítica, e inmunogenicidad reducida del polipéptido terapéutico. Los méritos de la PEGilación de proteína se hacen evidentes por la comercialización de varias proteínas PEGiladas incluyendo PEG-Adenosina deaminasa (Adagen™/Enzon Corp.), PEG-L-asparaginasa (Oncaspar™/Enzon Corp.), PEG-Interferon α-2b (PEG-Intron™/Schering/Enzon), PEG-Interferon α-2a (PEGASYS™/Roche) y PEG-G-CSF (Neulasta™/Amgen) así como muchas otras en ensayos clínicos.

Por “péptido PEGilado” o “proteína PEGilada” significa un péptido que tiene una porción de polietilenglicol (PEG) enlazada covalentemente a un residuos de aminoácido del péptido mismo o a una ligadura peptidilo o no peptidilo que se enlaza covalentemente a un residuos del péptido, ya sea directamente o indirectamente a través de otra porción ligadora. Un ejemplo no limitante es la conjugación de temrinal N del péptido con 3-(1-(1-bromo-2-oxo-6,9,12,15,18,21,24,27,30,33,36-undecaoxa-3-azaoctatriacontan-38-il)-1H-1,2,3-triazol-4-il)propanoil (designado en la presente por la abreviatura “{bromoacetamida-PEG11-triazol}-”).

Por “polietilenglicol” o “PEG” significa un compuesto de

polialquilen glicol o un derivado del mismo, con o sin agentes de acoplamiento o derivación con porciones de acoplamiento o activadoras (por ejemplo, con aldehído, hidroxisuccinimidilo, hidrazida, tiol, triflato, tresilato, azirdina, oxirano, ortopiridilo disulfuro, vinilsulfona, yodoacetamida o una porción maleimida). De acuerdo con la invención actual, el PEG útil incluye PEG de cadena lineal, PEG ramificado (brPEG), o PEG dendrítico, sustancialmente lineal. (Ver, por ejemplo, Merrill, Patente E.U.A. No. 5,171,264; Harris et al., Multiarmed, monofunctional, polimer for coupling to molecules and surfaces, Patente E.U.A. No. 5,932,462; Shen, N-maleimidyl polymer derivatives, Patente E.U.A. No. 6,602,498).

Brevemente, los grupos PEG generalmente se enlazan a la porción péptido de la composición de la invención por medio de acilación o alquilación reductora (o aminación reductora) a través de un grupo reactivo en la porción PEG (por ejemplo, un aldehído, amino, tiol, o grupo éster) a un grupo reactivo en el compuesto inventivo (por ejemplo, un aldehído, amino, o grupo éster). Una estrategia útil para la PEGilación de péptidos sintéticos consiste de combinar, a través de la formación de un conjugado ligado en solución, un péptido y una porción PEG, cada uno que porta una funcionalidad especial que es mutuamente reactiva hacia la otra. Los péptidos pueden prepararse fácilmente con síntesis de fase sólida convencional (ver, por ejemplo, Figuras 5 y 6 y el texto acompañante en estas). Los péptidos se “preactivan” con un grupo funcional apropiado en un sitio específico. Los

precursores se purifican y caracterizan completamente antes de reaccionar con la porción PEG. El ligado del péptido con PEG usualmente toma lugar en fase acuosa y puede monitorearse fácilmente por HPLC analítica de fase inversa. Los péptidos PEGilados pueden purificarse fácilmente por HPLC preparativa y caracterizarse por HPLC analítica, análisis de aminoácido y espectrometría de masa de desorción láser.

PEG es un polímero soluble en agua, bien conocido que está comercialmente disponible o puede prepararse por polimerización de abertura de anillo del etilenglicol de acuerdo con métodos bien conocidos en el campo (Sandler and Karo, Polimer Synthesis, Academic Press, New York, Vol. 3, páginas 138-161). En la solicitud actual, el término “PEG” se usa ampliamente para abarcar cualquier molécula de polietilenglicol, en forma mono-, bi-, o poli-funcional, sin tomar en cuenta el tamaño o la modificación en un extremo del PEG, y puede representarse por la fórmula:

$$X\text{-}O(CH_2CH_2O)_{n-1}CH_2CH_2OH, \quad (I)$$

donde n es 20 hasta 2300 y X es H o una modificación terminal, por ejemplo, un alquilo C_{1-4}.

En algunas modalidades útiles, se usa PEG en la invención termina en un extremo con hidroxi o metoxi, es decir, X es H o CH_3 (“PEG metoxi”). Se nota que el otro extremo del PEG, que se muestra en la fórmula (I) que termina en OH, enlazados covalentemente a una porción activante por medio de un enlace éter oxígeno, una ligadura amina, o

ligadura amida. Cuando se usa en una estructura química, el término “PEG” incluye la fórmula (I) anterior sin el hidrógeno del grupo hidroxilo mostrado, lo que lleva al oxígeno disponible a reaccionar con un átomo de carbono libre de una ligadura para formar un enlace éter. Más específicamente, con objeto de conjugar PEG a un péptido, el péptido debe hacerse reaccionar con PEG en una forma “activada”. El PEG activado puede representarse por la fórmula:

(PEG)-(A) (II)

donde PEG (definido arriba) se enlaza covalentemente a un átomo de carbono de la porción de activación (A) para formar un enlace éter, una ligadura amina, o ligadura amida, y (A) contiene un grupo reactivo que puede reaccionar con un grupo amino, azido, alquino, imino, maleimido, N-succinimidilo, carboxilo, aminooxi, seleno, o tiol o un residuo de aminoácido de un péptido o una porción ligadora enlazada covalentemente al péptido, por ejemplo, el análogo péptido de toxina.

Las técnicas para la preparación de PEG activado y su conjugación a péptidos biológicamente activos son bien conocidas en el campo. (Por ejemplo, ver Pat. E.U.A. Nos. 5,643,575, 5,919,455, 5,932,462, y 5,990,237; Kinstler et al., N-terminally chemically modified protein compositions and methods, Patentes E.U.A. Nos. 5,985,265, y 5,824,784; Thompson et al., PEGilation of polipeptides, EP 0575545 B1;

Petit, Site specific protein modification, Patentes E.U.A. Nos. 6,451,986, y 6,548,644; S. Herman et al., Poly(ethylene glycol) with reactive endgroups: I. Modification of proteins, J. Bioactive Compatible Polimers, 10:145-187 (1995); Y. Lu et al., PEGylated peptides III: Solid-phase synthesis with PEGylating reagents of varying molecular weight: synthesis of multiply PEGylated peptides, Reactive Polimers, 22:221-229 (1994); A.M. Felix et al., PEGylated Peptides IV: Enhanced biological activity of site-directed PEGylated GRF analogs, Int. J. Peptide Protein Res., 46:253-264 (1995); A.M. Felix, Site-specific poly(ethylene glycol)ylation of peptides, ACS Symposium Series 680(poly(ethylene glycol)): 218-238 (1997); Y. Ikeda et al., Polietilenglicol derivates, their modified peptides, methods for producing them and use of the modified peptides, EP 0473084 B1; G.E. Means et al., Selected techniques for the modification of protein side chains, in: Chemical modification of proteins, Holden Day, Inc., 219 (1971)).

PEG activado, tal como PEG-aldehídos o hidratos de PEG-aldehído,pueden sintetizarse químicamente por medios conocidos u obtenerse de fuentes conocidas, por ejemplo, Shearwater Polimers, (Huntsville, Al) o Enzon, Inc. (Piscataway, N.J.).

Un ejemplo de PEG activado útil para propósitos de la invención actual es un compuesto PEG-aldehído (por ejemplo, un metoxi PEG-aldehído), tal como PEG-propionaldehído, que está comercialmente disponible de Shearwater Polimers (Huntsville, Al). El PEG-propionaldehído se representa por

la fórmula PEG-CH_2CH_2CHO. (Ver, por ejemplo, Pat. E.U.A. No. 5,252,714). También están incluidos dentro del significado de "compuesto PEG aldehído" los hidratos de PEG aldehído, por ejemplo, hidrato de PEG acetaldehído e hidrato de PEG bis aldehído, que proporcionan después una estructura bifuncionalmente activada. (Ver., por ejemplo, Bentley et al., Poly(ethylene glycol) aldehyde hydrates and related polimers and applications in modifying amines, Patente E.U.A. No. 5,990,237) (Ver, por ejemplo, Bentley et al., Poly(ethylene glycol) aldehyde hydrates and related polimers and applications in modifying amines, Patente E.U.A. No. 5,990,237). Puede usarse un compuesto PEG-aldehído multi-ramificado activado (los derivados PEG comprenden múltiples extremidades para dar constructos divalentes, trivalentes, octavalentes). Usando un derivado PEG de 4 extremidades, se enlazan cuatro (4) análogos péptido de toxinas a cada molécula PEG. Por ejemplo, de acuerdo con la invención actual, el análogo péptido de toxina puede conjugarse a un polietilenglicol (PEG) en 1, 2, 3 o 4 sitios funcionalizados amino del PEG.

Al conjugarse de acuerdo con el método inventivo, el polietilenglicol (PEG), como se describe en la presente, se une covalentemente por aminación reductiva directamente a al menos una porción amina libre expuesta al solvente de un residuo de aminoácido del análogo péptido de toxina por sí mismo. En algunas modalidades del método inventivo, el análogo péptido de toxina se conjuga a un PEG en uno o más aminas primarias o secundarias en el análogo péptido de

toxina, o a los dos grupos PEG en un sitio amina primario sencillo en el análogo péptido de toxina (por ejemplo, esto puede ocurrir cuando la reacción de aminación reducitva involucra la presencia de compuesto PEG-aldehído en exceso). Se ha observado que cuando la PEGilación por aminación reductiva está en una amina primaria en el péptido, no es raro tener cantidades (intervalo 1 hasta 100%) de producto de reacción que tiene dos o más PEGs presentes por molécula, y si el producto de PEGilación deseado es uno con solo un PEG por molécula, entonces esta “sobre PEGilación” puede ser indeseable. Cuando se desea el producto PEGilado con un PEG sencillo por molécula de producto de PEGilación, puede emplearse una modalidad del método inventivo que involucra PEGilación usando aminas secundarias del péptido farmacológicamente activo, debido a que sólo un grupo PEG por molécula se transferirá en la reacción de aminación reductiva.

Los residuos de aminoácido que pueden proporciona una porción de amina primaria incluyen residuos de lisina, homolisina, ornitina, ácido α, β-diaminopropiónico (Dap), ácido α, β-diaminopropionoico (Dpr), y ácido α, γ-diaminobutírico (Dab), ácido aminobutírico (Abu), y ácido α-amino-isobutírico (Aib). El N terminal del polipéptido también proporciona un grupo α-amino útil para PEGilación. Los residuos de aminoácido que pueden proporcionar una porción de amina secundaria incluyen ε-N-alquil lisina, α-N-alquil lisina, δ-N-alquil ornitina, α-N-alquil ornitina, o una prolina de terminal N, donde el alquilo es C_1 hasta

C_{6}.

Otro PEG activado útil para generar los análogos péptido de toxina de la invención actual es un compuesto de PEG-maleimida, tal como, pero no limitado a, metoxi PEG-maleimida, tal como maleimido monometoxi PEG, son particularmente útiles para generar los péptidos conjugados a PEG de la invención. (Por ejemplo, Shen, *N*-maleimidyl polimer derivatives, Patente E.U.A. No. 6,602,498; C. Delgado et al., The uses and properties of PEG-linked proteins., Crit. Rev. Therap. Drug Carrier Systems, 9:249-304 (1992); S. Zalipsky et al., Use of functionalized poly(ethylene glycol)s for modification of polipeptides, en: Poly(ethylene glycol) chemistry: Biotechnical and biomedical applications (J.M. Harris, Editor, Plenum Press: New York, 347-370 (1992); S. Herman et al., Poly(ethylene glycol) with reactive endgroups: I. Modification of proteins, J. Bioactive Compatible Polimers, 10:145-187 (1995); P.J. Shadle et al., Conjugation of polimer to colony stimulating factor-1, Patente E.U.A. No. 4,847,325; G. Shaw et al., Cysteine added variants IL-3 and chemical modifications thereof, Patente E.U.A. No. 5,166,322 y EP 0469074 B1; G. Shaw et al., Cysteine added variants of EPO and chemical modifications thereof, EP 0668353 A1; G. Shaw et al., Cysteine added variants G-CSF and chemical modifications thereof, EP 0668354 A1; N.V. Katre et al., Interleukin-2 muteins and polimer conjugation thereof, Patente E.U.A. No. 5,206,344; R.J. Goodson and N.V. Katre, Site-directed

PEGilation of recombinant interleukin-2 at its glycosylation site, Biotechnology, 8:343-346 (1990)).

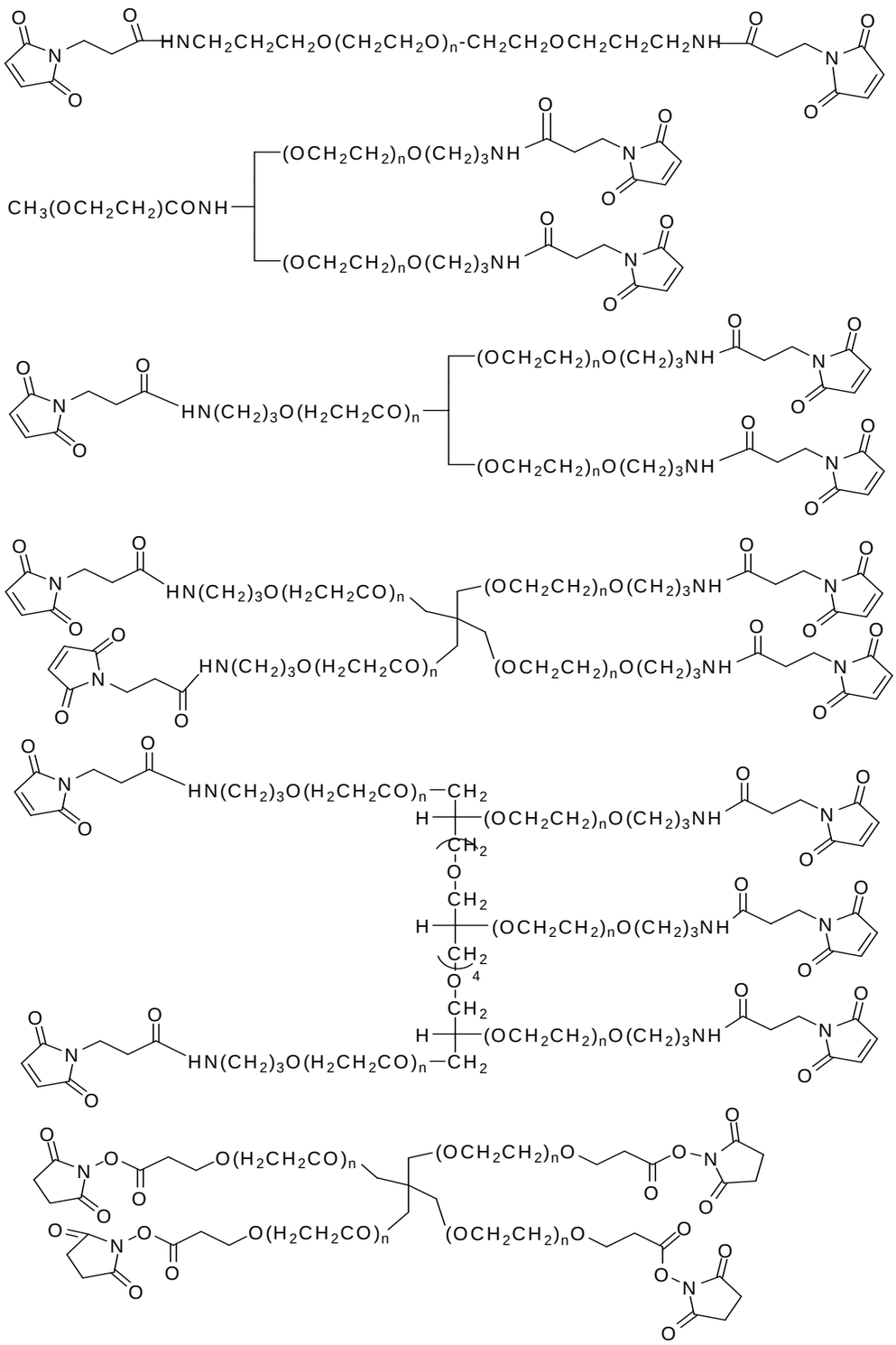
Una poli(etilenglicol) vinil sulfona es otro PEG activado útil para generar los análogos péptido de toxina conjugados a PEG de la invención actual por conjugación en residuos de aminoácido tiolados, por ejemplo, en residuos C. (Por ejemplo, M. Morpurgo et al., Preparation and characterization of poly(ethylene glycol) vinyl sulfone, Bioconj. Chem., 7:363-368 (1996); ver también Harris, Functionalization of polyethylene glycol for formation of active sulfone-terminated PEG derivatives for binding to proteins and biologically compatible materials, Patentes E.U.A. Nos. 5,446,090; 5,739,208; 5,900,461; 6,610,281 y 6,894,025; y Harris, Water soluble active sulfones of poly(ethylene glycol), WO 95/13312 A1). Otra forma activada de PEG que es útil de acuerdo con la presente invención, es un compuesto de éster de PEG-N-hidroxisuccinimida, por ejemplo, éster de metoxi PEG-N-hidroxisuccinimidilo (NHS).

Las formas heterobifuncionamente activadas de PEG también son útiles. (Ver, por ejemplo, Thompson et al., PEGylation reagents and biologically active compounds formed therewith, Patente E.U.A. No. 6,552,170).

Todavía en otras modalidades del método inventivo de producir una composición de materia, el análogo péptido de toxina se hace reaccionar por técnicas químicas conocidas con un compuesto PEG activado, tal como pero no limitado a, un compuesto PEG activado con tiol, un compuesto PEG

activado con diol, un compuesto PEG-hidrazida, un compuesto PEG-oxiamina, o un compuesto PEG-bromoacetilo. (Ver, por ejemplo, S. Herman, Poly(ethylene glycol) with Reactive Endgroups: I. Modification of Proteins, J. Bioactive and Compatible Polymers, 10:145-187 (1995); S. Zalipsky, Chemistry of Polyethylene Glycol Conjugates with Biologically Active Molecules, Advanced Drug Delivery Reviews, 16:157-182 (1995); R. Greenwald et al., Poly(ethylene glycol) conjugated drugs and prodrugs: a comprehensive review, Critical Reviews in Therapeutic Drug Carrier Systems, 17:101-161 (2000)).

Aún un PEG activado más preferido para generar los análogos péptidos de toxina conjugados a PEG de la invención actual es un PEG multivalente que tiene más de un residuo activado. Las porciones PEG multivalentes preferidas incluyen, pero no se limitan a, aquellas mostradas a continuación:



Todavía en otras modalidades para hacer la composición de materia, el análogo péptido de toxina inventivo se hace reaccionar por técnicas químicas conocidas con un compuesto PEG multi-ramificado activado (derivados PEG que comprenden

extremidades múltiples para dar constructos divalentes, trivalentes, tetravalentes, octavalentes), tal como pero no limitado a, éter de pentaeritritol tetra-polietilenglicol. Derivados de funcionalización y activados, tales como, pero no limitados a, N-succinimidiloxicarbonil)propil, p-nitrofeniloxicarbonil, (—CO_2-p-$C_6H_4NO_2$), 3-(N-maleimido)propanamido, 2-sulfaniletil, y 3-aminopropilo. Al usar un derivado PEG de 4 extremidades, se enlazan cuatro análogos péptido de toxina a cada molécula PEG. Por ejemplo, de acuerdo con la invención actual, el análogo péptido de toxina puede conjugarse a un polietilenglicol (PEG) en:

(a) 1, 2, 3 o 4 sitios funcionalizados amino del the PEG;

(b) 1, 2, 3 o 4 sitios funcionalizados tiol del PEG;

(c) 1, 2, 3 o 4 sitios funcionalizados maleimido del PEG;

(d) 1, 2, 3 o 4 sitios funcionalizados N-succinimidilo del PEG;

(e) 1, 2, 3 o 4 sitios funcionalizados carboxilo del PEG; o

(f) 1, 2, 3 o 4 sitios funcionalizados *p*-nitrofeniloxicarbonilo del PEG.

El tamaño práctico más pequeño de PEG es alrededor de 500 Daltons (Da), debajo del cual el PEG se vuelve tóxico. Arriba de alrededor de 500 Da, cualquier masa molecular para el PEG puede usarse prácticamente como se desee, por ejemplo, desde alrededor de 1,000 Daltons (Da) hasta 100,000 Da (n es 20 hasta 2300). El número de monómeros PEG (n) se aproxima a partir de la masa molecular promedio usando un PM = 44 Da para cada monómero. Se prefiere que la masa molecular combinada de PEG en una ligadura activado sea apropiada para

uso farmacéutico. De esta manera, la masa molecular combinada de la molécula PEG no excedería alrededor de 100,000 Da. En algunas modalidades, la masa molecular promedio combinada o promedio de PEG usada en un análogo péptido de toxina conjugado a PEG de la invención actual es desde alrededor de 3,000 Da hasta 60,000 Da (n total es desde 70 hasta 1,400), más preferiblemente desde alrededor de 10,000 Da hasta 40,000 Da (n total es alrededor de 230 hasta alrededor de 910). La masa combinada más preferida para PEG es desde alrededor de 20,000 Da hasta 30,000 Da (n total es alrededor de 450 hasta alrededor de 680).

Se apreciará que pueden hacerse “multímeros” de la composición de materia, ya que la porción que extiende la vida media empleada para conjugarse al análogo péptido de toxina (con o sin una porción ligadora intervenida) puede ser multivalente (por ejemplo, bivalente, trivalente, tetravalente o un orden de valencia más alto) ya que es el número de residuos de aminoácido en el cual la porción que extiende la vida media puede conjugarse. En algunas modalidades la porción péptido de la composición de materia inventiva puede ser multivalente (por ejemplo, bivalente, trivalente, tetravalente o un orden de valencia más alto), y, de esta manera, algunos “multímeros” de la composición de materia inventiva pueden tener más de una porción que extiende la vida media. En consecuencia, es posible por el método inventiva producir una composición de materia para producir una variedad de estructuras de péptido de porción que extiende la vida media conjugadas. A modo de ejemplo,

una porción que extiende la vida media univalente y un péptido univalente producirán un conjugado 1:1; un péptido bivalente y una porción que extiende la vida media univalente pueden formar conjugados en donde los conjugados péptido portan dos porciones que extiende la vida media, mientras que una porción que extiende la vida media divalente y un péptido univalente pueden producir especies donde dos entidades péptido se ligan a una porción que extiende la vida media sencilla; el uso de una porción que extiende la vida media de valencia superior puede llevar a la formación de agrupamientos de entidades péptido unidos a una porción que extiende la vida media sencilla, mientras que los péptidos de valencia superior pueden incrustarse con una pluralidad de porciones que extienden la vida media. A modo de ejemplo adicional, si el sitio de conjugación de una porción que extiende la vida media multivalente al análogo péptido de toxina es una cisteína u otro aminotiol, pueden emplearse los métodos descritos por D'Amico et al. (D'Amico et al., Method of conjugating aminothiol containing molecules to vehicles, publicado como US 2006/0199812, cuya solicitud se incorpora en la presente para referencia en su totalidad).

Las porciones péptido pueden tener más de un grupo reactivo que reacionará con la porción que extiende la vida media activada y la posibilidad de formar estructuras complejas siempre debe considerarse; cuando se desea formar estructuras sencillas tales como aductos 1:1 de porción que extiende la vida media y péptido, o usar una porción que extiende la vida media divalente para formar aductos de

péptido:porción que extiende la vida media:péptido, será benéfico usar relaciones predeterminadas de una porción que extiende la vida media activada y material péptido, concentraciones predeterminadas del mismo y conducir la reacción bajo condiciones predeterminadas (tales como duración, temperatura, pH, etc.) de manera que forma una proporción del producto descrito y luego separa el producto descrito de los otros productos de reacción. Las condiciones de reacción, proporciones y concentraciones de los reactivos pueden obtenerse por experimentos de ensayo y error relativamente sencillos que están dentro de la capacidad de un técnico de experiencia ordinaria con ampliación a escala apropiada como sea necesario. La purificación y separación de los productos se alcanza similarmente por técnicas convencionales bien conocidas por aquellos expertos en el campo.

Adicionalmente, las sales fisiológicamente aceptables de la porción que extiende la vida media fusionadas o conjugadas a los análogos péptido de toxina de esta invención también se abarcan dentro de la composición de materia de la invención actual.

Las porciones que extienden la vida media antes descritas y otras porciones que extienden la vida media descritas en la presente son útiles, ya sea individualmente o en combinación, y como se describe en el campo, por ejemplo, en Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, US2007/0071764 y Sullivan et al., Toxin Peptide Therapeutic Agents, PCT/US2007/022831, publicada como WO 2008/088422, que

son ambas incorporadas en la presente para referencia en su totalidad. La invención abarca el uso de cualquiera de las especies sencillas de porción que extiende la vida media farmacéuticamente aceptable, tal como, pero no limitado a, aquellas descritas en la presente, en conjunto con el análogo péptido de toxina, o el uso de una combinación de dos o más porciones que extienden la vida media similares o diferentes.

Ligaduras. Una “porción de ligadura” como se usa en la presente se refiere a un grupo orgánico peptidilo o no peptidilo biológicamente aceptable que se enlaza covalentemente a un residuo de aminoácido de un análogo péptido de toxina u otra cadena de polipéptido (por ejemplo, una HC o LC de inmunoglobulina o dominio Fc de inmunoglobulina) contenido en la composición inventiva, cuya porción ligadora se une covalente o conjuga el análogo péptido de toxina u otra cadena de polipéptido a otro péptido o cadena de polipéptido en la composición, o a una porción que extiende la vida media. En algunas modalidades de la composición, una porción que extiende la vida media, como se describe en la presente, se conjuga, es decir, enlaza covalentemente de manera directa a un residuo de aminoácido del análogo péptido de toxina por sí mismo, u opcionalmente, a una porción ligadora peptidilo o no peptidilo (incluyendo pero no limitado a ligaduras aromáticos o arilo) que se enlaza covalentemente a un residuo de aminoácido del análogo péptido de toxina. La presencia de cualquier porción ligadora es opcional. Cuando se presenta, su estructura química no es crítica, ya que

sirve primariamente como un espaciador de la posición, unión, conexión, presentación optimizada o posición de una porción funcionalizada con relación a una o más de otras porciones funcionales de la molécula de la composición inventiva. La presencia de una porción ligadora puede ser útil en optimizar la actividad farmacológica de algunas modalidades de la composición inventiva. La ligadura se hace preferiblemente de aminoácidos ligados en conjunto por enlaces péptido. La porción ligadora, si se presenta, puede ser independientemente la misma o diferente de cualquier otra ligadura, o ligaduras, que pueden presentarse en la composición inventiva. Como se establece anteriormente, la porción ligadora, si se presenta (ya sea dentro de la secuencia de aminoácidos primaria del análogo péptido de toxina, o como una ligadura para enlazar una porción que extiende la vida media al análogo péptido de toxina), puede ser “peptidilo” en naturaleza (es decir, se hace de aminoácidos ligados en conjunto por enlaces péptido) y se hace de longitud, preferiblemente, desde 1 hasta alrededor de 40 residuos de aminoácido, más preferiblemente, desde 1 hasta alrededor de 20 residuos de aminoácido, y aún más preferiblemente desde 1 hasta alrededor de 10 residuos de aminoácido. Preferiblemente, pero no necesariamente, los residuos de aminoácido en la ligadura son desde entre los veinte aminoácidos canónicos, más preferiblemente, cisteína, glicina, alanina, prolina, asparagina, glutamina, y/o serina. Aún más preferiblemente, una ligadura peptidilo se hace de una mayoría de aminoácidos que están

estéricamente no obstaculizados, tal como glicina, serina, y alanina ligados por un enlace péptido. También es deseable que, si se presenta, una ligadura peptidilo puede seleccionarse de manera que evite el cambio proteolítico rápido en circulación *in vivo*. Algunos de estos aminoácidos pueden glicosilarse, como está bien entendido por aquellos en el campo. Por ejemplo, una secuencia ligadora útil que constituye un sitio de sialilación es $X_1X_2NX_4X_5G$ (SEQ ID NO:479), en donde X_1, X_2,X_4 y X_5 son cada uno independientemente cualquier residuo de aminoácido.

En otras modalidades, el 1 hasta 40 aminoácidos de la porción ligadora peptidilo se seleccionan de glicina, alanina, prolina, asparagina, glutamina, y lisina. Preferiblemente, una ligadura se hace de una mayoría de aminoácidos que están estéricamente no obstaculizados, tal como glicina y alanina. De esta manera, las ligaduras preferidos incluyen poliglicinas, poliserinas, y polialaninas, o combinaciones de cualquiera de estas. Algunos ligaduras peptidilo ejemplares son poli$(Gly)_{1-8}$, particularmente $(Gly)_3$, $(Gly)_4$ (SEQ ID NO:480), $(Gly)_5$ (SEQ ID NO:481) y $(Gly)_7$ (SEQ ID NO:482), así como, GlySer y poli$(Gly)_4$Ser, tal como “L15” (GGGGSGGGGSGGGGS; SEQ ID NO:483), poli$(Gly\text{-}Ala)_{2-4}$ y poli$(Ala)_{1-8}$. Otros ejemplos de ligaduras peptidilo incluyen $(Gly)_5$Lys (SEQ ID NO:484), y $(Gly)_5$LysArg (SEQ ID NO:485). Otros ejemplos de ligaduras peptidilo útiles son:

$(Gly)_3Lys(Gly)_4$ (SEQ ID NO:486);

$(Gly)_3AsnGlySer(Gly)_2$ (SEQ ID NO:487);

$(Gly)_3Cys(Gly)_4$ (SEQ ID NO:488); y

GlyProAsnGlyGly (SEQ ID NO:489).

Para explicar la nomenclatura anterior, por ejemplo, $(Gly)_3Lys(Gly)_4$ significa Gly-Gly-Gly-Lys-Gly-Gly-Gly-Gly (SEQ ID NO:490). Otros combinaciones de Gly y Ala también son útiles.

Otros ligaduras preferidos son aquellos identificados en la presente como “L5” (GGGGS; o “G_4S”; SEQ ID NO:491), “L10” (GGGGSGGGGS; SEQ ID NO:492); “L20” (GGGGSGGGGSGGGGSGGGGS; SEQ ID NO:477) ; “L25” (GGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGGGGS; SEQ ID NO:493) y cualquiera de las ligaduras usados en los ejemplos de trabajo de aquí en adelante.

En algunas modalidades de las composiciones de esta invención, que comprenden una porción ligadora de péptido, residuos ácidos, por ejemplo, residuos de glutamato o aspartato, se colocan en la secuencia de aminoácidos de la porción ligadora. Los ejemplos incluyen las siguientes secuencias ligadoras de péptido:

GGEGGG (SEQ ID NO:494);

GGEEEGGG (SEQ ID NO:495);

GEEEG (SEQ ID NO:496);

GEEE (SEQ ID NO:497);

GGDGGG (SEQ ID NO:498);

GGDDDGG (SEQ ID NO:499);

GDDDG (SEQ ID NO:500);

GDDD (SEQ ID NO:501);

GGGGSDDSDEGSDGEDGGGGS (SEQ ID NO:502);

WEWEW (SEQ ID NO:503);

FEFEF (SEQ ID NO:504);

EEEWWW (SEQ ID NO:505);

EEEFFF (SEQ ID NO:506);

WWEEEWW (SEQ ID NO:507); o

FFEEEFF (SEQ ID NO:508).

En otras modalidades, la ligadura constituye un sitio de fosforilación, por ejemplo, $X_1X_2YX_4X_5G$ (SEQ ID NO:509), en donde X_1, X_2, X_4, y X_5 son cada uno independientemente cualquier residuo de aminoácido; $X_1X_2SX_4X_5G$ (SEQ ID NO:510), en donde X_1, X_2,X_4 y X_5 son cada uno independientemente cualquier residuo de aminoácido; o $X_1X_2TX_4X_5G$ (SEQ ID NO:511), en donde X_1, X_2, X_4 y X_5 son cada uno independientemente cualquier residuo de aminoácido.

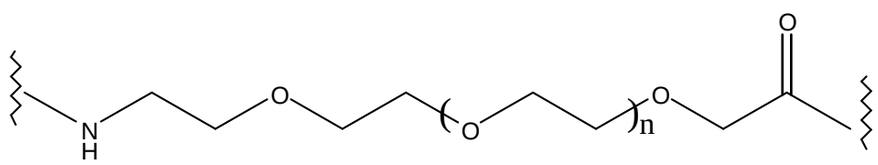
Las ligaduras mostradas aquí son ejemplares, las ligaduras peptidilo dentro del alcance de esta invención pueden ser mucho más largas y pueden incluir otros residuos. Una ligadura peptidilo puede contener, por ejemplo, una cisteína, otro tiol, o nucleófilo para conjugación con una porción que extiende la vida media. En otra modalidad, la ligadura contiene un residuo de cisteína u homocisteína, u otra porción 2-amino-etanotiol o 3-amino-propanetiol para conjugación a maleimida, yodoacetaamida o tioéster, porción funcionalizada que extiende la vida media.

Otra ligadura de peptidilo útil es una ligadura flexible, grande, que comprende una secuencia Gly/Ser/Thr aleatoria, por ejemplo: GSGSATGGSGSTASSGSGSATH (SEQ ID NO:512) o HGSGSATGGSGSTASSGSGSAT (SEQ ID NO:513), que se estima que es de alrededor del tamaño de una molécula PEG de

1 kDa. Alternativamente, una ligadura peptidilo útil puede comprender secuencias de aminoácido conocidas en el campo para formar estructuras de hélice rígida (por ejemplo, ligadura rígida: -AEAAAKEAAAKEAAAKAGG-// SEQ ID NO:514). Adicionalmente, una ligadura peptidilo también puede comprender un segmento no peptidilo tal como una molécula alifática de 6 carbonos de la fórmula $-CH_2-CH_2-CH_2-CH_2-CH_2-CH_2-$. Las ligaduras peptidilo pueden alterarse para formar derivados como se describe en la presente.

Opcionalmente, una porción ligadora no peptidilo también es útil para conjugar la porción que extiende la vida media a la porción péptido del análogo péptido de toxina conjugado a la porción que extiende la vida media. Por ejemplo, pueden usarse ligaduras alquilo tal como $-NH-(CH_2)_s-C(O)-$, en donde s = 2-20. Estas ligaduras alquilo pueden sustituirse además por cualquier grupo no estéricamente obstaculizado tal como alquilo inferior (por ejemplo, C_1-C_6) acilo inferior, halógeno (por ejemplo, Cl, Br), CN, NH_2, fenilo, *etc*. Las ligaduras no peptidilo ejemplares son ligaduras PEG (por ejemplo, mostrados enseguida):

(III)



en donde n es la ligadura tal que tiene un peso molecular de alrededor de 100 hasta alrededor de 5000 Daltons (Da), preferiblemente alrededor de 100 hasta alrededor de 500 Da.

En una modalidad, la ligadura no peptidilo es arilo. Las ligaduras pueden alterarse para formar derivados de la misma manera como se describe en la presente. Además, las porciones PEG pueden enlazarse a la amina del N terminal o aminas de cadena lateral seleccionadas por ya sea alquilación reductora usando aldehídos PEG o acilación usando ésteres de hidroxisuccinimido o carbonato de PEG, o por conjugación tiol.

"Arilo" es fenilo o fenilo fusionado vecinalmente con un puente de carbono de 3, 4, o 5 miembros saturado, parcialmente saturado, o insaturado, el fenilo o puente está sustituido por 0, 1, 2 o 3 sustituyentes seleccionados de alquilo C_{1-8}, haloalquilo C_{1-4} o halo. "Heteroarilo" es un anillo bicíclico de 6, 7, 8, 9, 10 u 11 miembros parcialmente saturado o insaturado o monocíclico de 5, 6 o 7 miembros insaturado, en donde al menos un anillo está insaturado, los anillos monocíclico y bicíclico contienen 1, 2, 3 o 4 átomos seleccionados de N, O y S, en donde el anillo está sustituido por 0, 1, 2 o 3 sustituyentes seleccionados de alquilo C_{1-8}, haloalquilo C_{1-4} y halo.

Las porciones no péptido de la composición de materia inventiva, tal como ligaduras no peptidilo o porciones que extienden la vida media no péptido pueden sintetizarse por reacciones químicas orgánicas convencionales.

Lo anterior es únicamente ilsutrativo y no un tratamiento exhaustivo de los tipos de ligaduras que pueden emplearse opcionalmente de acuerdo con la invención actual.

Las composiciones de esta invención que incorporan los antagonistas de polipéptido aislados del canal de sodio dependiente de voltaje $Na_V1.3$ y/o $Na_V1.7$, en particular análogos de péptido de toxina GpTx-1 y GpTx-1 de la presente invención, ya sea conjugados o no a una porción que prolonga la vida media, son útiles como agentes terapéuticos en el tratamiento de dolor, por ejemplo en humanos. La información genética clínica, independientemente replicada por varios grupos, muestra sin ambigüedad que el producto del gen Nav1.7 (*SCN9A*) es un punto de control clave para la percepción de dolor. En humanos, las mutaciones del truncamiento de pérdida de función del gen conduce a una insensibilidad completa para todas las formas de dolor medido, mientras que los síndromes de dolor crónico humano principalmente eritromelalgia y trastorno de dolor extremo paroxístico son provocados por mutaciones de la ganancia de función en el $Na_V1.7$ que conduce a una abertura del canal Nav1.7 más fácil o más prolongada. Extraordinariamente, ninguna de otras anormalidades neurológicas principales están presentes en pacientes que llevan ya sea el truncamiento de las mutaciones de ganancia de función en el $Na_V1.7$ (Goldberg y colaboradores, Clin Genet 71:311-319 (2007); Cox y colaboradores, Nature 444:894-898 (2006); Ahmad y colaboradores, Hum Mol Genet 16:2114-2121 (2007); Fertleman y colaboradores, Neurology 69:586-595 (2007)). Por consiguiente, un producto terapéutico que bloquee el $Na_V1.7$ se puede esperar que sea de gran utilidad para el tratamiento de dolor en humanos.

Los síndromes de dolor crónico clínicos específicos incluyen, pero no se limitan a, dolor asociado con, o debido a, cáncer, quimioterapia, osteoartritis, fibromialgia, eritromelalgia primaria, neuralgia posherpética, neuropatía diabética dolorosa, neuropatía dolorosa idiopática, neuromas, trastorno de dolor extremo paroxístico, migraña, neuralgia trigeminal, dolor orofacial, dolores de cabeza en racimos u otros, síndrome de dolor regional complejo (CRPS), síndrome de cirugía de espalda fallida, ciática (incluyendo dolor de espalda baja), cistitis intersticial y dolor pélvico, dolor inducido por inflamación incluyendo celulitis, y dolor reumático o de las articulaciones. Un inhibidor de $Na_V1.7$ también puede tener gran utilidad para el tratamiento de dolor agudo o persistente, incluyendo pero no limitado a dolor después de un trauma, quemaduras, o cirugía. Notablemente, la inhibición del $Na_V1.7$ no se espera que de por resultado los efectos adversos en la cognición y en el sistema gastrointestinal que limite el uso de fármacos opiáceos. Nuevamente diferente a los opiáceos, los inhibidores de $Na_V1.7$ no deben producir depresión respiratoria, tolerancia del paciente, o adicción. Por otra parte, la expresión de $Na_V1.7$ en humanos y en primates no humanos es abrumadora en el sistema nervioso periférico, con poco o nada de mensaje o proteína en el cerebro o médula espinal (Ahmad y colaboradores, Hum Mol Genet 16:2114-2121,2007). Consistente con esos estudios, los datos de los inventores muestran que entre las áreas del SNC de humanos pos-mortem examinados con hibridación in situ, el mensaje de

RNA para el $Na_V1.7$ se descubrió solo en ligeras cantidades en los núcleos hipotalámicos y en las áreas motoras ventrales de la médula espinal y el epéndimo de la médula, áreas sin afectación conocida en la respuesta al dolor. En contraste, el $Na_V1.7$ no se descubrió en la corteza cerebral, cerebelo, médula suprarrenal, pituitaria, o regiones dorsales o profundas de la médula espinal lumbar. La expresión potente del $Na_V1.7$ se descubrió en nervios periféricos incluyendo ganglios de la raíz dorsal, ganglios trigeminales y plexos mientéricos del estómago e intestino. (Véase, Figura 13A-E). Esto sugiere que un inhibidor de $Na_V1.7$ ejercería eficacia analgésica a través del sistema nervioso periférico sin necesidad de penetración del SNC. Ya que los péptidos generalmente no cruzan la barrera hematoencefálica, un inhibidor de péptido tiene de esa manera una ventaja sobre las moléculas pequeñas con alguna penetración del SNC en que un péptido no debe producir efectos secundarios fuera de objetivo comunes mediados por el cerebro tales como mareo, confusión o sedación.

Los datos genéticos clínicos para el $Na_V1.7$ no tratan si el $Na_V1.7$ mantiene su función clave en la percepción de dolor en pacientes con daño a y remodelación subsecuente del sistema nervioso. Tal remodelación es probable una característica de muchos sindromas de dolor crónico (Woolf and Ma, Neuron 55:353-364 (2007)). Para tales casos, el antagonismo del canal de sodio $Na_V1.3$ puede resultar de mayor beneficio terapéutico. Los resultados publicados muestran regulación por incremento del RNAm que codifica el $Na_V1.3$ en

las neuronas sensoriales de ratas sometidas a cirugía de ligación del nervio raquídeo, un modelo estándar para dolor neuropático en humanos (Hains y colaboradores, J Neurosci 24:4832-4839, 2004). Esto implica que para algunos síndromes de dolor crónico, especialmente el dolor neuropático, la inhibición del $Na_V1.3$ además del $Na_V1.7$ puede producir la mejor eficacia analgésica. Los estudios electrofisiológicos de los cuerpos celulares de neuronas sensoriales de rata muestran que la ligación del nervio raquídeo provoca un cambio drástico en la expresión del canal de sodio para el subtipo sensible a la tetrodotoxina, rápido más probable codificado por el *SCN9A* ($Na_V1.7$) y *SCN3A* ($Na_V1.3$) (véase, Figura 14A-E). Nuevamente esto implica que para algunos síndromes de dolor, la inhibición doble simultánea del $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$ puede producir la supresión más efectiva de dolor.

Por consiguiente, la presente invención también se refiere al uso de una o más de las composiciones inventivas de la materia en la fabricación de un medicamento para el tratamiento o prevención de una enfermedad, trastorno, u otra condición médica descrita en este documento, por ejemplo, pero no limitado a, dolor crónico, dolor agudo, o dolor persistente, o cualquiera de los síndromes de dolor descritos en este documento.

Tales composiciones farmacéuticas se pueden configurar para la administración a un paciente por una amplia variedad de vías de administración, por ejemplo, una vía de administración intravascular tal como por inyección o infusión, vías de administración subcutánea, (“s.c.”),

intravenosa (“i.v.”), intramuscular, intraperitoneal (“i.p.”), epidural o intratecal, o para vías de administración oral, enteral, pulmonar (por ejemplo, inhalador), intranasal, transmucosa (por ejemplo, administración sublingual), transdérmica u otras y/o formas de administración conocidas en el campo. La administración de un fármaco o composición farmacéutica que contiene GpTx-1, u otras composiciones de la materia de la invención, se puede llevar a cabo a través de modalidades inyectables estándares, ya sea auto-administradas o en un entorno hospitalario, o también a través de una bomba de suministro implantable para lograr la dosificación más precisa y los niveles de exposición en plasma más estables. Las composiciones farmacéuticas inventivas se pueden preparar en forma líquida, o pueden estar en forma de polvo seco, tal como forma liofilizada, o forma cristalina. Para el uso oral o enteral, las composiciones farmacéuticas se pueden configurar, por ejemplo, como tabletas, trociscos, pastillas, suspensiones acuosas o aceitosas, polvos o gránulos dispersables, emulsiones, cápsulas duras o blandas, jarabes, elixires o fórmulas enterales.

Composiciones Farmacéuticas

En General. La presente invención también proporciona composiciones farmacéuticas que comprenden la composición inventiva de la materia y un portador farmacéuticamente aceptable. Tales composiciones farmacéuticas se pueden configurar para la administración a un paciente mediante una amplia variedad de vías de administración, por ejemplo, una

vía de administración intravascular tal como por inyección o infusión, vías de administración subcutánea, intramuscular, intraperitoneal, epidural, o intratecal, o para vías de administración oral, enteral, pulmonar (por ejemplo, inhalador), intranasal, transmucosa (por ejemplo, administración sublingual), transdérmica u otras y/o formas de administración conocidas en el campo. Las composiciones farmacéuticas inventivas se pueden preparar en forma líquida, o pueden estar en forma de polvo seco, tal como forma liofilizada. Para el uso oral o enteral, las composiciones farmacéuticas se pueden configurar, por ejemplo, como tabletas, trociscos, pastillas, suspensiones acuosas o aceitosas, polvos o gránulos dispersables, emulsiones, cápsulas duras o blandas, jarabes, elixires o fórmulas enterales.

En la práctica de esta invención el “portador farmacéuticamente aceptable” es cualquier sustancia fisiológicamente tolerada conocida por aquellas personas de experiencia ordinaria en el campo útil en la formulación de composiciones farmacéuticas, que incluyen, cualquier diluyente farmacéuticamente aceptable, excipientes, dispersantes, aglutinantes, rellenos, deslizantes, agentes antifricción, auxiliares de compresión, agentes desintegradores de tabletas (desintegrantes), agentes de suspensión, lubricantes, saborizantes, odorantes, edulcorantes, potenciadores de permeación o penetración, conservadores, surfactantes, solubilizantes, emulsionantes, espesantes, adyuvantes, tintes, recubrimientos, material(s)

de encapsulamiento, y/u otros aditivos solos o en combinación. Tales composiciones farmacéuticas pueden incluir diluyentes de varios contenidos amortiguadores (*por ejemplo*, Tris-HCl, acetato, fosfato), pH y resistencia iónica; aditivos tales como detergentes y agentes solubilizantes (*por ejemplo*, Tween 80^{MR}, Polisorbato 80), antioxidantes (*por ejemplo*, ácido ascórbico, metabisulfito de sodio), conservantes (*por ejemplo*, Thimersol^{MR}, alcohol bencílico) y sustancias de volumen (*por ejemplo*, lactosa, manitol); incorporación del material en preparaciones particuladas de compuestos poliméricos tales como ácido poliláctico, ácido poliglicólico, etcétera o en liposomas. El ácido hialurónico también se puede usar, y esto puede tener el efecto de promover la duración sostenida en la circulación. Tales composiciones pueden afectar el estado físico, estabilidad, velocidad de liberación in vivo, y velocidad de eliminación in vivo de las presentes proteínas y derivados. Véase, por ejemplo, Remington's Pharmaceutical Sciences, 18a Ed. (1990, Mack Publishing Co., Easton, PA 18042) páginas 1435-1712, que se incorpora en este documento a manera de referencia en su totalidad. Las composiciones se pueden preparar en forma líquida, o pueden estar en polvo seco, tal como forma liofilizada. Las formulaciones de liberación sostenida implantables también son útiles, como son formulaciones transdérmicas o transmucosa. Adicionalmente (o alternativamente), la presente invención proporciona composiciones para el uso en cualquiera de las diversas formulaciones de liberación lenta o sostenida o formulaciones

de micropartículas conocidas por el artífice experto, por ejemplo, formulaciones de micropartículas de liberación sostenida, que se pueden administrar a través de vías de administración pulmonar, intranasal o subcutánea. (Véase, por ejemplo, Murthy y colaboradores, Injectable compositions for the controlled delivery of pharmacologically active compound, Patente de EUA No.6,887,487; Manning y colaboradores, Solubilization of pharmaceutical substances in an organic solvent and preparation of pharmaceutical powders using the same, Patentes de EUA Nos. 5,770,559 y 5,981,474; Lieberman y colaboradores, Lipophilic complexes of pharmacologically active inorganic mineral acid esters of organic compounds, Patente de EUA No. 5,002,936; y Gen, Formative agent of protein complex, US 2002/0119946 A1; Goldenberg y colaboradores, Sustained release formulations, WO 2005/105057 A1).

Uno puede diluir las composiciones inventivas o incrementar el volumen de las composiciones farmacéuticas de la invención con un material inerte. Tales diluyentes pueden incluir carbohidratos, especialmente, manitol, α-lactosa, lactosa anhidra, celulosa, sacarosa, dextranos modificados y almidón. Ciertas sales inorgánicas también se pueden usar como agentes de relleno, incluyendo trifosfato de calcio, carbonato de magnesio y cloruro de sodio. Algunos diluyentes comercialmente disponibles son Fast-Flo, Emdex, STA-Rx 1500, Emcompress y Avicell.

Una variedad de espesantes convencionales son útiles en cremas, ungüentos, configuraciones de supositorios y gel de

la composición farmacéutica, tales como, pero no limitado a, alginato, goma de xantano, o petrolato, también se pueden emplear en tales configuraciones de la composición farmacéutica de la presente invención. Un potenciador de permeación o penetración, tal como monolaurato de polietilenglicol, sulfóxido de dimetilo, N-vinil-2-pirrolidona, N-(2-hidroxietil)-pirrolidona, o 3-hidroxi-N-metil-2-pirrolidona también se pueden emplear. Son conocidas las técnicas útiles para producir matrices de hidrogel. (Por ejemplo, Feijen, Biodegradable hydrogel matrices for the controlled release of pharmacologically active agents, Patente de EUA No. 4,925,677; Shah y colaboradores, Biodegradable pH/thermosensitive hydrogels for sustained delivery of biologically active agents, WO 00/38651 A1). Tales matrices de gel biodegradables se pueden formar, por ejemplo, al reticular un componente proteínico y un componente de polisacárido o mucopolisacárido, luego cargarlo con la composición inventiva de la materia que se administra.

Las composiciones farmacéuticas líquidas de la presente invención que son soluciones o suspensiones estériles se pueden administrar a un paciente mediante inyección, por ejemplo, intramuscular, intratecal, epidural, intravascular (por ejemplo, intravenosa o intraarterialmente), intraperitoneal o subcutáneamente. (Véase, por ejemplo, Goldenberg y colaboradores, Suspensions for the sustained release of proteins, Patente de EUA No. 6,245,740 y WO 00/38652 A1). Las soluciones estériles también se pueden administrar por infusión intravenosa. La composición

inventiva se puede incluir en una composición farmacéutica sólida estéril, tal como polvo liofilizado, que se puede disolver o suspender en un tiempo conveniente antes de la administración a un paciente usando agua estéril, solución salina, solución salina amortiguada u otro medio inyectable estéril apropiado.

Las formulaciones de liberación sostenida implantables también son modalidades útiles de las composiciones farmacéuticas inventivas. Por ejemplo, el portador farmacéuticamente aceptable, que es una matriz biodegradable implantada dentro del cuerpo o bajo la piel de un vertebrado humano o no humano, puede ser un hidrogel similar aquellos descritos en lo anterior. Alternativamente, se puede formar a partir de un componente de poli-alfa-aminoácido. (Sidman, Biodegradable, implantable drug delivery device, and process for preparing and using same, Patente de EUA No. 4,351,337). Otras técnicas para fabricar implantes para la administración de fármacos también son conocidas y útiles de acuerdo con la presente invención.

En formas de polvo, el portador farmacéuticamente aceptable es un sólido finamente dividido, que está en mezcla con el ingrediente(s) activo finamente dividido, que incluye la composición inventiva. Por ejemplo, en algunas modalidades, la forma en polvo es útil cuando la composición farmacéutica está configurada como un inhalador. (Véase, por ejemplo, Zeng y colaboradores, Method of preparing dry powder inhalation compositions, WO 2004/017918; Trunk y colaboradores, Salts of the CGRP antagonist BIBN4096 and

inhalable powdered medicaments containing them, Patente de EUA No. 6,900,317).

Uno puede diluir o incrementar el volumen del compuesto de la invención con un material inerte. Estos diluyentes podrían incluir carbohidratos, especialmente manitol, α-lactosa, lactosa anhidra, celulosa, sacarosa, dextranos modificados y almidón. Ciertas sales inorgánicas también son útiles como agentes de relleno incluyendo trifosfato de calcio, carbonato de magnesio y cloruro de sodio. Algunos diluyentes comercialmente disponibles son Fast-Flo^{MR}, Emdex^{MR}, STA-Rx 1500^{MR}, Emcompress^{MR} y Avicell^{MR}.

Se pueden incluir desintegrantes en la formulación de la composición farmacéutica en una forma de dosificación sólida. Los materiales usados como desintegrantes incluyen pero no se limitan a almidón incluyendo el desintegrante comercial basado en almidón, Explotab^{MR}. El glicolato de almidón de sodio, Amberlite^{MR}, carboximetilcelulosa sódica, ultra-amilopectina, alginato de sodio, gelatina, cáscara de naranja, carboximetilcelulosa ácida, esponja natural y bentonita todos se pueden usar. La resina de intercambio catiónico insoluble es otra forma de desintegrante. Se pueden usar gomas en polvo como desintegrantes y como aglutinantes y estas pueden incluir gomas en polvo tales como agar, Karaya o tragacanto. El ácido algínico y su sal de sodio también son útiles como desintegrantes.

Los aglutinantes se pueden usar para mantener el agente terapéutico junto para formar una tableta dura e incluyen materiales de productos naturales tales como acacia,

tragacanto, almidón y gelatina. Otros incluyen metilcelulosa (MC), etilcelulosa (EC) y carboximetilcelulosa (CMC). Polivinilpirrolidona (PVP) e hidroxipropilmetilcelulosa (HPMC) ambas se podrían usar en soluciones alcohólicas para granular el agente terapéutico. Un agente antifricción se puede incluir en la formulación de agente terapéutico para evitar la adhesión durante el proceso de formulación. Los lubricantes se pueden usar como una capa entre el agente terapéutico y la pared del molde, y estos pueden incluir pero no se limitan a; ácido esteárico incluyendo sus sales de magnesio y calcio, politetrafluoroetileno (PTFE), parafina líquida, aceites y ceras vegetales. También se pueden usar lubricantes solubles tales como laurilsulfato de sodio, laurilsulfato de magnesio, polietilenglicol de varios pesos moleculares, Carbowax 4000 y 6000.

Los agentes mejoradores de flujo que podrían mejorar las propiedades de flujo del fármaco durante la formulación y para ayudar al rearreglo durante la compresión se podrían adicionar. Los agentes mejoradores de flujo pueden incluir almidón, talco, sílice pirogénica y silicoaluminato hidratado.

Para ayudar a la disolución del compuesto de esta invención en el entorno acuoso se podría adicionar un surfactante como un agente humectante. Los surfactantes pueden incluir detergentes aniónicos tales como laurilsulfato de sodio, dioctil sulfosuccinato de sodio y dioctil sulfonato de sodio. Se podrían usar detergentes catiónicos y podrían incluir cloruro de benzalconio o cloruro de bencetonio. La

lista de detergentes no iónicos potenciales que se podrían incluir en la formulación como surfactantes son lauromacrogol 400, estearato de polioxilo 40, aceite de ricino hidrogenado con polioxietileno 10, 50 y 60, monoestearato de glicerol, polisorbato 40, 60, 65 y 80, éster de ácido graso de sacarosa, metilcelulosa y carboximetilcelulosa. Estos surfactantes podrían estar presentes en la formulación de la proteína o derivados ya sea solos o como una mezcla en diferentes relaciones.

Formas de dosificación oral. También son útiles las formas de dosificación orales de las composiciones inventivas. Si es necesario, la composición se puede modificar químicamente de modo que la administración oral sea eficaz. En general, la modificación química contemplada es la unión de por lo menos una porción a la molécula sola, donde la porción permite (a) la inhibición de la proteólisis; y (b) captación en el torrente sanguíneo del estómago o intestino. También se desea el incremento en la estabilidad total del compuesto y el incremento en el tiempo de circulación en el cuerpo. Las porciones útiles como porciones que prolongan la vida media covalentemente unidas en esta invención también se pueden usar para este propósito. Ejemplos de tales porciones incluyen: PEG, copolímeros de etilenglicol y propilenglicol, carboximetilcelulosa, dextrano, alcohol polivinílico, polivinilpirrolidona y poliprolina. Véase, por ejemplo, Abuchowski and Davis (1981), Soluble Polymer-Enzyme Adducts, Enzymes as Drugs (Hocenberg and Roberts, eds.), Wiley-Interscience, Nueva York, NY, páginas 367-83; Newmark, y

colaboradores (1982), J. Appl. Biochem. 4:185-9. Otros polímeros que se podrían usar son poli-1,3-dioxolano y poli-1,3,6-tioxocano. Preferidas para el uso farmacéutico, como se indica en lo anterior, son las porciones de PEG.

Para las formas de dosificación de administración oral, también es posible usar una sal de un aminoácido alifático modificado, tal como N-(8-[2-hidroxibenzoil]amino)caprilato de sodio (SNAC), como un portador para aumentar la absorción de los compuestos terapéuticos de esta invención. La eficacia clínica de una formulación de heparina se usa el SNAC se ha mostrado en el ensayo de Fase II conducido por Emisphere Technologies. Véase la Patente de EUA No. 5,792,451, “Oral drug delivery composition and methods”.

En una modalidad, el portador farmacéuticamente aceptable puede ser un líquido y la composición farmacéutica se prepara en la forma de una solución, suspensión, emulsión, jarabe, elixir o composición presurizada. El ingrediente(s) activo (por ejemplo, la composición inventiva de la materia) se puede disolver, diluir o suspender en un portador líquido farmacéuticamente aceptable tal como agua, un solvente orgánico, una mezcla de ambos, o aceites o grasas farmacéuticamente aceptables. El portador líquido puede contener otros aditivos farmacéuticos adecuados tales como detergentes y/o solubilizantes (por ejemplo, Tween 80, Polisorbato 80), emulsificantes, soluciones amortiguadoras en pH apropiado (por ejemplo, Tris-HCl, acetato, fosfato), adyuvantes, antioxidantes (por ejemplo, ácido ascórbico, metabisulfito de sodio), conservadores (por ejemplo,

Thimersol, alcohol bencílico), edulcorantes, agentes saborizantes, agentes de suspensión, agentes espesantes, sustancias de volumen (por ejemplo, lactosa, manitol), colores, reguladores de viscosidad, estabilizantes, electrolitos, osmolutos u osmo-reguladores. Los aditivos también se pueden incluir en la formulación para aumentar la captación de la composición inventiva. Los aditivos que tiene potencialmente esta propiedad son por ejemplo los ácidos grasos, ácido oleico, ácido linoleico y ácido linolénico.

Son útiles las formas de dosificación sólidas orales, que se describen generalmente en Remington's Pharmaceutical Sciences (1990), supra, en el Capítulo 89, que se incorpora en este documento a manera de referencia en su totalidad. Las formas de dosificación sólidas incluyen tabletas, cápsulas, pastillas, trociscos o píldoras, saquitos o pelotillas. También, la encapsulación liposómica o proteinoide se puede usar para formular las presentes composiciones (como, por ejemplo, microesferas proteinoides reportadas en la Patente de EUA No. 4,925,673). Se puede usar la encapsulación en liposómica y los liposomas se pueden derivar con varios polímeros (por ejemplo, Patente de EUA No. 5,013,556). Una descripción de formas de dosificación sólidas posibles para el agente terapéutico se proporciona en Marshall, K., Modern Pharmaceutics (1979), evitado por G. S. Banker and C. T. Rhodes, en el Capítulo 10, que se incorpora en este documento a manera de referencia en su totalidad. En general, la formulación incluirá el compuesto inventivo, y los ingredientes inertes que permiten la protección contra el

entorno del estómago, y la liberación del material biológicamente activo en el intestino.

La composición de esta invención se puede incluir en la formulación como multiparticulados finos en la forma de gránulos o pelotillas de tamaño de partícula de aproximadamente 1 mm. La formulación del material para la administración de cápsula también podría ser como un polvo, tapones ligeramente comprimidos o aún como tabletas. El agente terapéutico se podría preparar por compresión.

Se pueden incluir colorantes y agentes saborizantes. Por ejemplo, la proteína (o derivado) se puede formular (tal como encapsulación de liposomas o microesferas) y luego contenerse adicionalmente dentro de un producto comestible, tal como bebida refrigerada que contiene colorantes y agentes saborizantes.

En forma de tableta, el ingrediente(s) activo se mezcla con un portador farmacéuticamente aceptable que tiene las propiedades de compresión necesarias en proporciones adecuadas y se compacta en la forma y tamaño deseados.

Los polvos y tabletas contienen de manera preferente hasta 99% del ingrediente(s) activo. Los portadores sólidos adecuados incluyen, por ejemplo, fosfato de calcio, estearato de magnesio, talco, azúcares, lactosa, dextrina, almidón, gelatina, celulosa, polivinilpirrolidona, ceras de baja fusión y resinas de intercambio iónico.

Puede ser deseable una formulación de liberación controlada. La composición de esta invención se puede incorporar en una matriz inerte que permita la liberación por

ya sea mecanismos de difusión o lixiviación por ejemplo, gomas. Las matrices de lenta degeneración también se pueden incorporar en la formulación, por ejemplo, alginatos, polisacáridos. Otra forma de una liberación controlada de las composiciones de esta invención es por un método basado en el sistema terapéutico Oros de marca registrada (Alza Corp.), es decir, el fármaco se encierra en una membrana semipermeable que permite que el agua y empuje hacia fuera el fármaco a través de una pequeña abertura individual debido a efectos osmóticos. Algunos recubrimientos entéricos también tienen un efecto de liberación retardada.

Se pueden usar otros recubrimientos para la formulación. Estos incluyen una variedad de azúcares que se podrían aplicar en una bandeja de revestimiento. El agente terapéutico también se podría proporcionar en una tableta recubierta con película y los materiales utilizados en este caso se dividen en 2 grupos. El primero son los materiales no entéricos e incluyen metilcelulosa, etilcelulosa, hidroxietil celulosa, metilhidroxi-etilcelulosa, hidroxipropilcelulosa, hidroxipropil-metil-celulosa, carboximetil celulosa de sodio, providona y los polietilenglicoles. El segundo grupo consiste de materiales entéricos que son comúnmente ésteres de ácido ftálico.

Se podría usar una mezcla de materiales para proporcionar el recubrimiento de película óptimo. El recubrimiento de películas se puede llevar a cabo en un recubridor de charola o en un lecho fluidizado o por recubrimiento o por compresión.

Formas de administración pulmonar. La administración pulmonar de las composiciones inventivas también es útil. La proteína (o derivados) se suministra a los pulmones de un mamífero mientras que inhala y atraviesa todo el revestimiento epitelial del pulmón al torrente sanguíneo. (Otros reportes de esto incluyen Adjei y colaboradores, Pharma. Res. (1990)7: 565-9; Adjei y colaboradores. (1990), Internatl. J. Pharmaceutics 63: 135-44 (leuprolide acetate); Braquet y colaboradores. (1989), J. Cardiovasc. Pharmacol. 13 (supl.5): s.143-146(endotelina 1); Hubbard y colaboradores. (1989), Annals Int. Med. 3: 206-12 (α1-antitripsina); Smith y colaboradores. (1989), J. Clin. Invest. 84: 1145-6(α1-proteinasa); Oswein y colaboradores. (March 1990), "Aerosolization of Proteins," Proc. Symp. Resp. Drug Delivery II, Keystone, Colorado (hormona de crecimiento humana recombinante); Debs y colaboradores. (1988), J. Immunol. 140: 3482-8 (interferon γ y factor α de necrosis de tumor) y Platz y colaboradores., Patente de E.U.A. No. 5,284,656 (factor estimulador de la colonia de granulocitos).

Útiles en la práctica de esta invención son una amplia variedad de dispositivos mecánicos diseñados para la administración pulmonar de productos terapéuticos, incluyendo pero no limitado a nebulizadores, inhaladores de dosis medidos, e inhaladores de polvo, todos los cuales son familiares para aquellas personas expertas en el campo. Algunos ejemplos específicos de dispositivos comercialmente disponibles para la práctica de esta invención son el nebulizador Ultravent, fabricado por Mallinckrodt, Inc., St.

Louis, Missouri; el nebulizador Acorn II, fabricado por Marquest Medical Products, Englewood, Colorado; el inhalador de dosis medida Ventolin, fabricado por Glaxo Inc., Research Triangle Park, North Carolina y el Inhalador de polvo Spinhaler, fabricado por Fisons Corp., Bedford, Massachusetts. (Véase, por ejemplo, Helgesson y colaboradores., Dispositivo de inhalación, Patente de E.U.A. No. 6,892,728; McDerment y colaboradores., inhalador de polvo seco, WO 02/11801 A1; Ohki y colaboradores., medicación inhalante, Patente de E.U.A. No. 6,273,086). Todos los dispositivos requieren el uso de formulaciones adecuadas para la dispensación del compuesto inventivo. Típicamente, cada formulación es específica al tipo de dispositivo empleado y puede implicar el uso de un material propulsor apropiado, además de diluyentes, adyuvantes y/o portadores útiles en la terapia.

El compuesto inventivo se debe preparar más ventajosamente en forma particulada con un tamaño de partícula promedio de menor que 10 µm (o micras), mucho más de manera preferente de 0.5 a 5 µm, la administración más efectiva al pulmón distante.

Los excipientes farmacéuticamente aceptables incluyen carbohidratos tales como trehalosa, manitol, xilitol, sacarosa, lactosa y sorbitol. Otros ingredientes para uso en formulaciones pueden incluir DPPC, DOPE, DSPC y DOPC. Se puede usar el PEG (a una aparte de su uso en la derivación de la proteína o análogo). Se pueden usar dextranos, tal como ciclodextrano, se puede usar sales de bilis y otros

potenciadores relacionados. Se pueden usar celulosa y derivados de celulosa. Se pueden usar aminoácidos, tal como el uso en una formulación amortiguadora.

También, se contempla el uso de liposomas, microcápsulas o microesferas, complejos de inclusión, u otros tipos de portadores.

Las formulaciones adecuadas para el uso con un nebulizador, ya sea de chorro o ultrasónico, comprenderán típicamente el compuesto inventivo disuelto en agua en una concentración de aproximadamente 0.1 a 25 mg de proteína biológicamente activa por ml de solución. La formulación también puede incluir una solución amortiguadora y un azúcar simple (por ejemplo, para estabilización de proteínas y regulación de la presión osmótica). La formulación de nebulizador también puede contener un surfactante, para reducir o prevenir la agregación inducida a la superficie de la proteína provocada por la atomización de la solución en la formación del aerosol.

Las formulaciones para el uso con un dispositivo inhalador de dosis medidas comprenderán generalmente un polvo finamente dividido que contiene el compuesto inventivo suspendido en un propulsor con la ayuda de un surfactante. El propulsor puede ser cualquier material convencional empleado para este propósito, tal como clorofluorocarbono, un hidroclorofluorocarbono, un hidrofluorocarbono, o un hidrocarburo, incluyendo triclorofluorometano, diclorodifluorometano, diclorotetrafluoroetanol, y 1,1,1,2-tetrafluoroetano o combinaciones de los mismos. Los

surfactantes adecuados incluyen trioleato de sorbitán y lecitina de soja. El ácido oleico también puede ser útil como un surfactante. (Véase, por ejemplo, Bäckström y colaboradores., Aerosol drug formulations containing hydrofluoroalkanes and alkyl saccharides, Patente de E.U.A. No. 6,932,962).

Las formulaciones para la dispensación de un dispositivo inhalador de polvo comprenderán un polvo seco finamente dividido que contiene compuesto inventivo y también pueden incluir un agente de volumen, tal como lactosa, sorbitol, sacarosa, manitol, trehalosa, o xilitol, en cantidades que facilitan la dispersión del polvo del dispositivo, por ejemplo, de 50 a 90% en peso de la formulación.

Formas de administración nasal. De acuerdo con la presente invención, la administración intranasal de la composición de la invención de la materia y/o composiciones farmacéuticas también es útil, lo cual permite el pasaje de la misma al torrente sanguíneo directamente después de la administración al interior de la nariz, sin la necesidad de deposición del producto en los pulmones. Las formulaciones adecuadas para la administración intranasal incluyen aquellas con dextrano o ciclodextrano, y son conocidos los dispositivos de administración intranasal. (Véase, por ejemplo, Freezer, Inhaler, Patente de E.U.A. No. 4,083,368).

Transdérmica y transmucosa (formas de administración (por ejemplo, bucal)). En algunas modalidades la composición inventiva está configurada como una parte de un parche transdérmico o de transmucosa farmacéuticamente aceptable o

una trocisco. Los sistemas de administración de fármacos de parches transdérmico, por ejemplo, parches transdérmicos de tipo matriz, son conocidos y útiles para practicar una modalidad de la presentes composiciones farmacéuticas. (Por ejemplo, Chien y colaboradores. Transdermal estrogen/progestin dosage unit, system and process, Patentes de E.U.A. Nos. 4,906,169 y 5,023,084; Cleary y colaboradores., Diffusion matrix for transdermal drug administration and transdermal drug delivery devices including same, Patente de E.U.A. No. 4,911,916; Teillaud y colaboradores., EVA-based transdermal matrix system for the administration of an estrogen and/or a progestogen, Patente de E.U.A. No. 5.605,702; Venkateshwaran y colaboradores., Transdermal drug delivery matrix for coadministering estradiol and another steroid, Patente de E.U.A. No. 5,783,208; Ebert y colaboradores., Methods for providing testosterone and optionally estrogen replacement therapy to women, Patente de E.U.A. No. 5,460,820). Una variedad de sistemas farmacéuticamente aceptables para la administración transmucosa de los agentes terapéuticos también es conocida en el campo y es compatible con la práctica de la presente invención. (Por ejemplo, Heiber y colaboradores., Transmucosal delivery of macromolecular drugs, Patentes de E.U.A. Nos. 5,346,701 y 5,516,523; Longenecker y colaboradores., Transmembrane formulations for drug administration, Patente de E.U.A. No. 4,994,439).

La administración bucal de las composiciones inventivas también es útil. Las formulaciones de suministro bucal son

conocidas en el campo para el uso con los péptidos. Por ejemplo, los sistemas de tabletas o parches conocidos configurados para administrar fármacos a través de la mucosa oral (por ejemplo, mucosa sublingual), incluyen algunas modalidades que comprenden una capa interior que contiene el fármaco, un potenciador de permeación, tal como una sal de bilis o fusidato, y un polímero hidrofílico, tal como hidroxipropil celulosa, hidroxipropilmetilcelulosa, hidroxietilcelulosa, dextrano, pectina, polivinilpirrolidona, almidón, gelatina, o cualquier variedad de otros polímeros conocidos por ser útiles para este propósito. La capa interior puede tener una superficie adaptada para hacer contacto y adherirse al tejido de la mucosa húmedo de la cavidad oral y puede tener una superficie opuesta que se adhiere a una capa inerte no adhesiva solapante. Opcionalmente, tal sistema de administración a través de la transmucosa puede estar en la forma de una tableta de bicapa, en la cual la capa interior también contiene agentes aglutinantes adicionales, agentes aromatizantes o agentes de relleno. Algunos sistemas útiles emplean un detergente no iónico junto con un potenciador de permeación. Los dispositivos de administración a través de la transmucosa pueden estar en forma libre, tales como una crema, gel o ungüento, o pueden comprender una forma determinada tal como una tableta, parche o trocisco. Por ejemplo, la administración de la composición inventiva puede ser a través de un sistema de administración a través de la transmucosa que comprende un compuesto laminado de, por ejemplo, una capa

adhesiva, una capa de respaldo, una membrana permeable que define un depósito que contiene la composición inventiva, un disco de sello desprendible subyacente a la membrana, uno o más sellos de calor, y un revestimiento de liberación extraíble. (Por ejemplo, Ebert y colaboradores, Transdermal delivery system with adhesive overlay and peel seal disc, Patente de E.U.A. No. 5,662,925; Chang y colaboradores., Device for administering an active agent to the skin or mucosa, Patentes de E.U.A. Nos. 4,849,224 y 4,983,395). Estos ejemplos son simplemente ilustrativos de tecnología de administración de fármacos a través de la transmucosa disponible y no son limitantes de la presente invención.

Dosificaciones. El régimen de dosificación implicado en un método para tratar las condiciones descritas en lo anterior se determinaran por el médico que atiente, considerando varios factores que modifican la acción de los fármacos, por ejemplo la edad, condición, peso corporal, sexo y dieta del paciente, la gravedad de cualquier infección, tiempo de administración y otros factores clínicos. Generalmente, el régimen diario debe estar en el intervalo de 0.1-1000 microgramos de compuesto inventivo por kilogramo de peso corporal, de manera preferente 0.1-150 microgramos por kilogramo.

A manera de ilustración adicional, las siguientes modalidades numeradas son abarcadas por la presente invención:

1. Una composición de materia que comprende un polipéptido aislado que comprende la secuencia de aminoácidos

de la fórmula:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ $X_{aa}^{3}X_{aa}^{4}X_{aa}^{5}X_{aa}^{6}X_{aa}^{7}X_{aa}^{8}X_{aa}^{9}X_{aa}^{10}X_{aa}^{11}X_{aa}^{12}X_{aa}^{13}X_{aa}^{14}Asp^{15}$ X_{aa}^{16} X_{aa}^{17} $X_{aa}^{18}X_{aa}^{19}$ X_{aa}^{20} $X_{aa}^{21}X_{aa}^{22}X_{aa}^{23}$ $X_{aa}^{24}X_{aa}^{25}$ $X_{aa}^{26}X_{aa}^{27}X_{aa}^{28}X_{aa}^{29}X_{aa}^{30}$ $X_{aa}^{31}Lys^{32}X_{aa}^{33}X_{aa}^{34}X_{aa}^{35}$ $X_{aa}^{36}X_{aa}^{37}X_{aa}^{38}$//SEQ ID NO:475

o una sal farmacéuticamente aceptable de la misma,

en donde:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ está ausente; o X_{aa}^{1} es cualquier residuo de aminoácido y X_{aa}^{2} es cualquier residuo de aminoácido; o X_{aa}^{1} está ausente y X_{aa}^{2} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{3} es Cys, si X_{aa}^{18} es Cys; o X_{aa}^{3} es SeCys, si X_{aa}^{18} es SeCys; o X_{aa}^{3} es un residuo de aminoácido alquilo, si X_{aa}^{18} es un residuo de aminoácido alquilo;

X_{aa}^{4} es un residuo de aminoácido hidrofílico ácido, hidrofóbico, básico, o neutro;

X_{aa}^{5} es un residuo de aminoácido Gly, Ala, hidrofóbico, o básico;

X_{aa}^{6} es un residuo de aminoácido Gly, Ala, 2-Abu, Nle, Nva, o hidrofóbico;

X_{aa}^{7} es un residuo de aminoácido Gly, Ala, aromático, o hidrofóbico;

X_{aa}^{8} es un residuo de aminoácido básico, ácido, o neutro hidrofílico, o un residuo Ala;

X_{aa}^{9} es un residuo de aminoácido básico o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{10} es Cys si X_{aa}^{24} es Cys; o X_{aa}^{10} es SeCys si X_{aa}^{24} es SeCys;

X_{aa}^{11} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{12} es un residuo de aminoácido Pro, ácido, neutro, o

hidrofóbico;

X_{aa}^{13} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{14} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{16} es un residuo de aminoácido básico, neutro hidrofílico, o ácido, o un residuo Ala;

X_{aa}^{17} es un Cys si X_{aa}^{31} es Cys; o X_{aa}^{17} es un SeCys si X_{aa}^{31} es SeCys;

X_{aa}^{18} es un Cys, SeCys, o un residuo de aminoácido alquilo;

X_{aa}^{19} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{20} es un residuo Pro, Gly, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{21} es un residuo de aminoácido básico, hidrofóbico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{22} es un residuo de aminoácido hidrofóbico o básico;

X_{aa}^{23} es un residuo de aminoácido hidrofóbico, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{24} es un residuo Cys o SeCys;

X_{aa}^{25} es un Ser, Ala, o un residuo de aminoácido hidrofílico neutro;

X_{aa}^{26} es un residuo de aminoácido Ala, ácido, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{27} es un residuo ácido, básico, neutro hidrofílico o hidrofóbico;

X_{aa}^{28} es un residuo de aminoácido aromático o básico;

X_{aa}^{29} es un residuo de aminoácido ácido, básico, o neutro hidrofílico;

X_{aa}^{30} es un residuo Trp, 5-bromoTrp, 6-bromoTrp, 5-

cloroTrp, 6-cloroTrp, 1-Nal, 2-Nal, o tioTrp;

X_{aa}^{31} es un Cys o SeCys;

X_{aa}^{33} es un residuo de aminoácido hidrofóbico o aromático;

X_{aa}^{34} es cualquier residuo de aminoácido;

X_{aa}^{35} es un residuo de aminoácido hidrofóbico;

cada uno de X_{aa}^{36}, X_{aa}^{37}, y X_{aa}^{38} es independientemente ausente o es independientemente un residuo de aminoácido neutro, básico, o hidrofóbico;

y en donde:

si X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre el residuo X_{aa}^{3} y residuo X_{aa}^{18}; o si X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{3} y el residuo X_{aa}^{18};

si X_{aa}^{10} y X_{aa}^{24} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{10} y residuo X_{aa}^{24}; o si X_{aa}^{10} y X_{aa}^{24} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{10} y residuo X_{aa}^{24};

si X_{aa}^{17} y X_{aa}^{31} son ambos residuos Cys, hay un enlace disulfuro entre residuo X_{aa}^{17} y residuo X_{aa}^{31}; o si X_{aa}^{17} y X_{aa}^{31} son ambos residuos SeCys, hay un enlace diselenuro entre residuo X_{aa}^{17} y residuo X_{aa}^{31};

el residuo de terminal amino está opcionalmente acetilado, biotinilado, o 4-pentinoilado, o PEGilado; y

el residuo de terminal carboxi está opcionalmente amidado.

2. La composición de materia de la Modalidad 1 en donde X_{aa}^{4} se selecciona de Ala, Glu, Asp, Phe, Pro, Ile,

Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 4-fenil-fenilalanina (Bip), Gln, Asn, Ser, Thr, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, y residuos Cit.

3. La composición de materia de las Modalidades 1-2, en donde X_{aa}^5 se selecciona de Ala, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

4. La composición de materia de las Modalidades 1-3, en donde X_{aa}^6 se selecciona de Ala, Gly, 2-Abu, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, prolina, tiaprolina, metionina, glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclopentilglicina (Cpg), fenilglicina, N-metileucina, N-metilfenilalanina, N-metilvalina, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

5. La composición de materia de las Modalidades 1-4, en donde X_{aa}^7 se selecciona de Gly, Ala, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, norleucina, norvalina, Pro, 2-

piridinilalanina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

6. La composición de materia de las Modalidades 1-5, en donde X_{aa}^{8} se selecciona de Ala, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Ser, Thr, Asn, Gln, Cit, Asp, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, y residuos Glu.

7. La composición de materia de las Modalidades 1-6, en donde X_{aa}^{9} se selecciona de Ala, Pro, Met, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Gln, Asn, Ser, Thr, y residuos Cit.

8. La composición de materia de las Modalidades 1-7, en donde X_{aa}^{11} se selecciona de Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

9. La composición de materia de las Modalidades 1-8,

en donde X_{aa}^{12} se selecciona de alanina, valina, leucina, isoleucina, prolina, serina, treonina, ácido aspártico, ácido glutamático, glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, Cha, y 4-fenil-fenilalanina (Bip), ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), asparagina, glutamina, metionina, hidroxiprolina, fenilalanina, triptofan, y tirosina.

10. La composición de materia de las Modalidades 1-9, en donde X_{aa}^{13} se selecciona de Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

11. La composición de materia de las Modalidades 1-10, en donde X_{aa}^{14} se selecciona de Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

12. La composición de materia de las Modalidades 1-11, en donde X_{aa}^{16} se selecciona de Ala, Pro, Met, Arg, Lys, His, Pra, Atz, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina,

ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Gln, Asn, Ser, Thr, Cit, Asp, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, y residuos de Glu.

13. La composición de materia de las Modalidades 1-12, en donde X_{aa}^{19} se selecciona de Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

14. La composición de materia de las Modalidades 1-13, en donde X_{aa}^{20} se selecciona de Ala, Gly, Pro, Met, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Gln, Asn, Ser, Thr, y residuos Cit.

15. La composición de materia de las Modalidades 1-14, en donde X_{aa}^{21} se selecciona de Ala, Phe, Pro, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 4-fenil-fenilalanina (Bip), Gln, Asn, Ser, Thr, y

residuos Cit.

16. La composición de materia de las Modalidades 1-15, en donde X_{aa}^{22} se selecciona de Ala, Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

17. La composición de materia de las Modalidades 1-16, en donde X_{aa}^{23} se selecciona de Ala, Phe, Pro, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), glicina, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 4-fenil-fenilalanina (Bip), Gln, Asn, Ser, Thr, y residuos Cit.

18. La composición de materia de las Modalidades 1-17, en donde X_{aa}^{25} se selecciona de Ala, Gly Pro, Met, Gln, Asn, Ser, Thr, y residuos Cit.

19. La composición de materia de las Modalidades 1-18, en donde X_{aa}^{26} se selecciona de Ala, Pro, Met, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, glicina, Glu, Asp, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Gln, Asn, Ser, Thr, y residuos Cit.

20. La composición de materia de las Modalidades 1-19, en donde X_{aa}^{27} se selecciona de Thr, Leu, Ile, Val, Ser, Met, Gln, Asn, Phe, Tyr, Trp, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 4-fenil-fenilalanina (Bip), Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, Asp, Glu, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, y residuos Gly.

21. La composición de materia de las Modalidades 1-20, en donde X_{aa}^{28} se selecciona de Phe, Trp, Tyr, Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, 1-Nal, 2-Nal, 2-piridil-alanina, 3-piridil-alanina, 4-piridil-alanina, 4-piperidinil-alanina, y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

22. La composición de materia de las Modalidades 1-21, en donde X_{aa}^{29} se selecciona de Ala, Asp, Glu, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Phe, Gly, His, Lys, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, y residuos Dab.

23. La composición de materia de las Modalidades 1-22, en donde X_{aa}^{33} se selecciona de Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1’NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-

fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, 2-piridil-alanina, 3-piridil-alanina, 4-piridil-alanina, 4-piperidinil-alanina, y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

24. La composición de materia de las Modalidades 1-23, en donde X_{aa}^{34} se selecciona de Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, 2-piridil-alanina, 3-piridil-alanina, 4-carboxi-fenilalanina, y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

25. La composición de materia de las Modalidades 1-24, en donde X_{aa}^{35} se selecciona de Phe, Ile, Leu, Met, Val, Trp, Tyr, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

26. La composición de materia de las Modalidades 1-25, en donde cada uno de X_{aa}^{36} , X_{aa}^{37} , y X_{aa}^{38} es independientemente está ausente o se selecciona independientemente de Ala, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-

aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metil lisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), y residuos de 4-fenil-fenilalanina (Bip).

27. La composición de materia de las Modalidades 1-26, en donde X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} son residuos alquilo.

28. La composición de materia de la Modalidad 27, en donde X_{aa}^{3} y X_{aa}^{18} son, independientemente, Ala o residuos 2-Abu.

29. La composición de materia de las Modalidades 1-28, en donde el residuo de terminal carboxi es amidado.

30. La composición de materia de las Modalidades 1-29, en donde el polipéptido aislado comprende la secuencia de aminoácidos de la fórmula:

$X_{aa}^{1}X_{aa}^{2}$ $Cys^{3}X_{aa}^{4}$ $X_{aa}^{5}Ala^{6}$ $X_{aa}^{7}X_{aa}^{8}X_{aa}^{9}Cys^{10}X_{aa}^{11}X_{aa}^{12}X_{aa}^{13}X_{aa}^{14}Asp^{15}$ X_{aa}^{16} $Cys^{17}Cys^{18}X_{aa}^{19}$ X_{aa}^{20} $X_{aa}^{21}X_{aa}^{22}X_{aa}^{23}$ $Cys^{24}X_{aa}^{25}$ $X_{aa}^{26}X_{aa}^{27}X_{aa}^{28}X_{aa}^{29}X_{aa}^{30}$ $Cys^{31}Lys^{32}X_{aa}^{33}X_{aa}^{34}X_{aa}^{35}$ $X_{aa}^{36}X_{aa}^{37}X_{aa}^{38}$// SEQ ID NO:476.

31. La composición de materia de las Modalidades 1-29, en donde X_{aa}^{6} es Ala.

32. La composición de materia de la Modalidad 31, en donde X_{aa}^{27} es Glu.

33. La composición de materia de las Modalidades 31-32, en donde X_{aa}^{29} es Asp, Glu, o Gln.

34. La composición de materia de la Modalidad 31, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 22, 252-263, 419-439, 518-521, 524, 525, 562-580, 602, 691, 692, 696-703, 715, 721-735, 737-749, 756, 757, 761,

762, 764-771, 787-796, 798, 800, 802, 803, 809-812, 1028, 1030-1040, 1043-1047, 1062-1065, y 1068-1070.

35. La composición de materia de la Modalidad 31, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 1082, 1096, 1110, 1124, 1135, 1146, 1157, 1165, 1173, 1181, 1192, 1203, 1214, 1222, 1230, 1238, 1249, 1260, 1271, 1279, 1287, 1295, 1306, 1317, 1328, 1336, 1344, 1352, 1360, 1368, 1376, 1384, 1392, 1400, 1408, 1416, 1424, 1432, 1440, 1448, 1456, 1464, 1472, 1480, 1488, 1496, 1504, 1512, 1520, 1528, 1536, 1544, 1552, 1560, 1568, 1576, 1584, 1592, 1600, 1608, 1616, 1624, 1632, 1640, 1658, 1672, 1686, 1700, 1711, 1722, 1733, 1741, 1749, 1757, 1768, 1779, 1790, 1798, 1806, 1814, 1825, 1836, 1847, 1855, 1863, 1871, 1882, 1893, 1904, 1912, 1920, 1928, 1936, 1944, 1952, 1960, 1968, 1976, 1984, 1992, 2000, 2008, 2016, 2024, 2032, 2040, 2048, 2056, 2064, 2072, 2080, 2088, 2096, 2104, 2112, 2120, 2128, 2136, 2144, 2152, 2160, 2168, 2176, 2184, 2192, 2200, 2208, 2216, 2234, 2248, 2262, 2276, 2287, 2298, 2309, 2317, 2325, 2333, 2344, 2355, 2366, 2374, 2382, 2390, 2401, 2412, 2423, 2431, 2439, 2447, 2458, 2469, 2480, 2488, 2496, 2504, 2512, 2520, 2528, 2536, 2544, 2552, 2560, 2568, 2576, 2584, 2592, 2600, 2608, 2616, 2624, 2632, 2640, 2648, 2656, 2664, 2672, 2680, 2688, 2696, 2704, 2712, 2720, 2728, 2736, 2744, 2752, 2760, 2768, 2776, 2784, 2792, 2808, 2822, 2833, 2844, 2855, 2863, 2871, 2879, 2890, 2901, 2912, 2920, 2928, 2936, 2944, 2952, 2960, 2968, 2976, 2984, 2992, 3000, 3008, 3016, 3024, 3032, 3040, 3048, 3056, 3064, 3072, y 3080.

36. La composición de materia de la Modalidad 31, que

comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 597-601 y 813-1027.

37. La composición de materia de las Modalidades 1-29, en donde X_{aa}^{6} es Gly.

38. La composición de materia de la Modalidad 37, en donde X_{aa}^{27} es Glu.

39. La composición de materia de las Modalidades 37-38, en donde X_{aa}^{29} es Asp, Glu, o Gln.

40. La composición de materia de la Modalidad 37, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 265, 751, 752, 754, 755, 1081, 1095, 1109, 1123, 1134, 1145, 1156, 1164, 1172, 1180, 1191, 1202, 1213, 1221, 1229, 1237, 1248, 1259, 1270, 1278, 1286, 1294, 1305, 1316, 1327, 1335, 1343, 1351, 1359, 1367, 1375, 1383, 1391, 1399, 1407, 1415, 1423, 1431, 1439, 1447, 1455, 1463, 1471, 1479, 1487, 1495, 1503, 1511, 1519, 1527, 1535, 1543, 1551, 1559, 1567, 1575, 1583, 1591, 1599, 1607, 1615, 1623, 1631, 1639, 1657, 1671, 1685, 1699, 1710, 1721, 1732, 1740, 1748, 1756, 1767, 1778, 1789, 1797, 1805, 1813, 1824, 1835, 1846, 1854, 1862, 1870, 1881, 1892, 1903, 1911, 1919, 1927, 1935, 1943, 1951, 1959, 1967, 1975, 1983, 1991, 1999, 2007, 2015, 2023, 2031, 2039, 2047, 2055, 2063, 2071, 2079, 2087, 2095, 2103, 2111, 2119, 2127, 2135, 2143, 2151, 2159, 2167, 2175, 2183, 2191, 2199, 2207, 2215, 2233, 2247, 2261, 2275, 2286, 2297, 2308, 2316, 2324, 2332, 2343, 2354, 2365, 2373, 2381, 2389, 2400, 2411, 2422, 2430, 2438, 2446, 2457, 2468, 2479, 2487, 2495, 2503, 2511, 2519, 2527, 2535, 2543, 2551, 2559, 2567, 2575, 2583, 2591, 2599, 2607, 2615, 2623, 2631, 2639, 2647,

2655, 2663, 2671, 2679, 2687, 2695, 2703, 2711, 2719, 2727, 2735, 2743, 2751, 2759, 2767, 2775, 2783, 2791, 2807, 2821, 2832, 2843, 2854, 2862, 2870, 2878, 2889, 2900, 2911, 2919, 2927, 2935, 2943, 2951, 2959, 2967, 2975, 2983, 2991, 2999, 3007, 3015, 3023, 3031, 3039, 3047, 3055, 3063, 3071, y 3079.

41. La composición de materia de las Modalidades 1-29, en donde X_{aa}^{6} es 2-Abu.

42. La composición de materia de la Modalidad 41, en donde X_{aa}^{27} es Glu.

43. La composición de materia de las Modalidades 41-42, en donde X_{aa}^{29} es Asp, Glu, o Gln.

44. La composición de materia de la Modalidad 41, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 605, 636, 649, 706, 707, 718, 753, 758, 797, 799, 801, 804, 807, 808, 1029, 1041, 1042, 1048, 1066, 1067, 1083, 1097, 1111, 1125, 1136, 1147, 1158, 1166, 1174, 1182, 1193, 1204, 1215, 1223, 1231, 1239, 1250, 1261, 1272, 1280, 1288, 1296, 1307, 1318, 1329, 1337, 1345, 1353, 1361, 1369, 1377, 1385, 1393, 1401, 1409, 1417, 1425, 1433, 1441, 1449, 1457, 1465, 1473, 1481, 1489, 1497, 1505, 1513, 1521, 1529, 1537, 1545, 1553, 1561, 1569, 1577, 1585, 1593, 1601, 1609, 1617, 1625, 1633, 1641, 1659, 1673, 1687, 1701, 1712, 1723, 1734, 1742, 1750, 1758, 1769, 1780, 1791, 1799, 1807, 1815, 1826, 1837, 1848, 1856, 1864, 1872, 1883, 1894, 1905, 1913, 1921, 1929, 1937, 1945, 1953, 1961, 1969, 1977, 1985, 1993, 2001, 2009, 2017, 2025, 2033, 2041, 2049, 2057, 2065, 2073, 2081, 2089, 2097, 2105, 2113, 2121, 2129, 2137, 2145, 2153, 2161, 2169, 2177, 2185, 2193, 2201, 2209, 2217, 2235, 2249, 2263,

2277, 2288, 2299, 2310, 2318, 2326, 2334, 2345, 2356, 2367, 2375, 2383, 2391, 2402, 2413, 2424, 2432, 2440, 2448, 2459, 2470, 2481, 2489, 2497, 2505, 2513, 2521, 2529, 2537, 2545, 2553, 2561, 2569, 2577, 2585, 2593, 2601, 2609, 2617, 2625, 2633, 2641, 2649, 2657, 2665, 2673, 2681, 2689, 2697, 2705, 2713, 2721, 2729, 2737, 2745, 2753, 2761, 2769, 2777, 2785, 2793, 2809, 2823, 2834, 2845, 2856, 2864, 2872, 2880, 2891, 2902, 2913, 2921, 2929, 2937, 2945, 2953, 2961, 2969, 2977, 2985, 2993, 3001, 3009, 3017, 3025, 3033, 3041, 3049, 3057, 3065, 3073, y 3081.

45. La composición de materia de las Modalidades 1-29, en donde X_{aa}^{6} es Nle.

46. La composición de materia de la Modalidad 45, en donde X_{aa}^{27} es Glu.

47. La composición de materia de las Modalidades 45-46, en donde X_{aa}^{29} es Asp, Glu, o Gln.

48. La composición de materia de la Modalidad 45, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 607, 638, 651, 1085, 1099, 1113, 1127, 1138, 1149, 1160, 1168, 1176, 1184, 1195, 1206, 1217, 1225, 1233, 1241, 1252, 1263, 1274, 1282, 1290, 1298, 1309, 1320, 1331, 1339, 1347, 1355, 1363, 1371, 1379, 1387, 1395, 1403, 1411, 1419, 1427, 1435, 1443, 1451, 1459, 1467, 1475, 1483, 1491, 1499, 1507, 1515, 1523, 1531, 1539, 1547, 1555, 1563, 1571, 1579, 1587, 1595, 1603, 1611, 1619, 1627, 1635, 1643, 1661, 1675, 1689, 1703, 1714, 1725, 1736, 1744, 1752, 1760, 1771, 1782, 1793, 1801, 1809, 1817, 1828, 1839, 1850, 1858, 1866, 1874,

1885, 1896, 1907, 1915, 1923, 1931, 1939, 1947, 1955, 1963, 1971, 1979, 1987, 1995, 2003, 2011, 2019, 2027, 2035, 2043, 2051, 2059, 2067, 2075, 2083, 2091, 2099, 2107, 2115, 2123, 2131, 2139, 2147, 2155, 2163, 2171, 2179, 2187, 2195, 2203, 2211, 2219, 2237, 2251, 2265, 2279, 2290, 2301, 2312, 2320, 2328, 2336, 2347, 2358, 2369, 2377, 2385, 2393, 2404, 2415, 2426, 2434, 2442, 2450, 2461, 2472, 2483, 2491, 2499, 2507, 2515, 2523, 2531, 2539, 2547, 2555, 2563, 2571, 2579, 2587, 2595, 2603, 2611, 2619, 2627, 2635, 2643, 2651, 2659, 2667, 2675, 2683, 2691, 2699, 2707, 2715, 2723, 2731, 2739, 2747, 2755, 2763, 2771, 2779, 2787, 2795, 2811, 2825, 2836, 2847, 2858, 2866, 2874, 2882, 2893, 2904, 2915, 2923, 2931, 2939, 2947, 2955, 2963, 2971, 2979, 2987, 2995, 3003, 3011, 3019, 3027, 3035, 3043, 3051, 3059, 3067, 3075, y 3083.

49. La composición de materia de las Modalidades 1-29, en donde X_{aa}^{6} es Nva.

50. La composición de materia de la Modalidad 49, en donde X_{aa}^{27} es Glu.

51. La composición de materia de las Modalidades 49-50, en donde X_{aa}^{29} es Asp, Glu, o Gln.

52. La composición de materia de la Modalidad 49, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 606, 637, 650, 705, 708, 717, 759, 760, 805, 806, 1084, 1098, 1112, 1126, 1137, 1148, 1159, 1167, 1175, 1183, 1194, 1205, 1216, 1224, 1232, 1240, 1251, 1262, 1273, 1281, 1289, 1297, 1308, 1319, 1330, 1338, 1346,

1354, 1362, 1370, 1378, 1386, 1394, 1402, 1410, 1418, 1426, 1434, 1442, 1450, 1458, 1466, 1474, 1482, 1490, 1498, 1506, 1514, 1522, 1530, 1538, 1546, 1554, 1562, 1570, 1578, 1586, 1594, 1602, 1610, 1618, 1626, 1634, 1642, 1660, 1674, 1688, 1702, 1713, 1724, 1735, 1743, 1751, 1759, 1770, 1781, 1792, 1800, 1808, 1816, 1827, 1838, 1849, 1857, 1865, 1873, 1884, 1895, 1906, 1914, 1922, 1930, 1938, 1946, 1954, 1962, 1970, 1978, 1986, 1994, 2002, 2010, 2018, 2026, 2034, 2042, 2050, 2058, 2066, 2074, 2082, 2090, 2098, 2106, 2114, 2122, 2130, 2138, 2146, 2154, 2162, 2170, 2178, 2186, 2194, 2202, 2210, 2218, 2236, 2250, 2264, 2278, 2289, 2300, 2311, 2319, 2327, 2335, 2346, 2357, 2368, 2376, 2384, 2392, 2403, 2414, 2425, 2433, 2441, 2449, 2460, 2471, 2482, 2490, 2498, 2506, 2514, 2522, 2530, 2538, 2546, 2554, 2562, 2570, 2578, 2586, 2594, 2602, 2610, 2618, 2626, 2634, 2642, 2650, 2658, 2666, 2674, 2682, 2690, 2698, 2706, 2714, 2722, 2730, 2738, 2746, 2754, 2762, 2770, 2778, 2786, 2794, 2810, 2824, 2835, 2846, 2857, 2865, 2873, 2881, 2892, 2903, 2914, 2922, 2930, 2938, 2946, 2954, 2962, 2970, 2978, 2986, 2994, 3002, 3010, 3018, 3026, 3034, 3042, 3050, 3058, 3066, 3074, y 3082.

53. La composición de materia de la Modalidad 1, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 3-30, 32-72, 74-134, 136-178, 180-211, 218-239, 241-305, 307-363, 366-386, 388-432, 434-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-775, 777, 778, 780-788, 790-1049, y 1062-3086.

54. Una composición de materia, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 3-134, 136-305, 307-386, 388-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-1049, y 1062-3086.

55. Un ácido nucleico aislado que codifica cualquiera de las SEQ ID NOS: 3-134, 136-305, 307-386, 388-474, 515-527, 532-588, 590, 591, 593-1049, o 1062-3086 que no incluye un aminoácido no canónico.

56. Un vector de expresión que comprende el ácido nucleico de la Modalidad 55.

57. Una célula hospedera recombinante que comprende el vector de expresión de la Modalidad 56.

58. La composición de materia de cualquiera de las Modalidades 1-54, que comprende además una porción ligadora opcional y una porción que extiende la vida media ligada covalentemente, farmacéuticamente aceptable.

59. La composición de materia de la Modalidad 58, en donde la porción que extiende la vida media es polietilenglicol de peso molecular de alrededor de 1000 Da hasta alrededor de 100000 Da, un dominio Fc IgG, una transtiretina, o una albúmina de suero humano.

60. La composición de materia de la Modalidad 58, en donde la porción que extiende la vida media comprende una inmunoglobulina humana o un dominio Fc de inmunoglobulina humano, o ambos.

61. La composición de materia de la Modalidad 60 que tiene una configuración como se establece en cualquiera de las Figuras 12A-N, o Figuras 88-91.

62. La composición de materia de la Modalidad 60, en donde la composición comprende un conjugado inmunoglobulina-péptido o Fc-péptido monovalente.

63. La composición de materia de la Modalidad 60, en donde la composición comprende un conjugado inmunoglobulina-péptido o Fc-péptido divalente.

64. Una composición farmacéutica, que comprende la composición de materia de cualquiera de las Modalidades 1-54 o 58-63, y un portador farmacéuticamente aceptable.

65. Un método para prevenir el dolor, que comprende administrar una cantidad profilácticamente efectiva de la composición de materia de cualquiera de las Modalidades 1-54 o 58-63.

66. Un método para tratar dolor, que comprende administrar una cantidad terapéuticamente efectiva de la composición de materia de cualquiera de las Modalidades 1-54, o 58-63.

67. El método de la Modalidad 66, en donde el dolor es dolor crónico, dolor agudo, o dolor persistente.

68. El método de la Modalidad 67, en donde el dolor crónico está asociado con cáncer, quimioterapia, osteoartritis, fibromialgia, eritromelalgia primaria, neuralgia post-herpética, neuropatía diabética dolorosa, neuropatía dolorosa idiopática, neuromas, trastorno de dolor extremo paroxismal, migraña, neuralgia trigeminal, dolor orofacial, dolores de cabeza en grupo, síndrome de dolor regional complejo (CRPS), síndrome de cirugía de espalda fallida, ciática, cistitis interesticial, dolor

pélvico, dolor de espalda baja, dolor inducido por inflamación, o dolor de articulación.

69. El método de la Modalidad 67, en donde el dolor agudo o persistente está asociado con trauma, quemadura, o cirugía.

70. La composición de materia de las Modalidades 1-30, en donde X_{aa}^{29} es un residuo hidrofílico ácido o neutro.

71. La composición de materia de la Modalidad 70, en donde X_{aa}^{29} se selecciona de Ala, Asp, Glu, Gly, Asn, Gln, Ser, Thr, fosfoserina, fosfotirosina, y residuos de ácido gamma-carboxiglutámico.

72. La composición de materia de la Modalidad 70, que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 1071-2798.

Los siguientes ejemplos de trabajo son ilustrativos y no se construyen de ninguna manera como limitantes del alcance de la invención actual.

EJEMPLOS

Ejemplo 1: Aislamiento y purificación del GpTx-1 de veneno

Preparación de la Muestra de Veneno. El veneno de la tarántula *Gammostola porteri* se extrajo a través de estimulación eléctrica de una araña anestesiada. Se recolectaron las muestras de veneno, se liofilizaron, y se disolvieron en 0.1% de ácido trifluoroacético (TFA) en agua a aproximadamente 1 mg de veneno/ml. Las soluciones de veneno crudas se desalaron por extracción en fase sólida (SPE) con cartuchos Sep-Pak C18 (Aguas, Milford, MA, USA) equilibrados 0.1% de TFA, y se eluyeron con 60% de acetonitrilo acuoso y luego se evaporaron. El material seco se disolvió en 0.1% de a una concentración de 1mg de veneno/ml y los componentes moleculares más altos se removieron con un Ultrafree-CL de corte de 10 kDa de peso molecular (Millipore). >10 kDa de extracto de veneno después se secó in vacuo y se almacenó a -80ºC.

Fraccionamiento. El veneno crudo se fraccionó por HPLC de fase inversa (RP), recolectando 84 muestras en intervalos de tiempo. Menos de 10 kDa de extractos de veneno se disolvieron en 0.1% de TFA a aproximadamente 1 mg de veneno/ml, y luego se separaron por cromatografía C18 RP HPLC y se recolectaron en aproximadamente 1 minuto de fracciones amplias. Método HPLC: Solución amortiguadora A (0.1% de TFA en agua) y solución amortiguadora B (90% de acetonitrilo/10% de agua que contiene 0.1% de TFA) a 1 ml/min con 1%/min con 1%/min de gradiente de 0-100% de solución amortiguadora B.

Las fracciones luego se transfectaron en un formato de placa, se secaron bajo vacío, y luego se almacenaron a -80ºC.

Las fracciones de veneno se clasificaron para actividad en los ensayos de IonWosks^{MR} Quatrro (IWQ) Nav1.7 y NaV1.3. (Véase el Ejemplo 3 y Figura 1). Se identificaron varias fracciones con actividad inhibidora significativa del Nav1.7 (>80% de control), la primera de las cuales fue la fracción 31. Una segunda alícuota de la fracción 31 se sometió a prueba en los ensayos IWQ de NaV1.7, NaV1.3 y Nav1.5 para confirmar la actividad del “golpe” y evaluar la selectividad. La muestra se analizó por ionización de electrorocío de alta resolución (ESI) y espectrometría de masas (MS) de tiempo de vuelo de ionización de desorción del láser asistido por matriz (MALDI-TOF), que indicó que la fracción fue una mezcla de por lo menos cuatro especies de péptidos distintas. (Véase, Figura 2 y Figura 3). La fracción 31 luego se separó por RP-HPLC, y las sub-fracciones correspondientes se clasificaron para actividad en los ensayos de Nav1.7 y Nav1.5. La sub-fracción 11 fue el pico mayor en el cromatograma RP-HPLC y mostró >90% de inhibición de la actividad de NaV1.7. (Véase Figura 4). La desconvolución de la subfracción 11 reveló la secuencia de péptido primaria de GpTx-1. Como con todas las proteínas, la GpTx-1 se espera que tenga acceso esencialmente cero al sistema nervioso central.

De la GpTx-2 hasta la GpTx-7 (SEQ ID NOS:467-474; véase, Tabla 5A) se identificaron a través del análisis transcriptómico de la glándula de veneno de *Grammostola porteri* usando metodologías de etiquetas de secuencias

expresadas. (Véase, Siang AS, Doley R, Vonk FJ, Kini RM., “Transcriptomic analysis of the venom gland of the red-headed krait (Bungarus flaviceps) using expressed sequence tags”, *BMC Molecular Biology* 2010, 11:24; Jiang Y, Li Y, Lee W, Xu X, Zhang Y, Zhao R, Zhang Y, Wang W., “Venom gland transcriptomes of two elapid snakes (Bungarus multicinctus and Naja atra) and evolution of toxin genes”, *BMC Genomics* 2011, 12:1; Wagstaff SC, Sanz L, Juárez P, Harrison RA, Calvete JJ., “Combined snake venomics and venom gland transcriptomic analysis of the ocellated carpet viper, Echis ocellatus.”, *J Proteomics.* 2009 71(6):609-23; Magalhães GS, Junqueira-de-Azevedo IL, Lopes-Ferreira M, Lorenzini DM, Ho PL, Moura-da-Silva AM. “Transcriptome analysis of expressed sequence tags from the venom glands of the fish Thalassophryne nattereri”, *Biochimie* 2006 88(6):693-9; Wagstaff SC, Harrison RA., “Venom gland EST analysis of the saw-scaled viper, Echis ocellatus, reveals novel alpha9beta1 integrin-binding motifs in venom metalloproteinases and a new group of putative toxins, renin-like aspartic proteases.” *Gene* 2006 377:21-32).

Secuenciación del Péptido: degradación Edman y MS/MS de nuevos. Se llevó a cabo la secuenciación N-terminal de los péptidos por la degradación Edman (Referencia: (1) Edman, P. (1950), “Method for determination of the amino acid sequence in peptides”, Acta Chem. Scand. 4:283–293; (2) Niall, H.D. (1973). “Automated Edman degradation: the protein sequenator”. Meth. Enzymol. 27: 942–1010). Derivados de feniltiohidantoina (PTH)- aminoácido se analizaron con un

secuenciador automático 473A Applied Biosystems.

La secuenciación de péptido de novo se logro por la espectrometría de masas en tándem (References: Vlado Dančík, Theresa A. Addona, Karl R. Clauser, James E. Vath, Pavel A. Pevzner., J. Comp. Biol., Volume 6, 3/4, (1999); (2) Favreau, P., Menin, L., Michalet, S., Perret, F., Cheneval, Stöcklin, M., Bulet, A. and Stöcklin, R., Toxicon, 47(6),676-687, (2006), (3) Favreau, P., Cheneval, O., Menin, L., Michalet, S., Gaertner, H., Principaud, F., Thai, R., Ménez, A., Bulet, P. and Stöcklin, R. (2007), The venom of the snake genus Atheris contains a new class of peptides with clusters of histidine and glycine residues. Rapid Communications in Mass Spectrometry, 21: 406–412).

Ejemplo 2: Síntesis de los análogos peptídicos de GpTx-1

Síntesis de péptidos de escala pequeña. Los péptidos se ensamblaron usando metodologías de síntesis de péptidos en fase sólida N^{α}-Fmoc con protección ortogonal apropiada y estrategias de ligaduras de resina. Los péptidos se sintetizaron en una escala de 0.012 mmol usando resina Rink amide MBHA (malla 100-200, 1% de DVB, RFR-1063-PI, 0.52 meq/g de carga inicial, 408291, Peptides International, Louisville, KY). La resina seca (17 mg por pocillo) se agregaron a una placa de precipitación de proteínas de pared profunda Phenomenex (CEO-7565, 38710-1) usando un cargador de resina (Radley). Los aminoácidos se agregan a la cadena de peptído de crecimiento mediante adición gradual usando métodos de fase sólida estándares sobre un sintetizador de péptidos automatizado (Intavis Multipep). Los aminoácidos (5

equivalentes molares, 120 µL, 0.5 M en DMF) se pre-activaron (1 minuto) con (hexafluorofosfato de (1-ciano-2-etoxi-2-oxoetilidenaminooxi) dimetilamino-morfolino-carbenio (COMU marca registrada; 5 equivalentes molares, 170 µL, 0.35 M en dimetilformamida (DMF)) y N,N-Diisopropiletilamina (DIEA; 7.5 equivalentes molares, 70 µL, 1.25 M en diclorometano (DCM)). Los aminoácidos pre-activados se transfirieron al pocillo. Las resinas se incubaron durante 30 minutos, se drenaron, y el ciclo se repitió. Después de la segunda incubación del aminoácido, las placas se drenaron y se lavaron con DMF 8 veces (3 ml por columna de 8 pocillos). Los grupos Fmoc luego se removieron por las incubaciones secuenciales en 500 µL de 20% de piperidina en una solución de DMF. La primera incubación fue de 5 minutos, la resina se secó, y la segunda incubación fue durante 20 min. La resina se drenó y se lavó con DMF 10 veces (3 mL por columna de 8 pocillos). Después de la remoción del grupo protector Fmoc final, la resina se lavó con DCM 5 veces (3 mL por columna de 8 pocillos) y se dejó secar con aire.

Escisión. Al fondo de la placa de filtro se une una esterilla de sellado de puerto de drenaje (ArcticWhite, AWSM-1003DP). A la resina en cada pocillo se agregó triisopropilsilano (100 µL), DODT (100 ML), y agua (100 µL) usando una pipeta de múltiples canales. A la resina en cada pocillo se agregó TFA (1 mL) usando un dispensador Dispensette Organic. A la resina se adicionó una barra micro agitación triangular, y la mezcla se agitó durante 3 horas. La esterilla de sellado se removió, y la solución de escisión

se e luyó en una placa de pocillos profundos de 96 pocillos de fondo sólido. La resina en cada pocillo se lavó con 1 mL adicionales de TFA. Las soluciones se concentraron usando evaporación giratoria (Genevac). A cada pocillo en una nueva placa de filtro de 96 pocillos con una esterilla de sello de fondo unido se agregó 1 mL de éter dietílico frío usando un dispensador Dispensette Organic. Al éter se adicionaron las soluciones de péptidos concentradas usando una pipeta de múltiples canales con puntas de agujero amplio. La solución se agitó con la pipeta para asegurar el mezclado y precipitación completos. El sólido blanco se filtró, se lavó con un segundo 1 mL de éter frío, se filtró, y se secó bajo vacío.

Plegamiento. Al péptido crudo en cada pocillo se agregaron 0.9 mL de agua/acetonitrilo 50:50 con una pipeta de múltiples canales y una barra de micro agitación. La mezcla se agitó durante 1 hora. La solución se filtró en una placa de pocillos profundos de 96 pocillos de fondo sólido. Al péptido crudo en cada pocillo se agregaron otro 0.9 mL de agua/acetonitrilo 50:50 con una pipeta de múltiples canales. La solución se filtró en la misma placa de pocillos profundos de 96 pocillos de fondo sólido. En una botella de 4 L se prepararon 4.0 L de solución amortiguadora de plegamiento (3.3 L de agua, 300 mL de acetonitrilo, 2.0 g de glutationa oxidada, glutationa reducida, 400 mL de Tris-HCl, 1 M pH 7.5). A los 96 tubos de centrífuga de 50-mL se agregaron 40 mL de solución amortiguadora de plegamiento de péptido usando un dispensador Dispensette. A la solución amortiguadora de

plegamiento se agregaron 1.8 mL de péptido disuelto usando el manipulador de líquidos automatizado Tecan. El pH de las soluciones de plegamiento se midió a aproximadamente 7.7. Las reacciones de plegamiento se dejaron reposar durante la noche. A cada tubo se agregó 1 mL de ácido acético glacial. A una placa de filtro de 96 pocillos se adicionó SP Sepharose High Performance como una suspensión (1 mL por pocillo) con una pipeta de múltiples canales. Usando el manipulador de líquidos automatizado Tecan, el gel se acondicionó con solución amortiguadora de plegamiento (3 x 0.9 mL), se cargó con la solución de péptido plegada (50 x 0.9 mL, pH = 4.0, en el manipulador de líquidos automatizado Tecan), se lavó (4 x 0.9 mL, NaOAc 20 mM pH = 4.0), y se eluyó manualmente en un múltiple de vacío con 2 x 1 mL (NaCl 1 M, NaOAc 20 mM, pH = 4.0) en una placa de pocillos profundos de 96 pocillos de fondo sólido.

Conjugación de los péptidos a PEG. Algunos análogos de péptidos GpTx-1 se conjugaron a azido-NPEG10 (por ejemplo, véase, Tabla 30, Tabla 31 y Tabla 32, posteriormente). A 1 mL del péptido plegado en la solución amortiguadora de elución IEX se adicionaron en orden 32-azido-3,6,9,12,15,18,21,24,27,30-decaoxadotriacontan-1-amina (70 µL, 50 mM aq), tris(2-fenil-1-(1H-1,2,3-triazol-4-il)etil); amina (TBTA; 88 µL, 10 mM en DMSO), sal de sodio de ácido L-ascórbico (438 µL, 75 mM aq.), y polvo, anhidro, de sulfato de cobre (II) (188 µL, 35 mM aq.). La mezcla de reacción se volvió ligeramente nebulosa después de la adición del TBTA. Después de la incubación durante la noche, la placa se

centrifugó durante 1 h a 1600 rpm para formar en pelotillas cualquier precipitado. El sobrenadante se transfirió a una placa de filtro de 96 pocillos con una pipeta de múltiples canales y se filtró en una placa de 96 pocillos de fondo sólido.

Purificación y caracterización de las moléculas. El péptido plegado (conjugado) (2 mL) se purificó por HPLC semi-preparativa accionada por masa (Agilent/LEAP' Ariel', Júpiter 5u C18 300 A, 100 x 10 mm 5 micras) con un gradiente de 15-35% de B durante 45 minutos, con un lavado instantáneo de 5 minutos, y un equilibrio de 5 minutos a 8 mL/min. Las fracciones recolectadas se acumularon y se formatearon en frasquitos sobre el Tecan. Se llevó a cabo QC final (Phenomenex Júpiter 20 × 2 mm, 100 A, columna de 5 micras es eluida con un gradiente de 10 a 60% de B durante 10 minutos en una absorbancia de supervisión de velocidad de flujo de 0.750 mL/min a 220 nm) y cuantificación CLND. Se clasificaron los péptidos con > 95% de pureza y relación de corrección (m/z). (Véanse Figuras 5 y 6 para la caracterización LC-MS de GpTx-1 sintético).

Síntesis de péptidos a gran escala. Resina Rink Amide Chem Matrix (0.2 mmol, 0.45 mmol/g de carga, 0.444g, Matriz Innovation) se pesó en un recipiente de reacción CS BIO. El recipiente de reacción se conectó a un canal del sintetizador de péptido automatizado CS BIO 336x, y la resina se lavó 2 x DMF y se dejó hinchar en DMF durante 15 minutos. El Fmoc-aminoácido (1.0 mmol, Midwest Biotech or Novabiochem) se disolvió en 2.5 mL de 6-cloro-1-hidroxibenzotriazol 0,4 M (6-

Cl-HOBt, Matrix Innovation) en DMF. A la solución se adicionó 1.0 mL de 1,3-diisopropilcarbodiimida 1.0 M (DIC, Sigma-Aldrich) en DMF. La solución se agitó con nitrógeno burbujeando durante 15 minutos para lograr la pre-activación y luego adicionarla a la resina. La mezcla se agitó durante 2 horas. La resina se filtró y se lavó 3 x DMF, 2 x DCM y 3 x DMF. La remoción de Fmoc se logró por el tratamiento con 20% de piperidina en DMF (5 mL, 2 x 15 min, Fluka). La resina se filtró y se lavó 3 x DMF. Todos los residuos se acoplaron individualmente a través de la repetición del acoplamiento de Fmoc-amino ácido y las etapas de remoción de Fmoc descritos en lo anterior

Escisión y purificación del péptido lineal. Después de la remoción de Fmoc final del residuo N-terminal, el péptido lineal enlazado a resina (escala 0.2 mmol) se transfirió a un tubo de filtro de extracción de fase sólida de 25 mL (SPE), se lavó 3 x DMF y 3 x DCM, y se secó bajo vacío. A la resina se adicionó triisopropilsilano (1.0 mL), 3,6-dioxa-1,8-octano-ditiol (DODT, 1.0 mL), agua (1.0 mL), ácido trifluoroacético (TFA, 15 mL), y una barra de agitación, y la mezcla se agitó durante 3 h. La mezcla se filtró en un tubo de centrífuga de 50 mL. La resina se lavó con TFA (~ 5 mL), y el material filtrado combinado se concentró por evaporación giratoria en un Genevac-HT-12 (temperatura de la cámara 30°C, aumento de presión de 500 a 50 mbar durante 40 minutos y una presión final de 8 mbar durante 2 horas). Al residuo (~ 5 mL) se adicionaron 40 mL de éter dietílico frío. Se formó un precipitado blanco. El sólido se agitó en el éter. La mezcla

se centrifugó (4 min, 4,400 rpm), y el éter se decantó. Al tubo se adicionaron otros 40 mL de éter frío, y se agitó el precipitado. La mezcla se centrifugó, y el éter se decantó. El sólido se secó durante la noche bajo vacío. El péptido lineal crudo se purificó por LC-MS preparativa. La muestra filtrada (500 mg en 10 mL de DMSO) se inyectó sobre una columna de HPLC preparativa (Júpiter 10u C18 300A, 250 x 50 mm de 10 micras). El péptido se eluyó con un gradiente de 10-40% de B durante 60 minutos a 50 mL/min, seguido por un lavado rápido de 10 minutos y un equilibrado de 10 minutos. Las fracciones se analizaron por LC-MS, se agruparon, y se liofilizaron para proporcionar un precursor de péptido lineal puro.

Plegamiento. En una botella de FEP 2L se preparó una solución amortiguadora de plegamiento con agua (944 mL), acetonitrilo (55.5 mL), Tris-HCl, pH 7.5 (111 mL), (-)-glutationa, se oxidó (680 mg, 1.110 mmol) y y la l-glutationa se redujo (340 mg, 1.110 mmol). Para el péptido lineal puro (111 mg, 0.028 mmol) se adicionaron 2.5 mL de acetonitrilo y 2.5 mL de agua. A la mezcla se le aplicó movimiento vorticial para completar la disolución del péptido. La solución de péptido se adicionó a la solución amortiguadora de plegamiento (0.1 mg/mL de concentración de péptido, glutationa oxidada 1 mM, glutationa reducida 1 mM, 10% v/v de acetonitrilo, Tris 0.1 M pH 7.5). El valor de pH se midió para ser 7.7. La mezcla de plegamiento se agitó a 80 rpm a temperatura ambiente durante la noche. Se removió una alícuota pequeña y la muestra se analizó por LC-MS para

asegurar que el plegamiento se completó. La solución se enfrió rápidamente por la adición de 4 mL de AcOH y 4 mL de TFA (pH = 2.5). Se filtró la solución acuosa (membrana de celulosa de 0.45 μM).

Purificación. La solución filtrada (1110 mL, 111 mg de péptido) se cargó sobre una columna de HPLC preparativa (Phenomenex Synergi 4u MAX-RP 80A AXIA, 250 x 30 mm) a 30 mL/min usando una bomba de carga preparativa Agilent. La columna se lavó durante 10 minutos con 10% de B a 30 mL/min para eluir el AcOH/TFA. La columna se unió a un HPLC preparativa, LC-MS preparativa Agilent/LEAP, y el péptido se eluyó con un gradiente de 10-40% de B durante 60 minutos, seguido por un lavado de 10 minutos y un equilibrado de 10 minutos. La fracción se analizó por LC-MS, se agrupó, se liofilizó para proporcionar un péptido plegado puro.

Intercambio de contraiones para el péptido en estudios in vivo. Un tubo SPE de 4 mL contiene VariPure IPE (Varian, Resina PL-HCO3 MP carbonato ácido soportado con polímero, 1.8 mmol/g, 100 A, 150-300 μm) se pre-acondicionó con 2 mL de MeOH, seguido por 2 mL de agua, drenándose por gravedad. 2.0 mL de una solución ≤5.0 mM de péptido plegado purificado en agua se aplicaron al lecho. El dispositivo se lavó con 4 x 2.0 mL de agua para eluir todo el péptido. Al eluyente se adicionaron 50 μL de ácido acético. La solución se concentró por evaporación giratoria (Genevac) para proporcionar la sal de acetato del péptido plegado purificado. Se preparó una solución madre 100 mM de trifluoroetanol (TFE) en óxido de deuterio (D2O) al pesar 50 mg de TFE en un matraz volumétrico

de 5 mL, seguido por la adición de D2O a un volumen final de 5 mL. Una solución 5 mM de TFE en D2O luego se preparó por dilución para disolver todas las muestras para 19F-RMN. La solución se usó para disolver el péptido a una concentración de 1 mM, y la muestra se analizó por 19F-RMN usando un método de retraso prolongado de flúor (d1 = 5 seg). El TFE integral (triplete a -76.75 ppm) se normalizó a 5 y el integral de TFA (singlete a -75.6) se registró. El tubo de RMN se cortó, y la muestra se recuperó por evaporación giratoria (Genevac).

Ejemplo 3: Electrofisiología

Líneas de células que expresan los canales Nav. Las líneas de células estables que expresan constitutivamente los canales de sodio dependientes de voltaje (Nav) humanos (h) (HEK293-hNav1.2, CHO-hNav1.3, HEK293-hNav1.4, HEK293-hNav1.5, y HEK293-hNav1.7) o células CHO que expresan el hNav1.8 bajo un promotor inducible se usaron para experimentos.

Electrofisiología de “patch-clamp” de población-IonWorks^{MR} Quatro.

Se aislaron células adherentes de matraces de cultivo de tejido usando 0.25% de tratamiento de tripsina-EDTA durante 10 minutos y se resuspendieron en una solución externa que consiste de NaCl 140 mM, KCL 5.0 mM, HEPES 10 mM, $CaCl_2$ 2 mM, $MgCl_2$ 1 mM, Glucosa 10 mM, pH 7.4. La solución interna consistió de KCl 70 mM, KF 70 mM, HEPES 10, EDTA 5 mM, pH 7.3. Las células se fijaron con voltaje, usando la configuración de “patch clamp” perforada a temperatura ambiente (~ 22°C), a -110 mV y se despolarizó a -10 mV antes y 5 minutos después de la adición del compuesto de prueba.

Las diluciones del compuesto contuvieron 0.1% de albúmina de suero bovino para minimizar el enlace no específico. Se midieron corrientes pico hacia adentro de diferentes células para cada concentración de compuesto y los valores IC_{50} se calcularon con el software Excel. Todos los compuestos se sometieron a prueba por duplicado (n = 2).

Electrofisiología PatchXpress^{MR} 7000A. Se aislaron células adherentes de matraces de cultivo de tejido usando 0.25% del tratamiento de tripsina-EDTA diluido a 1:10 durante 2-3 minutos y luego se incubaron en un medio de cultivo completo que contiene 10% de suero de bovino fetal durante por lo menos 15 minutos antes de la resuspensión en la solución externa que consiste de NaCl 70 mM, D-Manitol 140 mM, HEPES 10 mM, $CaCl_2$ 2 mM, $MgCl_2$ 1 mM, pH 7.4 con NaOH. La solución interna consistió de CsC 62.5 mM, CsF 75 mM, 10 HEPES, EGTA 5 mM, $MgCl_2$ 2.5 mM, pH 7.25 con CsOH. Las células se fijaron con voltaje usando la configuración “patch clamp” de células enteras a temperatura ambiente (~22°C) a un potencial de mantenimiento de -125 mV con potenciales de prueba a -10 mV (hNav1.2, hNav1.3, hNav1.4, y hNav1.7) o -20 mV (hNav1.5). Para el registro de los canales parcialmente inactivados, las células se cambiaron a un voltaje que produjo ~20% de inactivación de canal. Se adicionaron los compuestos de prueba y las corrientes Nav supervisaron a 0.1 Hz en el potencial de prueba apropiado. Todas las diluciones de compuesto contuvieron 0.1% de albúmina de suero bovino para minimizar el enlace no específico. Las células se usaron para la prueba de compuesto adicional si las corrientes se

recuperaron a 80% de los valores de partida después del lavado del compuesto. Los valores IC_{50} se calcularon al agrupar determinaciones de punto individual en diferentes concentraciones de compuesto y al ajustar el conjunto de datos resultantes con un ajuste Hill (logística de 4 parámetros) en el software DataXpress 2.0.

Electrofisiología “patch clamp” de células enteras. Las células se fijaron con voltaje usando la configuración “patch clamp” de células enteras a temperatura ambiente (~22°C). Las resistencias de la pipetas fueron entre 1.5 y 2.0 mΩ. No se descompensaron la capacitancia de las células enteras y la resistencia de serie. Las corrientes se digitalizaron a 50 kHz y se filtraron (Bessel de 4 polos) a 10 kHz usando pClamp10.2. Las células se levantaron de la caja de cultivo y se colocaron directamente en frente de una micropipeta conectada a un múltiple de intercambio de solución para perfusión de compuesto. Para el registro de los canales sin estar inactivados, las células se mantuvieron a -140 mV y se despolarizaron a -10 mV (0 mV para hNav1.8). Para el registro de los canales parcialmente inactivados, las células se mantuvieron a -140 mV inicialmente y luego se cambiaron a un voltaje que produjo ~20% de inactivación de canal. Se suministraron pulsos de 10 ms cada 10 segundos y las corrientes hacia dentro pico se registraron antes y después de la adición del compuesto. Las diluciones del compuesto contuvieron 0.1% de albúmina de suero bovino para minimizar el enlace no específico. Para los registro de canal hNav1.8, se adicionó tetrodotoxina (TTX, 0.5 μM) para inhibir los

canales de sodio dependientes de voltaje sensibles a TTX endógenos para registrar solamente corrientes resistentes a TTX mediadas por Nav1.8. La solución externa consistió de: NaCl 140 mM, KCl 5.0 mM, $CaCl_2$ 1.0 mM, $MgCl_2$ 10 mM, HEPES 10 mM, y Glucosa 1 mM, pH 7.4 por NaOH. La solución interna consistió de: CsCl 62.5 mM, CSF 75 mM, $MgCl_2$ 2.5 mM, EGTA 5 mM, y HEPES 10 M, pH 7.25 por CsOH. Se analizaron concentraciones del compuesto de intensificación en la misma célula y los valores IC_{50} se calcularon con el software Clampfit 10.2 y al ajustar el conjunto de datos resultantes con un ajuste Hill (logística de 4 parámetros) en el software Origin Pro 8.

Aislamiento de neuronas DRG. Ratones C57BL/6 machos y hembras adultos (Harlan Laboratories, Indianapolis, IN) se sacrificaron con pentobarbital sódico (Nembutal, 80 mg/kg, i.p., Western Med Supply, Arcadia, CA) seguido por decapitación. Se removieron las DRG de las regiones cervicales, torácicas y lumbares, se colocaron en una Solución de Sal Balanceada de Hanks Ca^{2+} y Mg^{2+} (Invitrogen, Carlsbad, CA), y se recortaron de fibras unidas bajo un microscopio de disección. Las DRG se digirieron secuencialmente a 37°C con papaína (20 U/ml, Worthington Biochemical Corporation, Lakewood, NJ) y L-cisteína (25 mM) en Solución de Hanks sin Ca^{2+} y Mg^{2+} (pH 7.4) durante 20-30 minutos y luego con colagenasa tipo 2 (0.9% w/v, Worthington Biochemical Corporation) durante 20-30 minutos. Las digestiones se enfriaron rápidamente con una mezcla de 1:1 de DMEM y mezcla de nutrientes F-12 de Ham (Invitrogen)

complementada con 10% de suero de ternera (Invitrogen), y las células se trituraron con una pipeta Pasteur pulida al fuego antes de la colocación en placas en cubreobjetos de vidrio recubiertos con Poli-D-Lisina (Cole-Parmer, Vernon Hills, IL). Las células se mantuvieron en una incubadora humidificado a 28°C con 5% de CO_2 durante 3-7 días en presencia de 1% de NSF-1 (Lonza, Basel, Suiza) para incrementar la expresión de las corrientes de canal de sodio sensibles a la tetrodotoxina.

Electrofisiología “patch clamp” manual para neuronas DRG. Se fijaron con voltaje neuronas DRG usando la configuración “patch clamp” de células enteras a temperatura ambiente (21-24°C) usando un amplificador Axopatch 200 B o MultiClamp 700 B y DIGIDATA 1322A con software pCLAMP (Molecular Devices, Sunnyvale, CA). Pipetas, sacadas de capilares de vidrio de borosilicato (World Precision Instruments, Sarasota, FL), tuvieron resistencias entre 1.0 y 3.0 mΩ. Los errores de voltaje se minimizaron usando >80% de compensación de resistencia de serie. Un protocolo P/4 se usó para la extracción de fuga. Las corrientes se digitalizaron a 50 kHz y se filtraron (Besel de 4 polos) a 10 kHz. Las células se levantaron de la caja de cultivo y se colocaron directamente en frente de una micropipeta conectada a un múltiple de intercambio de solución para perfusión del compuesto. Las células se mantuvieron a -140 mV o un voltaje que produce aproximadamente 20% de inactivación y se despolarizaron a -10 mV durante 40 mseg cada 10 segundos. Se usó tetrodotoxina (TTX, Sigma) después de la adición de

péptido para bloquear cualquiera de las corrientes de sodio sensibles a TTX residuales. La solución de la pipeta contuvo (en mM): CsCl 62.5, CSF 75, $MgCl_2$ 2.5, EGTA 5, y HEPES 10, pH 7.25 por CsOH. La solución de baño contenía (en mM): NaCl 70, KCl 5.0, $CaCl_2$ 2.0, $MgCl_2$ 1.0, HEPES 10, y glucosa 11, manitol 140, pH 7.4 por NaOH. Los datos se analizaron con Clampfit and Origin Pro8 (OriginLab Corp, Northampton, MA).

Resultados de los estudios de electrofisiología y relación de estructura-actividad. Los resultados de los estudios de electrofisiología se muestran en la Tabla 6 a la Tabla 32, posteriormente. La analogía sistemática extensiva ha dado mucha idea de cómo las posiciones individuales dentro del GpTx-1 (SEQ ID NO:1) contribuyen a su perfil de actividad de VGSC total. Con respecto a la estructura molecular total, los enlaces de disulfuro (o enlaces de diseleniuro) entre Cys9 (o SeCys9) y Cys23 (o SeCys23) (C2—C5) y entre Cys16 (o SeCys16) y Cys30 (o SeCys30) (C3—C6) son esenciales para la función. Sin embargo, la sustitución simultánea de Cys2 y Cys17, como en [2-Abu2, 17]GpTx-1 (SEQ ID NO: 125), que remueve el enlace de disulfuro (C1—C4), retiene la actividad significativa contra el $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$ con selectividad potencialmente mejorada contra el Nav1.4. (Véase, Tabla 29).

La porción N-terminal de GpTx-1, que incluye el N-terminal, Asp1, Leu3, y Gly4, es apta para modificación sin afectar ya sea la potencia de VGSC o selectividad en comparación con el GpTx-1. (Véase, la Tabla 7, Tabla 8, Tabla 9, y Tabla 10). La extensión de la cadena de polipéptido al acoplar el aminoácido(s) adicional al N-terminal es bien

tolerada. (Véase Tabla 7). La acetilación del residuo de ácido aspártico N-terminal para proporcionar Ac-GpTx-1 (SEQ ID NO: 132) mantiene la potencia en $Na_V1.7$ e incrementa la selectividad contra $Na_V1.3$ y $Na_V1.4$ en el formato PatchXpress^{MR} (PX). (Véase, Tabla 30). El Asp1 de GpTx-1 se puede truncar o sustituir con una variedad de aminoácidos que no impacten en potencia en $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$ o selectividad contra el $Na_V1.4$ y $Na_V1.5$. (Véase Tabla 8). El Leu3 y Gly4 en GpTx-1 se pueden reemplazar individualmente con un aminoácido hidrofóbico o básico y retener aún la potencia contra el $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$, pero estas posiciones son menos tolerantes de sustitución con residuos ácidos. (Véase Tabla 9 y Tabla 10). Sin embargo, la sustitución del ácido glutámico para Leu3 incrementa la selectividad contra Nav1.4 en el formato de ensayo PX. (Véase, Tabla 30).

Los residuos hidrofóbicos en las posiciones 5 y 6 (Phe5 y Met6 en GpTx-1), en relación con SEQ ID NO:1, son esenciales para la potencia inhibidora del $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$. (Véase, Tabla 11 y Tabla 12). La identidad del aminoácido en la posición 5 en GpTx-1 (SEQ ID NO:1) también tiene mayor impacto en la selectividad del péptido entre $Na_V1.7$, $Na_V1.3$, y $Na_V1.4$. La sustitución de los residuos hidrofóbicos alifáticos o aromáticos para la fenilalanina nativa mantiene o incrementa la potencia contra el $Na_V1.7$ mientras que incrementa la selectividad contra el $Na_V1.4$ y no reduce la selectividad contra el $Na_V1.5$. (Véase Tabla 11). La incorporación de alanina en [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) retiene la potencia contra el $Na_V1.7$ mientras que incrementa

en gran medida la selectividad contra el $Na_V1.3$ y Nav1.4 en el formato PX. Además de la alanina, muchos residuos alifáticos se pueden incorporar en la posición 5 para mejorar la selectividad contra el Nav1.4, que incluye pero no se limita a glicina, ácido 2-aminobutírico (Abu), ácido 2-aminoisobutírico (Aib), norvalina, valina, leucina e isoleucina. (Véase, Tabla 30). Los dos derivados de fenilalanina para sustituidos, [pI-Phe5]GpTx-1 (SEQ ID NO:247) y [Bip5]GpTx-1 (SEQ ID NO:242) tienen potencia incrementada con el $Na_V1.3$ y son selectivos contra el $Na_V1.7$. (Véase, Tabla 30). La incorporación de los residuos hidrofóbicos en la posición 6 incrementa la potencia contra los cuatro subtipos Na_V sometidos a prueba en proporción a su tamaño. (Véase, Tabla 12). Una variedad de residuos hidrofóbicos que incluyen leucina y fenilalanina e pueden incorporar en la posición 6 en combinación con alanina en la posición 5 para mantener buena potencia contra el Nav1.7 y selectividad contra el Nav1.4 en el formato de ensayo PX. (Véase, Tabla 30).

Aunque cada posición tiene preferencias reconocibles, la secuencia de aminoácidos de Arg8 a Thr26 es muy tolerante de sustituciones individuales, con la excepción de Asp14 relativo con SEQ ID NO:1. Los péptidos sintetizados sin un residuo de ácido aspártico en la posición 14 del GpTx-1 no se han aislado en forma sustancialmente pura para clasificación, indicando que este residuo puede ser crítico para el plegamiento apropiado del péptido. Los aminoácidos hidrofílicos básicos o neutros son aceptables como

sustituciones para Arg7 y Lys8, relativo con SEQ ID NO:1, para mantener la potencia inhibidora del $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$. (Véase, Tabla 13). Sin embargo, la sustitución de ácido glutámico para Arg7 incrementa la selectividad contra el Nav1.4 en el formato de ensayo PX. (Véase, Tabla 30). Los Ile10, Pro11, Asp12, Asn13, Lys15, Arg18, Pro19, relativos con SEQ ID NO:1, se pueden sustituir con una variedad de aminoácidos con poco efecto en potencia contra el $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$. (Véase Tabla 14, Tabla 15, Tabla 16, Tabla 17 y Tabla 18). La capacidad de sustituir los residuos alternativos para Pro11, es decir, [Glu11]GpTx-1 (SEQ ID NO:147) y [Trp11]GpTx-1 (SEQ ID NO:171), sin afectar la actividad del Nav1.7 es notable, puesto que este residuo se conserva en las secuencias de péptidos de HWTX-IV de la SEQ ID NO:528) y HWTX-I (SEQ ID NO:529). (Véase, Tabla 15; Figura 15A-B). Las sustituciones de residuos ácidos en las posiciones 10 u 11 pueden mejorar la selectividad contra Nav1.4, es decir, [Asp10]GpTx-1 (SEQ ID NO:119), [Glu10]GpTx-1 (SEQ ID NO:146), y [Glu11]GpTx-1 (SEQ ID NO:147) (Véase Tabla 30). La sustitución de Asn13 mejora la síntesis de fase sólida del Fmoc de los análogos de péptido, probablemente a través de la reducción de la formación de aspartimida durante las etapas de remoción del Fmoc subsecuentes. Las sustituciones en la posición 18 puede mejorar la selectividad contra el Nav1.4. (Véase, Tabla 18 y Tabla 30). Los Asn20, Leu21, Val22, Ser24, Arg25, y Thr26, relativos con SEQ ID NO:1, se pueden sustituir individualmente con aminoácidos no ácidos y retienen las potencias inhibidoras completas del Nav1.7 y

Nav1.3. (Véase Tabla 19, Tabla 20, Tabla 21 y Tabla 22). La treonina en la posición 26 del GpTx-1 (SEQ ID NO:1) difiere de la lisina conservada en HWTX-IV (SEQ ID NO:528) y HWTX-I (SEQ ID NO:529; véase, Figuras 15A-B). Las sustituciones en esta posición incrementan la selectividad contra el $Na_V1.4$ como en [Leu26]GpTx-1 (SEQ ID NO:121) y [Glu26]GpTx-1 (SEQ ID NO:152). (Véase, Tabla 30). El rizo en GpTx-1 (SEQ ID NO:1) entre Cys17 y Cys23 se puede incrementar o disminuir en longitud por la inserción o supresión de un residuo de aminoácido sin impacto sustancial en la actividad del péptido contra los VGSCs sometidos a prueba, como se muestra por [Ser-Ser19]GpTx-1 (SEQ ID NO:93) y [Glu18;desAsn20]GpTx-1 (SEQ ID NO:134). (Véase Tabla 18 y Tabla 29).

La porción C-terminal de la secuencia GpTx-1 es más crítica para la actividad del péptido contra $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$. La sustitución de His27 en GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) con la retención de la potencia y la selectividad se logra mejor con residuos aromáticos y básicos. (Véase Tabla 23). Los residuos Lys28 y Val33, relativos con la SEQ ID NO: 1, son más tolerantes a la sustitución con una variedad de diferentes aminoácidos sin afectar la potencia inhibidora del $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$. (Véase Tabla 23 y Tabla 26). [Arg28]GpTx-1 (SEQ ID NO: 72), [Glu28] GpTx-1 (SEQ ID NO: 153), [Asp28]GpTx-1 (SEQ ID NO: 750), [Gln28]GpTx-1 (SEQ ID NO: 763) y [Glu33]GpTx-1 (SEQ ID NO: 33), muestran selectividad incrementada contra Nav1.4. (Véase Tabla 30). Un triptófano (o tiotriptófano) en la posición 29 de GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) parece que es importante para obtener altos niveles de potencia contra el

NaV1.7 y NaV1.3. (Véase Tabla 24). Los análogos con sustituciones hidrofóbicas grandes, [1-Nal29]GpTx-1 (SEQ ID NO: 79) y [2-Nal29]GpTx-1 (SEQ ID NO: 129), retienen la mayoría de actividad, pero son aún 5 veces menos potentes que el GpTx-1, aunque pueden tener selectividad incrementada contra el Nav1.4. (Véase Tabla 30). El Lys31, relativo con SEQ ID NO: 1, también es evidentemente importante para la inhibición potente de Nav1.7 y NaV1.3 por el GpTx-1. (Véase Tabla 25). La tirosina en la posición 32 de GpTx-1 y (SEQ ID NO: 1) se puede sustituir con aminoácidos hidrófobos alifáticos o aromáticos con retención de potencia contra el $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$, pero estas sustituciones incrementan frecuentemente la actividad contra el Nav1.5 y Nav1.4, conduciendo a una selectividad reducida. (Véase Tabla 25). La fenilalanina en la posición 34 de GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) sólo se puede sustituir con otros aminoácidos hidrofóbicos sin la pérdida de potencia contra el $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$, aunque los aminoácidos hidrófobos grandes tienden a incrementar la potencia y por consiguiente a reducir la selectividad contra el Nav1.4 y Nav1.5. (Véase Tabla 27). El C-terminal de GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) es apto para la extensión para por lo menos un aminoácido con retención de la actividad inhibidora de Nav, pero el truncamiento de la C-terminal de GpTx-1 o sustitución de la amida en C-terminal nativa con un ácido libre reduce la potencia contra NaV1.7 y NaV1.3. (Véase Tabla 28). Los análogos adicionales de GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) que combinan las sustituciones individuales han mostrado mejoras adicionales en la selectividad contra Nav1.4 y Nav1.5 y la

potencia hacia Nav1.7 y Nav1.3, es decir, [Ala5, Phe6, Leu26, Arg28]GpTx-1 (SEQ ID NO: 262) y [Ala5, Phe6, Glu10, 2-Abu13, Leu26, Arg28]GpTx-1 (SEQ ID NO: 1035). (Véase Tabla 29 y Tabla 30). La IC_{50} de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO: 22) contra los canales hNav1.2 parcialmente activados fue de 0.265 μM.

Se llevó a cabo la electrofisiología manual "patch clamp" de células enteras en el GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) y [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) en clones humanos de Nav1.7, Nav1.3, NAV1.4, y Nav1.5. La pruebas con GpTx-1 100 nM mostró una inhibición completa de la corriente de Nav1.7. (Véase Figura 20). El valor IC_{50} de la inhibición de Nav1.7 para GpTx-1 fue 7.40 nM. (Véase Figura 21). Se registraron los efectos de la adición de GpTx-1 en concentraciones de incremento y se lavó en la corriente e Nav1.7. (Véase Figura 22). La prueba con GpTx-1 300 nM mostró una inhibición completa de la corriente de Nav1.3. (Véase, Figura 23). El valor IC50 de la inhibición de Nav1.3 para GpTx-1 fue de 16.8 nM. (Véase Figura 24). Se registraron los efectos de la adición de GpTx-1 en concentraciones crecientes y se lavó en la corriente de Nav1.3. (Véase Figura 25). La prueba con GpTx-1 3.0 μM mostró una inhibición parcial de la corriente Nav1.4. (Véase Figura 26). El valor IC_{50} de la inhibición de Nav1.4 para GpTx-1 fue de 2.9 μM y 0.26 μM para los estados cerrado y parcialmente inactivados, respectivamente. (Véase, Figuras 27 y 28). Se registraron los efectos de la adición de GpTx-1 en concentraciones de incremento y se lavaron en la corriente de Nav1.4 en los estados cerrados y parcialmente

inactivados, respectivamente. (Véase, Figuras 29 y 30). El GpTx-1 es más potente contra el hNav1.4 cuando los canales se inactivan parcialmente. La prueba con GpTx-1 3.0 μM mostró una inhibición débil de la corriente de Nav1.5. (Véase, Figura 31). El valor IC_{50} de la inhibición de Nav1.5 para GpTx-1 fue de 8.9 μM. (Véase la Figura 32). Se registraron los efectos de la adición de GpTx-1 en concentraciones de incremento y se lavó en la corriente de Nav1.5. (Véase, Figura 33). Estos resultados muestran que el GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) es un inhibidor de péptido doble potente de Nav1.7 y Nav1.3 con selectividad contra Nav1.4 y Nav1.5. La pruebas con [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) 300 nM mostró inhibición completa de la corriente de Nav1.7. (Véase Figura 34). El valor IC_{50} de la inhibición de Nav1.7 para [Ala5]GpTx-1 fue de 13.2 nM. (Véase Figura 35). Se registraron los efectos de la adición de [Ala5]GpTx-1 en concentraciones de incremento y se lavó en la corriente de Nav1.7. (Véase Figura 36). Estos resultados muestran que [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) también es un inhibidor potente de Nav1.7.

Se llevó a cabo la electrofisiología “patch clamp” manual en GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) y [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) en neuronas DRG de ratón aisladas. Se registraron los efectos de la adición de GpTx-1 en concentraciones de incremento y se lavó en la corriente de canal de sodio en neuronas de DRG ratón. (Véase Figura 37). El valor IC_{50} de la inhibición de la corriente del canal de sodio sensible a TTX para GpTx-1 fue 7.1 nM. (Véase, Figura 38). La prueba con GpTx-1 200 nM mostró inhibición casi completa de la corriente

de sodio sensible a TTX en neuronas de DRG de ratón. (Véase, Figura 39). Se registraron los efectos de la adición de GpTx-1 en concentraciones de incremento y se lavaron en la corriente de canal de sodio en neuronas de DRG de ratón en voltaje de mantenimiento que produjo 20% de inactivación. (Véase, Figura 40). El valor IC_{50} de la inhibición de la corriente de canal de sodio sensible a TTX con un voltaje de mantenimiento que produce 20% de inactivación para GpTx-1 fue de 4.7 nM. (Véase, Figura 41). La prueba con GpTx-1 200 nM mostró inhibición completa de la corriente en sodio sensible a TTX en neuronas DRG de ratón con un voltaje de mantenimiento que produjo 20% de inactivación. (Véase, Figura 42). Se registraron los efectos de la adición de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) en concentraciones de incremento y se lavó en la corriente de canal de sodio en neuronas DRG de ratón. (Véase, Figura 43). El valor IC_{50} de la inhibición de corriente de canal de sodio sensibles a TTX para [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) fue de 17.0 nM. (Véase Figura 44). La prueba con GpTx-1 300 nM mostró una inhibición casi completa de la corriente de sodio sensible a TTX en neuronas de DRG de ratón. (Véase, Figura 45).

Se llevó a cabo la electrofisiología manual “patch clamp” de células enteras en un Conjugado Homodimérico 1 en clones humanos de Nav1.7 y Nav1.5 (véase Ejemplo 5). Se registraron los efectos de la adición de Conjugado Homodimérico 1 en concentraciones de incremento y se lavó en corriente de Nav1.7. (Véase Figura 46). El valor IC_{50} de la inhibición de Nav1.7 para el Conjugado Homodimérico 1 fue de

1.2 nM. (Véase, Figura 47). La prueba con un Conjugado Homodimérico 1 3 nM mostró que el compuesto fue muy bajo para lavarse durante un lavado prolongado (10 minutos), y la prueba con Conjugado Homodimérico 1 300 nM mostró que el compuesto no se lavó durante un lavado prolongado (10 minutos). (Véase Figura 48). La prueba con Conjugado Homodimérico 1 300 nM dio una inhibición completa de la corriente de Nav1.7. (Véase Figura 49). Se registraron los efectos de la adición del Conjugado Homodimérico 1 en concentraciones de incremento y se lavó en corriente de Nav1.7 con un voltaje de mantenimiento que produjo ~20% de inactivación. (Véase Figura 50). El valor IC_{50} de la inhibición de Nav1.7 con un voltaje de mantenimiento que produjo ~20% de inactivación para el Conjugado Homodimérico 1 fue 0.66 nM. (Véase Figura 51). La pruebas con Conjugado Homodimérico 1 3 nM dio una inhibición completa de la corriente de Nav1.7 con un voltaje de mantenimiento que produjo ~20% de inactivación. (Véase Figura 52). Se registraron los efectos de la adición de Conjugado Homodimérico 1 en concentraciones de incremento y se lavó en la corriente de Nav1.5. (Véase Figura 53). El valor IC50 de la inhibición de Nav1.5 para el Conjugado Homodimérico 1 fue de 75.5 nM. (Véase Figura 54). La prueba con el Conjugado Homodimérico 1 2 µm dio una inhibición completa de la corriente de Nav1.5. (Véase Figura 55). Se registraron los efectos de la adición de Conjugado Homodimérico 1 en concentraciones de incremento y se lavó en la corriente de Nav1.5 con un voltaje de mantenimiento que produjo ~20% de

inactivación. (Véase Figura 56). El valor IC_{50} de la inhibición de Nav1.5 con un voltaje de mantenimiento que produjo ~20% de inactivación para el Conjugado Homodimérico 1 fue de 57 nM. (Véase Figura 57). La pruebas con el Conjugado Homodimérico 1 2 μM dio una inhibición completa de la corriente de Nav1.5 con un voltaje de mantenimiento que produjo ~20% de inactivación. (Véase Figura 58).

Estudio de canal de potasio. Se cosecharon ganglios de la raíz dorsal de ratas Sprague-Dawley adultas (de 14 a 15 semanas de edad), se recortaron del tejido conjuntivo, y disociaron enzimáticamente con papaína (3 mL de solución amortiguadora de Hank sin calcio y magnesio + 1 mg de L-cisteína + 4 uL de bicarbonato de sodio saturado + 60 microlitros de papaína, Worthington Biochemical) durante 30 minutos a 37ºC. La preparación se hizo girar a 1000 rpm durante 2 minutos y la pelotilla se resuspendió para una segunda incubación enzimática en colagenasa y dispasa (4 mL de solución amortiguadora de Hank sin calcio y magnesio + 120 microlitros de mezcla de colagenasa/dispasa, 100 mg/mL de Roche) durante 60 minutos con trituración leve cada 10 minutos. Las células se hicieron girar nuevamente a 2000 rpm durante 2 minutos, se resuspendieron en un medio F-12, se colocaron en placas en cubreobjetos recubiertos con poli-D-laminina, se colocaron en una incubadora humidificada 37ºC con 5% de CO_2, y se usaron para registro electrofisiológico en el mismo día.

Se hicieron registros electrofisiológicos con la configuración de células enteras de la técnica “patch clamp”

(Hamill OP y colaboradores., “Improved patch-clamp techniques for high-resolution current recording from cells and cell-free membrane patches, Pfluger’s Archiv 391:85-100, 1981), con solución interna (pipeta) que contienen, en milimolares, KF 70, KCl 70, HEPES 10, HEDTA 5, pH 7.25 con KOH. La solución externa contuvo, en milimolares, NaCl 140, KCl 5, $CaCl_2$ 2, $MgCl_2$ 1, HEPES 10, glucosa 10, pH 7.4 con NaOH. Después de la formación de la configuración de célula enteras del “patch-clamp”, la célula se levantó del fondo de la caja al mover la pipeta de parche y se colocó manualmente en frente de un arreglo de microperfusión accionado por gravedad bajo control electrónico (BioLogique). Las corriente de sodio y potasio combinadas fueron provocadas cada 5 segundos por una despolarización de prueba 20 ms a 0 mV suministrado desde un potencial de mantenimiento de -90 mV. Se adicionó el péptido [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22; 500 nM) al cambiar los tubos de perfusión, y mientras que las corrientes rápidas de sodio (presumiblemente sensible a la tetrodotoxina, codificadas por lo menos parcialmente por el Nav1.7) disminuyeron permanentemente, reflejando el bloqueo por el péptido, no hubo cambio en las corrientes de potasio exteriores. Las corrientes mostradas en la Figura 94 no son sustraídas de fuga, ya que el impulso de prueba fue a 0 mV, la contaminación por las corrientes de fuga deben ser mínima. Los resultados mostrados en la Figura 94 muestran que el [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) 500 nM no bloqueó las corrientes de potasio dependientes de voltaje.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Desig-nación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
467	{H}-DCLGFMRKCSPDNDKCCRPNLVCSRKHKWCKYEI-{Amida}	GpTx-2(1-34)	4.34	7.21	11.73	1.15	2.7	10.2	3.8
468	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCEGYKCNRRDKWCKYKL-{Amida}	GpTx-3(1-33)	8.93	7.80	20.00	9.37	2.2	2.1	1.0
469	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCENYKCNRREQWCKYKL-{Amida}	GpTx-4(1-33)	9.25	10.38	11.00	4.92	1.2	2.2	1.9
473	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCENYKCNRRDKWCKYKLWK-{Ácido Libre}	GpTx-7(1-35)	10.4	7.6	10.0	3.5	1.0	2.8	2.9
474	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCENYKCNRRDKWCKYKLW-{Ácido Libre}	GpTx-7(1-34)	4.0	7.9	10.5	1.4	2.6	7.7	2.9

1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 6. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: comparación de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) y otras toxinas de *Grammostola porteri.*

Tabla 7

Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Posición 0 adiciones con relación a GpTx-1 (SEQ ID NO:1) y Ac-GpTx-1 (SEQ ID NO:132).

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Desig-nación	IWQ Usa Nav1.7 (µM)	IWQ Usa Nav1.5 (µM)	IWQ Usa Nav1.4 (µM)	IWQ Usa Nav1.3 (µM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
100	{H}-ADCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Ala-GpTx-1(1-34)	0.37	19.58	7.07	0.32	19.2	21.9	1.1
17	{H}-EDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Glu-GpTx-1(1-34)	0.26	12.77	3.63	0.19	13.9	18.7	1.3
36	{H}-KDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Lys-GpTx-1(1-34)	0.11	8.35	2.38	0.10	20.8	23.6	1.1

61	{H}-RDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Arg-GpTx-1(1-34)	0.17	15.08	2.58	0.08	15.6	31.8	2.0
106	{H}-WDCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Trp-GpTx-1(1-34)	0.22	21.96	3.83	0.25	17.5	15.1	0.9
201	{H}-[1-Nal]DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	1-Nal-GpTx-1(1-34)							
132	{Acetil}DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Ac-GpTx-1(1-34)	0.31	12.69	2.86	0.22	9.3	12.9	1.4
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 8. Electrofisiología por IonWorks® Quattro Posición 1 sustituciones o eliminaciones con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Desig-nación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4 /Nav1. 3	Nav1.7 /Nav1. 3
20	{H}-ACLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala1]GpTx-1(1-34)	0.10	9.86	1.68	0.08	16.8	21.1	1.3
18	{H}-ECLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu1]GpTx-1(1-34)	0.22	14.16	3.46	0.15	15.7	23.2	1.5

37	{H}-KCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys1]GpTx-1(1-34)	0.15	7.29	1.49	0.07	10.2	21.0	2.1
62	{H}-RCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg1]GpTx-1(1-34)	0.11	8.78	1.45	0.10	12.9	15.2	1.2
81	{H}-WCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp1]GpTx-1(1-34)	0.05	8.79	3.06	0.10	56.1	30.9	0.6
77	{H}-[1-Nal]CLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal1]GpTx-1(1-34)	0.11	13.38	6.77	0.14	62.9	48.0	0.8
97	{H}-YCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tyr1]GpTx-1(1-34)	0.16	10.61	3.89	0.13	24.5	29.0	1.2
108	{H}-CLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(2-34)	0.07	8.22	1.10	0.05	14.8	20.3	1.4
188	{H}-[PE]CLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[PE1]GpTx-1(1-34)	0.17	10.69	2.64	0.11	15.7	24.2	1.5
189	{H}-ICLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ile1]GpTx-1(1-34)	0.10	8.15	1.34	0.07	13.1	20.3	1.5
190	{H}-PCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Pro1]GpTx-1(1-34)	0.09	9.73	1.19	0.04	13.7	29.4	2.2
191	{H}-SCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser1]GpTx-1(1-34)	0.07	9.40	1.14	0.05	15.7	21.2	1.4
192	{H}-TCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr1]GpTx-1(1-34)	0.11	9.21	1.41	0.07	12.5	20.5	1.6

1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 9. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Posición 3 sustituciones con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Desig-nación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4 / Nav1.7	Nav1.4 / Nav1.3	Nav1.7 / Nav1.3
21	{H}-DCAGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala3]GpTx-1(1-34)	0.51	19.01	14.46	0.10	28.2	138.2	4.9
19	{H}-DCEGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu3]GpTx-1(1-34)	0.67	10.47	8.34	0.83	12.5	10.0	0.8
38	{H}-DCKGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys3]GpTx-1(1-34)	0.08	6.95	1.87	0.06	23.0	33.1	1.4
155	{H}-DCRGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg3]GpTx-1(1-34)	0.03	8.45	0.85	0.05	26.7	16.0	0.6
98	{H}-DCQGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gln3]GpTx-1(1-34)	0.25	16.40	5.25	0.24	20.7	21.5	1.0
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 10. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Posición 4 sustituciones con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
141	{H}-DCLAFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala4]GpTx-1(1-34)	0.27	11.30	3.24	0.21	12.0	15.4	1.3
24	{H}-DCLEFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu4]GpTx-1(1-34)	1.74	17.61	8.50	1.33	4.9	6.4	1.3
39	{H}-DCLKFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys4]GpTx-1(1-34)		9.82	6.49	0.18	32.7	36.2	1.1
63	{H}-DCLRFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg4]GpTx-1(1-34)	0.21	20.09	5.82	0.23	27.1	24.8	0.9
169	{H}-DCLWFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp4]GpTx-1(1-34)	0.05	10.33	0.52	0.03	10.0	19.3	1.9
160	{H}-DCL[1-Nal]FMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal4]GpTx-1(1-34)	0.04	5.09	0.50	0.03	13.7	18.9	1.4
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 11. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Posición 5 sustituciones con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
22	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5]GpTx-1(1-34)	0.64	10.34	11.07	1.75	17.4	6.3	0.4
143	{H}-DCLGEMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu5]GpTx-1(1-34)	17.67	10.01	22.26	22.29	1.3	1.0	0.8
156	{H}-DCLGRMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg5]GpTx-1(1-34)	3.63	12.64	25.69	4.09	7.1	6.3	0.9
82	{H}-DCLGwMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp5]GpTx-1(1-34)	0.15	9.32	2.30	0.11	15.6	21.4	1.4
105	{H}-DCLG[1-Nal]MRKCIPDND KCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal5]GpTx-1(1-34)	0.08	13.41	2.13	0.10	26.4	21.7	0.8
88	{H}-DCLGIMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ile5]GpTx-1(1-34)	[illegible]	6.65	10.78	0.62	30.0	17.3	0.6
128	{H}-DCLG[2-Nal]MRKCIPDND KCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Nal5]GpTx 1(1-34)	0.11	6.11	0.94	0.05	8.2	17.3	2.1
242	{H}-DCLG[Bip]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Bip5]GpTx-1(1-34)	0.06	3.38	0.14	-	2.3	-	-
243	{H}-DCLG[Cha]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cha5]GpTx-1(1-34)	0.01	6.99	0.64	0.02	47.6	34.8	0.7
247	{H}-DCLG[pI-Phe]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	[pI-Phe5]GpTx-	0.16	6.16	19.68	0.02	121.9	1152.0	9.4

	{Amida}	1(1-34)							
264	{H}-DCLG[1'NMeW]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1'NMeW5]GpTx-1(1-34)	0.09	8.17	2.81	0.09	32.9	30.5	0.9
265	{H}-DCLGGMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5]GpTx-1(1-34)	0.75	7.47	10.73	1.24	14.3	8.6	0.6
266	{H}-DCLGHMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[His5]GpTx-1(1-34)	4.74	6.62	14.86	8.37	3.1	1.8	0.6
267	{H}-DCLGLMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5]GpTx-1(1-34)	0.17	7.40	12.14	0.30	70.9	40.0	0.6
268	{H}-DCLGMMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Met5]GpTx-1(1-34)	0.10	12.81	11.20	0.24	113.6	45.9	0.4
269	{H}-DCLGPMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Pro5]GpTx-1(1-34)	1.17	6.61	11.40	1.73	9.7	6.6	0.7
270	{H}-DCLGTMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr5]GpTx-1(1-34)	1.22	15.25	15.54	2.19	12.7	7.1	0.6
271	{H}-DCLGYMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tyr5]GpTx-1(1-34)	1.43	15.58	6.48	1.64	4.5	3.9	0.9
272	{H}-DCLGVMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Val5]GpTx-1(1-34)	0.71	13.22	13.88	1.03	19.7	13.5	0.7
273	{H}-DCLGfMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[D-Phe5]GpTx-1(1-34)	1.23	>5	>5	3.00	-	-	0.4
274	{H}-DCLG[NMeTrp]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeTrp5]GpTx-1(1-34)	0.19	>5	2.40	0.15	12.8	16.3	1.3

275	{H}-DCLG[Phg]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phg5]GpTx-1(1-34)	0.09	>5	2.55	0.17	28.4	15.4	0.5
276	{H}-DCLG[4CO2-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CO2-F5]GpTx-1(1-34)	15.96	8.12	21.45	5.42	1.3	4.0	2.9
277	{H}-DCLG[2PAL]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2PAL5]GpTx-1(1-34)	2.07	9.25	11.86	4.58	5.7	2.6	0.5
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 12. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Posición 6 sustituciones con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
23	{H}-DCLGFARKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala6]GpTx-1(1-34)	0.51	17.38	3.71	0.21	7.3	17.5	2.4
144	{H}-DCLGFERKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu6]GpTx-1(1-34)	3.51	9.39	22.42	20.36	6.4	1.1	0.2
154	{H}-DCLGFKRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys6]GpTx-1(1-34)	14.52	13.95	24.95	8.49	1.7	2.9	1.7
64	{H}-DCLGFRRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg6]GpTx-1(1-34)	6.98	17.59	14.74	5.90	2.1	2.5	1.2
170	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp6]GpTx-1(1-34)	0.013	3.58	0.25	0.002	19.1	123.5	6.5

161	{H}-DCLGF[1-Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal6]Gp...1(1-34)	0.007	2.34	0.27	0.006	39.3	43.8	1.1
89	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6]GpTx-1(1-34)	0.05	9.21	1.39	0.03	28.2	40.7	1.4
3	{H}-DCLGF[SeMet]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[SeMet6]GpTx-1(1-34)	0.10	13.89	2.25	0.10	23.5	22.6	1.0
123	{H}-DCLGF[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nle6]GpTx-1(1-34)	0.05	4.50	0.43	0.02	8.1	23.3	2.9
124	{H}-DCLGF[2-Abu]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu6]GpTx-1(1-34)	0.11	10.59	2.09	0.10	18.6	21.3	1.1
244	{H}-DCLGFLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Leu6]GpTx-1(1-34)	0.06	6.42	15.94	0.04	270.6	364.7	1.3
245	{H}-DCLGF[Cha]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cha6]GpTx-1(1-34)	0.02	2.37	0.10	-	6.3	-	-
278	{H}-DCLGFNRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Asn6]GpTx-1(1-34)	6.89	10.27	21.16	6.28	3.1	3.4	1.1
279	{H}-DCLGFQRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gln6]GpTx-1(1-34)	8.62	7.57	14.08	5.96	1.6	2.4	1.4
280	{H}-DCLGFGRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly6]GpTx-1(1-34)	0.18	8.20	2.89	0.14	15.7	20.5	1.3
281	{H}-DCLGFHRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[His6]GpTx-1(1-34)	4.72	10.06	17.82	7.77	3.8	2.3	0.6
282	{H}-DCLGFIRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ile6]GpTx-1(1-	0.07	8.63	1.19	0.06	16.6	18.9	1.1

		34)							
283	{H}-DCLGFPRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Pro6]GpTx-1(1-34)	0.79	10.00	11.00	0.76	13.8	14.4	1.0
284	{H}-DCLGFSRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser6]GpTx-1(1-34)	1.02	16.94	21.30	0.71	20.8	30.1	1.4
285	{H}-DCLGFTRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr6]GpTx-1(1-34)	0.59	18.71	4.25	0.28	7.2	15.4	2.1
286	{H}-DCLGFYRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tyr6]GpTx-1(1-34)	0.97	6.38	11.59	0.52	11.9	22.2	1.9
287	{H}-DCLGFVRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Val6]GpTx-1(1-34)	0.09	9.23	1.77	0.08	18.8	23.4	1.2
8	{H}-DCLGF[Phg]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phg6]GpTx-1(1-34)	0.15	>5	2.88	0.09	19.5	32.2	1.7
289	{H}-DCLGF[NMeTrp]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeTrp6]GpTx-1(1-34)	0.14	21.45	3.69	0.24	26.5	15.4	0.6
290	{H}-DCLGF[NMePhe]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMePhe6]GpTx-1(1-34)	0.24	10.56	2.59	0.14	10.7	18.8	1.8
291	{H}-DCLGF[pI-Phe]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[pI-Phe6]GpTx-1(1-34)	0.02	0.95	0.04	-	2.6	-	-
292	{H}-DCLGF[1'NMeW]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1'NMeW6]GpTx-1(1-34)	0.04	5.66	0.42	0.03	10.2	16.6	1.6
293	{H}-DCLGF[4CO2-F]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CO2-F6]GpTx-1(1-34)	15.79	11.11	21.50	13.78	1.4	1.6	1.1

294	{H}-DCLGF[2PAL]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2PAL6]GpTx-1(1-34)	0.37	9.11	7.04	0.09	18.8	75.3	4.0
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 13. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 7 u 8 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IwQ Usa Nav1.7 (μM)	IwQ Usa Nav1.5 (μM)	IwQ Usa Nav1.4 (μM)	IwQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
43	{H}-DCLGFMAKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala7]GpTx-1(1-34)	0.94	21.55	4.72	0.83	5.0	5.7	1.1
145	{H}-DCLGFMEKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu7]GpTx-1(1-34)	0.88	19.11	20.15	1.68	22.9	12.0	0.5
40	{H}-DCLGFMKKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys7]GpTx-1(1-34)	0.53	23.28	6.48	0.47	12.1	13.8	1.1
115	{H}-DCLGFM[Cit]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cit7]GpTx-1(1-34)	0.63	14.37	6.52	0.56	10.3	11.7	1.1
295	{H}-DCLGFM[K(Me2)]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[K(Me2)7]GpTx-1(1-34)	0.82	13.27	10.69	0.27	13.0	39.0	3.0
296	{H}-DCLGFM[SDMA]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[SDMA7]GpTx-1(1-34)	0.24	10.34	4.89	0.12	20.2	39.2	1.9

44	{H}-DCLGFMRACIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala8]GpTx-1(1-34)	0.49	16.77	4.73	0.41	9.6	11.4	1.2
25	{H}-DCLGFMRECIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu8]GpTx-1(1-34)	1.70	24.85	13.46	1.36	7.9	9.9	1.2
65	{H}-DCLGFMRRCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg8]GpTx-1(1-34)	0.14	13.76	1.78	0.12	13.1	14.4	1.1
118	{H}-DCLGFMRTCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr8]GpTx-1(1-34)	0.35	9.86	6.13	0.15	17.4	41.3	2.4
297	{H}-DCLGFMR[SDMA]CIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[SDMA8]GpTx-1(1-34)	0.20	9.05	5.47	0.20	28.0	27.1	1.0
298	{H}-DCLGFMR[K(Me2)]CIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[K(Me2)8]GpTx-1(1-34)	0.19	9.46	4.43	0.18	23.1	25.2	1.1
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 14. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 10 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
45	{H}-DCLGFMRKCAPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala10]GpTx-1(1-34)	0.21	16.48	2.95	0.19	14.1	15.5	1.1
146	{H}-DCLGFMRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu10]GpTx-1(1-34)	0.09	9.55	4.47	0.15	50.9	29.8	0.6
41	{H}-DCLGFMRKCKPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys10]GpTx-1(1-34)	0.24	9.00	2.57	0.15	10.9	17.3	1.6
66	{H}-DCLGFMRKCRPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg10]GpTx-1(1-34)	0.16	15.24	0.89	0.11	5.4	8.0	1.5
83	{H}-DCLGFMRKCWPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp10]GpTx-1(1-34)	0.10	8.02	4.35	0.19	44.1	23.1	0.5
78	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal10]GpTx-1(1-34)	0.15	10.03	9.02	0.21	58.3	42.9	0.7
90	{H}-DCLGFMRKCNPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Asn10]GpTx-1(1-34)	0.49	14.14	9.33	0.19	19.2	49.4	2.6
119	{H}-DCLGFMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Asp10]GpTx-1(1-34)	0.22	11.34	8.36	0.16	37.4	52.9	1.4
299	{H}-DCLGFMRKCYPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	[Tyr10]GpTx-	0.14	5.41	0.96	0.07	6.7	14.5	2.2

	{Amida}	1(1-34)							
300	{H}-DCLGFMRKC[NMeTrp]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeTrp10]GpTx-1(1-34)	0.08	9.89	1.93	0.07	24.4	28.9	1.2
301	{H}-DCLGFMRKCVPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Val10]GpTx-1(1-34)	0.10	7.88	1.41	0.09	13.6	15.3	1.1
302	{H}-DCLGFMRKCFPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe10]GpTx-1(1-34)	0.11	5.33	1.08	0.08	9.7	12.8	1.3
303	{H}-DCLGFMRKCLPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Leu10]GpTx-1(1-34)	0.13	8.13	2.54	0.08	19.1	30.9	1.6
304	{H}-DCLGFMRKCHPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[His10]GpTx-1(1-34)	0.05	6.36	0.69	0.03	15.0	20.8	1.4
305	{H}-DCLGFMRKCSPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser10]GpTx-1(1-34)	0.05	4.64	1.95	0.09	36.6	22.2	0.6
307	{H}-DCLGFMRKCMPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Met10]GpTx-1(1-34)	0.09	3.38	3.09	0.10	32.9	32.4	1.0
308	{H}-DCLGFMRKCPPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Pro10]GpTx-1(1-34)	0.40	>5	1.19	0.24	3.0	5.0	1.7
309	{H}-DCLGFMRKCTPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr10]GpTx-1(1-34)	0.10	>5	1.08	0.06	10.7	17.7	1.7
310	{H}-DCLGFMRKC[4CO2-F]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CO2-F10]GpTx-1(1-34)	0.28	6.87	3.94	0.23	14.2	17.3	1.2
311	{H}-DCLGFMRKC[2PAL]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	[2PAL10]GpTx-	0.19	8.83	2.91	0.04	15.4	66.3	4.3

	{Amida}	1(1-34)							
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 15. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 11 o 12 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
46	{H}-DCLGFMRKCIADNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala11]GpTx-1(1-34)	0.21	16.05	2.97	0.18	14.4	16.6	1.2
147	{H}-DCLGFMRKCIEDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu11]GpTx-1(1-34)	0.22	15.61	6.64	0.21	30.7	32.0	1.0
171	{H}-DCLGFMRKCIWDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp11]GpTx-1(1-34)	0.07	9.50	1.66	0.04	22.4	36.9	1.6
4	{H}-DCLGFMRKCIPANDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala12]GpTx-1(1-34)	0.12	8.05	0.70	0.13	6.0	5.4	0.9
26	{H}-DCLGFMRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu12]GpTx-1(1-34)	0.26	6.45	2.24	0.19	8.5	11.9	1.4
42	{H}-DCLGFMRKCIPKNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys12]GpTx-1(1-34)	0.12	6.51	0.53	0.09	4.5	5.8	1.3
67	{H}-DCLGFMRKCIPRNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg12]GpTx-1(1-34)	0.11	5.00	0.52	0.14	4.6	3.8	0.8
172	{H}-DCLGFMRKCIPWNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	[Trp12]GpTx-	0.05	8.04	0.49	0.04	10.4	12.7	1.2

	{Amida}	1(1-34							
162	{H}-DCLGFMRKCIP[1-Nal]NDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal12]GpTx-1(1-34)	0.06	9.88	0.55	0.04	9.4	12.3	1.3
91	{H}-DCLGFMRKCIPSNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser12]GpTx-1(1-34)	0.08	9.58	1.68	0.19	20.5	8.9	0.4
194	{H}-DCLGFMRKCIPGNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly12]GpTx-1(1-34)	0.075	8.764	0.510	0.047	6.8	10.9	1.6
195	{H}-DCLGFMRKCIPINDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ile12]GpTx-1(1-34)	0.662	18.322	5.834	0.607	8.8	9.6	1.1
193	{H}-DCLGFMRKCIPLNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Leu12]GpTx-1(1-34)	0.080	6.832	0.586	0.071	7.4	8.2	1.1
196	{H}-DCLGFMRKCIPTNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr12]GpTx-1(1-34)	0.097	7.079	0.649	0.074	6.7	8.8	1.3
197	{H}-DCLGFMRKCIPYNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tyr12]GpTx-1(1-34)	0.098	6.920	0.475	0.042	4.8	11.2	2.3
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 16. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 13 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
5	{H}-DCLGFMRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala13]GpTx-1(1-34)	0.17	8.15	2.64	0.16	15.9	16.9	1.1
27	{H}-DCLGFMRKCIPDEDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu13]GpTx-1(1-34)	0.26	9.38	4.41	0.22	17.2	19.8	1.2
48	{H}-DCLGFMRKCIPDKDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys13]GpTx-1(1-34)	0.21	9.72	2.44	0.13	11.5	19.1	1.7
103	{H}-DCLGFMRKCIPDRDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg13]GpTx-1(1-34)	0.16	15.96	4.64	0.22	29.4	21.4	0.7
173	{H}-DCLGFMRKCIPDWDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp13]GpTx-1(1-34)	0.09	17.29	2.28	0.05	26.2	49.3	1.9
163	{H}-DCLGFMRKCIPD[1-Nal]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal13]GpTx-1(1-34)	0.11	8.27	2.84	0.09	24.9	32.4	1.3
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

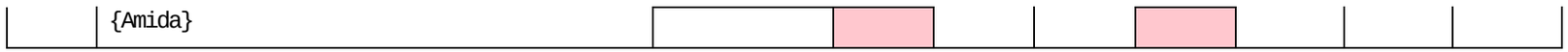

{Amida}

Tabla 17. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 15 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4 / Nav1.7	Nav1.4 / Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
6	{H}-DCLGFMRKCIPDNDACCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala15]GpTx-1(1-34)	0.22	9.64	4.68	0.19	21.5	24.2	1.1
28	{H}-DCLGFMRKCIPDNDECCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu15]GpTx-1(1-34)	0.59	12.09	8.75	0.49	14.8	17.8	1.2
68	{H}-DCLGFMRKCIPDNDRCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg15]GpTx-1(1-34)	0.20	18.14	2.27	0.14	11.2	16.0	1.4
92	{H}-DCLGFMRKCIPDNDQCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gln15]GpTx-1(1-34)	0.13	7.60	2.42	0.12	19.3	20.9	1.1
312	{H}-DCLGFMRKCIPDND[SDMA]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[SDMA15]GpTx-1(1-34)	0.14	9.67	1.96	0.15	14.0	13.0	0.9
313	{H}-DCLGFMRKCIPDND[K(Me2)]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[K(Me2)15]GpTx-1(1-34)	0.19	10.13	4.75	0.13	24.4	36.6	1.5
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

533

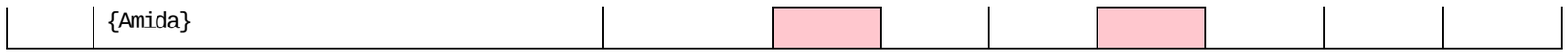


Tabla 18. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 18 o 19 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.7/ Nav1.3
148	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCEPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu18]GpTx-1(1-34)	0.22	14.60	4.95	0.21	22.8	23.7	1.0
49	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCKPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys18]GpTx-1(1-34)	0.30	17.56	3.78	0.21	12.5	18.1	1.4
174	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCWPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp18]GpTx-1(1-34)	0.19	14.73	8.66	0.08	46.6	108.0	2.3
116	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[Cit]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cit18]GpTx-1(1-34)	0.17	11.00	5.24	0.23	30.2	23.1	0.8
314	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[K(Me2)]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[K(Me2)18]GpTx-1(1-34)	0.21	6.55	6.70	0.08	31.8	82.8	2.6
315	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[SDMA]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[SDMA18]GpTx-1(1-34)	0.14	10.48	3.41	0.10	25.1	32.8	1.3

316	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCC[2PAL]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2PAL18]GpTx 1(1-34)	0.19	9.17	9.85	0.06	51.9	167.0	3.2
50	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRKNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys19]GpTx-1(1-34)	0.12	10.63	4.29	0.18	36.2	24.2	0.7
157	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRRNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg19]GpTx-1(1-34)	0.07	6.16	1.42	0.06	21.0	23.4	1.1
181	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRSNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser19]GpTx-1(1-34)	0.088	11.392	3.107	0.031	35.5	101.2	2.9
93	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRSSNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser-Ser19]GpTx-1(1-34)	0.27	13.92	6.67	0.32	24.3	20.6	0.8
126	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRGNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly19]GpTx-1(1-34)	0.10	11.92	1.82	0.11	18.6	17.2	0.9
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 19. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 20 o 21 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (µM)	IWQ Usa Nav1.5 (µM)	IWQ Usa Nav1.4 (µM)	IWQ Usa Nav1.3 (µM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
7	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPALVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala20]GpTx-1(1-34)	0.69	19.53	7.13	0.41	10.4	17.5	1.7
149	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPELVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu20]GpTx-1(1-34)	1.42	7.49	20.92	1.02	14.7	20.6	1.4
51	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPKLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys20]GpTx-1(1-34)	0.61	18.96	3.72	0.33	6.1	11.4	1.9
69	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPRLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg20]GpTx-1(1-34)	0.17	14.91	1.42	0.08	8.5	17.8	2.1
175	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPWLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp20]GpTx-1(1-34)	0.05	7.39	0.85	0.02	16.7	37.6	2.3
164	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRP[1-Nal]LVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal20]GpTx-1(1-34)	0.07	7.36	0.42	0.06	5.7	6.4	1.1
200	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPYLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tyr20]GpTx-1(1-34)	0.116	9.054	1.145	0.055	9.8	20.8	2.1
198	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPGLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly20]GpTx-1(1-34)	0.229	9.754	2.629	0.126	11.5	20.9	1.8

199	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPFLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe20]GpTx-1(1-34)	0.154	10.787	1.837	0.067	12.0	27.4	2.3
176	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNWVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp21]GpTx-1(1-34)	0.10	13.75	2.65	0.05	26.8	48.6	1.8
165	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPN[1-Nal]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal21]GpTx-1(1-34)	0.08	10.63	3.17	0.09	38.9	35.5	0.9
120	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNMVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Met21]GpTx-1(1-34)	0.14	9.54	1.79	0.09	12.9	19.3	1.5
317	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPN[4CO2-F]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CO2-F21]GpTx-1(1-34)	3.98	8.90	19.74	3.67	5.0	5.4	1.1
318	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPN[2PAL]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2PAL21]GpTx-1(1-34)	0.18	7.52	3.48	0.08	19.8	41.6	2.1
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 20. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 22 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
8	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLACSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala22]GpTx-1(1-34)	0.38	20.43	13.76	0.32	36.1	43.2	1.2
102	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLECSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu22]GpTx-1(1-34)	1.40	20.78	8.31	2.14	6.0	3.9	0.7
52	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLKCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys22]GpTx-1(1-34)	[illegible]	15.03	1.96	0.08	10.4	25.7	2.5
158	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLRCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg22]GpT 1(1-34)	0.06	8.20	0.70	0.03	11.7	24.3	2.1
177	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLWCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp22]GpTx-1(1-34)	0.03	8.02	4.23	0.06	137.2	75.1	0.5
319	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLFCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe22]GpTx-1(1-34)	0.70	>5	>5	1.02	-	-	0.7
320	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLPCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Pro22]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
321	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLICSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ile22]GpTx-1(1-34)	0.08	11.51	1.54	0.07	19.3	20.6	1.1
322	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLLCSRTHKWCKYVF-	[Leu22]GpTx-	0.09	9.58	0.83	0.07	9.3	11.4	1.2

	{Amida}	1(1-34)							
323	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLSCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser22]GpTx-1(1-34)	0.10	4.42	1.44	0.09	14.7	16.1	1.1
324	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLGCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly22]GpTx-1(1-34)	0.14	10.86	4.66	0.10	33.5	45.2	1.4
325	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLNCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Asn22]GpTx-1(1-34)	0.24	8.07	1.78	0.09	7.5	19.3	2.6
326	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLHCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[His22]GpTx-1(1-34)	0.41	15.64	2.51	0.10	6.0	24.1	4.0
327	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLDCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Asp22]GpTx-1(1-34)	1.50	13.26	7.31	0.63	4.9	11.7	2.4
328	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[NMePhe]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMePhe22]GpTx-1(1-34)	20.69	20.39	18.40	7.37	0.9	2.5	2.8
329	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLTCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr22]GpTx 1(1-34)	0.12	4.59	1.38	0.08	11.3	18.2	1.6
330	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[Phg]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phg22]GpTx-1(1-34)	0.18	4.69	1.82	0.07	10.0	25.0	2.5
331	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLYCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tyr22]GpTx-1(1-34)	0.56	4.26	7.91	0.50	14.1	15.9	1.1

332	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLMCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Met22]GpTx-1(1-34)	0.09	4.61	0.43	0.08	4.9	5.5	1.1
333	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[4CO2-F]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CO2-F22]GpTx-1(1-34)	5.77	7.50	22.51	4.47	3.9	5.0	1.3
334	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNL[2PAL]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2PAL22]GpTx-1(1-34)	0.33	10.96	6.80	0.14	20.5	49.4	2.4
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 21. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 24 o 25 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
142	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCARTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala24]GpTx-1(1-34)	0.47	8.20	1.93	0.25	4.1	7.8	1.9
150	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCERTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu24]GpTx-1(1-34)	6.12	11.48	23.12	6.78	3.8	3.4	0.9
9	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	[Ala25]GpTx-1(1-34)	0.30	18.78	6.19	0.84	20.8	7.3	0.4
151	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	[Glu25]GpTx-1(1-34)	0.71	13.99	16.27	1.17	22.8	13.9	0.6
53	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSKTHKWCKYVF-{Amida}	[Lys25]GpTx-1(1-34)	0.38	15.21	3.89	0.24	10.4	16.2	1.6
117	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Cit]THKWCKYVF-{Amida}	[Cit25]GpTx-1(1-34)	0.32	8.87	10.49	0.51	32.3	20.6	0.6
335	{H}-	[K(Me2)25]Gp	0.31	7.93	13.57	0.11	43.2	126.4	2.9

Tabla 22.

	DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[K(Me2)]THKWCKYVF-{Amida}	Tx-1(1-34)							
336	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[SDMA]THKWCKYVF-{Amida}	[SDMA25]GpTx-1(1-34)	0.14	9.22	2.68	0.11	19.8	23.5	1.2
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 26 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
10	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRAHKWCKYVF-{Amida}	[Ala26]GpTx-1(1-34)	0.25	10.45	3.16	0.17	12.5	18.2	1.5
152	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-{Amida}	[Glu26]GpTx-1(1-34)	0.68	17.15	23.59	0.71	34.5	33.5	1.0
54	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRKHKWCKYVF-{Amida}	[Lys26]GpTx-1(1-34)	0.05	7.96	0.75	0.02	14.5	43.0	3.0
70	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRRHKWCKYVF-{Amida}	[Arg26]GpTx-1(1-34)	0.03	3.06	0.53	0.008	15.5	68.3	4.4

178	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRWHKWCKYVF-{Amida}	[Trp26]GpTx-1(1-34)	[illegible]	5.84	0.63	0.02	19.7	27.4	1.4
94	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRKTKWCKYVF-{Amida}	[Lys26;Thr27]GpTx-1(1-34)	0.10	9.29	3.52	0.05	36.2	65.7	1.8
121	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Leu26]GpTx-1(1-34)	0.07	10.20	3.45	0.07	51.9	46.8	0.9
337	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRHHKWCKYVF-{Amida}	[His26]GpTx-1(1-34)	0.10	4.52	10.31	0.08	100.6	124.4	1.2
338	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRSHKWCKYVF-{Amida}	[Ser26]GpTx-1(1-34)	0.10	12.32	1.12	0.09	11.2	12.9	1.2
339	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRQHKWCKYVF-{Amida}	[Gln26]GpTx-1(1-34)	0.14	17.95	1.90	0.09	13.2	21.5	1.6
340	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRYHKWCKYVF-{Amida}	[Tyr26]GpTx-1(1-34)	0.08	5.51	1.24	0.06	16.2	19.7	1.2
341	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRFHKWCKYVF-{Amida}	[Phe26]GpTx-1(1-34)	0.08	5.88	1.47	0.10	18.8	15.2	0.8
342	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRNHKWCKYVF-{Amida}	[Asn26]GpTx-1(1-34)	0.09	6.29	1.08	0.10	11.6	10.9	0.9
343	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRGHKWCKYVF-{Amida}	[Gly26]GpTx-1(1-34)	0.10	4.07	0.99	0.09	10.1	11.1	1.1
344	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRVHKWCKYVF-	[Val26]GpTx-	0.06	8.93	1.57	0.04	24.9	37.9	1.5

	{Amida}	1(1-34)							
345	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRPHKWCKYVF-{Amida}	[Pro26]GpTx-1(1-34)	0.18	6.65	1.78	0.16	9.7	11.5	1.2
346	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRMHKWCKYVF-{Amida}	[Met26]GpTx-1(1-34)	0.04	4.24	1.28	0.02	31.8	73.1	2.3
347	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRDHKWCKYVF-{Amida}	[Asp26]GpTx-1(1-34)	0.06	14.12	5.38	0.64	5.6	8.4	1.5
348	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRIHKWCKYVF-{Amida}	[Ile26]GpTx-1(1-34)	0.05	8.15	2.05	0.03	42.2	58.8	1.4
349	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSR[2PAL]HKWCKYVF-{Amida}	[2PAL26]GpTx-1(1-34)	0.26	10.60	5.14	0.06	19.6	86.3	4.4
350	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSR[4CO2-F]HKWCKYVF-{Amida}	[4CO2-F26]GpTx-1(1-34)	0.40	6.46	18.59	2.62	46.3	7.1	0.2
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 23. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 27 o 28 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
11	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTAKWCKYVF-{Amida}	[Ala27]GpTx-1(1-34)	0.95	14.71	3.94	1.15	4.1	3.4	0.8
29	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTEKWCKYVF-{Amida}	[Glu27]GpTx-1(1-34)	8.54	15.16	21.40	12.26	2.5	1.7	0.7
55	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTKKWCKYVF-{Amida}	[Lys27]GpTx-1(1-34)	1.51	11.53	6.16	2.48	4.1	2.5	0.6
71	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTRKWCKYVF-{Amida}	[Arg27]GpTx-1(1-34)	0.51	5.22	2.61	0.51	5.2	5.1	1.0
84	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTWKWCKYVF-{Amida}	[Trp27]GpTx-1(1-34)	0.32	5.59	2.57	0.59	8.0	4.4	0.5
166	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[1-Nal]KWCKYVF-{Amida}	[1-Nal27]GpTx-	0.30	0.88	0.62	0.43	2.0		0.7

		1(1-34)						1.5	
109	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTFKWCKYVF-{Amida}	[Phe27]GpTx-1(1-34)	0.22	2.06	2.92	0.53	13.2	5.5	0.4
110	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTYKWCKYVF-{Amida}	[Tyr27]GpTx-1(1-34)	0.19	6.39	5.78	0.31	29.9	18.4	0.6
111	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTLKWCKYVF-{Amida}	[Leu27]GpTx-1(1-34)	1.15	6.19	9.04	1.01	7.9	8.9	1.1
351	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[4CO2-F]KWCKYVF-{Amida}	[4CO2-F27]GpTx-1(1-34)	15.44	6.65	19.35	8.41	1.3	2.3	1.8
352	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[2PAL]KWCKYVF-{Amida}	[2PAL27]GpTx-1(1-34)	0.09	7.82	2.93	0.05	33.5	61.4	1.8
353	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[SDMA]KWCKYVF-{Amida}	[SDMA27]GpTx-1(1-34)	2.00	8.32	9.84	2.42	4.9	4.1	0.8
4	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[K(Me2)]KWCKYV	[K(Me2)27]GpTx-1(1-34)	7.00	12.39	11.94	3.82	1.7	3.1	1.8

	F-{Amida}								
12	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHAWCKYVF-{Amida}	[Ala28]GpTx-1(1-34)	0.36	17.34	6.86	0.66	19.2	10.4	0.5
153	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Glu28]GpTx-1(1-34)	0.34	14.07	13.93	0.80	41.4	17.5	0.4
72	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[Arg28]GpTx-1(1-34)	0.08	8.95	7.55	0.13	93.8	58.1	0.6
355	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[K(Me2)]WCKYVF-{Amida}	[K(Me2)28]GpTx-1(1-34)	0.27	8.73	14.42	0.19	54.4	76.5	1.4
356	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[SDMA]WCKYVF-{Amida}	[SDMA28]GpTx-1(1-34)	0.18	9.52	5.01	0.23	28.1	22.1	0.8
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 24. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 29 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
47	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKACKYVF-{Amida}	[Ala29]GpTx-1(1-34)	11.74	16.17	4.49	27.50	0.4	0.2	0.4
30	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKECKYVF-{Amida}	[Glu29]GpTx-1(1-34)	18.06	18.91	23.53	16.05	1.3	1.5	1.1
56	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKKCKYVF-{Amida}	[Lys29]GpTx-1(1-34)	20.10	14.74	27.34	24.53	1.4	1.1	0.8
104	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKRCKYVF-{Amida}	[Arg29]GpTx-1(1-34)	9.73	18.76	7.35	11.39	0.8	0.6	0.9
79	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[1-Nal]CKYVF-{Amida}	[1-Nal29]GpTx-1(1-34)	0.46	9.25	16.23	1.55	35.1	10.5	0.3
113	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKYCKYVF-{Amida}	[Tyr29]GpTx-1(1-34)	1.46	9.49	9.52	4.03	6.5	2.4	0.4
114	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKLCKYVF-	[Leu29]GpTx	6.99	7.27	23.17	9.80	3.3		0.7

	{Amida}	-1(1-34)						2.4	
112	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKFCKYVF-{Amida}	[Phe29]GpTx-1(1-34)	2.18	6.21	15.19	4.82	7.0	3.1	0.5
129	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[2-Nal]CKYVF-{Amida}	[2-Nal29]GpTx-1(1-34)	0.58	11.67	9.46	0.73	16.2	12.9	0.8
357	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[NMeTrp]CKYVF-{Amida}	[NMeTrp29]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
358	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[pI-Phe]CKYVF-{Amida}	[pI-Phe29]GpTx-1(1-34)	1.01	14.90	12.98	1.27	12.9	10.2	0.8
359	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[NMePhe]CKYVF-{Amida}	[NMePhe29]GpTx-1(1-34)	19.15	18.84	15.35	7.39	0.8	2.1	2.6
360	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[Bip]CKYVF-{Amida}	[Bip29]GpTx-1(1-34)	4.79	9.77	19.69	6.95	4.1	2.8	0.7
361	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[1'NMeW]CKYVF-{Amida}	[1'NMeW29]GpTx-1(1-34)	3.89	12.24	7.04	4.58	1.8	1.5	0.9

Tabla 25.

362	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[Phg]CKYVF-{Amida}	[Phg29]GpTx-1(1-34)	5.52	7.85	16.33	3.18	3.0	5.1	1.7
363	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[4CO2-F]CKYVF-{Amida}	[4CO2-F29]GpTx-1(1-34)	15.03	18.77	19.34	14.94	1.3	1.3	1.0
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 31 o 32 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
13	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCAYVF-{Amida}	[Ala31]GpTx-1(1-34)	7.94	14.54	5.96	7.39	0.7	0.8	1.1
31	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCEYVF-{Amida}	[Glu31]GpTx-1(1-34)	22.96	21.69	20.41	13.06	0.9	1.6	1.8
73	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCRYVF-{Amida}	[Arg31]GpTx-1(1-34)	1.36	9.17	7.14	4.95	5.2	1.4	0.3

179	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCWYVF-{Amida}	[Trp31]GpTx-1(1-34)	23.61	10.84	21.31	10.17	0.9	2.1	2.3
364	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWC[2PAL]YVF-{Amida}	[2PAL31]GpTx-1(1-34)	10.95	9.49	21.73	16.93	2.0	1.3	0.6
365	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWC[SDMA]YVF-{Amida}	[SDMA31]GpTx-1(1-34)	4.15	14.21	10.75	4.55	2.6	2.4	0.9
14	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKAVF-{Amida}	[Ala32]GpTx-1(1-34)	0.80	20.61	5.96	0.77	7.5	7.8	1.0
32	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKEVF-{Amida}	[Glu32]GpTx-1(1-34)	13.95	22.80	22.80	9.14	1.6	2.5	1.5
57	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKKVF-{Amida}	[Lys32]GpTx-1(1-34)	4.96	10.89	15.71	4.19	3.2	3.8	1.2
159	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKRVF-{Amida}	[Arg32]GpTx-1(1-34)	1.02	8.65	18.71	0.87	18.4	21.5	1.2
85	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	[Trp32]GpTx-1(1-34)	0.09	6.74	4.99	0.16	53.5	31.3	0.6
167	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-Nal]VF-{Amida}	[1-Nal32]GpTx-1(1-34)	0.004	3.96	0.15	0.001	36.0	135.0	3.8

246	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	[1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	0.06	14.44	21.36	0.03	372.6	806.3	2.2
366	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKQVF-{Amida}	[Gln32]GpTx-1(1-34)	4.87	21.01	12.08	2.39	2.5	5.1	2.0
367	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKIVF-{Amida}	[Ile32]GpTx-1(1-34)	0.07	8.71	1.33	0.06	19.9	23.0	1.2
368	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKMVF-{Amida}	[Met32]GpTx-1(1-34)	0.35	6.21	5.99	0.14	17.1	42.9	2.5
369	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKTVF-{Amida}	[Thr32]GpTx-1(1-34)	3.54	11.05	11.19	3.29	3.2	3.4	1.1
370	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[NMePhe]VF-{Amida}	[NMePhe32]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
371	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[NMeTrp]VF-{Amida}	[NMeTrp32]GpTx-1(1-34)	4.88	>5	>5	>5	-	-	-
372	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKVVF-{Amida}	[Val32]GpTx-1(1-34)	0.15	14.81	1.59	0.08	10.7	19.5	1.8
373	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKLVF-{Amida}	[Leu32]GpTx-1(1-34)	0.12	8.83	1.19	0.08	10.0	14.1	1.4

374	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Phg]VF-{Amida}	[Phg32]GpTx-1(1-34)	0.14	7.06	1.80	0.10	13.2	18.9	1.4
375	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Cha]VF-{Amida}	[Cha32]GpTx-1(1-34)	0.05	8.88	0.39	0.02	8.0	16.7	2.1
376	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Bip]VF-{Amida}	[Bip32]GpTx-1(1-34)	0.03	2.90	0.19	0.00	7.0	68.6	9.8
377	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKFVF-{Amida}	[Phe32]GpTx-1(1-34)	0.05	6.84	0.67	0.05	12.3	13.7	1.1
378	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKGVF-{Amida}	[Gly32]GpTx-1(1-34)	0.71	11.18	7.97	0.62	11.3	12.8	1.1
379	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKNVF-{Amida}	[Asn32]GpTx-1(1-34)	4.86	10.56	8.40	6.85	1.7	1.2	0.7
380	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKHVF-{Amida}	[His32]GpTx-1(1-34)	0.60	10.16	7.18	0.75	11.9	9.6	0.8
381	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[pI-Phe]VF-{Amida}	[pI-Phe32]GpTx-1(1-34)	0.03	4.44	0.30	0.01	11.7	49.6	4.3
382	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKSVF-	[Ser32]GpTx-	3.95	>5	>5	1.47	-	-	2.7

	{Amida}	1(1-34)							
383	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKPVF-{Amida}	[Pro32]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
384	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[2PAL]VF-{Amida}	[2PAL32]GpTx-1(1-34)	0.81	7.65	19.08	0.66	23.4	28.8	1.2
385	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[4CO2-F]VF-{Amida}	[4CO2-F32]GpTx-1(1-34)	11.42	7.70	19.26	4.05	1.7	4.8	2.8
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 26. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 33 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
15	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYAF-{Amida}	[Ala33]GpTx-1(1-34)	0.33	18.60	4.40	0.35	13.5	12.5	0.9
33	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYEF-{Amida}	[Glu33]GpTx-1(1-34)	0.56	11.48	10.26	0.39	18.4	26.3	1.4
58	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYKF-{Amida}	[Lys33]GpTx-1(1-34)	0.07	9.56	1.28	0.07	18.6	19.3	1.0
74	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYRF-{Amida}	[Arg33]GpTx-1(1-34)	0.08	9.55	2.11	0.05	26.7	40.0	1.5
180	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYWF-{Amida}	[Trp33]GpTx-1(1-34)	0.05	9.06	0.63	0.009	12.0	70.3	5.9
168	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	[1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.06	15.74	0.57	0.02	9.2	26.7	2.9
95	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYQF-{Amida}	[Gln33]GpTx-1(1-34)	0.12	10.59	9.56	0.11	81.2	85.7	1.1

248	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYIF-{Amida}	[Ile33]GpTx-1(1-34)	0.15	6.89	21.63	0.09	142.1	238.9	1.7
249	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[pI-Phe]F-{Amida}	[pI-Phe33]GpTx-1(1-34)	0.09	7.78	11.54	0.06	127.3	192.9	1.5
250	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1'NMeW]F-{Amida}	[1'NMeW33]GpTx-1(1-34)	0.09	5.35	7.87	0.07	88.9	120.1	1.4
386	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[Cha]F-{Amida}	[Cha33]GpTx-1(1-34)	0.07	12.18	1.12	0.07	15.4	15.5	1.0
388	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[NMePhe]F-{Amida}	[NMePhe33]GpTx-1(1-34)	1.28	>5	4.91	1.09	3.8	4.5	1.2
389	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[NMeTrp]F-{Amida}	[NMeTrp33]GpTx-1(1-34)	0.35	>5	1.55	0.29	4.5	5.4	1.2
390	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYFF-{Amida}	[Phe33]GpTx-1(1-34)	0.06	8.66	0.74	0.04	12.7	18.5	1.5
391	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYMF-{Amida}	[Met33]GpTx-1(1-34)	0.07	15.06	1.54	0.08	20.8	20.3	1.0

392	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYHF-{Amida}	[His33]GpTx-1(1-34)	0.02	8.16	0.32	0.01	19.6	33.2	1.7
393	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[Phg]F-{Amida}	[Phg33]GpTx-1(1-34)	0.02	7.63	0.50	0.04	22.9	13.1	0.6
394	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYNF-{Amida}	[Asn33]GpTx-1(1-34)	0.36	7.94	1.22	0.07	3.4	16.3	4.8
395	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYDF-{Amida}	[Asp33]GpTx-1(1-34)	0.77	8.79	3.87	0.17	5.0	22.4	4.4
396	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYTF-{Amida}	[Thr33]GpTx-1(1-34)	0.02	3.78	1.29	0.04	70.8	28.9	0.4
397	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYSF-{Amida}	[Ser33]GpTx-1(1-34)	0.04	6.28	1.14	0.06	26.0	19.0	0.7
398	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYPF-{Amida}	[Pro33]GpTx-1(1-34)	5.19	6.93	6.87	3.34	1.3	2.1	1.6
399	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYYF-{Amida}	[Tyr33]GpTx-1(1-34)	0.07	>5	2.03	0.03	30.3	69.4	2.3
400	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYLF-{Amida}	[Leu33]GpTx-1(1-34)	0.13	>5	0.82	0.07	6.3	11.3	1.8
401	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYGF-{Amida}	[Gly33]GpTx-1(1-34)	0.29	>5	1.62	0.04	5.6	40.0	7.1

402	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[2PAL]F-{Amida}	[2PAL33]GpTx-1(1-34)	0.12	8.36	11.61	0.16	98.2	72.3	0.7
403	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[4CO2-F]F-{Amida}	[4CO2-F33]GpTx-1(1-34)	0.16	9.06	9.23	0.31	59.1	29.8	0.5
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 27. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 34 con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
101	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVA-{Amida}	[Ala34]GpTx-1(1-34)	7.19	9.33	16.41	4.76	2.3	3.5	1.5
34	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVE-	[Glu34]GpTx	16.98	16.76	16.97	11.17	1.0	1.5	1.5

	{Amida}	-1(1-34)							
59	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVK-{Amida}	[Lys34]GpTx-1(1-34)	5.68	18.06	20.19	7.74	3.6	2.6	0.7
75	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVR-{Amida}	[Arg34]GpTx-1(1-34)	3.58	8.99	22.67	4.69	6.3	4.8	0.8
86	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVW-{Amida}	[Trp34]GpTx-1(1-34)	0.26	10.02	6.70	0.18	25.7	36.3	1.4
80	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[1-Nal34]GpTx-1(1-34)	0.02	10.24	0.94	0.03	40.9	31.5	0.8
96	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVI-{Amida}	[Ile34]GpTx-1(1-34)	0.28	10.79	5.33	0.28	18.8	19.0	1.0
122	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVL-{Amida}	[Leu34]GpTx-1(1-34)	0.24	8.46	3.31	0.13	13.5	25.4	1.9
130	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2-Nal]-{Amida}	[2-Nal34]GpTx-1(1-34)	0.04	3.59	0.34	0.02	8.7	14.3	1.6
404	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVf-{Amida}	[D-Phe34]GpTx-1(1-34)	0.98	20.72	6.15	0.52	6.3	11.8	1.9
405	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[Cha]-	[Cha34]GpTx	0.02	5.53	0.63	0.01	26.3	57.7	2.2

	{Amida}	-1(1-34)							
406	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[Phg]-{Amida}	[Phg34]GpTx-1(1-34)	0.04	5.95	0.27	0.02	6.2	11.9	1.9
407	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[NMeTrp]-{Amida}	[NMeTrp34]GpTx-1(1-34)	6.85	10.16	10.29	4.64	1.5	2.2	1.5
408	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[NMePhe]-{Amida}	[NMePhe34]GpTx-1(1-34)	10.05	18.85	9.29	4.56	0.9	2.0	2.2
409	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1'NMeW]-{Amida}	[1'NMeW34]GpTx-1(1-34)	0.09	5.61	1.22	0.07	14.1	18.3	1.3
410	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[4CO2-F]-{Amida}	[4CO2-F34]GpTx-1(1-34)	9.19	7.11	21.92	6.31	2.4	3.5	1.5
411	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2PAL]-{Amida}	[2PAL34]GpTx-1(1-34)	5.82	8.16	21.31	4.83	3.7	4.4	1.2
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 28. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones en la posición 35 y eliminaciones en terminal C con relación a SEQ ID NO:1 y Ácido Libres

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (μM)	IWQ Usa Nav1.5 (μM)	IWQ Usa Nav1.4 (μM)	IWQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
16	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFA-{Amida}	GpTx-1(1-34)-Ala	0.41	14.15	7.13	0.26	17.6	27.2	1.5
35	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFE-{Amida}	GpTx-1(1-34)-Glu	4.47	19.59	21.73	2.47	4.9	8.8	1.8
60	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFK-{Amida}	GpTx-1(1-34)-Lys	0.59	12.53	7.00	0.21	11.8	32.7	2.8
76	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFR-{Amida}	GpTx-1(1-34)-Arg	0.30	9.73	5.53	0.10	18.5	56.3	3.0
131	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[2-Nal]-{Amida}	GpTx-1(1-34)-2-Nal	0.05	2.55	0.44	0.02	9.2	18.2	2.0
87	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFW-{Amida}	GpTx-1(1-34)-Trp	0.05	7.87	2.69	0.07	55.0	36.0	0.7
133	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFW-{Ácido Libre}	GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	0.48	8.28	2.15	0.11	4.5	19.9	4.4
412	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[2-	GpTx-1(1-	0.05	2.55	0.44	0.02	9.2	18.2	2.0

	Nal]-{Amida}	34)-2-Nal							
413	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[4CO2-F]-{Amida}	GpTx-1(1-34)-4CO2-F	1.15	8.65	12.34	5.35	10.7	2.3	0.2
414	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[2PAL]-{Amida}	GpTx-1(1-34)-2PAL	0.26	9.29	9.78	0.63	38.1	15.5	0.4
415	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV-{Amida}	GpTx-1(1-33)	2.35	10.84	10.61	1.30	4.5	8.1	1.8
416	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY-{Amida}	GpTx-1(1-32)	1.50	8.64	11.48	0.88	7.6	13.1	1.7
417	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK-{Amida}	GpTx-1(1-31)	18.32	11.88	6.94	9.09	0.4	0.8	2.0
107	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Ácido Libre}	GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	1.98	9.44	6.75	0.54	3.4	12.5	3.7
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9

Tabla 29. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: Sustituciones, adiciones o eliminaciones en posiciones múltiples con relación a SEQ ID NO:1.

SEQ ID NO.	Secuencia de Aminoácido	Designación	IWQ Usa Nav1.7 (µM)	IWQ Usa Nav1.5 (µM)	IWQ Usa Nav1.4 (µM)	IWQ Usa Nav1.3 (µM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
2	{H}-dclgfmrkcipdndkccrpnlvcsrthkwckyvf-{Amida}	[Todos isómero D]GpTx-1(1-34)	7.51	11.27	18.01	21.05	2.4	0.9	0.4
140	{H}-DALGFMRKCIPDNDKCARPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala2,17]GpTx-1(1-34)	2.45	18.95	15.39	0.79	6.3	19.4	3.1
125	{H}-D[2-Abu]LGFMRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu2,17]GpTx-1(1-34)	0.30	9.51	11.58	0.24	38.9	48.6	1.2
135	{H}-DCLGFMRK[2-Abu]IPDNDKCCRPNLV[2-Abu]SRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu9,23]GpTx-1(1-34)	8.14	9.21	20.81	12.27	2.6	1.7	0.7
139	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2-Nal]W-{Amida}	[2-Nal34]GpTx-1(1-34)-Trp	0.11	2.12	0.30	0.05	2.7	6.5	2.4
99	{H}-	[Lys32;1-	0.11	9.14	3.19	0.16	28.0	20.3	0.7

	DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKKV[1-Nal]W-{Amida}	Nal34]GpTx-1(1-34)-Trp							
136	{H}-DCLG[2-Nal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[2-Nal]-{Amida}	[2-Nal5,34]GpTx-1(1-34)	0.14	5.14	0.29	0.03	2.1	10.7	5.1
137	{H}-DCLG[2-Nal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[2-Nal5;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	0.11	3.15	0.24	0.02	2.2	10.4	4.7
134	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCEGLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu18;desAsn20]GpTx-1(1-34)	0.89	11.54	8.95	0.51	10.0	17.7	1.8
138	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]W-{Amida}	[1-Nal34]GpTx-1(1-34)-Trp	0.13	2.57	0.55	0.07	4.3	7.8	1.8
127	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKKVFW-{Amida}	[Lys32]GpTx-1(1-34)-Trp	0.73	18.91	8.41	0.70	11.5	12.0	1.0
252	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYWF-{Amida}	[Ala5;Trp33]GpTx-1(1-34)	0.23	5.00	3.86	0.40	16.7	9.7	0.6
253	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	[Ala5;Trp32]GpTx-1(1-34)	0.27	5.00	5.00	0.53	18.6	9.5	0.5
254	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-	[Ala5;1-	0.06	5.00	4.43	0.20	77.9	21.6	0.3

	Nal]VF-{Amida}	Nal32]GpTx-1(1-34)							
255	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu26]GpTx-1(1-34)	0.28	5.00	5.00	0.68	17.7	7.4	0.4
256	{H}-DCLGA[1-Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;1-Nal6]GpTx-1(1-34)	0.10	5.00	1.15	0.06	11.4	19.5	1.7
257	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.07	5.00	2.24	0.05	32.0	48.8	1.5
258	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	[Ala5;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.38	5.00	4.83	0.80	12.6	6.0	0.5
259	{H}-DCLGAMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	1.50	5.00	5.00	3.12	3.3	1.6	0.5
260	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.33	5.00	5.00	0.24	15.2	20.6	1.4
261	{H}-DCLGAWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Trp6]GpTx-1(1-34)	1.01	5.00	5.00	0.67	5.0	7.5	1.5
262	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Leu26;Arg28]GpTx-	0.05	5.00	5.00	0.04	110.5	131.1	1.2

		1(1-34)							
263	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Leu26]GpTx-1(1-34)	0.08	5.00	5.00	0.05	63.1	105.1	1.7
419	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYEF-{Amida}	[Ala5;Glu33]GpTx-1(1-34)	4.00	9.04	11.46	3.58	2.9	3.2	1.1
420	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKY[1-Nal]F-{Amida}	[Ala5;Arg28;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.20	7.50	12.77	0.32	62.9	39.9	0.6
421	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRP[1-Nal]LVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;1-Nal20]GpTx-1(1-34)	0.16	4.42	0.25	0.25	1.6	1.0	0.6
422	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPWLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Trp20]GpTx-1(1-34)	0.28	>5	>5	0.39	-	-	0.7
423	{H}-DCLGAMRKCIPWNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Trp12]GpTx-1(1-34)	0.43	>5	>5	1.09	-	-	0.4
424	{H}-DCLWAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp4;Ala5]GpTx-1(1-34)	0.49	>5	>5	1.17	-	-	0.4
425	{H}-[1-Nal]CLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal1;Ala5]GpTx-1(1-34)	0.50	>5	>5	0.77	-	-	0.6
426	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYAF-	[Ala5,33]GpTx-	0.58	>5	>5	1.58	-	-	0.4

	{Amida}	1(1-34)							
427	{H}-DCLGAMRKCIPD[1-Nal]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;1-Nal13]GpTx-1(1-34)	0.65	>5	>5	1.18	-	-	0.6
428	{H}-DCLGAMRKCIPDWDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Trp13]GpTx-1(1-34)	0.67	>5	>5	1.10	-	-	0.6
429	{H}-DCLEAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu4;Ala5]GpTx-1(1-34)	4.64	>5	>5	3.99	-	-	1.2
430	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVE-{Amida}	[Ala5;Glu34]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
431	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVA-{Amida}	[Ala5,34]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
432	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKAVF-{Amida}	[Ala5,32]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
433	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCAYVF-{Amida}	[Ala5,31]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
434	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKACKYVF-{Amida}	[Ala5,29]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
435	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu28]GpTx-1(1-34)	>5	3.66	0.23	>5	-	-	-
436	{H}-DCLGAMEKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	[Ala5;Glu7]GpTx	>5	>5	>5	>5	-	-	-

	{Amida}	-1(1-34)							
437	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKECKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu29]GpTx-1(1-34)	11.93	9.26	22.27	6.09	1.9	3.7	2.0
438	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu25]GpTx-1(1-34)	5.50	18.21	21.08	5.95	3.8	3.5	0.9
439	{H}-DCLGAMRKCIPDNDECCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu15]GpTx-1(1-34)	2.41	10.81	20.47	4.80	8.5	4.3	0.5
251	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCK[1-Nal]VF-{Amida}	[Arg28;1-Nal32]GpTx-1(1-34)	0.005	2.56	0.19	0.002	35.9	112.3	3.1
440	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	[1-Nal10;Trp32]GpTx-1(1-34)	0.37	>5	4.58	0.26	12.5	17.9	1.4
441	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[1-Nal10;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.02	>5	1.29	0.04	52.7	36.4	0.7
442	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKY[1-Nal]F-{Amida}	[Arg28;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.03	>5	0.60	0.04	20.2	13.6	0.7
443	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKWVF-{Amida}	[Arg28;Trp32]GpTx-1(1-34)	0.07	4.92	2.49	0.07	38.2	35.0	0.9

444	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYWF-{Amida}	[Arg28;Trp33]GpTx-1(1-34)	0.03	>5	0.68	0.04	19.6	18.2	0.9
445	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.03	>5	>5	0.06	-	-	0.6
446	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKWVF-{Amida}	[Leu26;Trp32]GpTx-1(1-34)	0.04	>5	2.92	0.06	75.9	51.8	0.7
447	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYWF-{Amida}	[Leu26;Trp33]GpTx-1(1-34)	0.03	>5	0.95	0.02	36.7	43.5	1.2
448	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[Trp6;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.01	2.91	0.33	0.01	28.7	37.9	1.3
449	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	[Trp6,32]GpTx-1(1-34)	0.03	2.93	0.25	0.01	8.6	29.2	3.4
450	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWWF-{Amida}	[Trp32,33]GpTx-1(1-34)	0.05	11.50	0.38	0.03	7.1	11.0	1.6
451	{H}-DCLGF[1-Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKWVF-{Amida}	[1-Nal6;Trp32]GpTx-1(1-34)	0.004	>5	2.53	0.02	572.7	161.3	0.3
452	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-Nal]VF-{Amida}	[1-Nal10,32]GpTx-1(1-34)	0.005	>5	4.51	0.003	956.6	1322.1	1.4
453	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCK[1-	[Leu26;1-	0.01	>5	1.69	0.01	289.5	161.2	0.6

	Nal]VF-{Amida}	Nal32]GpTx-1(1-34)							
454	{H}-DCLGF[1-Nal]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[1-Nal6;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.01	>5	4.42	0.01	732.2	661.7	0.9
455	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKW[1-Nal]F-{Amida}	[Trp32;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.02	>5	>5	0.04	-	-	0.6
456	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Trp6;Leu26]GpTx-1(1-34)	0.03	>5	2.91	0.01	91.6	228.8	2.5
457	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal10;Leu26]GpTx-1(1-34)	0.06	>5	2.53	0.03	44.2	76.0	1.7
458	{H}-DCLGFWRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp6;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	0.06	>5	>5	0.05	-	-	1.2
459	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PWNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal10;Trp12]GpTx-1(1-34)	0.08	>5	0.70	0.09	8.5	7.8	0.9
460	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1-Nal]WF-{Amida}	[1-Nal32;Trp33]GpT	0.08	>5	1.43	0.03	17.1	47.8	2.8

		x-1(1-34)							
461	{H}-DCLGFWRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	[Trp6;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.10	>5	1.38	0.05	13.4	28.5	2.1
462	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	[1-Nal10,33]GpTx-1(1-34)	0.11	>5	0.88	0.07	8.2	13.0	1.6
463	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKY[1-Nal]F-{Amida}	[Leu26;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.13	>5	>5	0.18	-	-	0.7
464	{H}-WDCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Trp-[1-Nal10]GpTx-1(1-34)	0.20	>5	2.61	0.22	13.1	12.0	0.9
465	{H}-WCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Trp1;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	0.23	>5	1.98	0.15	8.7	13.0	1.5
466	{H}-[1-Nal]CLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal1,10]GpTx-1(1-34)	0.61	>5	>5	0.43	-	-	1.4
467	{H}-DCLGFMRKCSPDNDKCCRPNLVCSRKHKWCKYEI-{Amida}	GpTx-2	4.34	7.21	11.73	1.15	2.7	10.2	3.8

468	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCEGYKCNRRDKWCKYKL-{Amida}	GpTx-3	8.93	7.80	20.00	9.37	2.2	2.1	1.0
469	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCENYKCNRREQWCKYKL-{Amida}	GpTx-4	9.25	10.38	11.00	4.92	1.2	2.2	1.9
1	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	GpTx-1(1-34)	0.08	13.09	1.93	0.08	24.9	22.8	0.9
471	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCEGYKCNRRDKWCKYKLWK-{Ácido Libre}	GpTx-6(1-35)	9.6	14.6	17.4	1.7	1.8	10.0	5.5
472	{H}-DCLGWFKGCDPDNDKCCEGYKCNRRDKWCKYKLW-{Ácido Libre}	GpTx-6(1-34)	1.3	7.3	4.1	0.54	3.2	7.6	2.4
593	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Atz(20kDa PEG)]WCKYVF-{Amida}	[Phe6,Atz(20kDa Peg)28]GpTx-1(1-34)	3.5	15.6	13.4	4.5	3.8	3.0	0.8
594	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNL[Atz(20kDa PEG)]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6,Atz(20kDa Peg)22]GpTx-1(1-34)	3.2	11.0	12.9	5.7	4.0	2.3	0.6
595	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKECKYVF-{Amida}	[1-Nal10;Glu29]GpTx-1(1-34)	9.8	18.9	11.2	10.8	1.1	1.0	0.9
596	{H}-	[3Pal5]GpTx-	2.6	>5	>5	>5	1.9	1.0	0.5

	DCLG[3Pal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	1(1-34)							
597	{H}-DCLGAFRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Tyr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	7.35	>5	1.1	-	-	-
598	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHGWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Gly28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	12.57	>5	4.0	-	-	-
599	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHHWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;His28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	12.65	>5	2.2	-	-	-
600	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	12.63	>5	3.1	-	-	-
601	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHNWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Asn28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	10.02	>5	2.6	-	-	-
602	{H}-DCLGaFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[D-Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)	2.1	13.1	8.1	2.7	3.8	3.0	0.8

603	{H}-DCLG[bAla]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[bAla5;Phe6]GpTx-1(1-34)	15.3	9.5	9.1	11.8	0.6	0.8	1.3
604	{H}-DCLG[Aib]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Aib5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.44	6.4	7.9	0.61	17.9	12.8	0.7
605	{H}-DCLG[2-Abu]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.17	9.5	5.6	0.36	33.2	15.5	0.5
606	{H}-DCLG[Nva]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.084	7.8	2.7	0.17	32.3	16.1	0.5
607	{H}-DCLG[Nle]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.016	11.3	1.0	0.067	64.4	15.1	0.2
608	{H}-DCLG[OctylG]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[OctylG5;Phe6]GpTx-1(1-34)	11.3	20.2	15.8	21.8	1.4	0.7	0.5
609	{H}-DCLG[Tle]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tle5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.081	6.7	4.6	0.26	56.4	17.6	0.3

610	{H}-DCLG[hLeu]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[hLeu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.011	8.2	0.76	0.041	70.1	18.7	0.3
611	{H}-DCLGMFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Met5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.043	13.3	2.4	0.11	55.7	20.9	0.4
612	{H}-DCLGLFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.057	20.1	3.4	0.22	59.8	15.6	0.3
613	{H}-DCLG[3Pal]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[3Pal5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.95	18.7	21.6	3.6	22.7	5.9	0.3
614	{H}-DCLG[Thi]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thi5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.012	4.1	1.1	0.077	88.3	14.3	0.2
615	{H}-DCLG[Cpg]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cpg5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.035	5.6	2.0	0.12	55.9	16.7	0.3
616	{H}-DCLG[Chg]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Chg5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.023	6.9	1.2	0.075	54.0	16.6	0.3
617	{H}-DCLGSFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.76	11.9	13.9	1.7	18.2	8.0	0.4

618	{H}-DCLGVFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.12	9.4	2.3	0.099	19.1	23.3	1.2
619	{H}-DCLG[4-Bz-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4-Bz-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.14	7.7	0.57	0.042	4.0	13.8	3.4
620	{H}-DCLG[DiMeO-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[DiMeO-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.64	10.4	10.1	0.99	15.7	10.2	0.6
621	{H}-DCLG[DiCl-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[DiCl-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.048	4.1	0.16	0.005	3.4	29.7	8.8
622	{H}-DCLG[pI-Phe]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[pI-Phe5;Phe6]GpTx-1(1-34)	12.3	12.9	22.9	21.0	1.9	1.1	0.6
623	{H}-DCLG[4CF3-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CF3-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.096	7.1	0.23	0.013	2.3	17.1	7.3
624	{H}-DCLG[4-F-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4-F-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.060	11.7	0.27	0.020	4.5	13.7	3.1
625	{H}-DCLG[4-Me-	[4-Me-	0.063	6.5	0.70	0.051	11.1	13.8	1.2

	F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	F5;Phe6]GpTx-1(1-34)							
626	{H}-DCLG[4tBu-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4tBu-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.052	4.7	0.26	0.021	5.0	12.6	2.5
627	{H}-DCLG[NMeVal]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeVal5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.19	6.0	4.2	0.25	22.6	16.9	0.7
628	{H}-DCLG[NMeLeu]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeLeu5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.076	8.4	1.4	0.091	17.9	15.0	0.8
629	{H}-DCLG[NMePhe]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMePhe5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.077	13.6	1.3	0.095	17.3	14.0	0.8
630	{H}-DCLG[2-Cl-F]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Cl-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.060	5.8	0.35	0.009	5.9	38.9	6.6
631	{H}-DCLG[hPhe]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[hPhe5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.019	4.9	0.18	0.005	9.4	38.4	4.1
632	{H}-	[Sar5;Phe6]GpTx	0.68	10.5	7.6	0.45	11.2	17.0	1.5

	DCLG[Sar]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	-1(1-34)							
633	{H}-DCLGaLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[D-Ala5;Leu6]GpTx-1(1-34)	10.7	7.1	10.6	11.5	1.0	0.9	0.9
634	{H}-DCLG[bAla]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[bAla5;Leu6]GpTx-1(1-34)	9.3	14.1	22.0	18.1	2.4	1.2	0.5
635	{H}-DCLG[Aib]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Aib5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.23	14.8	14.8	0.38	64.6	39.1	0.6
636	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.29	16.7	6.8	1.0	23.8	6.7	0.3
637	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.095	8.0	5.1	0.71	53.7	7.2	0.1
638	{H}-DCLG[Nle]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.025	10.6	1.9	0.099	76.6	19.2	0.3
639	{H}-	[OctylG5;Leu6]G	0.015	1.7	0.11	0.033	7.8	3.5	0.4

	DCLG[OctylG]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	pTx-1(1-34)							
640	{H}-DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5,Phe6,Pra13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	0.103	>5	4.9	0.090	47.3	54.6	1.2
641	{H}-DCLGMLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Met5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.069	>5	4.4	0.24	64.7	18.5	0.3
642	{H}-DCLG[3Pal]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[3Pal5;Leu6]GpTx-1(1-34)	1.7	>5	>5	3.9	-	-	0.4
643	{H}-DCLGSLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ser5;Leu6]GpTx-1(1-34)	1.3	>5	>5	3.2	-	-	0.4
644	{H}-DCLGVLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.15	>5	>5	0.48	-	-	0.3
645	{H}-DCLG[DiMeO-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[DiMeO-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	2.4	>5	>5	2.6	-	-	0.9
646	{H}-DCLG[Sar]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Sar5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.92	>5	>5	1.7	-	-	0.6
647	{H}-DCLGaMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	[D-Ala5]GpTx-	4.5	>5	>5	>5	-	-	-

	{Amida}	1(1-34)							
648	{H}-DCLG[bAla]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[bAla5]GpTx-1(1-34)	4.7	>5	>5	>5	-	-	-
649	{H}-DCLG[2-Abu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5]GpTx-1(1-34)	0.69	>5	>5	1.3	-	-	0.5
650	{H}-DCLG[Nva]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5]GpTx-1(1-34)	0.20	>5	>5	0.57	-	-	0.3
651	{H}-DCLG[Nle]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nle5]GpTx-1(1-34)	0.077	>5	3.0	0.17	39.6	17.6	0.4
652	{H}-DCLG[DiMeO-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[DiMeO-F5]GpTx-1(1-34)	2.9	>5	>5	3.6	-	-	0.8
653	{H}-DCLG[DiCl-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[DiCl-F5]GpTx-1(1-34)	0.14	>5	1.2	0.069	8.8	17.7	2.0
654	{H}-DCLG[4CF3-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CF3-F5]GpTx-1(1-34)	0.32	>5	1.3	0.072	4.1	18.4	4.4
655	{H}-DCLG[4-F-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4-F-F5]GpTx-1(1-34)	0.26	>5	1.9	0.070	7.1	26.6	3.8

656	{H}-DCLG[NMeVal]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeVal5]GpTx-1(1-34)	1.2	>5	>5	2.5	-	-	0.5
657	{H}-DCLG[NMePhe]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMePhe5]GpTx-1(1-34)	0.36	>5	>5	0.28	-	-	1.3
658	{H}-DCLG[Sar]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Sar5]GpTx-1(1-34)	1.5	>5	>5	2.0	-	-	0.7
659	{H}-DCLG[Tle]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tle5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.26	>5	>5	0.58	-	-	0.4
660	{H}-DCLG[hLeu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[hLeu5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.031	>5	0.80	0.059	25.6	13.6	0.5
661	{H}-DCLGLLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Leu5,6]GpTx-1(1-34)	0.095	>5	3.4	0.32	36.0	10.6	0.3
662	{H}-DCLG[Thi]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thi5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.022	>5	0.93	0.068	42.7	13.6	0.3
663	{H}-	[Cpg5;Leu6]GpTx	0.059	>5	2.2	0.24	36.6	9.1	0.2

	DCLG[Cpg]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	-1(1-34)							
664	{H}-DCLG[Chg]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Chg5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.019	>5	1.3	0.11	65.3	11.4	0.2
665	{H}-DCLG[4-Bz-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4-Bz-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.23	>5	0.57	0.030	2.5	19.1	7.7
666	{H}-DCLG[DiCl-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[DiCl-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.029	4.5	0.32	0.016	10.9	20.2	1.9
667	{H}-DCLG[pI-Phe]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[pI-Phe5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.12	>5	0.39	0.017	3.2	23.3	7.3
668	{H}-DCLG[4CF3-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4CF3-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.18	4.4	0.47	0.011	2.6	42.8	16.3
669	{H}-DCLG[4-F-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4-F-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.091	>5	0.78	0.037	8.6	20.9	2.4
670	{H}-DCLG[4-Me-	[4-Me-	0.19	>5	0.99	0.055	5.2	17.9	3.4

	F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	F5;Leu6]GpTx-1(1-34)							
671	{H}-DCLG[4tBu-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4tBu-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.14	>5	0.43	0.050	3.1	8.5	2.8
672	{H}-DCLG[NMeVal]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeVal5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.47	>5	>5	0.75	-	-	0.6
673	{H}-DCLG[NMeLeu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeLeu5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.17	>5	>5	0.69	-	-	0.2
674	{H}-DCLG[NMePhe]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMePhe5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.24	>5	3.5	0.31	14.3	11.3	0.8
675	{H}-DCLG[2-Cl-F]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Cl-F5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.066	>5	0.92	0.072	14.0	12.9	0.9
676	{H}-DCLG[hPhe]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[hPhe5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.016	>5	0.90	0.061	56.2	14.6	0.3
677	{H}-	[OctylG5]GpTx-	0.17	>5	0.89	0.17	5.2	5.1	1.0

	DCLG[OctylG]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	1(1-34)							
678	{H}-DCLG[Tle]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Tle5]GpTx-1(1-34)	0.70	>5	>5	1.36	-	-	0.5
679	{H}-DCLG[hLeu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[hLeu5]GpTx-1(1-34)	0.086	>5	2.2	0.24	26.0	9.4	0.4
680	{H}-DCLG[Cha]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cha5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.019	3.5	0.38	0.032	20.1	11.9	0.6
681	{H}-DCLG[Cha]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cha5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.023	>5	0.86	0.079	37.9	10.9	0.3
682	{H}-DCLG[Thi]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thi5]GpTx-1(1-34)	0.11	>5	2.8	0.28	26.6	10.3	0.4
683	{H}-DCLG[Cpg]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Cpg5]GpTx-1(1-34)	0.23	>5	>5	0.63	-	-	0.4
684	{H}-	[Chg5]GpTx-1(1-	0.13	>5	4.6	0.36	34.1	12.6	0.4

	DCLG[Chg]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	34)							
685	{H}-DCLG[4-Bz-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4-Bz-F5]GpTx-1(1-34)	0.68	>5	3.3	0.15	4.8	21.2	4.4
686	{H}-DCLG[4-Me-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4-Me-F5]GpTx-1(1-34)	0.49	>5	2.2	0.18	4.5	12.5	2.8
687	{H}-DCLG[4tBu-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[4tBu-F5]GpTx-1(1-34)	0.27	>5	1.2	0.13	4.5	9.4	2.1
688	{H}-DCLG[NMeLeu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[NMeLeu5]GpTx-1(1-34)	0.29	>5	>5	0.73	-	-	0.4
689	{H}-DCLG[2-Cl-F]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Cl-F5]GpTx-1(1-34)	0.13	>5	1.9	0.11	14.2	18.2	1.3
690	{H}-DCLG[hPhe]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[hPhe5]GpTx-1(1-34)	0.090	>5	2.3	0.18	25.8	13.0	0.5
691	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu28]GpTx-1(1-34)	>5	>5	>5	>5	-	-	-
692	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	[Ala5;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	0.18	>5	>5	0.63	-	-	0.3

693	{H}-DCLGMMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	[Met5;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	0.046	>5	4.3	0.10	95.0	43.0	0.5
694	{H}-DCLRMMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Arg4;Met5]GpTx-1(1-34)	0.080	>5	>5	0.29	-	-	0.3
695	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRSNLVCSRTHKWCK[1'NMeW]VF-{Amida}	[Ser19;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	0.030	>5	0.88	0.030	29.1	28.9	1.0
696	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.27	>5	>5	0.75	-	-	0.4
697	{H}-DCLGAGRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Gly6]GpTx-1(1-34)	8.1	>5	>5	4.4	-	-	1.8
698	{H}-DCLGAYRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Tyr6]GpTx-1(1-34)	4.4	>5	>5	>5	-	-	-
699	{H}-DCLGA[1'NMeW]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;1'NMeW6]GpTx-1(1-34)	0.34	>5	>5	0.32	-	-	1.1
700	{H}-DCLGAMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10]GpTx-1(1-34)	0.74	35	>50	0.84	-	-	0.9
701	{H}-DCLGAMRKCDPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	0.97	43	>50	1.5	-	-	0.6

702	{H}-DCLGAFRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Asp10]GpTx-1(1-34)	0.72	43	>50	0.37	-	-	1.9
703	{H}-DCLGAFRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu12]GpTx-1(1-34)	0.61	45	15	0.20	23.9	73.9	3.1
704	{H}-DCLGVMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu28]GpTx-1(1-34)	0.99	49	>50	>5	-	-	-
705	{H}-DCLG[Nva]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Glu28]GpTx-1(1-34)	0.43	33	>50	3.4	-	-	0.1
706	{H}-DCLG[2-Abu]MRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Glu28]GpTx-1(1-34)	1.4	>50	>50	>5	-	-	-
707	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	1.2	6	>50	>5	-	-	-
708	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	0.37	31	>50	2.8	-	-	0.1
709	{H}-DCLGVLRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Val5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	0.74	43	>50	4.8	-	-	0.2
710	{H}-DCLGVMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-	[Val5;Asp10]GpT	0.69	35	>50	1.3	-	-	0.5

	{Amida}	x-1(1-34)							
711	{H}-DCLGVMRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Glu12]GpTx-1(1-34)	0.48	26	>50	0.75	-	-	0.6
712	{H}-DCLGVMRKCDPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	0.46	34	>50	1.7	-	-	0.3
713	{H}-DCLGVMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Cit]THKWCKYVF-{Amida}	[Val5;Cit25]GpTx-1(1-34)	0.83	36	>50	4.2	-	-	0.2
714	{H}-DCLGTMRKCDPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr5;Asp10]GpTx-1(1-34)	1.6	48	>50	>5	-	-	-
715	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHGWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Gly28]GpTx-1(1-34)	1.0	>50	>50	>5	-	-	-
716	{H}-D[2-Abu]LGAMRKCDPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu2,17;Ala5;Asp10]GpTx-1(1-34)	3.7	49	>50	>5	-	-	-
717	{H}-D[2-Abu]LG[Nva]LRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu2,17;Nva5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	>5	>50	>50	>5	-	-	-
718	{H}-D[2-Abu]LG[2-Abu]LRKCIPDNDKC[2-	[2-	4.3	>50	>50	>5	-	-	-

	Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	Abu2,5,17;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)							
719	{H}-D[2-Abu]LGALRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu2,17;Ala5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	4.3	>50	>50	>5	-	-	-
720	{H}-D[2-Abu]LGVLRKCIPDNDKC[2-Abu]RPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu2,17;Val5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	>5	33	>50	>5	-	-	-
721	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6]GpTx-1(1-34)	0.15	45	>50	0.41	-	-	0.4
722	{H}-DCLGA[Nle]RKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu10]GpTx-1(1-34)	0.33	44	48	0.48	144.9	101.0	0.7
723	{H}-DCLGALRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu10]GpTx-1(1-34)	0.38	>50	>50	1.2	-	-	0.3
724	{H}-DCLGAFRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10]GpTx-1(1-34)	0.38	36	41	0.32	109.5	130.1	1.2

725	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu12]GpTx-1(1-34)	0.38	47	>50	0.27	-	-	1.4
726	{H}-DCLGALRKCIPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu12]GpTx-1(1-34)	0.35	>50	49	0.58	138.2	83.4	0.6
727	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Nle6;Glu28]GpTx-1(1-34)	0.51	34	34	3.4	66.8	10.1	0.2
728	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	1.6	43	41	6.6	26.7	6.3	0.2
729	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu28]GpTx-1(1-34)	1.1	48	>50	1.8	-	-	0.6
730	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5,25;Nle6]GpTx-1(1-34)	0.84	47	49	1.7	58.0	29.3	0.5
731	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5,25;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.60	38	37	2.8	61.5	13.2	0.2
732	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSATHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5,25;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.29	>50	45	0.60	156.1	73.7	0.5
733	{H}-DCLGA[Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-	[Ala5;Nle6;Glu25]GpTx-1(1-34)	1.6	33	42	5.2	25.9	8.1	0.3

	{Amida}								
734	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Glu25]GpTx-1(1-34)	1.8	41	>50	9.3	-	-	0.2
735	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSETHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu25]GpTx-1(1-34)	1.5	41	48	3.6	32.0	13.3	0.4
736	{H}-DCLGFFRKCIPDND[Pra]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6,Pra15]GpTx-1(1-34)	>5	32.6	>50	>5	-	-	-
737	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHHWCKYVF-{Amida}	[Ala5;His28]GpTx-1(1-34)	0.40	19.2	46.6	1.6	117.3	28.7	0.2
738	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHSWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Ser28]GpTx-1(1-34)	0.65	21.9	>50	1.8	-	-	0.4
739	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Gln28]GpTx-1(1-34)	0.63	20.5	46.0	2.2	72.5	20.5	0.3
740	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[3Pal]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;3Pal28]GpTx-1(1-34)	1.5	31.1	47.6	>5	32.5	-	-
741	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[4-aminoF]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;4-aminoF28]GpTx-1(1-34)	1.1	24.4	>50	2.3	-	-	0.5
742	{H}-	[Ala5;K(Ac)28]G	1.1	22.7	32.7	2.5	30.5	13.1	0.4

	DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[K(Ac)]WCKYVF-{Amida}	pTx-1(1-34)							
743	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[SDMA]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;SDMA28]GpTx-1(1-34)	0.22	26.5	46.5	1.1	213.8	43.1	0.2
744	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[hArg]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;hArg28]GpTx-1(1-34)	0.47	39.7	>50	0.82	-	-	0.6
745	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[R(Me)]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;R(Me)28]GpTx-1(1-34)	0.25	40.0	>50	0.50	-	-	0.5
746	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Orn]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;Orn28]GpTx-1(1-34)	0.29	20.7	>50	0.76	-	-	0.4
747	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Dap]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;Dap28]GpTx-1(1-34)	0.37	38.3	34.5	0.78	94.0	44.4	0.5
748	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Cit]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;Cit28]GpTx-1(1-34)	0.87	24.2	>50	2.7	-	-	0.3
749	{H}-	[Ala5;HCit28]Gp	0.79	20.3	46.4	2.3	58.6	20.1	0.3

	DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[HCit]WCKYVF-{Amida}	Tx-1(1-34)							
750	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Asp28]GpTx-1(1-34)	0.73	37.9	49.6	0.77	67.8	64.1	0.9
751	{H}-DCLGGVRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Val6]GpTx-1(1-34)	>5	25.5	49.3	>5	-	-	-
752	{H}-DCLGGIRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Ile6]GpTx-1(1-34)	>5	25.4	44.7	>5	-	-	-
753	{H}-DCLG[2-Abu][Nle]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Nle6]GpTx-1(1-34)	0.06	40.2	>50	0.16	-	-	0.4
754	{H}-DCLGGFRKCEPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu10]GpTx-1(1-34)	0.35	34.2	>50	0.33	-	-	1.1
755	{H}-DCLGGFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[Gly5;Phe6;Glu28]GpTx-1(1-34)	>5	15.3	>50	>5	-	-	-
756	{4-Pen}-DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	4-Pen-[Ala5;Phe6;2-Abu13;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.18	44.4	>50	0.26	-	-	0.7
757	{4-Pen}-DCLGAFRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	4-Pen-[Ala5;Phe6;2-	0.71	34.9	>50	0.28	-	-	2.5

		Abu13]GpTx-1(1-34)							
758	{4-Pen}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	4-Pen-[2-Abu5,13;Leu6]GpTx-1(1-34)	0.46	32.7	23.7	0.69	51.8	34.5	0.7
759	{4-Pen}-DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	4-Pen-[Nva5;Leu6;2-Abu13;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.10	46.2	28.0	0.23	270.9	121.0	0.4
760	{4-Pen}-DCLG[Nva]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	4-Pen-[Nva5;Leu6;2-Abu13]GpTx-1(1-34)	0.19	35.2	27.4	0.25	145.4	109.2	0.8
761	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Guf]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;Guf28]GpTx-1(1-34)	0.16	26.9	>50	0.63	-	-	0.2
762	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Dab]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;Dab28]GpTx-1(1-34)	0.32	23.3	>50	0.86	-	-	0.4
763	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Amida}	[Gln28]GpTx-1(1-34)	0.19	22.7	>50	0.27	-	-	0.7

764	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHFWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe28]GpTx-1(1-34)	4.1	41.4	>50	>5	-	-	-
765	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHYWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Tyr28]GpTx-1(1-34)	0.79	42.0	46.8	1.4	58.8	33.2	0.6
766	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHLWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu28]GpTx-1(1-34)	1.1	49.3	36.9	2.7	33.4	13.7	0.4
767	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHNWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asn28]GpTx-1(1-34)	1.7	>50	43.8	3.2	25.6	13.6	0.5
768	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Cit]THKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Cit25]GpTx-1(1-34)	1.8	23.5	>50	3.2	-	-	0.6
769	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Asp28]GpTx-1(1-34)	>5	39.0	>50	>5	-	-	-
770	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHMWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Met28]GpTx-1(1-34)	1.0	45.4	>50	4.1	-	-	0.3
771	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[K(Me)]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;K(Me)28]GpTx-1(1-34)	1.6	40.1	>50	1.8	-	-	0.9
772	{H}-DCLGFMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[pS]WCKYVF-{Amida}	[pS28]GpTx-1(1-34)	0.90	>50	>50	0.81	-	-	1.1

773	{H}-DCLGTMRKCDPENDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Thr5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	4.5	28.4	>50	3.4	-	-	1.3
774	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYEF-{Amida}	[1-Nal10;Glu33]GpTx-1(1-34)	0.30	28.3	12.7	0.53	42.8	24.2	0.6
775	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKEVF-{Amida}	[1-Nal10;Glu32]GpTx-1(1-34)	>5	28.6	21.3	>5	-	-	-
776	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCEYVF-{Amida}	[1-Nal10;Glu31]GpTx-1(1-34)	>5	26.8	28.5	>5	-	-	-
777	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYAF-{Amida}	[1-Nal10;Ala33]GpTx-1(1-34)	0.20	39.5	8.6	0.20	43.7	42.4	1.0
778	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKAVF-{Amida}	[1-Nal10;Ala32]GpTx-1(1-34)	0.51	35.0	15.8	0.44	31.0	36.2	1.2
779	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCAYVF-{Amida}	[1-Nal10;Ala31]GpTx-1(1-34)	>5	36.5	38.0	3.2	-	12.0	-
780	{H}-DCLGFMRKC[1-	[1-	0.78	27.5	28.9	1.1	37.3	26.4	0.7

	Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	Nal10;Glu28]GpTx-1(1-34)							
781	{H}-DCLGFMRKC[1-Nal]PDNDECCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal10;Glu15]GpTx-1(1-34)	0.93	34.3	24.8	1.1	26.6	21.7	0.8
782	{H}-DCLGFMREC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu8;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	1.1	30.7	12.4	1.2	11.2	10.1	0.9
783	{H}-DCLEFMRKC[1-Nal]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Glu4;1-Nal10]GpTx-1(1-34)	1.3	29.1	18.5	2.0	14.1	9.1	0.6
784	{H}-[1-Nal]CLGFMRECIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal1;Glu8]GpTx-1(1-34)	1.0	32.0	26.0	0.90	25.9	29.0	1.1
785	{H}-[1-Nal]CLGFMEKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal1;Glu7]GpTx-1(1-34)	1.8	30.6	27.7	1.9	15.4	14.7	1.0
786	{H}-[1-Nal]CLGFERKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[1-Nal1;Glu6]GpTx-1(1-34)	>5	26.3	33.9	>5	-	-	-
787	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSREHKWCKYVF-	[Ala5;Glu26]GpT	>5	27.3	24.9	>5	-	-	-

	{Amida}	x-1(1-34)							
788	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTEKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Glu27]GpTx-1(1-34)	>5	29.7	27.1	>5	-	-	-
789	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCEYVF-{Amida}	[Ala5;Glu31]GpTx-1(1-34)	>5	31.8	21.5	>5	-	-	-
790	{H}-DCLGAMRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFE-{Amida}	[Ala5]GpTx-1(1-34)-Glu	>5	28.5	25.5	>5	-	-	-
791	{H}-DCLGA[METO1]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5,Met(O)6]GpTx-1 isomer1	>5	39.5	>50	>5	-	-	-
792	{H}-DCLGA[METO1]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5,Met(O)6]GpTx-1 isomer2	>5	49.8	43.0	>5	-	-	-
793	{H}-DCLGAFRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra13]GpTx-1(1-34)	0.53	28.6	12.3	0.47	23.0	26.4	1.1
794	{H}-DCLGAFRKCIPD[K(Ac-Pra)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;K(Ac-Pra)13]GpTx-1(1-34)	0.89	37.8	>50	0.70	-	-	1.3
795	{H}-DCLGAFRKCIPD[K(Ac-	[Ala5;Phe6;K(Ac	0.78	24.6	18.0	0.25	23.1	70.9	3.1

	Pra)]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	-Pra)13;Arg28]GpTx-1(1-34)							
796	{H}-DCLGALRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Pra13;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.22	36.4	>50	0.48	-	-	0.5
797	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[Pra]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;Pra13]GpTx-1(1-34)	0.52	34.0	26.6	0.93	50.8	28.7	0.6
798	{H}-DCLGAFRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Glu10;Pra13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.54	32.2	>50	0.56	-	-	1.0
799	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[K(Ac-Pra)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;K(Ac-Pra)13]GpTx-1(1-34)	0.75	28.1	48.5	0.70	65.1	69.4	1.1
800	{H}-DCLGALRKCEPD[Pra]DKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Glu10;Pra13;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.70	>50	>50	1.4	-	-	0.5
801	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[K(4-	[2-	0.55	39.7	>50	0.81	-	-	0.7

	Pen)]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	Abu5;Leu6;K(4-Pen)13;Arg28]GpTx-1(1-34)							
802	{H}-DCLGALRKCIP[Pra]NDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6,26;Pra12;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.26	>50	12.3	0.54	46.6	22.7	0.5
803	{H}-DCLGAFRKCIP[Pra]NDKCCRPNLVCSRLHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Pra12;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.13	36.5	2.5	0.12	19.9	20.7	1.0
804	{H}-DCLG[2-Abu]FRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Phe6;K(4-Pen)13]GpTx-1(1-34)	0.50	>50	5.3	0.35	10.5	15.2	1.5
805	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;K(4-Pen)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.31	37.5	12.2	0.27	39.4	45.7	1.2
806	{H}-DCLG[Nva]LRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Nva5;Leu6;K(4-Pen)13]GpTx-1(1-34)	0.29	34.2	8.3	0.39	28.9	21.5	0.7
807	{4-Pen}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[2-Abu]DKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	4-Pen-[2-Abu5,13;Leu6;Ar	0.54	36.8	>50	0.90	-	-	0.6

		g28]GpTx-1(1-34)							
808	{H}-DCLG[2-Abu]LRKCIPD[K(4-Pen)]DKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Amida}	[2-Abu5;Leu6;K(4-Pen)13;Glu28]GpTx-1(1-34)	1.8	>5	>5	4.1	-	-	0.4
809	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.3	>5	>5	0.3	-	-	1.0
810	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.2	>5	>5	0.2	-	-	1.0
811	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.3	>5	>5	0.3	-	-	1.0
812	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Amida}	Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.2	>5	>5	0.2	-	-	1.0
813	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
814	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-	[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-	0.6	>5	>5	0.6	-	-	1.0

	{Ácido Libre}	Trp-Ácido Libre							
815	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-{Ácido Libre}	Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
816	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFW-{Ácido Libre}	Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
817	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	1.5	>5	>5	0.5	-	-	3.0
818	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	2.3	>5	>5	0.8	-	-	2.9
819	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-{Ácido Libre}	Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	1.5	>5	>5	0.5	-	-	3.0
820	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVFF-	Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg2	0.5	>5	>5	0.5	-	-	1.0

	{Ácido Libre}	8]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre							
821	{H}-GSDCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	3.2	>5	>5	3.2	-	-	1.0
822	{H}-GSDCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	3.7	>5	>5	3.7	-	-	1.0
823	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	3.4	>5	>5	3.4	-	-	1.0
824	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHAWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5,28;Phe6]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
825	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Asp28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
826	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Glu28]GpTx-1(1-34)-	>5	>5	>5	1.8	-	-	-

		Ácido Libre							
827	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHGWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Gly28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
828	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHHWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;His28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
829	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	2.3	-	-	-
830	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHLWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Leu28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
831	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHMWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Met28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.6	-	-	-
832	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHNWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Asn28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	4.6	-	-	-
833	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHPWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Pro28]GpTx-1(1-34)-	>5	>5	>5	>5	-	-	-

		Ácido Libre							
834	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Gln28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	3.9	-	-	-
835	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHSWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Ser28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
836	{H}-DCLGAFRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5,13;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	4.1	>5	>5	1.3	-	-	3.1
837	{H}-DCLGAFRKCIPDDDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Asp13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	2.3	-	-	-
838	{H}-DCLGAFRKCIPDEDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Glu13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.9	-	-	-
839	{H}-DCLGAFRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6,13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.2	-	-	-

840	{H}-DCLGAFRKCIPDGDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Gly13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.5	-	-	-
841	{H}-DCLGAFRKCIPDHDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;His13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
842	{H}-DCLGAFRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Ile13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	3.0	-	-	-
843	{H}-DCLGAFRKCIPDKDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Lys13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	3.6	2.8	>5	0.3	-	-	11.8
844	{H}-DCLGAFRKCIPDLDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Leu13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	4.5	>5	>5	4.5	-	-	1.0
845	{H}-DCLGAFRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-	[Ala5;Phe6;Met1	4.7	>5	>5	0.8	-	-	5.8

	{Ácido Libre}	3;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre							
846	{H}-DCLGAFRKCIPDPDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Pro13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	2.9	>5	>5	2.9	-	-	1.0
847	{H}-DCLGAFRKCIPDQDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Gln13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.7	-	-	-
848	{H}-DCLGAFRKCIPDRDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Arg13,28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	4.5	>5	>5	0.6	-	-	7.1
849	{H}-DCLGAFRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Ser13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.1	-	-	-
850	{H}-DCLGAFRKCIPDTDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Thr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido	>5	>5	>5	1.3	-	-	-

		Libre							
851	{H}-DCLGAFRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Val13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.7	-	-	-
852	{H}-DCLGAFRKCIPDWDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Phe6;Trp13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
853	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
854	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHDWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Asp28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
855	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHEWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-

856	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHLWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6,28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	4.1	>5	>5	4.1	-	-	1.0
857	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHMWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Met28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
858	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHQWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Gln28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
859	{H}-DCLGALRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHSWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Ser28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
860	{H}-DCLGALRKCIPDADKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	4.5	-	-	-
861	{H}-DCLGALRKCIPDDDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Asp13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
862	{H}-DCLGALRKCIPDEDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-	[Ala5;Leu6;Glu1	>5	>5	>5	>5	-	-	-

	{Ácido Libre}	3;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre							
863	{H}-DCLGALRKCIPDFDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Phe13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
864	{H}-DCLGALRKCIPDHDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;His13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	3.9	-	-	-
865	{H}-DCLGALRKCIPDIDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Ile13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
866	{H}-DCLGALRKCIPDKDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Lys13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	2.3	-	-	-
867	{H}-DCLGALRKCIPDLDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-	[Ala5;Leu6,13;A	>5	>5	>5	4.9	-	-	-

	{Ácido Libre}	rg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre							
868	{H}-DCLGALRKCIPDMDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Met13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
869	{H}-DCLGALRKCIPDQDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Gln13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
870	{H}-DCLGALRKCIPDRDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Arg13,28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	1.4	-	-	-
871	{H}-DCLGALRKCIPDSDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Ser13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	>5	>5	>5	>5	-	-	-
872	{H}-DCLGALRKCIPDVDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Val13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido	>5	>5	>5	>5	-	-	-

		Libre							
873	{H}-DCLGALRKCIPDYDKCCRPNLVCSRTHRWCKYVF-{Ácido Libre}	[Ala5;Leu6;Tyr13;Arg28]GpTx-1(1-34)-Ácido Libre	4.8	>5	>5	>5	-	-	-

Tabla 30. Electrofisiología por PatchXpress®

SEQ ID NO:	Designación	Nav1.3 Use IC50 (μM)	Nav1.4 Use IC50 (μM)	Nav1.5 Use IC50 (μM)	Nav1.7 Use IC50 (μM)	Nav1.4/ Nav1.3 Use	Nav1.5/ Nav1.3 Use	Nav1.4/ Nav1.7 Use	Nav1.5/ Nav1.7 Use	Nav1.3/ Nav1.7 Use
1	GpTx-1(1-34)	0.010	0.241	>10	0.005	24	>1000	48	>2000	2.0
528	Huwentoxin-IV	0.022	4.5	25.3	0.032	205	1150	141	791	0.7
529	Huwentoxin-I	0.905	24.89	>30	0.717	28	33	35	42	1.3
530	KIIIA	0.574	0.021		0.144	0	0	0	0	4.0
531	ProTxII	0.015	0.032	0.104	0.002	2	7	13	43	6.3

72	[Arg28]GpTx-1(1-34)	0.012	0.866	8.730	0.007	72	728	124	1247	1.7
22	[Ala5]GpTx-1(1-34)	0.129	4.460	>10	0.018	35	>78	248	>556	7.2
80	[1-Nal34]GpTx-1(1-34)	0.007	0.179	1.860	0.004	26	266	45	465	1.8
70	[Arg26]GpTx-1(1-34)	0.010	0.109	0.573	0.005	11	57	22	115	2.0
87	GpTx-1(1-34)-Trp	0.015	0.640	2.660	0.009	43	177	71	296	1.7
95	[Gln33]GpTx-1(1-34)	0.010	0.286	8.250	0.006	29	825	48	1375	1.7
77	[1-Nal1]GpTx-1(1-34)	0.066	0.439	7.6	0.023	7	115	19	330	2.9
78	[1-Nal10]GpTx-1(1-34)	0.039	0.402	12.91	0.005	10	331	80	2581	7.8
89	[Phe6]GpTx-1(1-34)	0.016	0.141	3.159	0.015	9	197	9	211	1.1
94	[Lys26;Thr27]GpTx-1(1-34)	0.016	0.462	1.393	0.004	29	87	116	348	4.0
121	[Leu26]GpTx-1(1-34)	0.023	0.508	5.008	0.003	22	218	169	1669	7.7
123	[Nle6]GpTx-1(1-34)	0.009	0.066	1.149	0.008	7	124	8	137	1.1
161	[1-Nal6]GpTx-1(1-34)	0.004	0.115	0.358	0.003	28	87	41	128	1.5
167	[1-Nal32]GpTx-1(1-34)	0.012	0.061	0.988	0.004	5	82	15	247	3.0
170	[Trp6]GpTx-1(1-34)	ND	0.234	3.674	0.022	--	--	10	164	0.0

177	[Trp22]GpTx-1(1-34)	ND	0.689	4.779	0.039	--	--	18	122	0.0
180	[Trp33]GpTx-1(1-34)	ND	0.096	2.350	0.018	--	--	6	134	0.0
33	[Glu33]GpTx-1(1-34)	0.052	2.753	>10	0.027	53	192	102	370	1.9
148	[Glu18]GpTx-1(1-34)	0.098	1.635	>10	0.018	17	>102	91	>556	5.4
242	[Bip5]GpTx-1(1-34)	0.003	0.103	2.077	0.062	34	692	2	34	0.05
243	[Cha5]GpTx-1(1-34)	0.007	0.126	3.389	0.003	18	484	42	1130	2.3
244	[Leu6]GpTx-1(1-34)	0.018	0.365	>10	0.026	20	556	14	385	0.7
245	[Cha6]GpTx-1(1-34)	0.002	0.092	2.678	0.003	46	1339	31	893	0.7
246	[1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	0.018	0.154	6.849	0.006	9	381	26	1142	3.0
152	[Glu26]GpTx-1(1-34)	0.216	6.41	>10	0.052	30	46	123	192	4.2
174	[Trp18]GpTx-1(1-34)	0.042	1.46	>10	0.024	35	>238	61	>417	1.8
247	[pI-Phe5]GpTx-1(1-34)	0.090	1.1	>10	0.247	12	111	4	40	0.36
248	[Ile33]GpTx-1(1-34)	0.102	1.94	>10	0.037	19	98	52	270	2.8
249	[pI-Phe33]GpTx-1(1-34)	0.035	0.388	10.4	0.026	11	297	15	400	1.3
250	[1'NMeW33]GpTx-1(1-34)	0.037	0.396	9.54	0.054	11	258	7	177	0.7
251	[Arg28;1-	0.006	0.193	1.06	0.005	32	177	39	212	1.2

	Nal32]GpTx-1(1-34)									
108	GpTx-1(2-34)	0.015	0.251	4.944	0.007	17	334	36	706	2.1
132	Ac-GpTx-1(1-34)	0.084	2.12	>10	0.013	25	>119	163	>769	6.5

252	[Ala5;Trp33]GpTx-1(1-34)	0.569	5.54	>10	0.034	10	>18	163	>294	16.7
253	[Ala5;Trp32]GpTx-1(1-34)	2.98	>10	>10	0.103	3	>3	97	>97	28.9
254	[Ala5;1-Nal32]GpTx-1(1-34)	0.122	2.8	>10	0.028	23	>82	100	>357	4.4
255	[Ala5;Leu26]GpTx-1(1-34)	0.47	>10	>10	0.049	21	>21	204	>204	9.6
256	[Ala5;1-Nal6]GpTx-1(1-34)	0.008	0.469	3.81	0.002	59	476	235	1905	4.0
257	[Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)	0.022	0.824	>10	0.012	37	>455	69	>833	1.8
22	[Ala5]GpTx-1(1-34)	0.158	11.14	>10	0.014	70	>63	795	>714	11.3
258	[Ala5;1-Nal33]GpTx-1(1-34)	0.201	2.95	>10	0.048	15	>50	61	>208	4.2
259	[Ala5;1-	0.482	>10	>10	0.097	21	>21	103	>103	5.0

	Nal10]GpTx-1(1-34)									
260	[Ala5;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.44	>10	>10	0.077	23	>23	130	>130	5.7
261	[Ala5;Trp6]GpTx-1(1-34)	0.081	6.11	>10	0.057	75	>123	107	>175	1.4
262	[Ala5;Phe6;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	0.008	1.895	>10	0.002	237	>1250	948	>5000	4.0
263	[Ala5;Phe6;Leu26]GpTx-1(1-34)	0.011	1.196	>10	0.004	109	>909	299	>2500	2.8
515	[Phe6; Atz(amino-PEG10)13]GpTx-1(1-34)	0.006	0.127	5.998	0.022	21	1000	6	273	0.3
590	[Phe6;Atz(20kDaPEG)13]GpTx-1(1-34)	0.232	7.98	>10	0.184	34	>43	43	>54	1.3
--	[Phe6,Atz(2 kDa EtO-PEG*-{[Phe6,Atz13*]GpTx-1(1-34)})13]GpTx-1(1-34); * = Et	0.008	0.254	1.43	0.013	32	179	20	110	0.6

	(Conjugado Homodimérico 1)									
--	[Phe6,Atz(EtO-PEG4*-{[Phe6,Atz13*]GpTx-1(1-34)})13]GpTx-1(1-34); * = Et (Conjugado Homodimérico 2)	0.046	0.299	0.863	0.019	7	19	16	45	2.4

19	[Glu3]GpTx-1(1-34)	-	3.81	>10	0.041	-	-	93	>244	-
21	[Ala3]GpTx-1(1-34)	-	0.569	>10	0.012	-	-	47	>833	-
63	[Arg4]GpTx-1(1-34)	-	0.165	5	0.003	-	-	55	1667	-
39	[Lys4]GpTx-1(1-34)	-	0.327	10.6	0.006	-	-	55	1767	-
265	[Gly5]GpTx-1(1-34)	-	12.8	>10	0.009	-	-	1422	>1111	-

88	[Ile5]GpTx-1(1-34)	-	2.12	>10	0.002	-	-	1060	>5000	-
268	[Met5]GpTx-1(1-34)	-	0.978	>10	0.002	-	-	489	>5000	-
272	[Val5]GpTx-1(1-34)	-	4.41	>10	0.018	-	-	245	>556	-
267	[Leu5]GpTx-1(1-34)	-	0.778	>10	0.007	-	-	111	>1429	-
649	[2-Abu5]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.083	-	-	>120	>120	-
650	[Nva5]GpTx-1(1-34)	-	4.26	>10	0.038	-	-	112	>263	-
657	[NMePhe5]GpTx-1(1-34)	-	0.727	>10	0.018	-	-	40	>556	-
678	[Tle5]GpTx-1(1-34)	-	4.819	>10	0.023	-	-	210	>435	-
683	[Cpg5]GpTx-1(1-34)	-	1.87	>10	0.005	-	-	374	>2000	-
684	[Chg5]GpTx-1(1-34)	-	1.749	>10	0.007	-	-	250	>1429	-
688	[NMeLeu5]GpTx-1(1-34)	-	8.47	>10	0.026	-	-	326	>385	-

286	[Tyr6]GpTx-1(1-34)	-	3.79	10	0.069	-	-	55	145	-
283	[Pro6]GpTx-1(1-34)	-	4.11	10	0.042	-	-	98	238	-
294	[2PAL6]GpTx-1(1-34)	-	2.94	10	0.042	-	-	70	238	-
296	[SDMA7]GpTx-1(1-34)	-	0.606	14	0.006	-	-	101	2333	-
145	[Glu7]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.098	-	-	>102	>102	-
295	[K(Me2)7]GpTx-1(1-34)	-	2.21	>10	0.02	-	-	111	>500	-
298	[K(Me2)8]GpTx-1(1-34)	-	0.884	>10	0.004	-	-	221	>2500	-
297	[SDMA8]GpTx-1(1-34)	-	0.57	>10	0.005	-	-	114	>2000	-
118	[Thr8]GpTx-1(1-34)	-	0.888	>10	0.009	-	-	99	>1111	-
119	[Asp10]GpTx-1(1-34)	-	2.45	>10	0.003	-	-	817	>3333	-
146	[Glu10]GpTx-1(1-34)	-	1.3	>10	0.002	-	-	650	>5000	-

90	[Asn10]GpTx-1(1-34)	-	0.749	>10	0.002	-	-	375	>5000	-
147	[Glu11]GpTx-1(1-34)	-	1.67	>10	0.002	-	-	835	>5000	-
163	[1-Nal13]GpTx-1(1-34)	-	0.291	7.33	0.002	-	-	146	3665	-
28	[Glu15]GpTx-1(1-34)	-	2.72	10	0.02	-	-	136	500	-
125	[2-Abu2,17]GpTx-1(1-34)	-	0.947	10	0.021	-	-	45	476	-
316	[2PAL18]GpTx-1(1-34)	-	1.57	13.7	0.003	-	-	523	4567	-
116	[Cit18]GpTx-1(1-34)	-	0.833	10	0.002	-	-	417	5000	-
49	[Lys18]GpTx-1(1-34)	-	0.58	16.4	0.002	-	-	290	8200	-
314	[K(Me2)18]GpTx-1(1-34)	-	0.774	10	0.005	-	-	155	2000	-
315	[SDMA18]GpTx-1(1-34)	-	0.593	10	0.006	-	-	99	1667	-

50	[Lys19]GpTx-1(1-34)	-	0.22	9.1	0.003	-	-	73	3033	-
331	[Tyr22]GpTx-1(1-34)	-	2.03	>10	0.018	-	-	113	>556	-
8	[Ala22]GpTx-1(1-34)	-	0.429	6.2	0.006	-	-	72	1033	-
334	[2PAL22]GpTx-1(1-34)	-	1.86	16	0.007	-	-	266	2286	-
117	[Cit25]GpTx-1(1-34)	-	1.86	>10	0.004	-	-	465	>2500	-
335	[K(Me2)25]GpTx-1(1-34)	-	0.764	13.3	0.008	-	-	96	1663	-
9	[Ala25]GpTx-1(1-34)	-	2.24	10	0.012	-	-	187	833	-
151	[Glu25]GpTx-1(1-34)	-	5.53	>10	0.028	-	-	198	>357	-
337	[His26]GpTx-1(1-34)	-	0.246	4.95	0.003	-	-	82	1650	-
350	[4CO2-F26]GpTx-1(1-34)	-	6.18	>10	0.065	-	-	95	>154	-

153	[Glu28]GpTx-1(1-34)	-	10.7	>10	0.026	-	-	412	>385	-
750	[Asp28]GpTx-1(1-34)	-	12.9	>10	0.015	-	-	860	>667	-
763	[Gln28]GpTx-1(1-34)	-	4.61	>10	0.004	-	-	1153	>2500	-
355	[K(Me2)28]GpTx-1(1-34)	-	1.43	8.74	0.011	-	-	130	795	-
79	[1-Nal29]GpTx-1(1-34)	-	5.92	>10	0.033	-	-	179	>303	-
129	[2-Nal29]GpTx-1(1-34)	-	7.37	>10	0.066	-	-	112	>152	-
384	[2PAL32]GpTx-1(1-34)	-	4.96	>10	0.035	-	-	142	>286	-
403	[4CO2-F33]GpTx-1(1-34)	-	0.742	>10	0.003	-	-	247	>3333	-
402	[2PAL33]GpTx-1(1-34)	-	0.277	3.46	0.01	-	-	28	346	-
696	[Ala5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	11.246	>10	0.03	-	-	375	>333	-

721	[Ala5;Nle6]GpTx-1(1-34)	-	2.828	>10	0.01	-	-	283	>1000	-
699	[Ala5;1'NMeW6]GpTx-1(1-34)	-	4.5	>10	0.051	-	-	88	>196	-
437	[Ala5;Glu29]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	>10	-	-	>1	>1	-
613	[3Pal5;Phe6]GpTx-1(1-34)	-	12.3	>10	0.063	-	-	195	>159	-
636	[2-Abu5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	3.211	>10	0.022	-	-	146	>455	-
635	[Aib5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	6.89	>10	0.02	-	-	345	>500	-
661	[Leu5,6]GpTx-1(1-34)	-	4.387	>10	0.011	-	-	399	>909	-
641	[Met5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	3.591	>10	0.27	-	-	13	>37	-
673	[NMeLeu5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	1.893	>10	0.012	-	-	158	>833	-
674	[NMePhe5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	1.232	11.26	0.012	-	-	103	938	-

672	[NMeVal5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	5.495	>10	0.05	-	-	110	>200	-
705	[Nva5;Glu28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.056	-	-	>179	>179	-
637	[Nva5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	9.928	>10	0.083	-	-	120	>120	-
632	[Sar5;Phe6]GpTx-1(1-34)	-	2.4	>10	0.025	-	-	96	>400	-
617	[Ser5;Phe6]GpTx-1(1-34)	-	3.63	>10	0.024	-	-	151	>417	-
659	[Tle5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	5.862	>10	0.017	-	-	345	>588	-
644	[Val5;Leu6]GpTx-1(1-34)	-	6.666	>10	0.2	-	-	33	>50	-
692	[Ala5;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	-	2.81	>10	0.018	-	-	156	>556	-
694	[Arg4;Met5]GpTx-1(1-34)	-	1.127	13.222	0.029	-	-	39	456	-
620	[DiMeO-F5;Phe6]GpTx-1(1-34)	-	5.09	>10	0.033	-	-	154	>303	-

693	[Met5;1'NMeW32]GpTx-1(1-34)	-	1.43	14.799	0.007	-	-	204	2114	-
723	[Ala5;Leu6;Glu10]GpTx-1(1-34)	-	16.757	>10	0.03	-	-	559	>333	-
708	[Nva5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.042	-	-	>238	>238	-
703	[Ala5;Phe6;Glu12]GpTx-1(1-34)	-	1.529	>10	0.028	-	-	55	>357	-
725	[Ala5;Nle6;Glu12]GpTx-1(1-34)	-	6.452	>10	0.023	-	-	281	>435	-
732	[Ala5,25;Phe6]GpTx-1(1-34)	-	7.788	>10	0.086	-	-	91	>116	-
809	[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	3.29	>10	0.012	-	-	274	>833	-
810	[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	6.89	>10	0.009	-	-	766	>1111	-
515	[Phe6; Atz(amino-PEG10)13]GpTx-1(1-34)	-	0.14	N.D.	0.003	-	-	47	-	-
516	[Phe6;Atz(amino-PEG10)22]GpTx-1(1-	-	0.422	N.D.	0.003	-	-	141	-	-

	34)									
517	[Phe6;Atz(amino-PEG10)33]GpTx-1(1-34)	-	0.353	N.D.	0.027	-	-	13	-	-
526	[Phe6;Atz(amino-PEG10)15]GpTx-1(1-34)	-	0.179	N.D.	0.006	-	-	30	-	-
593	[Phe6,Atz(20kDa PEG)28]GpTx-1(1-34)	-	10	>10	0.733	-	-	14	>14	-
594	[Phe6,Atz(20kDa PEG)22]GpTx-1(1-34)	-	10	>10	0.728	-	-	14	>14	-
518	[Atz(amino-PEG10)1;Ala5;Phe6]GpTx-1(1-34)	-		N.D.	0.264	-	-	0	-	-
519	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)12]GpTx-1(1-34)	-	0.463	N.D.	0.039	-	-	12	-	-

520	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)13]GpTx-1(1-34)	-		N.D.	0.093	-	-	0	-	-
521	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)33]GpTx-1(1-34)	-		N.D.	0.296	-	-	0	-	-
522	[Phe6;Atz(amino-PEG10)33;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	-	0.097	N.D.	0.003	-	-	32	-	-
523	[Phe6;Leu26;Atz(amino-PEG10)33]GpTx-1(1-34)	-	0.209	N.D.	0.02	-	-	10	-	-
524	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)15]GpTx-1(1-34)	-	0.85	N.D.	0.02	-	-	43	-	-
525	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)22]GpTx-1(1-34)	-		N.D.	0.119	-	-	0	-	-
527	[Phe6;Atz(amino-PEG10)12;1-Nal34]GpTx-1(1-34)	-	0.108	N.D.	0.014	-	-	8	-	-

100	Ala-GpTx-1(1-34)	-	0.655	10	0.012	-	-	55	833	-
811	Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	1.73	>10	0.011	-	-	157	>909	-
812	Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	9.77	>10	0.012	-	-	814	>833	-
814	[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Trp-Ácido Libre	-	>10	>10	0.05	-	-	>200	>200	-
817	Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	-	7	>10	0.116	-	-	60	>86	-
819	Gly-Ser-[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-Ácido Libre	-	>7	>10	0.047	-	-	>149	>213	-
820	Gly-Ser-[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)-Phe-	-	>10	>10	0.056	-	-	>179	>179	-

	Ácido Libre									
414	GpTx-1(1-34)-2PAL	-	1.01	>10	0.027	-	-	37	>370	-
435	[Ala5;Glu28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.614	-	-	>16	>16	-
761	[Ala5;Guf28]GpTx-1(1-34)	-	5.08	>10	0.005	-	-	1016	>2000	-
762	[Ala5;Dab28]GpTx-1(1-34)	-	13.7	>10		-	-	1054	>769	-
744	[Ala5;hArg28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.014	-	-	>714	>714	-
749	[Ala5;HCit28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.025	-	-	>400	>400	-
737	[Ala5;His28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.026	-	-	>385	>385	-
748	[Ala5;Cit28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.03	-	-	>333	>333	-
739	[Ala5;Gln28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.037	-	-	>270	>270	-

743	[Ala5;SDMA28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.041	-	-	>244	>244	-
738	[Ala5;Ser28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.045	-	-	>222	>222	-
745	[Ala5;R(Me)28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.051	-	-	>196	>196	-
746	[Ala5;Orn28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.059	-	-	>169	>169	-
753	[2-Abu5;Nle6]GpTx-1(1-34)	-	0.94	>10	0.001	-	-	940	>10000	-
700	[Ala5;Asp10]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.05	-	-	>200	>200	-
704	[Val5;Glu28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.029	-	-	>345	>345	-
709	[Val5;Leu6;Glu28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.086	-	-	>116	>116	-
701	[Ala5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.554	-	-	>18	>18	-
710	[Val5;Asp10]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.174	-	-	>57	>57	-

711	[Val5;Glu12]GpTx-1(1-34)	-	11.96	>10	0.074	-	-	162	>135	-
712	[Val5;Asp10;Glu12]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.116	-	-	>86	>86	-
713	[Val5;Cit25]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.028	-	-	>357	>357	-
702	[Ala5;Phe6;Asp10]GpTx-1(1-34)	-	6.08	>10	0.04	-	-	152	>250	-
722	[Ala5;Nle6;Glu10]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.096	-	-	>104	>104	-
724	[Ala5;Phe6;Glu10]GpTx-1(1-34)	-	11.07	>10	0.079	-	-	140	>127	-
726	[Ala5;Leu6;Glu12]GpTx-1(1-34)	-	12.3	>10	0.021	-	-	586	>476	-
727	[Ala5;Nle6;Glu28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.08	-	-	>125	>125	-
--	[Ala5,Phe6,Atz(2 kDa EtO-PEG*-{[Ala5,Phe6,Atz13*,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-	-	2.2	19.2	0.091	-	-	24	211	-

	34)})13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34); * = Et (Conjugado Homodimérico 3)									
1029	Biotina[cadena larga]-[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	27.3	>10	0.011	-	-	2482	>909	-
1030	[Ala5;Phe6;Glu10;K(Biotina)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	7.13	>10	0.015	-	-	475	>667	-
--	Biotina-Ahx-[Ala5,Phe6,Atz(2 kDa EtO-PEG*-{Biotina}-Ahx-[Ala5,Phe6,Atz13*,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)})13,Leu26,Arg2	-	3.43	>10	0.091	-	-	38	>110	-

	8]GpTx-1(1-34); * = Et (Conjugado Homodimérico 4)									
1032	DOTA-[Ala5]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.152	-	-	>66	>66	-
1033	[Ala5;Phe6;K(DOTA)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	13.1	>10	0.0275	-	-	476	>364	-
30	[Glu29]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	>10	-	-	-	-	-
22	[Ala5]GpTx-1(1-34)	-	10.426	>10	0.034	-	-	307	>294	-
22	[Ala5]GpTx-1(1-34)	-	10.392	>10	0.03	-	-	346	>333	-
153	[Glu28]GpTx-1	-	18.1	>10	0.0501	-	-	361	>200	-
809	[Ala5;Phe6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	3.29	>10	0.012	-	-	274	>833	-

810	[Ala5;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	6.89	>10	0.009	-	-	766	>1111	-
1034	[Ala5,Phe6,2-Abu13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	-	7.26	>10	0.0047	-	-	1545	>2128	-
1035	[Ala5,Phe6,Glu10,2-Abu13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	-	16.6	>10	0.0035	-	-	4743	>2857	-
1036	[Ala5,Leu6,2-Abu13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	-	18	>10	0.0087	-	-	2069	>1149	-
640	[Ala5,Phe6,**Pra**13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	-	4.029	>10	0.003	-	-	1343	>3333	-
798	[Ala5;Phe6;Glu10;**Pra**13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	10.4	15.3	0.012	-	-	867	1275	-
796	[Ala5;Leu6,26;**Pra**13;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	10.6	>10	0.009	-	-	1178	>1111	-

800	[Ala5;Leu6,26;Glu10;**Pra**13;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.013	-	-	>769	>769	-
799	[2-Abu5;Leu6;K(Ac-Pra)13]GpTx-1(1-34)	-	4.66	>10	0.011	-	-	424	>909	-
801	[2-Abu5;Leu6;K(4-Pen)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	5.71	>10	0.002	-	-	2855	>5000	-
807	4-Pen-[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	7.55	>10	0.003	-	-	2517	>3333	-
756	4-Pen-[Ala5;Phe6;2-Abu13;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	3.34	>10	0.004	-	-	835	>2500	-
794	[Ala5;Phe6;**K(Ac-Pra)**13]GpTx-1(1-34)	-	1.46	>10	0.011	-	-	133	>909	-
1037	[Ala5,Phe6,Atz(PEG11-((2-	-	5.07	>10	0.035	-	-	145	>286	-

	hidroxietil)tio)acetamida)13,Leu26,Arg28]GpTx-1									
1038	[Ala5,Phe6,Atz(**PEG3**-(2-hidroxietil)tioacetamida)13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)	-	1.8	>10	0.003	-	-	600	>3333	-
1039	[Ala5;Phe6;**Glu10**;Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.021	-	-	>476	>476	-
1040	[Ala5;Phe6;**Glu10**;Atz(**PEG3**-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Leu26;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	5.95	>10	0.013	-	-	458	>769	-
1041	((2-Hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-	-	>10	>10	0.087	-	-	>115	>115	-

	triazol-[2-Abu5,13;Leu6;Arg28]GpTx-1(1-34)									
1042	[2-Abu5,Leu6,K(etil-triazol-PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13,Arg28]GpTx-1(1-34)	-	9.88	>10	0.018	-	-	549	>556	-
1043	[Ala5;**Leu6**,26;Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.021	-	-	>476	>476	-
1044	[Ala5;**Leu6**,26;**Glu10**;Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)13;Arg28]GpTx-1(1-34)	-	>10	>10	0.054	-	-	>185	>185	-

1045	((2-hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-triazol-[Ala5,Phe6,2-Abu13,Arg28]GpTx-1(1-34)	-	9.65	>10	0.074	-	-	130	>135	-
--	Fc-conjugado péptido 1	-	2.88	>10	0.002	-	-	1440	>5000	-
--	Fc-conjugado péptido 2	-	13.7	>10	0.08	-	-	171	>125	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 1	-	>10	>10	0.565	-	-	>18	>18	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 2	-	6.73	>10	0.026	-	-	259	>385	-
--	Fc-conjugado péptido 1	-	>10	>10	0.694	-	-	14	>14	-
--	Fc-conjugado péptido 2	-	15.2	>10	0.169	-	-	90	>59	-

--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 1	-	>10	>10	0.716	-	-	>14	>14	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 2	-	7.51	>10	0.079	-	-	95	>127	-
--	Fc-conjugado péptido 3	-	>10	>10	1.45	-	-	>7	>7	-
--	Fc-conjugado péptido 4	-	>10	>10	0.474	-	-	>21	>21	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 3	-	>10	>10	0.077	-	-	>130	>130	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 4	-	>10	>10	0.126	-	-	>79	>79	-
--	Fc-conjugado péptido 5	-	>10	>10	1.46	-	-	>7	>7	-
--	Fc-conjugado péptido 6	-	>10	>10	0.264	-	-	>38	>38	-

--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 5	-	>10	>10	0.927	-	-	>11	>11	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 6	-	>10	>10	0.271	-	-	>37	>37	-
--	Fc-conjugado péptido 7	-	N.D.	N.D.	1.034	-	-	-	-	-
--	Fc-conjugado péptido 8	-	>10	>10	0.473	-	-	>21	>21	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 7	-	7.87	>10	0.456	-	-	17	>22	-
--	Inmunoglobulina-conjugado péptido 8	-	0.607	9.24	0.148	-	-	4	62	-

Tabla 31. Electrofisiología por IonWorks® Quattro: comparación de conjugados PEG de análogo péptido GpTx-1.

SEQ ID NO:	Secuencia de Aminoácido	Designación	IwQ Usa Nav1.7 (μM)	IwQ Usa Nav1.5 (μM)	IwQ Usa Nav1.4 (μM)	IwQ Usa Nav1.3 (μM)	Nav1.4/ Nav1.7	Nav1.4/ Nav1.3	Nav1.7/ Nav1.3
532	{H}-[Atz(amino-PEG10)]DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Atz(amino-PEG10)-[Phe6]GpTx1(1-34)	0.084	4.95	0.95	0.034	11.3	27.7	2.4
533	{H}-[Atz(amino-PEG10)]CLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)1;Phe6]GpT	0.041	6.91	0.25	0.019	6.1	12.9	2.1
534	{H}-DCLG[Atz(amino-PEG10)]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)5;Phe6]GpTx1(1-34)	16.257	14.9	8.9	16.793	0.5	0.5	1.0
535	{H}-DCLGF[Atz(amino-PEG10)]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)6]GpTx1(1-34)	5.4	6.15	20.26	6.7	3.7	3.0	0.8
536	{H}-DCLGFFRKC[Atz(amino-PEG10)]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)10]GpTx1(1-34)	0.039	7.95	0.32	0.013	8.3	24.6	3.0
537	{H}-DCLGFFRKCI[Atz(amino-PEG10)]DNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)11]GpTx1(1-34)	0.136	8.02	1.10	0.056	8.1	19.6	2.4
538	{H}-DCLGFFRKCIP[Atz(amino-PEG10)]NDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)12]GpTx1(1-34)	0.050	6.31	0.16	0.016	3.2	9.8	3.1
515	{H}-DCLGFFRKCIPD[Atz(amino-PEG10)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)13]GpTx1(1-34)	0.025	4.710	0.400	0.010	16.2	39.5	2.4
526	{H}-DCLGFFRKCIPDND[Atz(amino-	[Phe6;Atz(amino-	0.046	>5	1.177	0.024	25.8	50.1	1.9

	PEG10)]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	PEG10)15]GpTx1(1-34)							
539	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRP[Atz(amino-PEG10)]LVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)20]GpTx1(1-34)	0.538	8.9	5.6	0.250	10.4	22.4	2.1
540	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPN[Atz(amino-PEG10)]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)21]GpTx1(1-34)	0.763	11.4	12.0	0.587	15.8	20.5	1.3
516	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNL[Atz(amino-PEG10)]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)22]GpTx1(1-34)	0.111	7.9	1.1	0.059	10.1	19.1	1.9
541	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVC[Atz(amino-PEG10)]RTHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)24]GpTx1(1-34)	1.738	6.2	8.9	0.701	5.1	12.7	2.5
542	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Atz(amino-PEG10)]THKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)25]GpTx1(1-34)	0.304	10.2	4.0	0.206	13.1	19.3	1.5
543	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSR[Atz(amino-PEG10)]HKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)26]GpTx1(1-34)	0.631	8.0	9.4	0.478	14.9	19.6	1.3
544	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[Atz(amino-PEG10)]KWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)27]GpTx1(	2.6	>5	>5	3.7	#####	########	0.7
545	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Atz(amino-PEG10)]WCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)28]GpTx1(1-34)	0.049	5.9	22.3	0.036	453.4	625.5	1.4
546	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[Atz(amino-PEG10)]CKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)29]GpTx1(1-34)	0.31	>5	>5	1.1	#####	########	0.3
547	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Atz(amino-PEG10)]VF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)32]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####
517	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[Atz(amino-	[Phe6;Atz(amino-PEG10)33]GpTx1(1-34)	0.10	>5	1.1	0.032	10.3	33.5	3.3

	PEG10)]F-{Amida}								
548	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[Atz(amino-PEG10)]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)34]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	1.6	#####	########	3.2
549	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[Atz(amino-PEG10)]-{Amida}	[Phe6]GpTx1(1-34)-Atz(amino-PEG10)	0.36	>5	>5	0.12	#####	########	3.0
550	{H}-[Atz(amino-PEG10)]DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	Atz(amino-PEG10)-[Phe6;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.029	6.80	0.15	0.004			
551	{H}-[Atz(amino-PEG10)]CLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)1;Phe6;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.039	4.3	0.36	0.014	9.2	24.9	2.7
552	{H}-DCLG[Atz(amino-PEG10)]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)5;Phe6;1-Nal34]GpTx1(1-34)	4.6	>5	>5	2.5	#####	########	1.8
553	{H}-DCLGF[Atz(amino-PEG10)]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)6;1-Nal34]GpTx1(1-34)	4.1	>5	>5	>5	#####	########	#####
554	{H}-DCLGFFRKC[Atz(amino-PEG10)]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)10;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.058	8.61	0.14	0.015			
527	{H}-DCLGFFRKCIP[Atz(amino-PEG10)]NDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)12;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.015	1.6	0.11	0.012	7.1	8.9	1.3

555	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVC[Atz(amino-PEG10)]RTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)24;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.57	>5	>5	0.35	#####	########	1.6
556	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSR[Atz(amino-PEG10)]HKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)26;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.32	>5	>5	0.32	#####	########	1.0
557	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[Atz(amino-PEG10)]KWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)27;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.90	>5	>5	0.82	#####	########	1.1
558	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[Atz(amino-PEG10)]CKYV[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)29;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.093	>5	>5	0.14	#####	########	0.7
559	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Atz(amino-PEG10)]V[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)32;1-Nal34]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	2.2	#####	########	2.3
522	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[Atz(amino-PEG10)][1-Nal]-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)33;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.032	>5	0.39	0.014	12.0	27.3	2.3
560	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal][Atz(amino-PEG10)]-{Amida}	[Phe6;1-Nal34]GpTx1(1-34)-Atz(amino-PEG10)	0.12	>5	2.2	0.037	18.3	58.3	3.2
561	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYV[1-Nal]-{Amida}	[Phe6;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.011	2.2	0.17	0.007	14.7	23.5	1.6
562	{H}-[Atz(amino-PEG10)]DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	Atz(amino-PEG10)-[Ala5;Phe6]GpTx1(1-34)	0.24	>5	2.8	0.14	11.9	20.7	1.7
518	{H}-[Atz(amino-PEG10)]CLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)1;Ala5;Phe6]GpTx1(1-34)	0.36	>5	>5	0.14	#####	########	2.5

563	{H}-DC[Atz(amino-PEG10)]GAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)3;Ala5;Phe6]GpTx1(1-34)	0.20	>5	>5	0.072	#####	########	2.7
564	{H}-DCL[Atz(amino-PEG10)]AFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)4;Ala5;Phe6]GpTx1(1-34)	2.8	>5	>5	1.4	#####	########	2.0
565	{H}-DCLGA[Atz(amino-PEG10)]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Atz(amino-PEG10)6]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####
566	{H}-DCLGAF[Atz(amino-PEG10)]KCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)7]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####
567	{H}-DCLGAFR[Atz(amino-PEG10)]CIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)8]GpTx1(1-34)	2.3	>5	>5	1.4	#####	########	1.6
568	{H}-DCLGAFRKC[Atz(amino-PEG10)]PDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)10]GpTx1(1-34)	0.26	>5	>5	0.076	#####	########	3.5
519	{H}-DCLGAFRKCIP[Atz(amino-PEG10)]NDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)12]GpTx1(1-34)	0.17	>5	1.5	0.088	8.7	16.8	1.9
520	{H}-DCLGAFRKCIPD[Atz(amino-PEG10)]DKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)13]GpTx1(1-34)	0.27	>5	>5	0.11	#####	########	2.5
524	{H}-DCLGAFRKCIPDND[Atz(amino-PEG10)]CCRPNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)15]GpTx1(1-34)	0.21	>5	3.7	0.089	17.5	41.2	2.3
569	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCC[Atz(amino-PEG10)]PNLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)18]GpTx1(1-34)	0.23	>5	>5	0.11	#####	########	2.2
570	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCR[Atz(amino-	[Ala5;Phe6;Atz(amino-	0.64	>5	>5	0.52	#####	########	1.2

	PEG10)]NLVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	PEG10)19]GpTx1(1-34)							
571	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRP[Atz(amino-PEG10)]LVCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)20]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	4.0	#####	########	1.3
572	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPN[Atz(amino-PEG10)]VCSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)21]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	1.8	#####	########	2.8
525	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNL[Atz(amino-PEG10)]CSRTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)22]GpTx1(1-34)	0.66	>5	>5	0.23	#####	########	2.9
573	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVC[Atz(amino-PEG10)]RTHKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)24]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####
574	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCS[Atz(amino-PEG10)]THKWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)25]GpTx1(1-34)	0.90	>5	>5	1.6	#####	########	0.6
575	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRT[Atz(amino-PEG10)]KWCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)27]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####
576	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTH[Atz(amino-PEG10)]WCKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)28]GpTx1(1-34)	1.7	>5	>5	1.7	#####	########	1.0
577	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHK[Atz(amino-PEG10)]CKYVF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)29]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####
578	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCK[Atz(amino-PEG10)]VF-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)32]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####
521	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKY[Atz(amino-PEG10)]F-{Amida}	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)33]GpTx1(1-34)	1.5	>5	>5	0.41	#####	########	3.7
579	{H}-	[Ala5;Phe6]GpTx1(1-34)-	5.0	>5	>5	>5	#####	########	#####

	DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVF[Atz(amino-PEG10)]-{Amida}	Atz(amino-PEG10)							
580	{H}-DCLGAFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRTHKWCKYVFW[Atz(amino-PEG10)]-{Amida}	[Ala5;Phe6]GpTx1(1-34)-Trp-Atz(amino-PEG10)	1.2	>5	>5	0.77	#####	########	1.6
581	{H}-[Atz(amino-PEG10)]CLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)1;Phe6;Leu26]GpTx1(1-34)	0.025	6.22	0.29	0.018			
582	{H}-DCLG[Atz(amino-PEG10)]FRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)5;Phe6;Leu26]GpTx1(1-34)	7.9	8.08	17.21	4.0			
583	{H}-DCLGF[Atz(amino-PEG10)]RKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Atz(amino-PEG10)6;Leu26]GpTx1(1-34)	7.4	8.36	20.91	5.8			
523	{H}-DCLGFFRKC[Atz(amino-PEG10)]PDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF-{Amida}	[Phe6;Atz(amino-PEG10)10;Leu26]GpTx1(1-34)	0.027	7.19	0.50	0.014			
584	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHK[Atz(amino-PEG10)]CKYVF-{Amida}	[Phe6;Leu26;Atz(amino-PEG10)29]GpTx1(1-34)	0.76	>5	>5	1.6	#####	########	0.5
585	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCK[Atz(amino-PEG10)]VF-{Amida}	[Phe6;Leu26;Atz(amino-PEG10)32]GpTx1(1-34)	5.0	>5	>5	>5	######	##### ###	######
586	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKY[Atz(amin	[Phe6;Leu26;Atz(amino-PEG10)33]GpTx1(1-34)	0.055	>5	1.8	0.026	33.1	69.6	2.1

	o-PEG10)]F-{Amida}								
587	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYV[Atz(amino-PEG10)]-{Amida}	[Phe6;Leu26;Atz(amino-PEG10)34]GpTx1(1-34)	1.4	>5	>5	1.1	#####	#### ###	1.2
588	{H}-DCLGFFRKCIPDNDKCCRPNLVCSRLHKWCKYVF[Atz(amino-PEG10)]-{Amida}	[Phe6;Leu26]GpTx1(1-34)-Atz(amino-PEG10)	0.43	>5	>5	0.13	#####	#### ###	3.3

Tabla 32. Nav1.7 Usa IC50 de análogos péptidos GpTx-1 conjugados por PatchXpress®.

SEQ ID NO:	Designación	Nav1.7 Usa IC50 (μM)
1	GpTx-1(1-34)	0.005
515	[Phe6;Atz(amino-PEG10)13]GpTx1(1-34)	0.022
515	[Phe6;Atz(amino-PEG10)13]GpTx1(1-34)	0.003
516	[Phe6;Atz(amino-PEG10)22]GpTx1(1-34)	0.003
517	[Phe6;Atz(amino-PEG10)33]GpTx1(1-34)	0.027
518	[Atz(amino-PEG10)1;Ala5;Phe6]GpTx1(1-34)	0.264
519	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)12]GpTx1(1-34)	0.039
520	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)13]GpTx1(1-34)	0.093
521	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)33]GpTx1(1-34)	0.296
522	[Phe6;Atz(amino-PEG10)33;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.003
523	[Phe6;Leu26;Atz(amino-PEG10)33]GpTx1(1-34)	0.020
524	[Ala5;Phe6;Atz(amino-PEG10)15]GpTx1(1-34)	0.020
525	[Ala5;Phe6;Atz(amino-	0.119

	PEG10)22]GpTx1(1-34)	
526	[Phe6;Atz(amino-PEG10)15]GpTx1(1-34)	0.006
527	[Phe6;Atz(amino-PEG10)12;1-Nal34]GpTx1(1-34)	0.014

Ejemplo 4: Estudios de estabilidad de plasma

La estabilidad del péptido GpTx-1 y los análogos de péptido GpTx-1 se estudiaron en plasma de humano, rata y ratón. Las soluciones madre de péptidos se hicieron del péptido GpTx-1 y GpTx-1 y los estándares de referencia de análogos de péptido 50/50 (v/v) de metanol/agua y se almacenaron a -20ºC. Se usó 1 mg/mL de soluciones madre de péptidos para preparar 20 µg/mL de soluciones de trabajo de péptido en agua de grado HPLC. Las soluciones de trabajo de péptidos se almacenaron en un refrigerador de 2 a 8ºC antes del uso.

Se prepararon muestras de estabilidad al adicionar 225 µl de plasma en los frasquitos que contienen 25 µl de 20 µg/mL de soluciones de trabajo de péptido y se incubaron a 37ºC. La concentración inicial fue de 2 µg/mL para cada péptido en plasma humano, de rata, o de ratón. 25 µl de muestras de plasma en cinco puntos de tiempo (0, 2, 4, 8 y 24 horas) se distribuyeron en alícuotas en el pocillo apropiado de una placa de 96 pocillos, seguido por la adicción de 25 µl de solución estándar interna (100 ng/ml, análogo de péptido NAV hecho en 50/50 de metanol/agua) y 100 µL de ácido fórmico al 0.1% y las muestras se mezclaron por movimiento vorticial.

Se usó una placa de extracción de fase sólida de 96 pocillos Oasis de HLB µElution para extraer el GpTx-1 o péptidos del análogos de péptido GpTx de las muestras de plasma pre-tratadas y los extractos se inyectaron (10 µL) en el sistema LC-MS/MS para análisis.

El LC-MS/MS consistió de un sistema Acquity UPLC (Waters, Milford, MA) acoplado a un espectrómetro de masas 5500 QTRAP (AB Sciex, Toronto, Canadá) con una fuente de ionización Turbo IonSpray marca registrada. La columna analítica fue una columna Acquity UPLC BEH C_{18} de 2.1 mm × 50 mm. Las fases móviles fueron de 0.1% de ácido fórmico y acetonitrilo/agua (5/95, v/v, fase móvil A) y 0.1% de ácido fórmico en acetonitrilo/agua (95/5, v/v, fase móvil B). Los datos se recolectaron y procesaron usando software AB Sciex Analyst marca registrada (versión 1.5).

La estabilidad del plasma de los péptidos sometidos a prueba se derivó de las relaciones de área pico que corresponden a los péptidos y estándar interno obtenidos del análisis LC-MS/MS, todos los datos se normalizaron al valor en punto de tiempo de 0-hr. Los resultados se muestran en la Tabla 33, Tabla 34 y Tabla 35, posteriormente. El GpTx-1 y análogos de péptidos de GpTx-1 sometidos a prueba mostraron estabilidad notable en plasma humano, de ratón y rata, probablemente debido a su estructura estabilizada con disulfuro, compacta.

Tabla 33. Estabilidad del GpTx-1 y análogos de péptidos GpTx-1 en plasma humano.

	% de péptido restante				
Tiempo de incubación (hr)	GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:1	[1-Nal10]GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:78	[Ala5]GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:22	GpTx-1(2-34); SEQ ID NO:108	Ac-GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:132
0	100	100	100	100	100
2	102	99	105	107	100
4	101	93	99	92	104
8	98	97	101	91	101
24	93	82	105	82	97

Tabla 34. Estabilidad del GpTx-1 y análogos de péptidos GpTx-1 en plasma de ratón.

	% de péptido restante				
Tiempo de incubación (hr)	GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:1	[1-Nal10]GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:78	[Ala5]GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:22	GpTx-1(2-34); SEQ ID NO:108	Ac-GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:132
0	100	100	100	100	100
2	103	98	106	100	105
4	105	92	107	95	103
8	97	92	105	87	103
24	93	88	99	81	106

Tabla 35. Estabilidad del GpTx-1 y análogos de péptidos GpTx-1 en plasma rata.

	% de péptido restante	
Tiempo de incubación (hr)	GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:1	[1-Nal10]GpTx-1(1-34); SEQ ID NO:78
0	100	100
2	110	104
4	109	106
6	100	108
8	111	112

24	91	89

Ejemplo 5: Conjugados pegilados de estudios de análogos de péptidos GpTx-1

Para identificar los sitios con GpTx-1 que se podrían modificar con una porción que prolongue la vida media, se preparó un conjunto de análogos posicionales que contiene propargilglicina en cada posición no de cisteína. Después del plegamiento, el péptido que contiene alquino se sometió a cicloadición de 1,3-dipolar catalizada con cobre con un PEG azido de ~ 500 Da de PM para obtener los péptidos pegilados específicamente de sitio con un enlace triazol, convirtiendo de esta manera la propargilglicina o residuo Pra en la secuencia a un residuo de 3-(1,2,3-triazol-4-il)alanina o Atz. La clasificación electrofisiológica de esta serie de análogos (Tabla 30, Tabla 31 y Tabla 32, anteriores) identificó varias posiciones dentro de GpTx-1, incluyendo el N-terminal y las posiciones 1, 10, 12, 13, 15, 22, 28 y 33 de la SEQ ID NO: 1, donde una porción química grande se podría introducir sin reducir significativamente la potencia en NaV1.7 o NaV1.3. En general, estas ubicaciones tienden a estar sobre la superficie hidrófila de GpTx-1, lejos de o alrededor de la periferia de la superficie de enlace hidrofóbica. Habiendo identificadas estas posiciones, los conjugados de PM más grandes (20 kDa de PEG; SEQ ID NO: 590) y constructos homodiméricos de [Phe6; Atz13]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO: 591) o [Ala5; Phe6; Atz13]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO: 1028) o Biotin-Ahx--[Ala5, Phe6, Atz13, Leu26, Arg28]GpTx-1

(1-34) (SEQ ID NO: 1031) se prepararon (Véase Figura 81A) y se sometieron a prueba (véase Tabla 30, y Figuras 46-58). Cuatro de estos homodímeros, con diferentes ligaduras de PEG dimensionadas se enlazaron covalentemente a cada uno de los dos péptidos en la posición 13 relativa con la secuencia de GpTx-1 nativa (SEQ ID NO:1), se designaron como sigue (* = etilo):

[Phe6,Atz(2 kDa EtO-PEG*-{[Phe6,Atz13*]GpTx-1(1-34)})13]GpTx-1(1-34) (“Conjugado Homodimérico 1”) (Véase, Figura 81A);

[Phe6,Atz(500 Da EtO-PEG*-{[Phe6,Atz13*]GpTx-1(1-34)})13]GpTx-1(1-34) (“Conjugado Homodimérico 2”);

[Ala5,Phe6,Atz(2 kDa EtO-PEG*-{[Ala5,Phe6,Atz13*,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)})13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34) (“conjugado Homodimérico 3”);

Biotin-Ahx-[Ala5,Phe6,Atz(2 kDa EtO-PEG*-{Biotin-Ahx-[Ala5,Phe6,Atz13*,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34)})13,Leu26,Arg28]GpTx-1(1-34) (“Conjugado Homodimérico 4”).

Ejemplo 6: <u>Determinación de la estructura por RMN de GpTx-1</u>

La estructura de GpTx-1 se obtuvo por espectroscopia RMN de alta resolución en agua, pH ~3 y T=298 K. Los datos se recolectaron en un espectrómetro Bruker Avance III de 800 MHz usando experimentos 2D estándares. (Véase Wutchrich, RMN of Proteins and Nucleic Acids, John Wiley & Sons, Canada, (1986)). La estructura se calculó de 500 restricciones de NOE

(long 216 de largo), 45 restricciones de ángulos diedros, 11 restricciones de enlaces a hidrógeno y 3 restricciones de enlace disulfuro, usando el software Cyana 2.1. El RMSD final para los átomos de cadena principal fue de 0.1±0.05 A y para todos los átomos pesados 0.74±0,12 A. (Véase Figura 7 para la superposición de los 20 conformaciones de energía más baja de la cadena principal de péptido, la Figura 8 para la superposición de los átomos pesados de las 20 conformaciones de energía más baja del péptido, y la Figura 9 para una representación de listón de la cadena principal de péptido). La estructura confirma la conectividad de disulfuro de los seis residuos de cisteína como el patrón C_2—C_{17}, C_9—C_{23}, y C_{16}—C_{30} o C_1—C_4, C_2—C_5, C_3—C_6, haciendo GpTx-1 un miembro de la familia de nudo de cistina inhibidora (ICK) de los péptidos.

La estructura plegada de GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) es anfipática en carácter con una superficie hidrofóbica plana sobre un lado de la molécula y una superficie hidrofílica (mayormente catiónica) sobre el lado opuesto. La analogía sistemática de GpTx-1, en particular la clasificación posicional con alanina y ácido glutámico, identifica varios residuos por ser críticos para la actividad en $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$. Estos residuos, particularmente, Phe5 Met6, His27, Trp29, Lys31 y Tyr32, Phe34, relativos con SEQ ID NO: 1, se agrupan en una superficie del GpTx-1. Los residuos 27 a 34 de SEQ ID NO: 1 forman una hebra β en el C-terminal, mientras que el Phe5 y Met6 están adyacentes a aquella hebra y forman el resto de esta superficie hidrofóbica. Puesto que los

cambios que alteran el carácter de esta superficie alteran la actividad contra el $Na_V1.7$ y $Na_V1.3$, esto puede ser la porción de la molécula que interactúa con los VGSCs en la interfase de enlace. (Véase Figura 10 y Figura 11).

Ejemplo 7: Determinación farmacocinética preliminar en ratones

Estudios farmacocinéticos. Se condujeron estudios farmacocinéticos preliminares (PK). Un estudio PK se condujo con ratones CD-1 machos de 7 semanas de edad de Charles River Laboratories. Los ratones tuvieron catéteres colocados en la arteria carótida por el vendedor. El [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO: 22) se dosificó intravenosamente a 3 ratones y subcutáneamente a 3 ratones. El GpTx-1 (SEQ ID NO: 1) se dosificó subcutáneamente a 3 ratones. Todas las dosis fueron a 1 mg/kg y se hicieron inyecciones i.v. a través de la vena de la cola lateral. Las muestras de sangre para animales dosificados i.v. se tomaron a 3, 15, 30 minutos y 1, 2, 4, 6, 8 y 24 horas después por dosis, las muestras de sangre para animales dosificados s.c. se tomaron a 15, 30 minutos y 1, 2, 4, 6, 8 y 24 horas por dosis. Para cada muestra se recolectaron 15 µl de sangre a través del catéter de la arteria carótida y se mezclaron entre 35 µl de solución amortiguadora de citratos 0.1 M. Las muestras luego se congelaron a -80ºC hasta el análisis.

Otro estudio PK se condujo con ratones CD-1 machos no modificados de 7 semanas de edad de Taconic. El [Ala5]GpTx-1

(SEQ ID NO:22) se dosificó a 12 ratones 1 mg/kg subcutáneamente y a 12 ratones 1 mg/kg intravenosamente a través de la vena de la cola lateral. A 0.5, 1, 2, 4, 8 y 24 horas pos dosis, 2 ratones de cada forma de dosis se sacrificaron y las muestras de sangre y cerebros se recolectaron. Los cerebros se pesaron y se congelaron a -80˚C inmediatamente. Las muestras de sangre se recolectaron en tubos microtainer tratados con EDTA y se centrifugaron a 13000 rpm durante 5 minutos, después de lo cual se extrajo el plasma y se congeló a -80˚C en una placa de 96 pocillos.

Otro estudio PK se condujo con ratones CD-1 no modificados de 7 semanas de edad de Taconic. El [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) se dosificó a 21 ratones a 5 mg/kg subcutáneamente. A 0.5, 1, 1.25, 1.5, 2, 3, y 4 horas pos-dosis, 3 ratones se sacrificaron y las muestras de sangre y los cerebros se recolectaron. Los cerebros se pesaron y se congelaron a -80˚C inmediatamente. Las muestras de sangre se recolectaron en tubos microtainer tratados con EDTA y se centrifugaron a 13000 rpm durante 5 minutos, después de lo cual el plasma se extrajo y se congeló a -80˚C en una placa de 96 pocillos.

Procedimiento Analítico LC-MS/MS. Soluciones madre de péptido (1 mg/mL) se hicieron de estándares de referencia de péptido en 50/50 (v/v) metanol/agua y se almacenaron a -20°C. 1 mg/mL de soluciones madre de péptido se usaron para preparar 100 µg/mL de solución de trabajo de péptido en 50/50 (v/v) metanol/agua. Las soluciones de trabajo de péptido se almacenaron en un refrigerador de 2 a 8°C.

Las muestras estándares se prepararon en sangre de ratón amortiguada con citrato (sangre/solución amortiguadora de citrato 0.1M, 30/70, v/v). Las concentraciones estándares de 5, 10, 25, 50, 100, 250, 500 y 1000 ng/mL se prepararon por dilución en serie de 5000 ng/mL de una solución recientemente preparada en sangre de ratón amortiguada con citrato usando 100 µg/mL de solución de trabajo de péptido. 25 µl de muestras de sangre se distribuyeron en alícuotas en el pocillo apropiado de una placa de 96 pocillos, seguido por la adición de 50 µl de solución estándar interna (100 ng/mL, análogo de péptido hecho en 50/50 metanol/agua) y 150 µL de $ZnSO_4$ 0.1M y las muestras se mezclaron con agitación vorticial durante 5 minutos, luego se centrifugaron durante 10 minutos 4000 rpm. El sobrenadante luego se extrajo usando una placa de extracción de fase sólida de 96 pocillos Oasis HLB µElution para extraer los péptidos y los extractos se inyectaron (10 µL) en el sistema LC-MS/MS para análisis.

El LC-MS/MS consistió de un sistema Acquity UPLC (Waters, Milford, MA) acoplado a un espectrómetro de masas 5500 QTRAP (AB Sciex, Toronto, Canadá) con una fuente de ioninzación Turbo IonSpray^{MR}. La columna analítica fue una columna Acquity UPLC BEH C_{18} de 2.1 mm × 50 mm. Las fase móviles fueron 0.1% de ácido fórmico en acetonitrilo/agua (5/95, v/v, fase móvil A) y 0.1% de ácido fórmico en acetonitrilo/agua (95/5, v/v, fase móvil B). Los datos se recolectaron y procesaron usando un software AB Sciex Analyst^{MR} (versión 1.5).

La curva de calibración se derivó de las relaciones de

área pico (péptido/estándar interno) usando $1/x^2$ de regresión de mínimos cuadrados lineales ponderados de relación de área contra la concentración del estándar de péptido correspondiente. La ecuación de regresión de los estándares de calibración se usó para calcular de nuevo la concentración medida para cada estándar y las muestras de sangre.

Resultados. En los estudios farmacocinéticos, el GpTx-1 (SEQ ID NO:1) se descubrió que es letal a los ratones a 1 mg/kg y 0.5 mg/kg de dosis i.v. 1 mg/kg de una dosis s.c. de GpTx-1 (SEQ ID NO:1) a ratones se toleró y mostró concentraciones en plasma medibles durante 1 hora. (Véase, Figura 16). 1 mg/kg de una dosis i.v. de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) se toleró en ratones con una vida media in vivo aproximada de 15 minutos. (Véase, Figura 17A y Figura 17B). 1 mg/kg de una dosis s.c. de [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) también proporcionó exposición medible en sangre. (Véase, Figura 17B). En otro estudio, 5 mg/kg de una dosis s.c. produjo concentraciones de péptido en el plasma que se mantuvieron a aproximadamente 0.6 μM, 40 veces sobre la IC_{50} del Nav1.7 por PatchXpress^{MR} (PX), durante 3 horas con una t1/2 calculado = 0.6 h, mayor que 1 mg/kg de las dosis s.c. e i.v. y adecuado para la prueba in vivo adicional. (Véase, Figura 17B).

Ejemplo 8: Cribado secundario de canales iónicos

Cribado secundario de canales iónicos cardíacos (hERG y hNav1.5).

Se condujeron cribados secundarios de canales iónicos

cardíacos (hERG y hNav1.5) como se describe posteriormente, por lo cual los resultados representativos se muestran en las Figuras 18 y 19A-B.

Cribado secundario contra el canal de sodio Nav1.5 humano clonado usando el sistema PatchXpress^{MR}.

Línea de células. Las células HEK293 estables transfectadas con hNav1.5 humano se adquirieron de Cytomyx, Inc.

La solución de registro extracelular (HB-PS) contuvo NaCl 70 mM, N-metil-D-glucamina 67 mM, KCl 4 mM, $CaCl_2$ 1.8 mM, $MgCl_2$ 1 mM, HEPES 10 mM, Glucosa 10 mM ajustada a pH 7.4 con HCl. La solución de registro interna contuvo CsF 130 mM, NaCl 10 mM, EGTA 10 mM, $MgCl_2$ 2 mM, HEPES 10 mM ajustada a pH 7.20 con CsOH. Las soluciones madre de artículos estándares o de prueba de referencia se diluyeron en HB-PS antes de la aplicación. Los artículos de prueba incluyeron ya sea péptidos o conjugados de péptido descritos en este documento. Se usó un protocolo de etapa estandarizada para inducir corriente iónica a través del canal de sodio hNav1.5. Las células se mantuvieron a −80 mV. El bloque de inicio y estado permanente de la corriente de sodio hNav1.5 debido al artículo de prueba se midió usando un patrón de pulso con amplitudes fijas (prepulso de acondicionamiento: −120 mV durante 50 ms; etapa de prueba de despolarización a−30 mV durante 20 ms) se repitió en 10-s intervalos. Las corrientes se adquirieron a 10 kHz y se filtraron a 3 kHz, en modo episódico. Cuando la configuración de células enteras se estableció, las células se lavaron durante 3 minutos, seguido

por la aplicación de un vehículo de control 5 minutos. La función DataStable_PC de la utilidad de programación PatchXpress permite luego que el experimento comience solamente cuando la corriente de línea base fue estable o había transcurrido 5 minutos adicionales. Luego el control y cada concentración del artículo de prueba se aplicaron durante 5 minutos. Hubo 3 adiciones para cada concentración con un intervalo de 1 minuto. Para determinar la IC_{50}, el Artículo de Prueba a 1 μM, 3 μM, 10 μM y 30 μM se aplicó a la células acumulativamente (sin lavado entre las concentraciones del artículo de prueba; n ≥ 3 donde n = número de células). La adquisición de datos electrofisiológicos se llevó a cabo usando el PatchXpress Commander v1.4 (Molecular Devices, Sunnyvale, CA) y los análisis se llevaron a cabo usando el DataXpress v2.04 (Molecular Devices, Sunnyvale, CA). Las tres corrientes hacia adentro pico antes y después de la aplicación del artículo de prueba se usaron para calcular el porcentaje de inhibición de corriente en cada concentración. Los criterios de aceptación para un buen registro incluyen: (1) resistencia de sello > 200 MΩ, (2) resistencia de acceso < 10 MΩ, (3) corriente de cola pico > 200 pA, (4) corriente de fuga < 25% de la corriente de cola pico, (5) desaceleración < 2.5%/minuto en el vehículo de control.

Cribado secundario contra el canal de potasio IKr (hERG) humano usando el sistema PatchXpress^{MR}.

Cultivo celular. Las células HEK293 que expresan establemente el canal de potasio ERG humano (hERG) se

adquirieron de Millipore (Cat. # CYL3039). El medio de crecimiento para las células HEK-hERG contiene DMEM/F12 (Invitrogen # 11320), 1X Non Essential Amino Acid (Gibco # 11140), 10% de Suero Bovino Fetal (Gibco # 16000) y 400 µg/ml de geneticina (Gibco # 10131-027). Las células se mantuvieron en el cultivo a 37°C en un entorno de CO_2 al 5%, 95% de aire humidificado. La densidad de sembrado para un matraz de T75 Corning es de cuatro millones de células, y una relación de sub-cultivo de 1:3 se lleva a cabo dos veces a la semana o siempre que la densidad celular alcance 80% de confluencia. Las células se levantan de un matraz T75 en el día de los experimentos PatchXpress 7000A^{MR} al usar 0.05% de tripsina-EDTA (Sigma) durante 3 minutos a 37°C. Luego se volvieron a suspender en un medio de crecimiento durante por lo menos treinta minutos a 37°C en una atmósfera de 5% de CO_2, 95% de aire humidificado antes de cargarse en las cámaras de registro SealChip (AVIVA Biosciences).

Registro de electrofisiología por el PatchXpress^{MR} 7000A (Molecular Devices). La solución intracelular para los registros “patch clamp” de células enteras contuvo (en mM) cloruro de potasio (70), fluoruro de potasio (60), cloruro de magnesio (2), ácido etilenglicol tetracético (EGTA, 11), trifosfato de adenosina de magnesio (5) y HEPES (10). El pH se ajustó a 7.2 con KOH, y la osmolaridad final se ajustó a 295 mOsm. La solución extracelular contiene (en mM) cloruro de sodio (135), cloruro de potasio (4), cloruro de magnesio (1), cloruro de calcio (1.8), HEPES (10) y glucosa (10). El pH se ajusta a 7.4 con NaOH, y la osmolaridad final se ajustó

a 305 mOsm.

Después de lograr el modo de registro de células enteras, las células se mantienen en un potencial de mantenimiento de -80 mV. Una etapa de voltaje a -50 mV del voltaje de mantenimiento de -80 mV durante 500 mseg se usa para establecer una línea base o punto de referencia para la medición de corriente de cola hacia afuera pico. Esto se sigue por una etapa de despolarización a +30 mV durante 2s para conducir los canales al estado inactivado. Una etapa de nuevo a -50 mV durante 2s remueve la inactivación y revela en consecuencia que la corriente de colar hacia afuera pico máxima. Las etapas de voltaje se repiten una vez cada 10 segundos. La corriente de cola hacia afuera de hERG total se determina por la diferencia entre la corriente de cola hacia afuera pico en la etapa de -50 mV de repolarización y la primera corriente de línea base en -50 mV antes de la activación del canal.

Preparación de la Muestra de Prueba Los compuestos de prueba (hasta 10 μM), que incluyeron los péptidos y conjugados de péptidos descritos en este documento, se diluyeron en serie en la solución amortiguadora de registro extracelular que contiene 0.1% p/v de albúmina de suero bovino (BSA) y se transfirieron subsecuentemente a depósitos de perfusión de vidrio. Tres μL de las diluciones en serie luego se transfirieron a novecientos μL de solución amortiguadora de ensayo que contiene 0.1% p/v de BSA en solución amortiguadora de ensayo.

Procedimiento PatchXpress^{MR}. La curva de respuesta de

concentración acumulativa se genera de 4 concentraciones (0.3, 1, 3, y 10 μM) para la medición de la potencia del fármaco. Cada concentración del compuesto de prueba se adiciona 3 veces separado por 60 seg para asegurar el intercambio completo de la solución amortiguadora de ensayo en la cámara de registro. Hay un tiempo de espera de tres minutos entre las adiciones subsecuentes. Antes de la adición del compuesto de prueba, dos frasquitos de vidrio que contienen solución amortiguadora de ensayo y control de vehículo (0.3% DMSO) se usan como controles (es decir, 1 x de solución amortiguadora de ensayo, 1 x 0.3% DMSO, y 4 concentraciones crecientes del compuesto de prueba).

Análisis de Datos. La corriente de cola de hERG hacia afuera de cada registro exitoso de células enteras se debe inspeccionar visualmente para calidad. Los criterios generales para registros de buena calidad son: 1) corriente de mantenimiento a -80 mV no debe exceder 300 pA durante el procedimiento de adición del fármaco, 2) corriente de cola hacia afuera pico debe ser mayor que 300 pA y 3) corriente de cola hacia afuera pico no cambia por mayor que 2.5%/min durante el período de control de ocho minutos en 0.3% de DMSO. Los estimados de potencia se generan por Protocol Engine (Amgen) usando modelos mezclados no lineales para cuantificar la consistencia del ensayo de célula a célula y de proporcionar una medición precisa de la potencia del fármaco sobre la población del mismo tipo de célula (Miu y colaboradores, 2006, JALA 11:195).

Resultados del cribado secundario para GpTx-1 (SEQ ID

NO:1) y [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) contra el hERG se muestran en la Figura 18. Los resultados del cribado secundario para GpTx-1 (SEQ ID NO:1) y [Ala5]GpTx-1 (SEQ ID NO:22) contra hNav1.5 se muestran en las Figuras 19A y 19B.

Ejemplo 9: Modelos de dolor in vivo

Las composiciones de la presente invención se pueden someter a prueba en cualquier modelo de dolor in vivo relevante. Los ejemplos incluyen:

Prueba de Alodinia Táctil - Von Frey. Se usaron filamentos Von Frey para evaluar la sensibilidad mecánica en roedores. Los ratones se colocaron sobre un piso de malla de alambre, se encerraron en una cámara de prueba individual y se dejaron aclimatar hasta que se calmaron. Los filamentos calibrados de varias fuerzas de doblez luego se aplicaron a la pata de un ratón para medir la respuesta a estímulos táctiles no nocivos (por ejemplo, contacto). El patrón de respuestas y no respuestas a la serie de los filamentos determina el umbral mecánico del animal. Este umbral se usa como el punto final del ensayo.

Modelo de Dolor Neuropático de Rata. Ratas Sprague-Dawley machos (200 g) se anestesiaron con anestesia inhalante de isofurano y los nervios medulares lumbares izquierdos en el nivel de L5 y L6 se ligaron estrechamente (sutura de seda 4-0) distante al ganglio de la raíz dorsal y antes de la entrada en el nervio ciático como se describe primero por Kim y Chung (An experimental model for peripheral neuropathy produced by segmental spinal nerve ligation in the rat. Pain

50:355-363, (1992)). Las incisiones se cierran y las ratas se dejan recuperar. Este procedimiento da por resultado alodinia mecánica (táctil) en la pata trasera izquierda como se evalúa por el registro de la presión en la cual la pata afectada (ipsilateral al sitio de la lesión nerviosa) se retira de los estímulos graduados (filamentos von Frey que varían de 4.0 a 148.1 mN) aplicados perpendicularmente a la superficie plantar de la pata (entre los cojinetes plantares) a través de jaulas de observación de malla de alambre. Un umbral de retiro de pata (PWT) se determina al incrementar y al disminuir secuencialmente la fuerza del estímulo y al analizar los datos de retiro usando una prueba no paramétrica Dixon, como se describe por Chaplan, S.R., y colaboradores (Quantitative assessment of tactile allodynia in the rat paw. J. Neurosci. Meth, 53:55-63 (1994)).

Modelo de Dolor Inflamatorio CFA de Rata. Ratas Sprague-Dawley macho (200 g) se inyectaron en la pata trasera izquierda con adyuvante de Freund completo (CFA). Este procedimiento da por resultado alodinia mecánica (táctil) y térmica en la pata trasera izquierda como se evalúa por el registro de la presión en la cual la pata afecta se retira de los estímulos graduados (filamentos von Frey que varían de 4.0 a 148.1 mN) aplicados perpendicularmente a la superficie plantar de la pata (entre las almohadillas plantares) a través de jaulas de observación de malla de alambre o al aplicar calor radiante. El PWT se determina al incrementar y al disminuir secuencialmente la fuerza del estímulo y al analizar los datos de retiro usando el estímulo y al analizar

los datos de retiro usando una prueba no paramétrica Dixon como se describe por Chaplan y colaboradores (1994). Las ratas se incluyeron en el estudio solamente si no mostraron disfunción motora (por ejemplo arrastre o caída de la pata) o piel rota y su PWT está por debajo de 39.2 mN (equivalente a 4.0 g). En tiempos apropiados después de la inyección de CFA las ratas se trataron con péptidos de prueba y/o péptidos conjugados con vehículo de prueba (usualmente una dosis de clasificación de 60 mg/kg) o solución de control (PBS u otro vehículo) una vez por inyección s.c. y se determina el PWT. El umbral de retiro de pata (PWT) promedio se convirtió al porcentaje del efecto posible máximo (%MPE) usando la siguiente fórmula: %MPE = 100 * (PWT de ratas tratadas– PWT de ratas de control)/(15-PWT de ratas de control). De esta manera, el valor de corte de 15 g (148.1 mN para alodinia mecánica) es equivalente a 100% del MPE y la respuesta de control es equivalente a 0% de MPE.

Las moléculas preferidas de la presente invención se espera que produzcan un efecto antinociceptivo con un PD con exposiciones apropiadas comparadas con IC_{50} en el objetivo.

Procedimiento Experimental de Modelo de Dolor de Formalina de Ratón. La inyección de formalina en una pata de roedor provoca una forma bien estudiada de dolor cuantificado por el número de veces en que el animal retrocede su pata. El dolor después de la inyección de formalina entra en dos fases características: una primera fase dura aproximadamente 10 minutos y probablemente corresponde al dolor inmediato mediado por neuronas periféricas. La segunda fase, que

comienza aproximadamente diez minutos después de la inyección de formalina y dura otros 30 a 40 minutos, corresponde a la sensibilización de las neuronas en la médula espinal e hiperactividad de las neuronas sensibles al dolor periférico. Los compuestos representados en estas aplicación se sometieron a prueba para ver si reducen el número de retiros en la fase II de la respuesta a la formalina y de esta manera son fármacos analgésicos potenciales (Bregman H y colaboradores, “Identification of a potent, state-dependent inhibitor of Nav1.7 with oral efficacy in the formalin model of persistent pain.” J Med Chem 54(13):4427-4445, 2011).

Ratones CD-1 machos (8-12 semanas de edad, Harlan Laboratories, Frederick, MD) se usaron para todos los experimentos de eficacia in vivo. Los sujetos animales tuvieron libre acceso a alimento (Teklad Global Soy Protein-Free Extruded Rodent Diet 2020X) y agua y se mantuvieron en un ciclo de luz/oscuridad de 12 horas por la duración completa del estudio. Todos los animales se alojaron en jaulas de fondo sólido estándares con cama de mazorcas de maíz en grupos de 4 animales por jaula. La colonia de animales se mantuvo aproximadamente 21°C y 60% de humedad. Todos los experimentos se condujeron de acuerdo con la Asociación Internacional para el Estudio de Directrices de Dolor.

En el día de prueba, durante o después de la aclimatación, los animales se dosificaron con ya sea un compuesto o vehículo de investigación. Después de la administración de la dosis, todos los ratones (n=12) se

acondicionaron en cámaras de análisis de comportamiento (dimensiones: 10cm de diámetro, 14cm de cilindro de altura con tapa en la parte superior de los vidrios elevados) durante 5 minutos antes de la inyección de formalina. Cámaras de video se ajustaron por debajo para registrar el comportamiento del ratón (5 minutos de aclimatación y 40 minutos de sesión de prueba). En el tiempo de prueba, los ratones se inmovilizaron fuertemente en un guante de tela y se inyectaron con 20uL de una solución de formalina al 2% en la superficie dorsal de la pata trasera izquierda usando una jeringa de insulina. (U100, 0.3cc, 28-30G). Inmediatamente después de la inyección de formalina, los animales se regresaron a la cámara y se observaron durante 40 minutos. El comportamiento de levantamiento/lamedura de pata se registró en intervalos de 5 minutos después de lo cual se midieron las anchuras de la pata ipsilateral y contralateral. Después de la terminación del estudio, los animales se sacrificaron inmediatamente.

En el primer estudio del modelo de dolor de formalina de ratón, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) se dosificó a 5 mg/kg s.c. de pretratamiento de 1 hora con morfina a 1 mg/kg s.c. de pre-tratamiento de 30 minutos como el control positivo. (Véase, Figura 59). El péptido no se había afectado en la primera fase o fase aguda (0-5 minutos pos inyección de formalina). (Véase, Figura 60). El péptido redujo significativamente el tiempo agotado levantando y/o lamiendo la pata afectada durante la segunda fase (5-40 minutos pos inyección de formalina) comparado con el vehículo (PBS).

(Véase, Figura 61). En este experimento, la dosis de 1 mg/kg s.c. de morfina usada como un control positivo no redujo significativamente la respuesta al dolor en los animales, y se incrementó a 3 mg/kg en los siguientes estudios. La exposición del plasma terminal (concentraciones de plasma de péptido en 45 minutos después de la inyección de formalina) para el péptido fue de 0.80 ± 0.21 μM. Ni el péptido ni tampoco el control positivo de morfina redujeron significativamente el edema de la pata provocado por la inyección de formalina relativa con el vehículo (PBS). (Véase, Figura 62).

El modelo de dolor de formalina de ratón se repitió con dosis de pretratamiento de 1 hora de 5, 1.67, y 0.5 mg/kg s.c. para determinar respuesta de la dosis de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22). (Véase, Figura 63). El péptido no tuvo efecto en ninguna dosis en la primera fase (0-5 minutos posterior a la inyección de formalina). (Véase, Figura 64). El control positivo, una dosis de 3 mg/kg s.c. de morfina, redujo significativamente el tiempo agotado en el levantamiento/lamedura de la pata afectada en la primera fase. La dosis de 5 mg/kg s.c. de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) mostró una reducción significativa del tiempo agotado en el levantamiento/lamedura en la segunda fase del estudio, como lo hizo el control positivo de morfina. (Véase, Figura 65). Sin embargo, las dosis de péptido más bajas (1.67 y 0.5 mg/kg s.c.) no tuvieron efecto significativo relativo con el vehículo en la segunda fase. Las exposiciones terminales (concentraciones de plasma de péptido a 45 minutos posterior

a la inyección de formalina) fueron 0.58 ± 0.26 μM, 0.15 ± 0.05 μM, y 0.04 ± 0.2 μM para las dosis de 5.0, 1.67, y 0.5 mg/kg, respectivamente. Ni el péptido ni tampoco el control positivo de morfina redujeron significativamente el edema de la pata provocado por la inyección de formalina relativa con el vehículo (PBS). (Véase, Figura 66). En los primeros dos experimentos de formalina de ratón, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) demostraron una reducción reproducible significativa en el levantamiento/lamedura de la pata en concentraciones de plasma entre 0.60-0.80 μM. Se sometió a prueba otro péptido en el modelo de dolor de formalina, [Glu29]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:30). La sustitución de ácido glutámico para triptófano en la posición 29 reduce en gran medida la potencia contra el Nav1.7, de modo que el [Glu29]GpTx-1 se preparó y se sometió a prueba como un control negativo. Una dosis de 5 mg/kg s.c. de [Glu29]GpTx-1 no tuvo efecto significativo en el tiempo agotado en el levantamiento/lamedura y en el modelo de dolor de formalina en ratones con una concentración en plasma de péptido media terminal de 0.502 ± 0.271 μM, mostrando que la potencia del Nav1.7 de péptido se correlaciona con eficacia en el modelo de dolor de formalina.

El modelo de dolor de formalina de ratón se repitió con dosis de pretratamiento de 1 hora de 5, 3, y 1 mg/kg s.c. para investigar adicionalmente la respuesta de la dosis de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22). (Véase, Figura 67). El péptido no afectó en ninguna dosis en la primera fase (0-5 minutos pos inyección de formalina). (Véase, Figura 68). La

dosis de 5 mg/kg s.c. del péptido mostró una reducción significativa del tiempo agotado en el levantamiento/lamedura en la segunda fase del estudio, como lo hizo el control positivo de morfina. Sin embargo, las dosis de péptido más bajas no mostraron una reducción en el comportamiento de levantamiento/lamedura relativa con el control de vehículo en la segunda fase. El grupo de 1 mg/kg s.c. no fue significativamente diferente del control de vehículo mientras que el grupo de 3 mg/kg s.c. pareció incrementar significativamente el tiempo agotado en el levantamiento/lamedura. (Véase, Figura 69). Las exposiciones terminales (concentraciones en plasma de péptido a 45 minutos pos inyección de formalina) fueron 1.84 ± 0.18 μM, 0.53 ± 0.23 μM, y 0.20 ± 0.05 μM para la dosis de 5, 3, y 1 mg/kg, respectivamente. Ni el péptido tampoco el control positivo de morfina redujeron significativamente el edema de la pata provocado por la inyección de formalina relativa con el vehículo (PBS). (Véase, Figura 70).

Protocolo Experimental de Análisis de Campo Abierto de Ratón. Para verificar que la eficacia en el modelo de formalina producido por un compuesto de prueba no es debido a la sedación o daño al animal, los compuestos también se sometieron a prueba para sus efectos en el movimiento total de los animales (prueba de campo abierto). A los animales sin tratamiento se les administró el compuesto de prueba y se colocaron en un entorno novedoso, y se registran automáticamente los movimientos del animal que se someten durante la exploración del entorno novedoso. Las reducciones

en el movimiento de 50% o más significan que la eficacia en la prueba de formalina no se puede atribuir a la analgesia real.

Ratones CD-1 machos (de 8-12 semanas de edad, Harlan Laboratories, Frederick, MD) se usaron para todos los experimentos de eficacia in vivo. Los sujetos animales tuvieron libre acceso a alimentos (Dieta para Roedores Extruida Libre de proteína de Soya de Teklad Global 2020X) y agua y se mantuvieron en un ciclo de luz/oscuridad de 12 horas por la duración completa del estudio. Todos los animales se alojaron en jaulas de fondo sólido estándares con cama de mazorca de maíz en grupos de 4 animales por jaula. La colonia de animales se mantuvo a aproximadamente 21°C y 60% de humedad. Todos los experimentos se condujeron de acuerdo con la Asociación Internacional para el Estudio de directrices de Dolor.

En el día de prueba, los animales se dosificaron con ya sea un compuesto o vehículo de investigación y se les dio por lo menos 30 minutos para aclimatarse a la habitación prueba. Los ratones (N=8) se colocaron en una cámara de campo abierto limpia (Kinder Scientific Photobeam Activity System) en un tiempo apropiado después de la administración de la dosis. Los cambios en el movimiento de los animales total se registraron en el sistema para 60 minutos bajo condiciones de luces apagadas. Se evaluaron los siguientes parámetros: movimiento básico total, levantamiento en dos patas total, levantamiento en dos patas de tiempo total, y movimiento fino total.

Resultados del análisis de campo abierto. El [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en una dosis de 3 mg/kg s.c. con un tiempo de pretratamiento de 1 hora no tuvo efecto en el movimiento básico total, el movimiento fino total, levantamiento en dos patas total o levantamiento en dos patas de tiempo total en ratones CD-1. Ninguna de las dosis de péptido disminuyó significativamente el comportamiento exploratorio en relación con el control del vehículo. Sin embargo, en una dosis de 5 mg/kg s.c. con un pretratamiento de 1 hora el péptido redujo significativamente el movimiento fino total y los componentes de levantamiento en dos patas de tiempo total de la actividad locomotora en ratones CD-1 relativo con el vehículo. El movimiento básico total y el levantamiento en dos patas total también se redujeron. (Véase, Figuras 71-74). Las exposiciones terminales (concentraciones en plasma de péptido a 2 horas pos inyección de péptido) fueron 1.79 ± 0.38 μM y 0.89 ± 0.33 μM para las dosis de 5 y 3 mg/kg s.c., respectivamente. En este experimento, la dosis de 3 mg/kg, que no tuvo efecto significativo en actividad locomotora, dio por resultado una concentración en plasma de péptido equivalente a aquellas que tuvieron eficacia reproducible mostrada en el modelo de dolor de formalina. Concentraciones en plasma de péptido más altas (> 1.5 μM) dieron por resultado efectos significativos en actividad locomotora. Tres péptidos se sometieron a prueba en el análisis de campo abierto: [Glu29]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:30), [Glu28]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:153), y [Ala5,Phe6,2-Abu13,Leu26,Arg28]GpTx-1(SEQ ID NO:1034). La sustitución de

ácido glutámico para triptófano en la posición 29 reduce en gran medida la potencia contra el Nav1.7, de esta manera [Glu29]GpTx-1 se preparó y se sometió a prueba como un control negativo. Una dosis de 5 mg/kg s.c. de [Glu29]GpTx-1 no tuvo efecto significativo en actividad locomotora de los ratones en el análisis de campo abierto con una concentración en plasma de péptido media terminal de 0.771 ± 0.272 μM. Una dosis de 5 mg/kg de [Glu28]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:153) redujo significativamente la actividad locomotora en el análisis de campo abierto con una concentración en plasma de péptido media terminal de 1.28 ±0.403 μM, similar al resultado con la dosis de 5 mg/kg de [Ala5]GpTx-1. Una dosis de 5 mg/kg de [Ala5,Phe6,2-Abu13,Leu26,Arg28]GpTx-1 en el análisis de campo abierto dio por resultado un comportamiento moribundo o letalidad en animales en una concentración en plasma de péptido media terminal de 1.72 ± 0.313 μM.

Protocolo Experimental de Modelo de Dolor de Veratridina de Ratón. La veratridina es un activador no selectivo de canales iónicos de sodio dependientes de voltaje (Hille B, Ion Channels of Excitable Membranes, Sinauer Associates, Sunderland MA 2001) que provoca una respuesta de retroceso dolorosa (lamedura y levantamiento o protección de la pata) cuando se inyecta en la pata del roedor. Por consiguiente, los compuestos de prueba similares a aquellos de la presente invención que son inhibidores de canal de sodio cuantifican no solo su efecto en el dolor, sino en el dolor provocado por la activación de canal de sodio. Es decir, los efectos de un compuesto de prueba en el levantamiento y la lamedura de la

pata inducidos por veratridina no solo mide la eficacia al analgésico sino la ocupación del receptor in vivo de los canales de sodio.

Ratones CD-1 machos (de 8-12 semanas de edad, Harlan Laboratories, Frederick, MD) se usaron para todos los experimentos de eficacia in vivo. Los sujetos animales tuvieron libre acceso a alimento (Dieta para Roedores Extruida Libre de proteína de Soya de Teklad Global 2020X) y agua y se mantuvieron en un ciclo de luz/oscuridad de 12 horas para la duración completa del estudio. Todos los animales se alojaron en jaulas de fondo sólido estándares con cama de mazorcas de maíz en grupos de 4 animales por jaula. La colonia de animales se mantuvo a aproximadamente 21°C y 60% de humedad. Todos los experimentos se condujeron de acuerdo con la Asociación Internacional para el Estudio de directrices de Dolor.

En el día de prueba, durante o antes de la aclimatación, los animales se dosificaron con ya sea un compuesto o vehículo de investigación. Después de la administración de la dosis, todos los ratones (n=12) se acondicionaron en cámaras de análisis de comportamiento (dimensiones: 10 cm de diámetro, 14 cm de cilindro de altura con tapa en la parte superior del vidrio elevado) durante 5 minutos antes de la inyección de veratridina. Se ajustaron cámaras de video por debajo para el registro del comportamiento del ratón (5 minutos de aclimatación y 20 minutos de sesión de pruebas). En el tiempo de la prueba, los ratones se inmovilizaron ligeramente en un guante de tela y se inyectaron con 20 µL de

1 µg de veratridina (Sigma-Aldrich #V109) en 1% de etanol en suspensión salina amortiguada con fosfato en la superficie dorsal de la pata trasera izquierda usando una jeringa de insulina (U100, 0.3cc, 28-30G). Inmediatamente después de la inyección de veratridina, los animales se regresaron a la cámara y se observaron durante 20 minutos. El comportamiento de levantamiento/lamedura de la pata se registró en intervalos de 5 minutos después de lo cual se midieron los anchos de la pata ipsilaterales y contralaterales. Después de la terminación del estudio los animales se sacrificaron inmediatamente.

En el primer modelo de dolor de veratridina de ratón, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) se dosificó a 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pretratamiento de 1 hora, y la mexiletina se dosificó en una dosis de 30 mg/kg intraperitoneal (“i.p.”) con un tiempo de pretratamiento de 30 minutos como un control. El efecto antinociceptivo se midió en los compartimientos nociceptivos espontáneos inducidos por veratridina (inyección de 1 µg en la pata dorsal) en ratones CD-1. En general hubo una buena respuesta al levantamiento de la pata del grupo de vehículo que se invirtió significativamente con mexiletina. En 5 mg/kg, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) fue incapaz de reducir significativamente el comportamiento de levantamiento. (Véase, Figura 75). No hubo reducción del edema de la pata por todos los grupos. (Véase, Figura 76). Sin embargo, en la examinación del curso de tiempo del experimento el péptido no pareció que tuviera algún efecto durante los períodos de

tiempo de 10-15 y 15-20 minutos. (Véase, Figura 77). La exposición terminal (concentración en plasma de péptido a 1.5 h pos inyección de péptido) fue de 0.70 ± 0.10 µM para la dosis de 5 mg/kg.

En la repetición del modelo de dolor de veratridina de ratón, [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) se dosificó a 1 y 5 mg/kg s.c. con un tiempo de pretratamiento de 1 hora, y la mexiletina se dosificó en una dosis de 30 mg/kg i.p. con un tiempo de pretratamiento de 30 minutos como un control. No hubo una respuesta de levantamiento de la pata consistente del grupo de vehículo que se invirtió significativamente con la mexiletina. En 1 y 5 mg/kg, el [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) no tuvo efecto del comportamiento de levantamiento. (Véase, Figura 78). No hubo reducción del edema de la pata en ninguno de los grupos. (Véase, Figura 79). Las dosis de péptido no tuvieron efecto significativo por todo el curso de tiempo del experimento. (Véase, Figura 80). Las exposiciones terminales (concentración en plasma de péptido a 1.5 h pos inyección de péptido) fueron 0.72 ± 0.13 µM y 0.09 ± 0.05 µM para las dosis de 5 y 1 mg/kg, respectivamente.

El ejemplo anterior de los modelos de dolor in vivo para la clasificación de las modalidades terapéuticas de las moléculas inventivas no es limitante. El profesional experto está consciente de otros modelos de dolor relevantes.

Ejemplo 10: Evaluación de Seguridad Cardíaca Preliminar

Corazón de Conejo Perfusionado Aislado (Preparación de Langendorff). Los efectos del [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID

NO:22) en el ensayo de corazón de conejo perfusionado aislado (preparación de Langendorff) se determinaron como se describe a continuación, por lo cual los resultados se muestran posteriormente en la Tabla 36 y Tabla 37.

Tabla 36. Efectos de 1 µM de [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en intervalos de electrocardiografía en el ensayo de corazón de conejo perfusionado aislado (preparación de Langendorff). El péptido no tuvo efectos de retraso en la repolarización ventricular (intervalos QTc o JTc). El péptido no tuvo efectos en el ritmo cardíaco (HR). El péptido tampoco tuvo efectos en la despolarización y conducción ventricular (intervalos QRS y PR). (Abreviaciones: **HR**, ritmo cardíaco; intervalo **PR**, intervalo de tiempo desde el inicio de la despolarización atrial (onda P) hasta el inicio de la despolarización ventricular (complejo QRS); duración **QRS**, intervalo de tiempo desde el inicio hasta el final del complejo QRS, que es la duración de la despolarización ventricular; intervalo **QT**, intervalo de tiempo desde el inicio del complejo QRS hasta el final de la onda T, es la duración de la despolarización y repolarización ventricular; intervalo **QTc**, intervalo QT corregido con HR; intervalo **JT**, la diferencia entre el intervalo QT y la duración QRS (JT = QT - QRS), que es la duración de la repolarización ventricular; e intervalo **JTc**, intervalo JT corregido con HR).

ESTADÍSTICAS (VALORES NORMALIZADOS), %

Medio

Tratamiento	HR	PR	QRS	QT	QTcF	JT	JTcF
1% de BSA	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
1uMSEQ ID NO. 22	-0.18	-3.52	-1.55	-4.19	-4.22	-4.57	-4.50
Desviación Estándar							
Tratamiento	HR	PR	QRS	QT	QTcF	JT	JTcF
1% de BSA	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
1uMSEQ ID NO. 22	1.87	2.19	2.66	2.48	2.10	3.12	2.75

Tabla 37. Efectos del [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) 1 µM en los parámetros hemodinámicos en el ensayo de corazón de conejo perfusionado aislado (preparación de Langendorff). El péptido no tuvo efectos en la contractilidad LV (dP/dt+) y no tuvo efectos en el flujo de sangre coronaria (CF). El péptido no tuvo efectos directos en la vasculatura coronaria. (Abreviaciones: **LVSP**, presión sistólica ventricular izquierda; **LVDP**, presión diastólica ventricular izquierda; **dP/dt+**, velocidad máxima de incremento en la presión LV; **dP/dt-**, velocidad mínima de disminución en la presión LV; **LVDevP**, LV, presión desarrollada por LV, LVDevP = LVSP-LVDP; y **CF**, flujo coronario).

LVP-Valores Normalizados (%)							
uM	LVSP, medio	LVDP, medio	dPldt+, medio	dPldt-, medio	Flujo, medio	LVDevP	N
Línea base	1.64	0.02	1.72	2.60	0.04	1.89	4
1uM SEQ	-6.81	-3.16	-6.55	-2.93	0.29	-7.22	4

ID NO. 22							
Desviación Estándar							
uM	LVSP, SD	LVDP, SD	dPldt+, SD	dPldt-, SD	Flujo, SD	LVDevP, SD	N
Línea base	2.13	0.40	1.61	3.66	0.45	2.51	4
1uM SEQ ID NO. 22	1.41	7.15	2.72	0.93	7.99	1.10	4

Adquisición y Aclimatación. Seis conejos blancos de Nueva Zelanda hembras, de 14-22 semanas de edad y de 2.5-3.5 kg se obtuvieron de Harlan Laboratories. En la recepción, los conejos se examinaron por el personal veterinario para asegurar el estado de salud aceptable. Se proporcionó cuidado veterinario por los veterinarios y el personal. Los conejos se aclimataron durante al menos 7 días antes del uso. Los conejos enfermos no se usaron para el estudio.

Método de Identificación. A cada conejo se le asignó un número de identificación por el proveedor. Una etiqueta de oreja que contiene el número de identificación se fijó a cada conejo por el proveedor. Este número de identificación se mostró en una tarjeta de la jaula, junto con la fecha de llegada, fecha de nacimiento, fuente y sexo del conejo. Los números de identificación de los conejos usados en el estudio y sus pesos finales se registraron en los blocs de notas. Composición del Medio de Perfusión. El medio de perfusión

consiste de solución amortiguadora de Krebs-Henseleit oxigenada modificada (37ºC en el corazón) compuesta de (mM): NaCl (120), KCl (4.7), $MgSO_4$ (1.2), KH_2PO_4 (1.2), d-glucosa (11.1), $CaCl_2$ (1.8), $NaHCO_3$ (25), y Na-piruvato (2.0). Este medio de perfusión se hiso burbujear constantemente con 95% de O_2/5% de CO_2. A someter a prueba el [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22), se adicionó 1% de BSA en la solución amortiguadora.

Anestesia y Remoción del Corazón. Cada conejo se anestesió con pentobarbital (50 mg/kg, IV; vena de la oreja). La supresión completa del dolor se evaluó al picar una pata (reflejo de retiro de pedal). Los conejos se inmovilizaron en un inmovilizador de jaula de conejo mientras que la inducción de anestesia se llevó a cabo para evitar la lesión al animal y al investigador.

Exposición del corazón: Una vez que el animal se anestesió el corazón se extirpó. El diafragma se evaluó por una incisión transabdominal y se cortó cuidadosamente para exponer la cavidad torácica. El tórax se abrió por una incisión bilateral a lo largo del margen inferior de las costillas última a la primera, la caja torácica luego se reflejó cobre la cabeza de los animales, exponiendo el corazón. Para remover el corazón, el órgano se sujetó con cuidado suavemente entre los dedos para evitar lesión y se levantó ligeramente antes de corta la aorta, la vena cava y los vasos pulmonares.

Preparación Aislada del Corazón Perfusionado por el Aparato de Langendorff. Los corazones se removieron

rápidamente, se montaron sobre un aparato de Langendorff, y se perfusionaron con solución amortiguadora de Krebs-Henseleit oxigenada bajo presión constante. Se incluyeron corazones que laten espontáneamente (no estimulados) en el estudio si mostraron valores de referencia aceptables y estables para cada parámetro (mecánico, ritmo cardíaco, intervalo cardíaco, etcétera) durante el período de equilibrio. La temperatura de la solución amortiguadora de perfusión se mantuvo a ~ 37ºC por todo el período del estudio.

Plan Experimental. Cada corazón individual (N = 4 total) se equilibró durante aproximadamente 30 a 60 minutos. Después de este período de equilibrio, las mediciones de línea base se recolectaron durante aproximadamente 10 minutos en 1% de BSA. Después de este período, los corazones se expusieron al [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22) en 1 M durante 20 minutos. Los parámetros cardíacos se midieron continuamente durante el estudio usando un sistema de adquisición de datos computarizado. (Véase Qu y colaboradores, BeKm-1, A Peptide Inhibitor of hERG potassium currents, prolongs QTc intervals in isolated rabbit heart, J. Pharmacol. Exp. Ther. (337):2-8 (2011) para detalles y estudios de validación).

Mediciones Electrocardiográficas. Se registraron electrocardiogramas de superficie en contacto de 2 terminales simultáneos con electrodos unipolares flexibles colocados en el corazón, uno sobre el epicardio de los ventrículos y el otro sobre el epicardio del atrio izquierdo.

Mediciones Hemodinámicas. El globo de látex en el ventrículo izquierdo (LV) se expandió con agua para lograr un LVEDP de aproximadamente 5-10 mmHg. El globo se conectó con tubería a un transductor de presión para medir el LVEDP y LVSP. La presión de perfusión coronaria (CPP) se midió con un transductor de presión conectado a un orificio de brazo lateral del bloque aórtico.

Análisis de Datos. Para el análisis, la presión ventricular izquierda (LVP) y CPP se llevaron a cabo automáticamente con Notocord. Las mediciones de 30 segundos finales del período de equilibrio y cada período de exposición de dosis se evaluaron y se usaron para determinar los efectos. Los electrocardiogramas (ECGs) se analizaron con el software EMKA ecgAUTO (EMKA Technologies, Paris, Francia) y se analizaron formas de ondas ECG consecutivas de 1 minuto (30 segundos antes del siguiente marcador de evento) para los intervalos HR, PR, QRS y QT. Los valores de cada corazón individual se agruparon para determinar un promedio para cada variable en concentraciones individuales. También se determinó un porcentaje de cambio promedio de cada variable entre la línea base y cada concentración. Para la corrección HR de los intervalos QT, se usó la ecuación de Fridericia ($QTcF=QT/RR^{1/3}$). Los datos se presentan como porcentaje de cambio promedio de cada variable entre la línea base y cada concentración. Un cambio $\geq$ 10% en FC, PR, QRS, QTc y JTc y un cambio de $\geq$ 15% en +dP/dt y CF se consideran relacionados con el fármaco. Todos los valores se presentan como medios $\pm$ S.D.

Resultados. En una concentración de 1 μM, el [Ala5]GpTx-1(1-34) (SEQ ID NO:22), no tuvo efectos en el ensayo de corazón de conejo perfusionado aislado (preparación de Langendorff). El péptido no tuvo efectos de retraso en la repolarización ventricular (intervalos QTc o JTc) y no tuvo efectos en el ritmo cardíaco. El péptido tampoco tuvo efectos en la despolarización ventricular y la conducción (intervalos QRS y PR). El péptido no tuvo efectos en la contractilidad LV (dP/dt+) y no tuvo efectos en el flujo sanguíneo coronario (CF). El péptido no tuvo efectos directos en la vasculatura coronaria.

Ejemplo 11: Conjugación de péptido específica de sitio

Se usó el siguiente protocolo para los análogos de péptido de toxina específicamente conjugados de sitio (véase, Tabla 5A y Tabla 5B para las secuencias de aminoácidos análogas de péptido de toxina) a ya sea una inmunoglobulina humana en un sitio de enlace en la cadena pesada (C273 de SEQ ID NO:3087) o en un dominio Fc de inmunoglobulina humana (en C52 de SEQ ID NO:3089).

Preparación de los constructos de ligaduras de péptido. Péptidos que contienen alquino se sometieron a cicloadición 1,3-dipolar catalizada con cobre con bromoacetamidas azido-PEG de dos longitudes diferentes para obtener los péptidos pegilados específicos de sitio con un enlace de triazol, convirtiendo de esta manera una propargilglicina o residuo Pra en la secuencia a una 3-(1,2,3-triazol-4-il)alanina o residuo Atz. (Véase, Figura 81B). Se prepararon recientes péptido que contiene ya sea soluciones de propargilglicina

(Pra) en la posición 13 o 4-pentinoilo (4-Pen) en el N-terminal (7.4 mM en 6.7 mL en agua), azido-PEG11-bromoacetamida (150 mM, 0.964 mL en agua), tris((1-bencil-1H-1,2,3-triazol-4-il)metil)amina (TBTA, 10 mM, 2.2 mL en DMSO), ascorbato de sodio (50 mM, 10.1 mL en agua) y sulfato de cobre (II) (35 mM, 2.9 mL en agua). El péptido y los reactivos se adicionaron en el siguiente orden a un tubo de centrífuga de 50 mL para lograr las siguientes concentraciones finales. Se adicionó solución madre de péptido (6.7 mL) para una concentración final de 3.7 mM, seguido por la adición de azido-PEG11-bromoacetamida (0.402 mL) para una concentración final de 4.5 mM. Se adicionó TBTA (0.603 mL) para una concentración final de 0.45 mM y se mezcló completamente. Luego se adicionó ascorbato de sodio (4.522 mL) para una concentración final de 16.9 mM y se mezcló completamente. Se adicionó $CuSO_4$ (1.292 mL) para una concentración final de 3.4 mM. La solución se dejó reposar durante 1 hora en tiempo en el cual se evaluó para estar completa por el LC-MS. A un tubo de filtro SPE de 25 mL se adicionó SP Sepharose High Performance como una suspensión (8 mL) con una pipeta. El gel se acondicionó con solución amortiguadora de lavado (50 mL de NaOAc 20 mM, pH = 4.0), se cargó con la solución de péptido, se lavó (50 mL, NaOAc 20 mM, pH = 4.0 y 50 mL, NaOAc 20 mM, pH = 4.0, NaCl 0.1 M) y se eluyó con 45 mL de NaCl 1 M, NaOAc 20 mM, pH = 4.0) en un tubo de centrífuga de 50 mL. La mezcla del producto se purificó al cargarse sobre una columna HPLC preparativa (Phenomenex Luna 5µ C18(2) 100A AXIA, 250 x 30 mm) a 30

mL/min usando una bomba de carga preparativa Agilent. La columna se lavó durante 10 minutos con 10% de B. La columna se unió a una HPLC preparativa (Agilent), y el péptido se eluyó con un gradiente de 10-40% de B durante 60 minutos, seguido por un lavado de 10 minutos y un equilibrio de 10 minutos. Las fracciones se analizaron por LC-MS, se agruparon, y se liofilizaron para proporcionar el constructo de ligadura de péptido puro para conjugación al dominio IgG o Fc.

Preparación/Reducción del Anticuerpo. El anti-DNP mAb (E273C, hIgG1) (kappa/IgG1z) se concentró a ~ 5mg/ml en solución amortiguadora de reacción (fosfato de sodio 20 mM pH 6.8, EDTA 2 mM).

La secuencia de aminoácidos del monómero de cadena pesada de IgG humana que se usó fue la siguiente (la región variable está subrayada; el sitio de enlace C273 está en cursivas y subrayado):

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEW VAVIWYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARYN FNYGMDVWGQGTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDY FPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYI CNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPCVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNST YRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVY TLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLD SDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK//SEQ ID NO.: 3087.

La secuencia de aminoácidos del monómero de cadena ligera kappa IgG humana que se usó fue la siguiente (la región variable está subrayada):

DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISRRLAWYQQKPGKAPKLLIYAA SSLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQANSFPFTFGPGTKVDIKRTVAA P SVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDST YSLSSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC// SEQ ID NO.: 3088.

La secuencia de aminoácidos del monómero de dominio IgG1z Fc humano que se usó fue la siguiente (el sitio de enlace C52 está en cursivas y subrayados):

DKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHE DP*C*VKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWES NGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK SLSLSPGK//SEQ ID NO.: 3089.

Tabla 38. Conjugados de inmunoglobulina-péptido y conjugados de dominio Fc-péptido hechos. Las moléculas conjugadas “monovalentes” tuvieron un péptido de toxina (es decir, péptido covalentemente conjugado a través de la ligadura a un monómero de dominio HC o Fc en la molécula, pero no al otro monómero de dominio HC o Fc) en la molécula; las moléculas conjugadas “bivalentes” tuvieron dos péptidos de toxina (es decir, un péptido covalentemente conjugado a través de la ligadura a cada monómero de dominio HC o Fc en la molécula). Las SEQ ID NOS:1046, 1047, y 1048 son como se exponen en la Tabla 5A.

Designación	SEQ ID NO del péptido de toxina	Ligadura y posición del residuo del enlace en el péptido de toxina	SEQ ID NOS de monómeros de inmunoglobulina en la molécula conjugada	Monovalente o Bivalente
Conjugado 1 de Fc-péptido	1046	PEG11-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3089; 3089	Monovalente
Conjugado 2 de Fc-péptido	1046	PEG11-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3089; 3089	Bivalente
Conjugado 1 de inmunoglobulina-péptido	1046	PEG11-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3087; 3088; 3087; 3088	Monovalente
Conjugado 2 de inmunoglobulina-péptido	1046	PEG11-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3087; 3088; 3087; 3088	Bivalente
Conjugado 3 de Fc-péptido	1047	PEG11-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3089; 3089	Monovalente
Conjugado 4 de Fc-péptido	1047	PEG11-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3089; 3089	Bivalente
Conjugado 3 de inmunoglobulina-péptido	1047	PEG11-ligadura (acetamidometil) en cadena lateral de residuo 13	3087; 3088; 3087; 3088	Monovalente
Conjugado 4 de inmunoglobulina-péptido	1047	PEG11-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3087; 3088; 3087; 3088	Bivalente
		ligadura de		

Conjugado 5 de Fc-péptido	1048	acetamidometil-NPEG11-triazol en el N-terminal	3089; 3089	Monovalente
Conjugado 6 de Fc-péptido	1048	ligadura de acetamidometil-NPEG11-triazol en el N-terminal	3089; 3089	Bivalente
Conjugado 5 de inmunoglobulina-péptido	1048	ligadura de acetamidometil-NPEG11-triazol en el N-terminal	3087; 3088; 3087; 3088	Monovalente
Conjugado 6 de inmunoglobulina-péptido	1048	ligadura de acetamidometil-NPEG11-triazol en el N-terminal	3087; 3088; 3087; 3088	Bivalente
Conjugado 7 de Fc-péptido	1046	PEG3-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3089; 3089	Monovalente
Conjugado 8 de Fc-péptido	1046	PEG3-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3089; 3089	Bivalente
Conjugado 7 de inmunoglobulina-péptido	1046	PEG3-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3087; 3088; 3087; 3088	Monovalente
Conjugado 8 de inmunoglobulina-péptido	1046	PEG3-ligadura (acetamidometilo) residuo 13 de la cadena lateral	3087; 3088; 3087; 3088	Bivalente

La reducción de las cisteínas diseñadas se hizo al incubar mAb con una relación molar de 1:1 de TCEP a cisteína (2:1 TECP a mAb) a temperatura ambiente durante 30 minutos. El TCEP se removió usando una columna de desalación de giro Zeba (≥ 7 kD Pierce) equilibrada con solución amortiguadora de reacción. Se concentraron las preparaciones de gran escala a un volumen apropiado antes de la carga usando

concentradores de centrifuga amicon ultra (10,000-30,000 MWCO).

Preparación del péptido. La ligadura de péptido liofilizado que contiene una funcionalidad de bromoacetamida se resuspendió en agua a 20mg/ml inmediatamente antes de la reacción de conjugación.

Reacción de conjugación. El péptido y el mAb reducidos se mezclaron en una relación molar de 2.5:1 de péptido a cisteína (5:1 de péptido a mAb) en la solución amortiguadora de reacción en una concentración de mAb de 5 mg/ml y se incubó durante 12-16 horas a 4°C. Las cisteínas libres diseñadas en la inmunoglobulina reaccionan con la funcionalidad de bromoacetamida en la ligadura de péptido para formar un conjugado de inmunoglobulina-péptido específico de sitio con un enlace de tioacetamida estable. (Véase, Figuras 81B y Figura 82). Si una cisteína reacciona, entonces el resultado es un conjugado de inmunoglobulina-péptido monovalente, y si ambas cisteínas reaccionan, entonces el resultado es un conjugado de inmunoglobulina-péptido bivalente.

Purificación de los conjugados. Después de la incubación, la reacción de conjugación se desaló para remover el péptido libre en exceso y se cargó sobre una columna SP-HP HiTrap (GE Healthcare; columna de 1 ml para preparaciones <10 mg, columna de 5 ml para preparaciones >10mg). La columna se enjuagó en 5 volúmenes de columna de 90% de solución amortiguadora A (fosfato de sodio 10 mM, pH 6.5, 5% de etanol) 10% de solución amortiguadora B (fosfato de sodio 10

mM, pH 6.5, 5% de etanol, NaCl 1 M). Los conjugados (véase, Tabla 38) se eluyeron sobre un gradiente de volumen de columna 20 de 20% de solución amortiguadora B a 70% de solución amortiguadora B. El mAb no modificado se eluye primero seguido por el conjugado de inmunoglobulina-péptido monovalente (1 péptido por mAb), seguido por el conjugado de inmunoglobulina-péptido bivalente (2 péptidos por mAb). Los conjugados de orden más alto que resultan de la sobre reducción del mAb se eluyen posteriormente. (Véase, Figura 83 para los conjugados de inmunoglobulina mAb-péptido y la Figura 84 para los conjugados de dominio Fc-péptido). Después de la purificación, los conjugados se formularon en una solución amortiguadora de almacenamiento A5SU (acetato de sodio 10 mM pH 5.0, 9% de sacarosa) y se concentraron a 10mg/ml para ser almacenados a -80°C.

Análisis de los conjugados. Los conjugados se ejecutaron en SDS-PAGE reductor para confirmar la conjugación a la cadena pesada (incremento en el tamaño por ~5 kD) y SDS- PAGE no de reducción para confirmar los disulfuros internos que permanecieron intactos. (Véase, Figura 83 para los conjugados de inmunoglobulina mAb-péptido y la Figura 84 para los conjugados de dominio Fc-péptido). Los conjugados se corrieron sobre SEC analítico para determinar si la agregación estuvo presente (columna 10/300 Superdex-200 en fosfato de sodio 100 mM, NaCl 250 mM, pH 6.8 con elución isocrática-1 ml/minuto durante 35 minutos). (Véase, Figura 85).

Análisis LC-MS-TOF de los conjugados. La espectrometría LC/MS de los conjugados de péptidos se registró usando un espectrómetro TOF LC/MS Agilent 6224 con un método no reducido. Después de la calibración, se cargó una muestra intacta de 5 µg sobre una columna C6 Zorbax 300SB (1 x 50 mm, 3.5 µm, Agilent Technologies) en operación a 75ºC con una velocidad de flujo de 50 µl/minuto. El conjugado de péptido se eluyó de la columna usando un gradiente de 90% de n-propanol con 0.1% de TFA (Solución Amortiguadora B) y 0.1% de TFA en agua (Solución Amortiguadora A). La condición del gradiente fue de 20% a 90% de solución amortiguadora B en 14 minutos. (Véase, Figura 86 para el conjugado de mAb-péptido bivalente y la Figura 87 para el conjugado de dominio Fc-péptido bivalente). Los espectros MS indican la adición de dos péptidos a la inmunoglobulina y el dominio Fc de inmunoglobulina, respectivamente. La presencia de múltiples picos es debido a las diferentes isoformas de glicosilación.

Resultados de Reacción Específicos. De 100 mg de anti-DNP mAb (E273C, hIgG1) y 15 mg del constructo de ligadura de péptido (SEQ ID NO:1062) se obtuvieron 22 mg de conjugado bivalente (Conjugado 2 de Inmunoglobulina-péptido) y 11 mg de conjugado monovalente (Conjugado 1 de Inmunoglobulina-péptido). Las muestras se concentraron a 10 mg/mL en solución amortiguadora A5SU y se almacenaron como alícuotas a -80°C.

Modelos de los Conjugados de Péptido. Para propósitos ilustrativos solamente, se crearon los modelos del Conjugado 1 de Fc-péptido, Conjugado 2 de Fc-péptido, Conjugado 1 de Inmunoglobulina-péptido y Conjugado 2 de Inmunoglobulina-péptido (MOE; Chemical Computing Group:Montreal, Quebec, Canadá, 2010). (Véase, Figuras 88-91). Un modelo de homología del anti-DNP mAb (E273C) hIgG1 (que comprende monómeros de inmunoglobulina de SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) y dominio Fc anti-DNP mAb (E52C) hIgG1 (homodímero de SEQ ID NO:3089) se construyó de una estructura de cristal de inmunoglobulina (1HZH.pdb) usando el programa MOE (MOE; Chemical Computing Group:Montreal, Quebec, Canadá, 2010). Los sitios de conjugación, Cys273 en la inmunoglobulina y Cys52 en el dominio Fc de inmunoglobulina, son indicados. Las ligaduras PEG11 se representan en una conformación arbitraria que conecta el residuo(s) de cisteína apropiado en la inmunoglobulina y el dominio Fc de inmunoglobulina al residuo(s) Atz13 en el péptido(s). Un modelo de homología del péptido (SEQ ID NO:1046) se construyó de la estructura RMN de GpTx-1 (MOE; Chemical Computing Group:Montreal, Quebec, Canadá, 2010) y se muestra en una orientación relativa arbitraria a la inmunoglobulina y el dominio Fc de inmunoglobulina. Uno o dos péptidos se muestran para reflejar el carácter monovalente o bivalente de cada conjugado de péptido.

Ejemplo 12: Farmacocinética preliminar de los conjugados de péptido en ratones

Estudios farmacocinéticos (PK) de conjugados de péptido de toxina. Un estudio PK preliminar se condujo con ratones CD-1 no modificados de 7 semanas de edad de Taconic. El Fc-P2 (Conjugado 2 de Fc-Péptido) o su Fc de control (SEQ ID NO:1062) se dosificaron subcutáneamente en 1 mg/kg o 10 mg/kg para cuatro grupos separados de doce ratones. En un cohorte separado, un Ab-P2 (Conjugado 2 de Inmunoglobulina-péptido) o su Ab de control (anti-DNP mAb (E273C, hIgG1; que comprenden monómeros de inmunoglobulina de SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088; SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO:3088) se dosificaron subcutáneamente a 1 mg/kg o 10 mg/kg para cuatro grupos separados de doce ratones. Las inyecciones subcutáneas se administraron en la nuca. A 0.5, 1, 2, 4, 8 y 24 horas pos dosis, 2 ratones de cada uno de las cuatro vías de dosificación se sacrificaron y las muestras de sangre y cerebro se recolectaron. Los cerebros se pesaron y se congelaron a -80°C inmediatamente. Las muestras de sangre se recolectaron en tubos microtainer tratados con EDTA y se centrifugaron a 13000 rpm durante 5 minutos, después de lo cual el plasma se extrajo y se congeló a -80°C en una placa de 96 pocillos.

Procedimiento Analítico LC-MS/MS. Se hicieron soluciones madre de conjugado de péptido (Conjugado 2 de Inmunoglobulina-Péptido o Conjugado 2 de Fc-Péptido) (100 mg/mL) de estándares de referencia de conjugado en DPBS con 1% de BSA y se almacenaron a -20°C. Las muestras estándares se prepararon en suero de ratón. Las concentraciones estándares de 25, 50, 100, 250, 500, 1000, 2500, 5000 y

10,000 ng/mL se prepararon por dilución en serie de una solución de 10,000 ng/mL recientemente preparada en suero de ratón usando 100 µg/mL de soluciones madre conjugadas de péptido. 25 µl de muestras de suero se distribuyeron en alícuotas en el pocillo apropiado de una placa de 96 pocillos, seguido por la adición de 25 µl de solución estándar interna (1 µg/mL, αDA-IgG2 uniformemente etiquetada con [^{15}N, $^{13}C_6$]-Leu hecha en DPBS con 1% de BSA). Las muestras de plasma luego se procesaron para la captura de inmunoafinidad en un formato de placa de 96 pocillos que usan cuentas magnéticas inmovilizadas con anticuerpo de ratón Fc antihumano, seguido por digestión de tripsina y extracción de fase sólida usando una placa de extracción de fase sólida de 96 pocillos Oasis HLB µElution para extraer los péptidos trípticos, los extractos se inyectaron (10 µL) sobre el sistema LC-MS/MS para análisis.

El LC-MS/MS consistió de un sistema Acquity UPLC (Waters, Milford, MA) acoplado a un espectrómetro de masas 5500 QTRAP (AB Sciex, Toronto, Canadá) con una fuente de ionización Turbo IonSpray^{MR}. La columna analítica fue una Acquity UPLC BEH C_{18} (100 x 2.1 mm, 1.7 µm). Las fases móviles fueron 0.1% de ácido fórmico en acetonitrilo/agua (5/95, v/v, fase móvil A) y 0.1% de ácido fórmico en acetonitrilo/agua (95/5, v/v, fase móvil B). El DCLGAFR N-terminal (SEQ ID NO:1050) del péptido SEQ ID NO:1062 se usó como un péptido sustituto para el análisis cuantitativo del conjugado de

péptido (Conjugado 2 de Inmunoglobulina-Péptido o Conjugado 2 de Fc-Péptido).

Los datos se recolectaron y procesaron usando el software AB Sciex Analyst^{MR} (versión 1.5).

La curva de calibración se derivó de las relaciones de área pico (péptido/estándar internos) usando la regresión de mínimos cuadrados lineal ponderada $1/x^2$ de la relación de área versus la concentración del estándar de conjugado de péptido correspondiente. La ecuación de regresión de los estándares de calibración se usó para calcular de nuevo la concentración medida para cada estándar y las muestras de suero de ratón.

Los resultados de los estudios PK preliminares mostraron que las exposiciones para los conjugados de péptido fueron ligeramente menores que para la IgG y Fc no modificados, respectivamente. (Véase, Figura 88 y Figura 89). En ambos casos, una dosis de 10 mg/kg s.c. dio por resultado concentraciones en plasma en o cerca de la IC_{50} del Nav1.7 in vitro de los conjugados de péptido respectivos a 24 horas. La C_{max} para (Conjugado 2 de Fc-Péptido) se alcanzó entre 8 y 24 horas, pero la C_{max} para (Conjugado 2 de Inmunoglobulina-Péptido) se presentó en o después de 24 horas. Una $t_{1/2}$ in vivo precisa no fue capaz de ser calculado debido a la brevedad del experimento. El Conjugado 2 de Inmunoglobulina-Péptido y el Conjugado 2 de Fc-Péptido ambos se sometieron a prueba en el análisis de campo abierto en ratones en una dosis de 10 mg/kg s.c. con un tiempo de pretratamiento de 24 horas y no tuvo efecto

significativo en actividad locomotora de los animales. (Ver, Figuras 111-114). El Conjugado 2 de Inmunoglobulina-Péptido y el Conjugado 2 de Fc-Péptido ambos se probaron en el modelo de dolor de formalina en ratones a una dosis de 10 mg/kg s.c. con un tiempo de pre-tratamiento de 24 h y no tiene efecto importante en el levantamiento/lamedura que gastó la pata afectada durante ya sea la primera o segunda fase del estudio. (Ver, Figuras 115-117). Es posible que la dosis no fuera suficiente para cubrir el objetivo in vivo y la eficacia observada.

Abreviaturas

Las abreviaturas usadas a través de esta especificación se definen enseguida, a menos que se defina de otra manera en circunstancias específicas.

Ac	acetilo (usado para referirse a acetilado residuos)
AcBpa	p-benzoil-L-fenilalanina acetilada
ACN	acetonitrilo
AcOH	ácido acético
ADCC	citotoxicidad celular dependiente del anticuerpo
Aib	ácido aminoisobutírico
bA	beta-alanina
Bpa	p-benzoil-L-fenilalanina
BrAc	bromoacetilo ($BrCH_2C(O)$
BSA	albúmina de suero de bovino
Bzl	Bencilo
Cap	ácido capróico
CBC	contéo sanguíneo completo

SNC	sistema nervioso central
COPD	enfermedad pulmonar obstructiva crónica
CTL	linfocitos T citotóxicos
DCC	Dicilcohexilcarbodiimida
Dde	1-(4,4-dimetil-2,6-dioxo-ciclohexiliden)etilo
DOPC	1,2-Dioleoil-sn-Glicero-3-fosfocolina
DOPE	1,2-Dioleoil-sn-Glicero-3-fosfoetanolamina
DPPC	1,2-Dipalmitoil-sn-Glicero-3-fosfocolina
DRG	ganglio de raíz dorsal
DSPC	1,2-Distearoil-sn-Glicero-3-fosfocolina
DTT	Ditiotreitol
EAE	encefalomielitis autoinmunitaria experimental
ECL	quimioluminiscencia aumentada
ESI-MS	espectrometría de masa de ionización por rocío de electrones
Et	etilo
FACS	clasificación de célula activada por fluorescencia
Fmoc	fluorenilmetoxicarbonilo
HOBt	1-Hidroxibenzotriazol
HPLC	cromatografía líquida de alta resolución
HSL	homoserina lactona
IB	cuerpos de inclusión
IWQ	IonWorks® Quattro
KCa	canal de potasio activado por calcio (incluyendo IKCa, BKCa, SKCa)
KLH	Hemocianina de Lapa
Kv	canal de potasio abierto por voltaje
Lau	ácido láurico

LPS	lipopolisacárido
LYMPH	linfocitos
MALDI-MS	espectrometría de masa de ionización por desorción láser asistida por matriz
Me	metilo
MeO	metoxi
MeOH	metanol
MHC	complejo de histocompatibilidad principal
MMP	metaloproteinasa de matriz
PM	Peso Molecular
PMCO	Corte de Peso Molecular
1-Nap	1-naptilalanina
Nav, Na_V	canal de sodio abierto por voltaje
NEUT	neutrófilos
Nle	norleucina
NMP	N-metil-2-pirrolidinona
OAc	acetato
PAGE	electroforesis en gel de poliacrilamida
PBMC	célula mononuclear de sangre periférica
PBS	solución salina amortiguada en fosfato
Pbf	2,2,4,6,7-pendametildihidrobenzofuran-5-sulfonilo
PCR	reacción de cadena de polimerasa
PD	farmacodinámica
Pec	ácido pipecólico
PEG	Poli(etilenglicol)
Pic	ácido picolínico
PK	farmacocinética
PNS	sistema nervioso periférico

PX	PatchXpress®
pY	fosfotirosina
RBS	sitio de enlace a ribosoma
TA	temperatura ambiente (25 °C)
Sar	sarcosina
SDS	dodecil sulfato de sodio
STK	serina-treonina cinasas
t-Boc	tert-Butoxicarbonilo
tBu	tert-Butilo
TCR	receptor de célula T
TFA	ácido trifluoroacético
TG	ganglio trigeminal
THF	factor humoral tímico
Trt	tritilo
TTX	tetrodotoxina

NOVEDAD DE LA INVENCIÓN

Habiendo descrito la presente invención, se considera como novedad, y por lo tanto se reclama como propiedad lo contenido en las siguientes:

REIVINDICACIONES

1. Un polipéptido aislado, caracterizado porque comprende la secuencia de aminoácidos de la fórmula:

Asp-Cys-Leu-Gly-Phe-X_{aa}^{6}-Arg-Lys-Cys-X_{aa}^{10}-Pro-Asp-X_{aa}^{13}-Asp-Lys-Cys-Cys-Arg-Pro-Asn-Leu-Val-Cys-Ser-Arg-X_{aa}^{26}-His-X_{aa}^{28}-Trp-Cys-Lys-Tyr-Val-Phe, en donde:

X_{aa}^{6} es un residuo de Gly, Ala, Phe, Ile, Leu, Val, Trp, Tyr, norleucina, norvalina, Pro, 2-piridinilalanina, 1-Nal, 2-Nal, 1'NMe-Trp, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 2-cloro-fenilalanina, 4-cloro-fenilalanina, 3,4-diclorofenilalanina, 4-trifluorometil-fenilalanina, o 4-fenil-fenilalanina (Bip);

X_{aa}^{10} es un residuo de Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metillisina, Dab, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), o 4-fenil-fenilalanina (Bip);

X_{aa}^{13} es un residuo Ala, Asp, Glu, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-

aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metillisina, Dab, norleucina, norvalina, 2-Abu, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), o 4-fenil-fenilalanina (Bip);

X_{aa}^{26} es un residuo de Thr, Leu, Ile, Val, Ser, Met, Gln, Asn, Phe, Tyr, Trp, norleucina, norvalina, 1-Nal, 2-Nal, ciclohexilglicina (Chg), ciclohexilalanina (Cha), 4-fenil-fenilalanina (Bip); Arg, Lys, His, homolisina, ornitina, arginina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metillisina, Dab, Asp, Glu, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, o Gly; y

X_{aa}^{28} es un residuo de Ala, Asp, Glu, fosfoserina, fosfotirosina, ácido gamma-carboxiglutámico, Phe, Gly, His, Lys, Asn, Pro, Gln, Arg, Ser, Thr, Tyr, Pra, Atz, homolisina, ornitina, N-metil-arginina, ω-aminoarginina, ω-metil-arginina, 1-metil-histidina, 3-metil-histidina, homoarginina, N-metil-lisina, N-ε-metillisina,o.

2. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 1, caracterizado porque X_{aa}^{6} es Trp, 1-Nal, Phe, Leu, norleucina, o ciclohexilalanina.

3. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 2, caracterizado porque X_{aa}^{6} es Phe.

4. El polipéptido aisladode conformidad con las

reivindicaciones 1 a 3, caracterizado porque X_{aa}^{10} es Glu.

5. El polipéptido aisladode conformidad con cualquiera de las reivindicaciones 1 a 4, caracterizado porque X_{aa}^{13} es Atz o Pra.

6. El polipéptido aisladode conformidad con cualquiera de las reivindicaciones 1 a 5, caracterizado porque X_{aa}^{26} es Leu.

7. El polipéptido aisladode conformidad con cualquiera de las reivindicaciones 1 a 6, caracterizado porque X_{aa}^{28} es Arg.

8. El polipéptido aislado de conformidad con cualquiera de las reivindicaciones 1 a 6, caracterizado porque X_{aa}^{28} es Atz o Pra

9. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 1,caracterizado porque comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 23, 89, 123, 161, 170, 244, 245, 280, 282, 283, 286, 287, 289, 292, 294, 448, 454, 456, 458, 591, 593, 1049, 1078-1080, 1092-1094, 1106-1108, 1120-1122, 1142-1144, 1153-1155, 1199-1201, 1210-1212, 1256-1258, 1267-1269, 1313-1315, 1324-1326, 1654-1656, 1668-1670, 1682-1684, 1696-1698, 1718-1720, 1729-1731, 1775-1777, 1786-1788, 1832-1834, 1843-1845, 1889-1891, 1900-1902, 2230-2232, 2244-2246, 2258-2260, 2272-2274, 2294-2296, 2305-

2307, 2351-2353, 2362-2364, 2408-2410, 2419-2421, 2465-2467, 2476-2478, 2804-2806, 2818-2820, 2840-2842, 2851-2853, 2897-2899, o 2908-2910.

10. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 9, caracterizado porque comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada de las SEQ ID NOS: 89, 123, 161, 170, 244, 245, o 1049.

11. El polipéptido aislado de conformidad con la reivindicación 1, caracterizado porque el residuo carboxi-terminal es amidado.

12. El polipéptido aislado de conformidad con la reivindicación 1, caracterizado porque el polipéptido está unido covalentemente a una porción que extiende la vida media.

13. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 12, caracterizado porquela porción que extiende la vida media es polietilenglicol de peso molecular de alrededor de 1000 Da hasta alrededor de 100000 Da, un dominio FcIgG, una transtiretina, o una albúmina de suero humano.

14. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 12, caracterizado porquela porción que extiende la vida media comprende una inmunoglobulina humana o

un dominio Fc de inmunoglobulina humano, o ambos.

15. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 14, caracterizado porque el polipéptido aislado está covalentemente ligado a una inmunoglobulina o un dominio Fc de inmunoglobulina para formar un conjugado inmunoglobulina-péptido o Fc-péptido monovalente.

16. El polipéptido aisladode conformidad con la reivindicación 14, caracterizado porque dos copias del polipéptido aislado están covalentemente ligadas a una inmunoglobulina o un dominio Fc de inmunoglobulina para formar un conjugado inmunoglobulina-péptido o Fc-péptido divalente.

17. Una composición, caracterizada porque comprende el polipéptido aislado de conformidad con cualquiera de las reivindicaciones 1 a 16, y un portador farmacéuticamente aceptable.

RESUMEN DE LA INVENCIÓN

Se describe una composición de material que comprende un polipéptido aislado, el cual es un inhibidor $Na_V1.7$ restringido periféricamente. En algunas modalidades descritas, el polipéptido aislado es un inhibidor de $Na_V1.7$ y/o $Na_V1.3$. Otras modalidades son modalidades conjugadas de la composición de materia inventiva y de las composiciones farmacéuticas que contienen la composición de materia inventiva. Se describen los ácidos nucleicos aislados que codifican algunas modalidades de polipéptidos inventivos y vectores de expresión, y células hospederas recombinantes que los contienen. También se describe un método de tratamiento o prevención del dolor.

FIG. 1

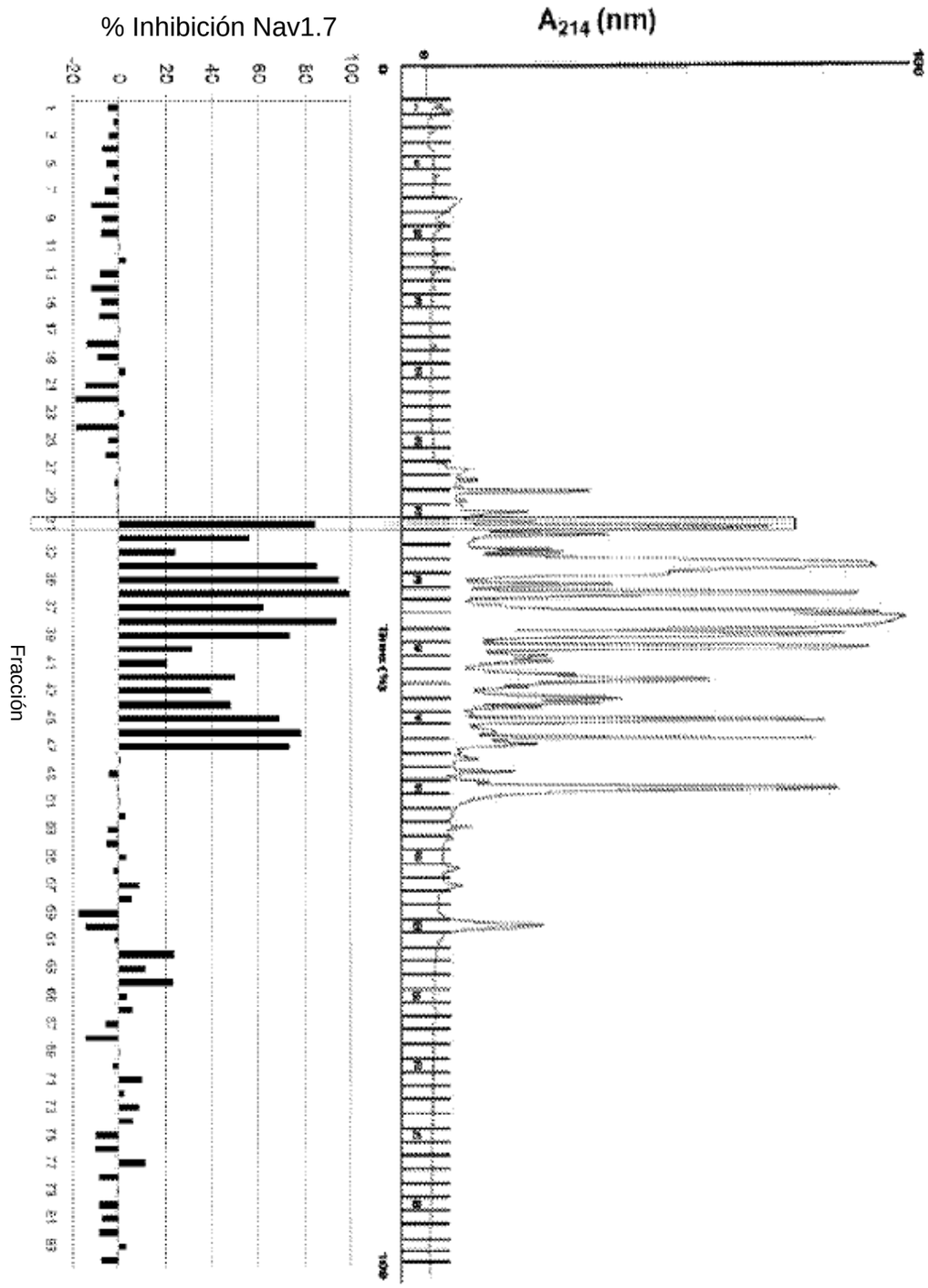


FIG. 2

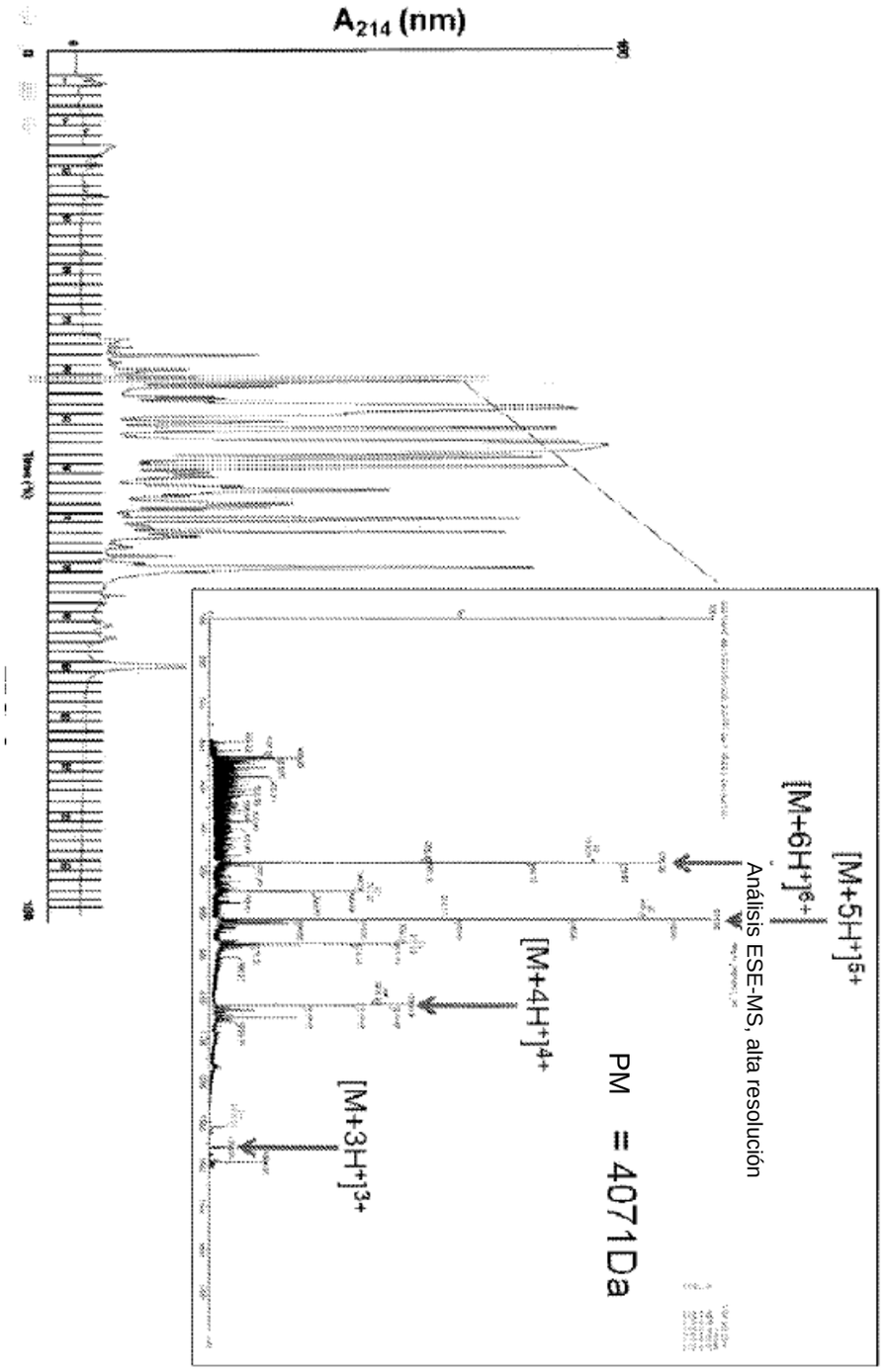

A214 (nm)
[M+5H+]5+
[M+6H+]6+
Análisis ESE-MS, alta resolución
PM = 4071Da
[M+4H+]4+
[M+3H+]3+

FIG. 3

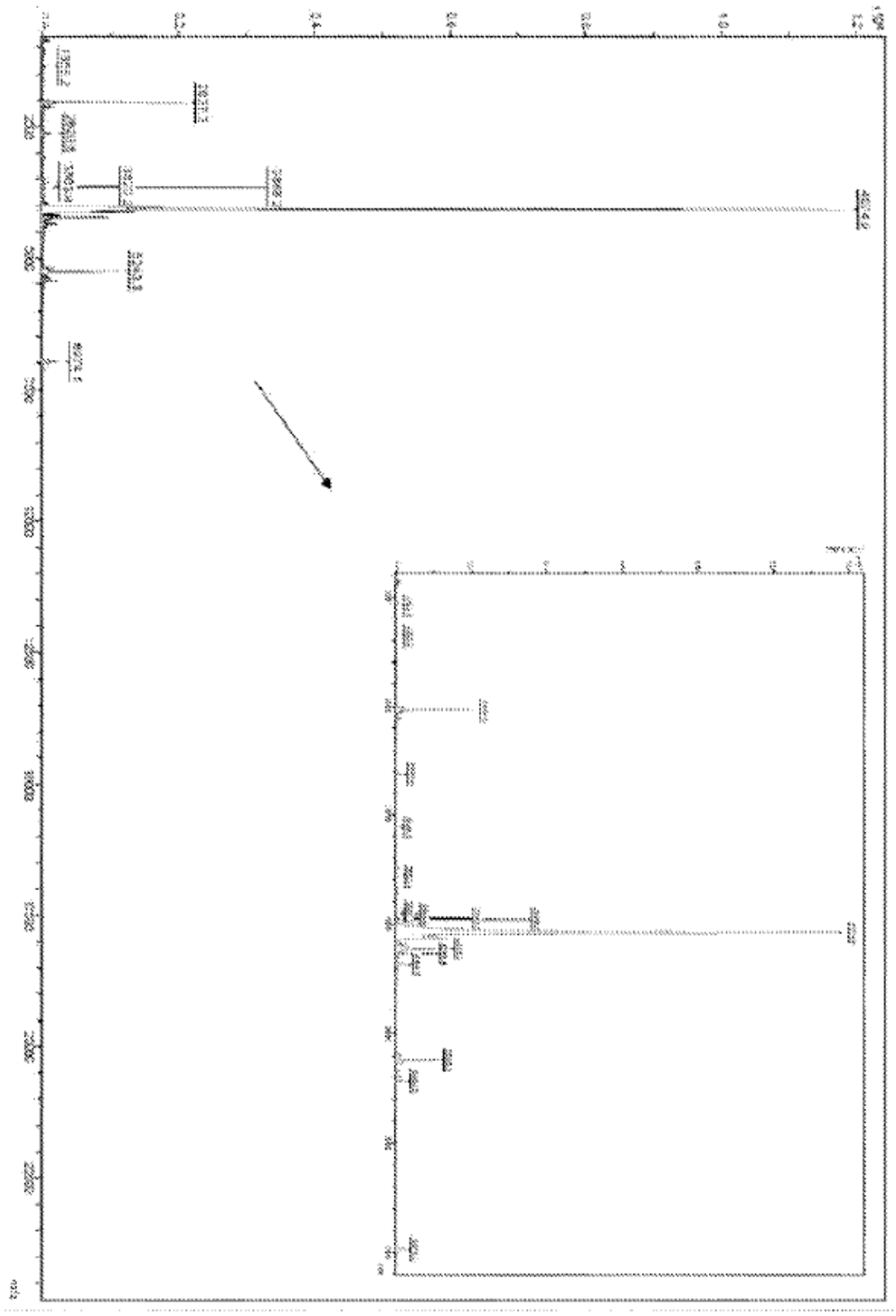


FIG. 4

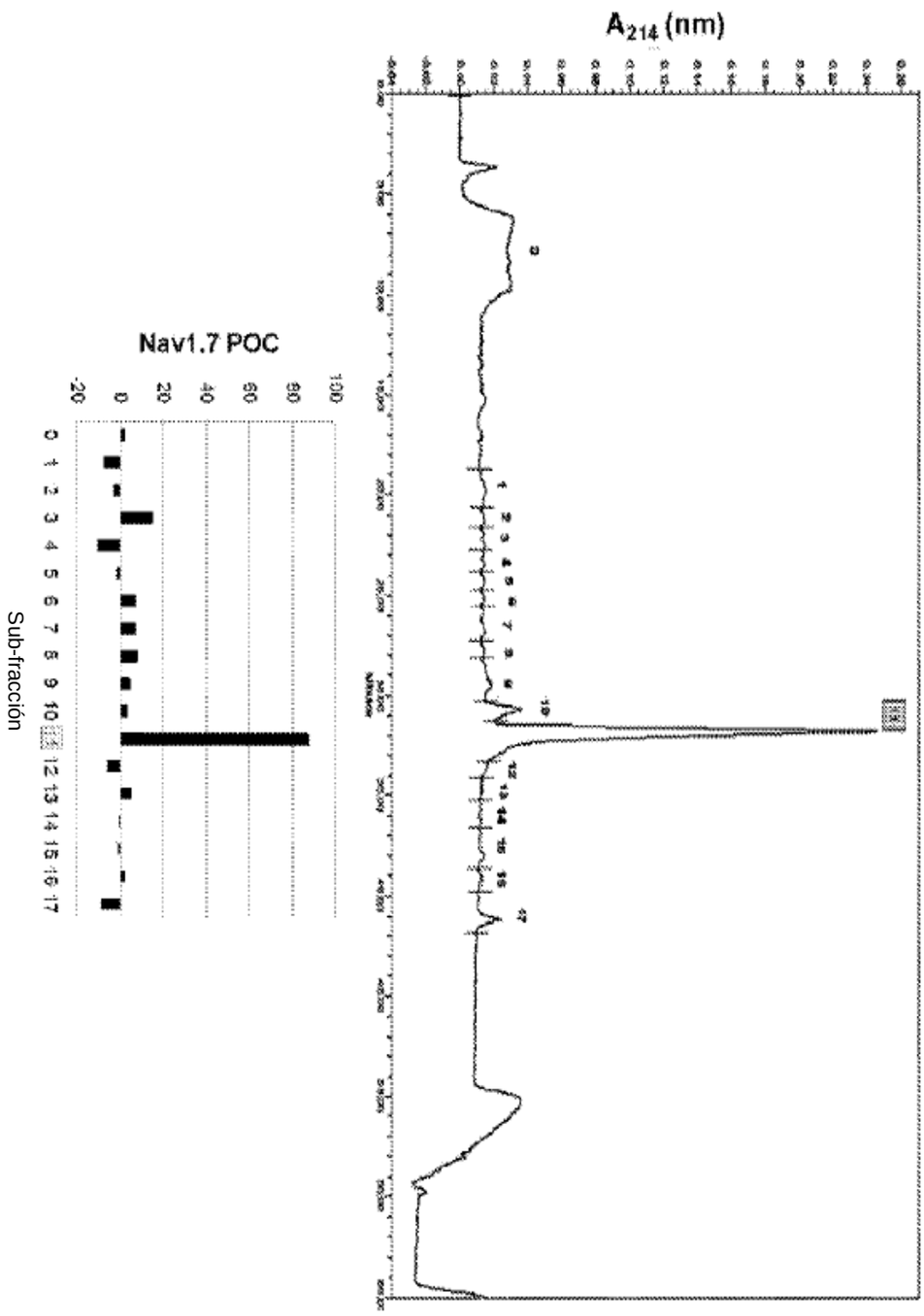

A214 (nm)
Nav1.7 POC
-20
0
20
40
60
80
100
0 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17
Sub-fracción

FIG. 5

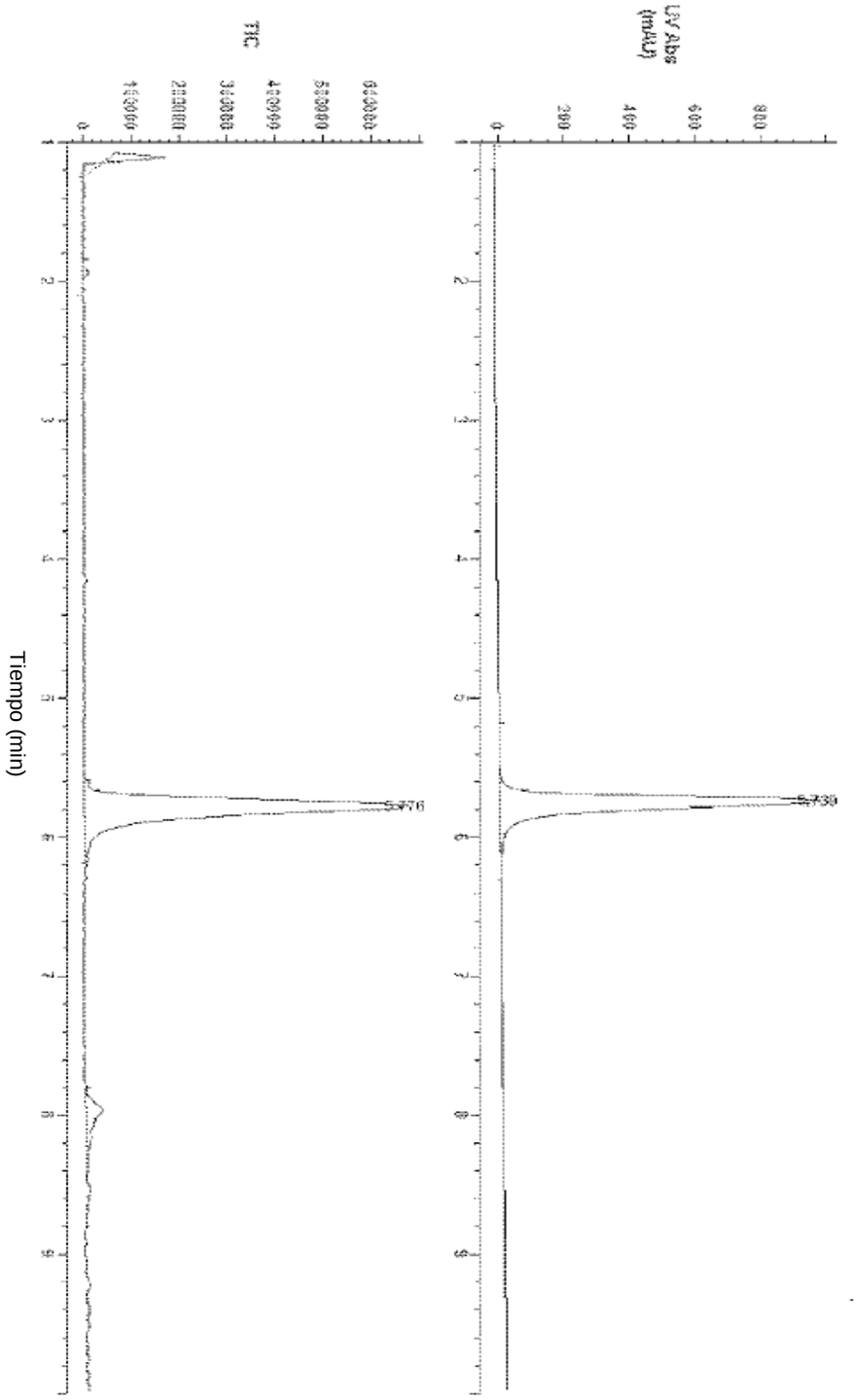


FIG. 6

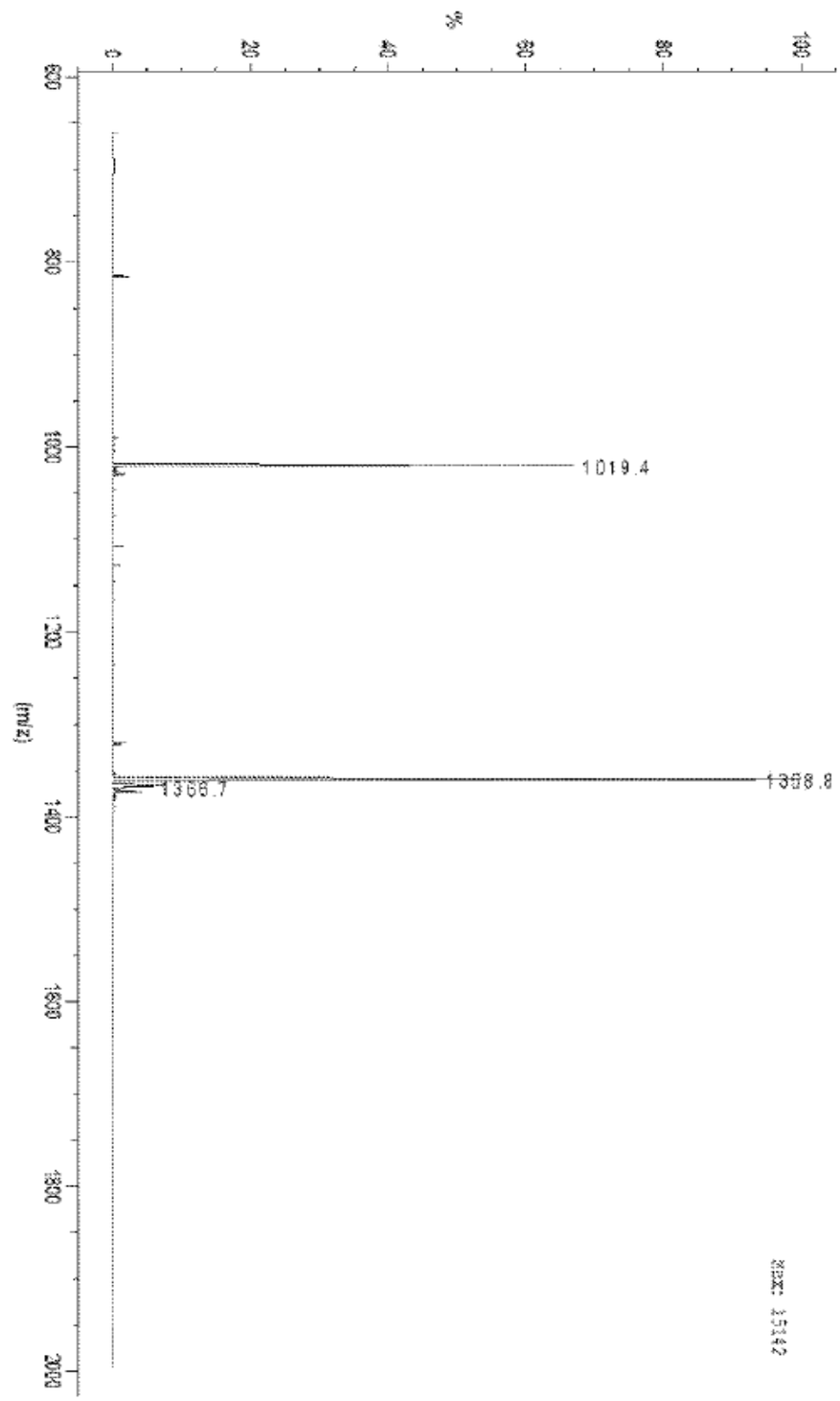

%
0
20
40
60
80
100
600
800
1000
1200
1400
1600
1800
2000
m/z
1019.4
1366.7
1368.8

FIG. 7

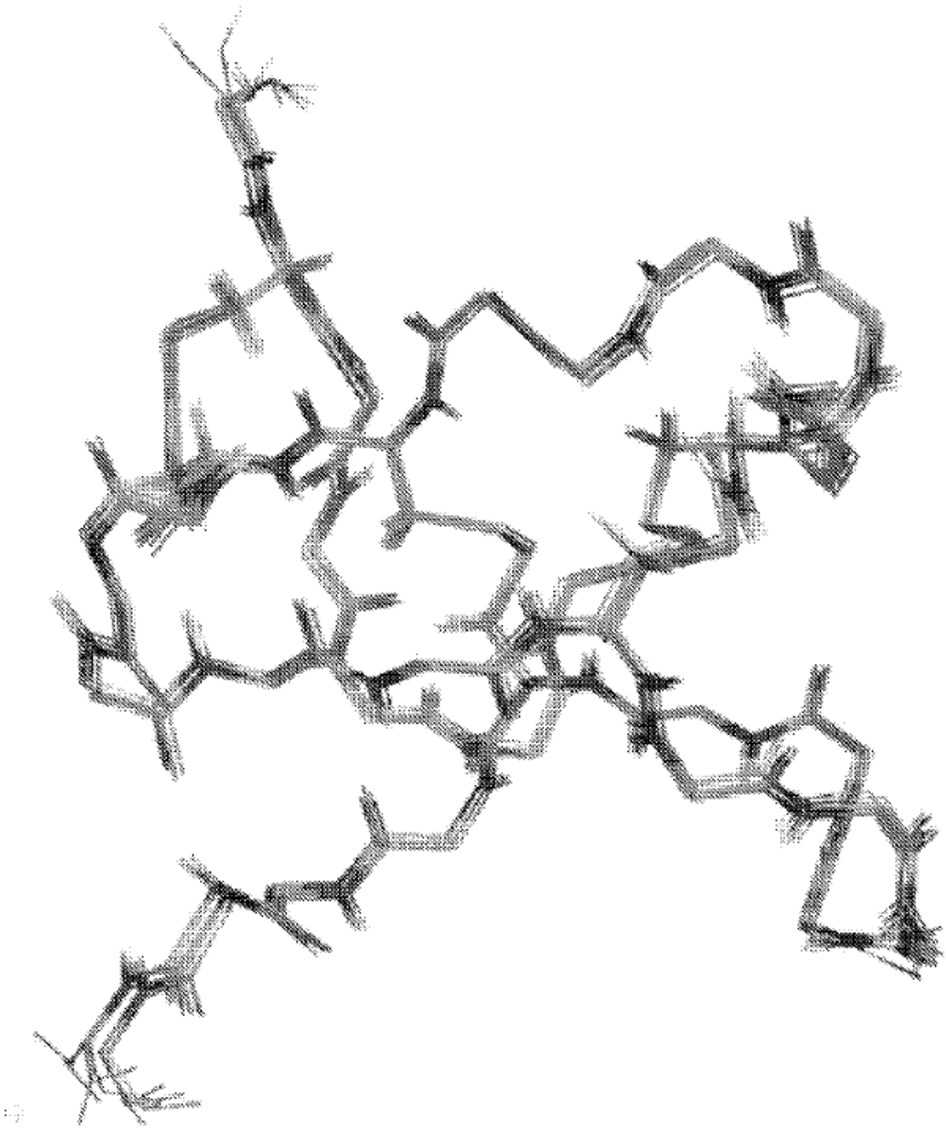


FIG. 8

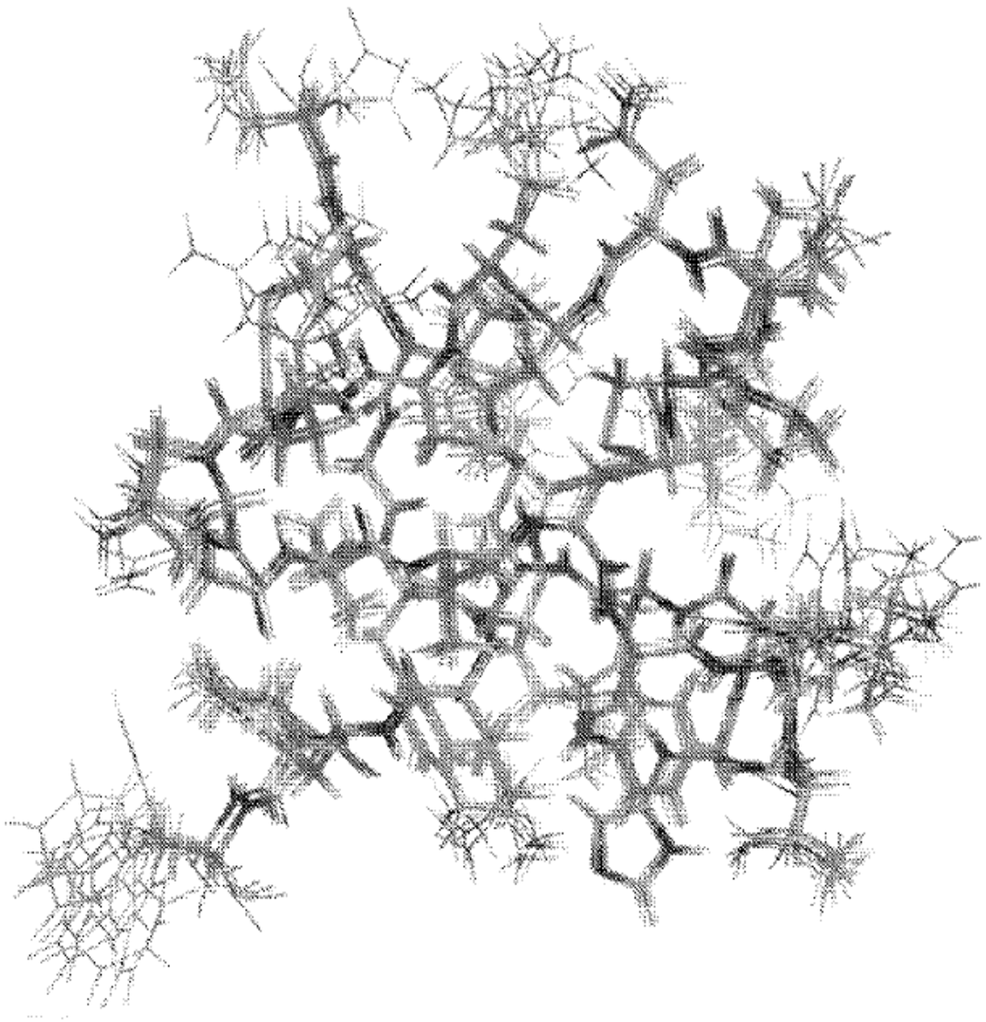


FIG. 9

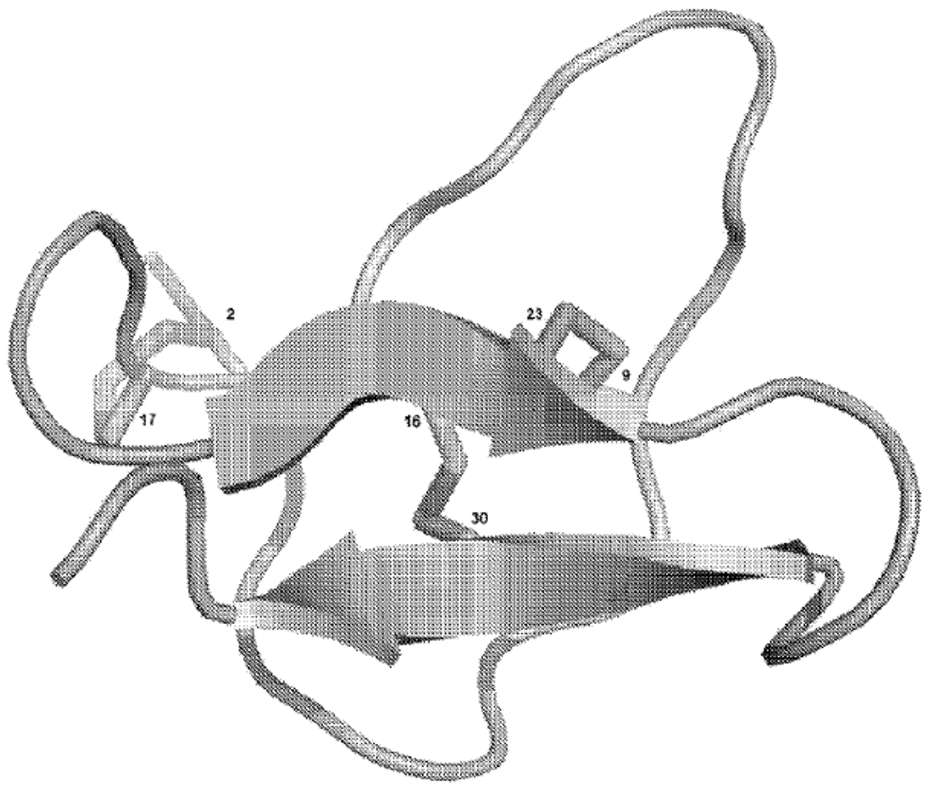


FIG. 10

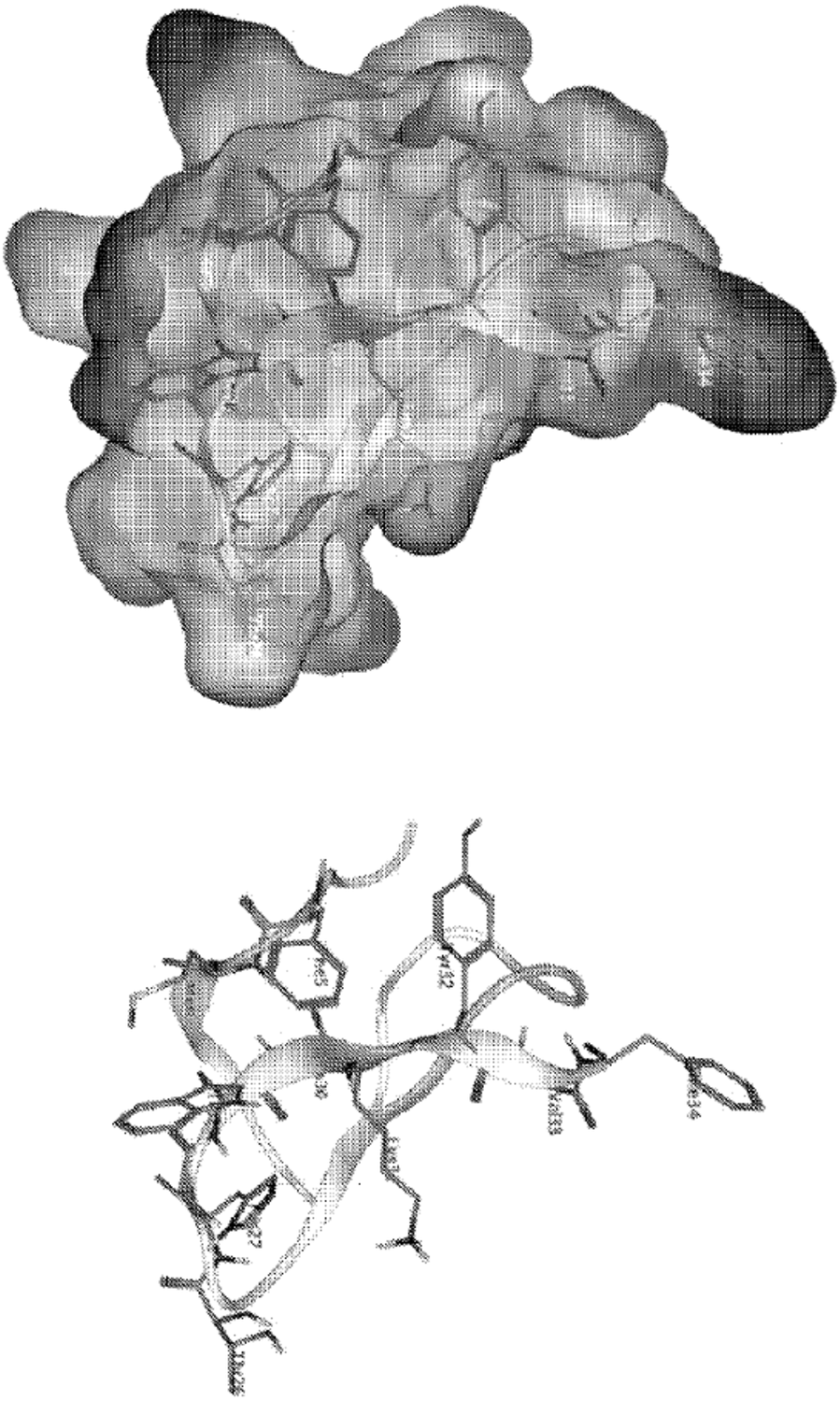


FIG. 11

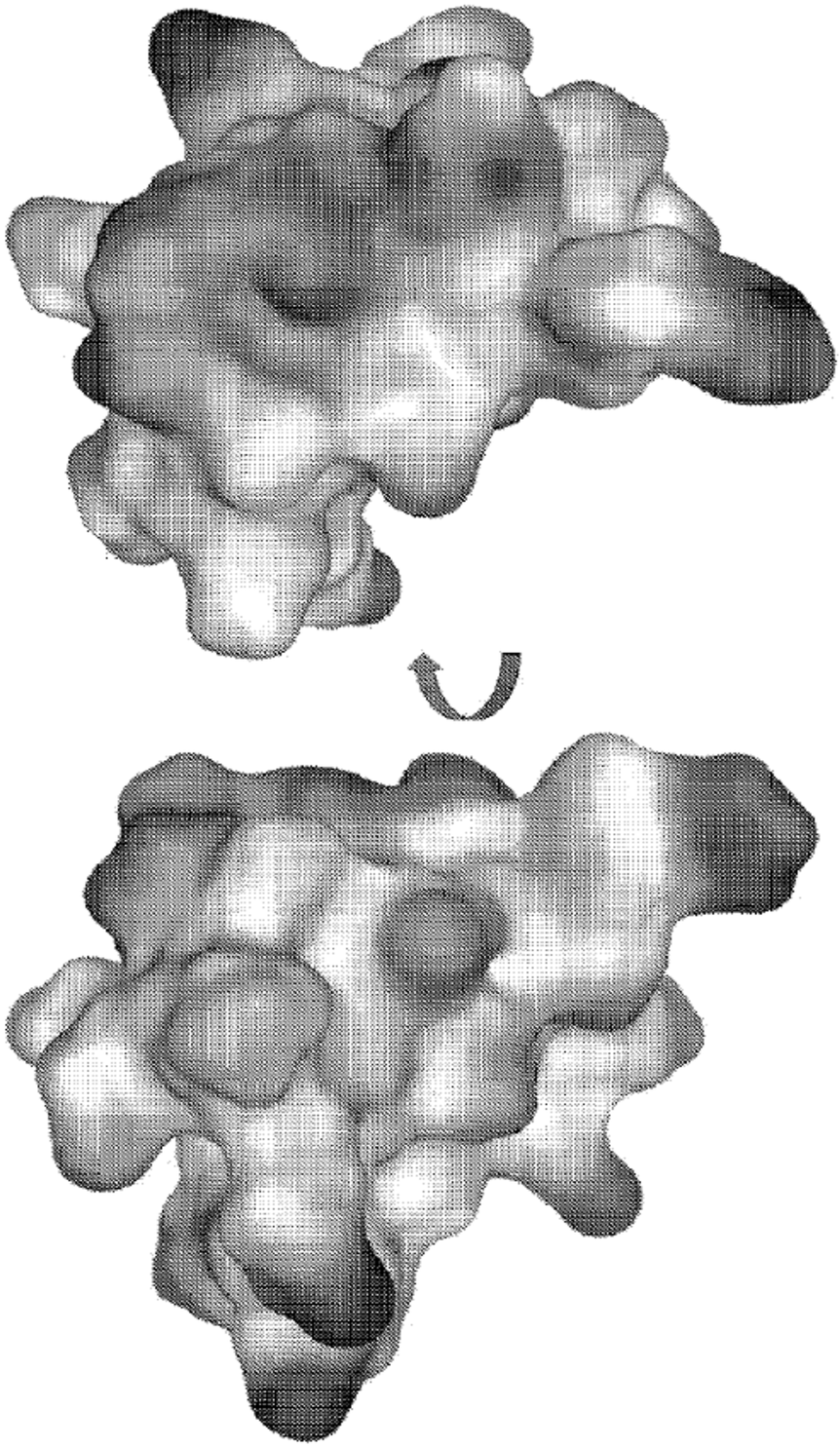


FIG. 12A

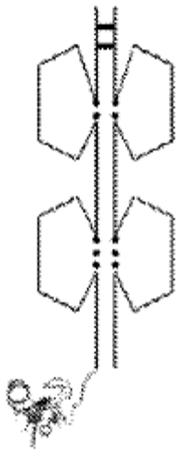


FIG. 12B

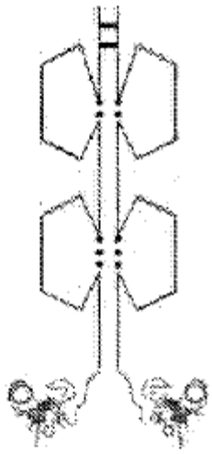


FIG. 12C

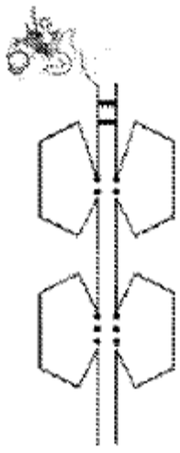


FIG. 12D

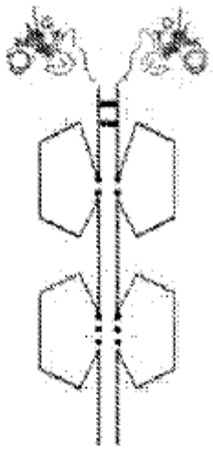


FIG. 12E

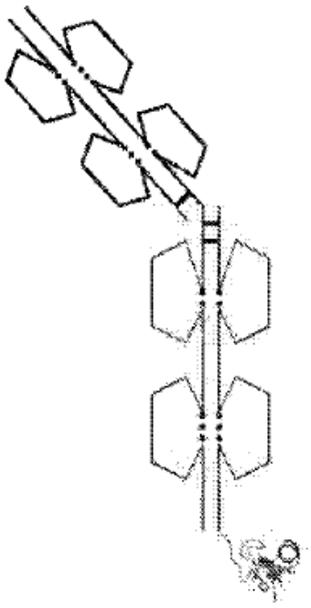


FIG. 12F

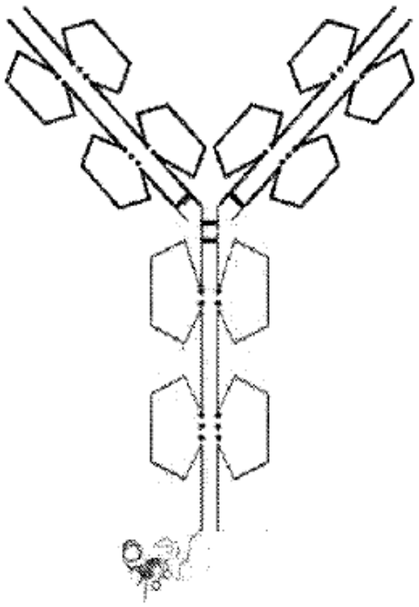


FIG. 12G

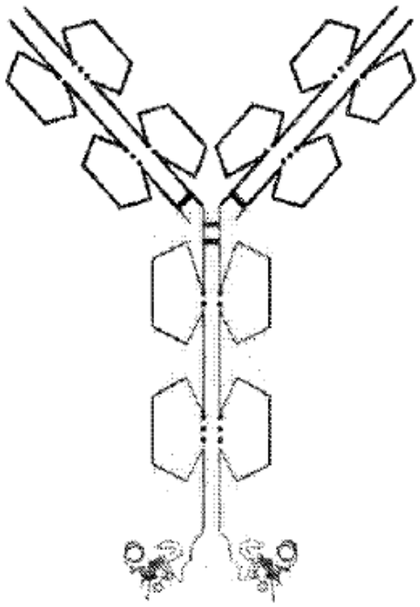


FIG. 12H

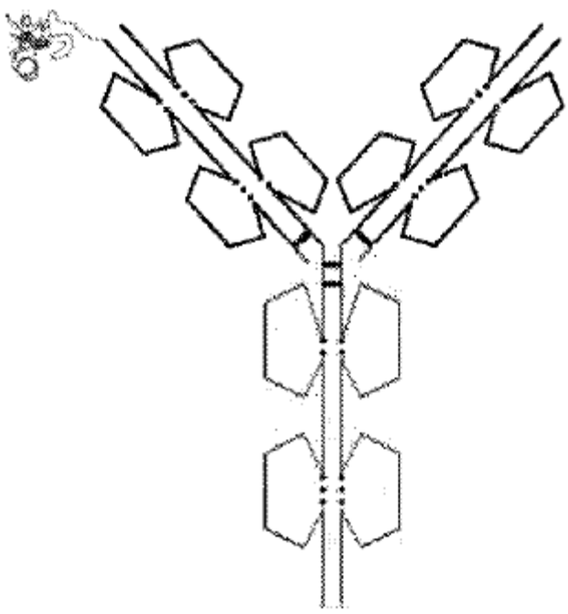


FIG. 12I

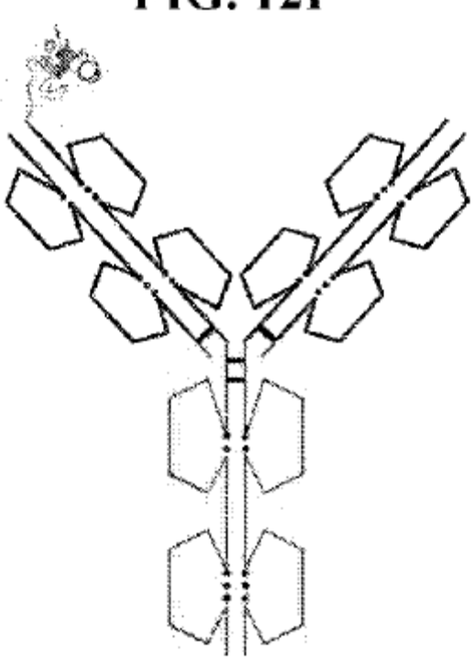


FIG. 12J

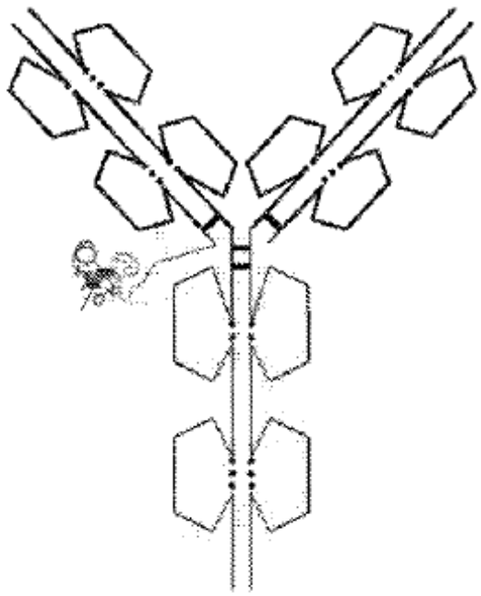


FIG. 12K

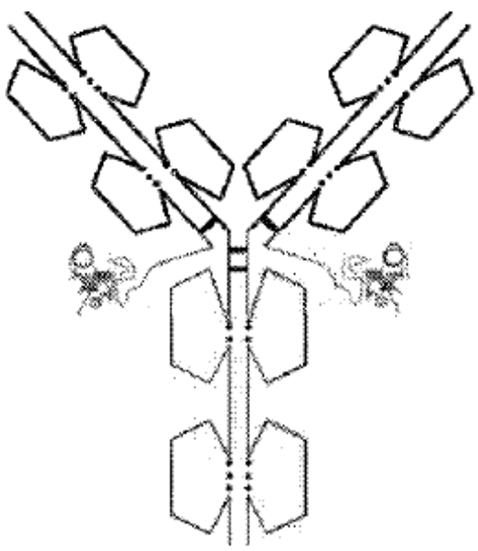


FIG. 12L

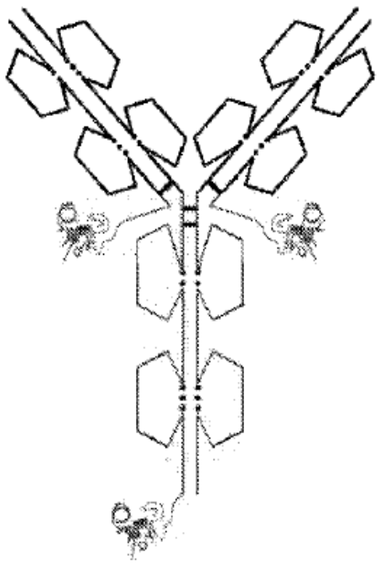


FIG. 12M

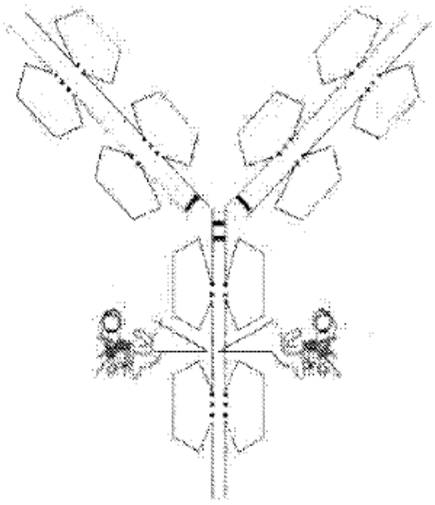


FIG. 12N

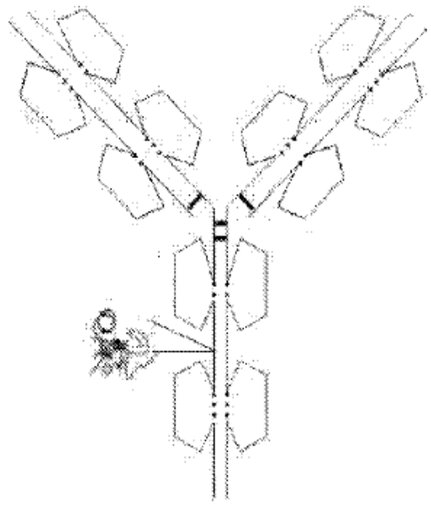


FIG. 13A

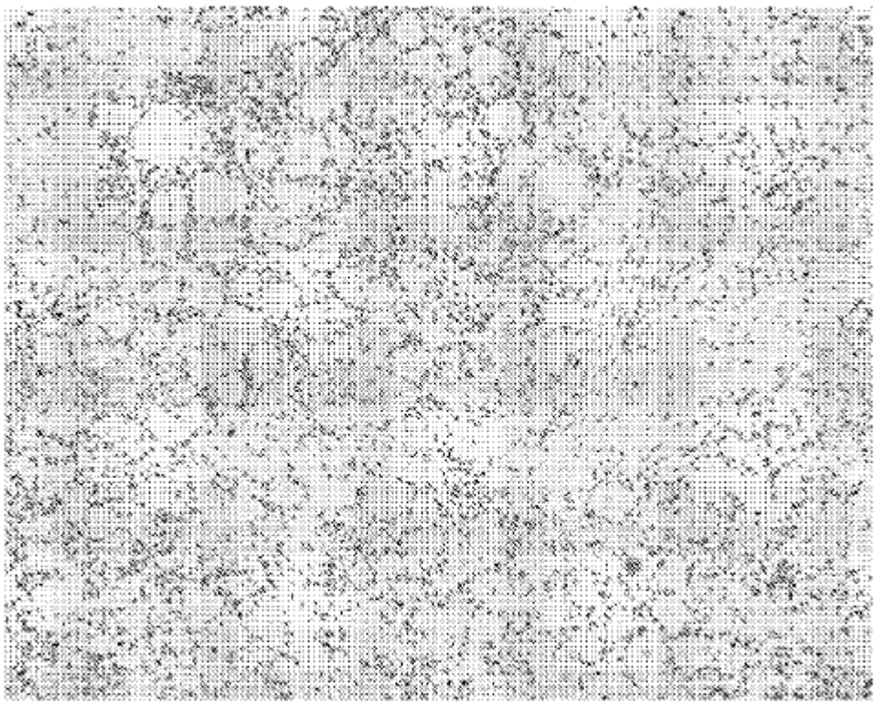


FIG. 13B

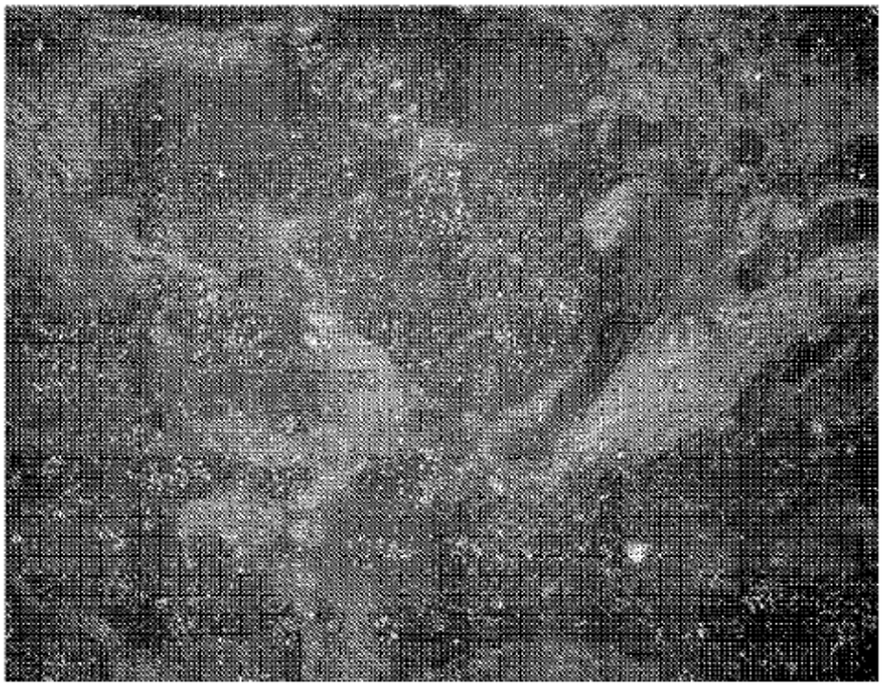


FIG. 13C

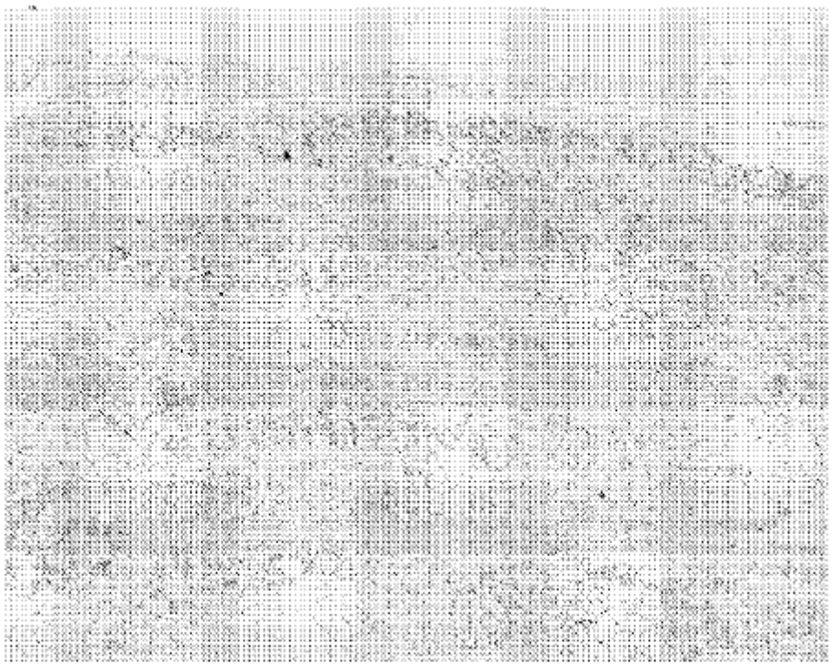


FIG. 13D

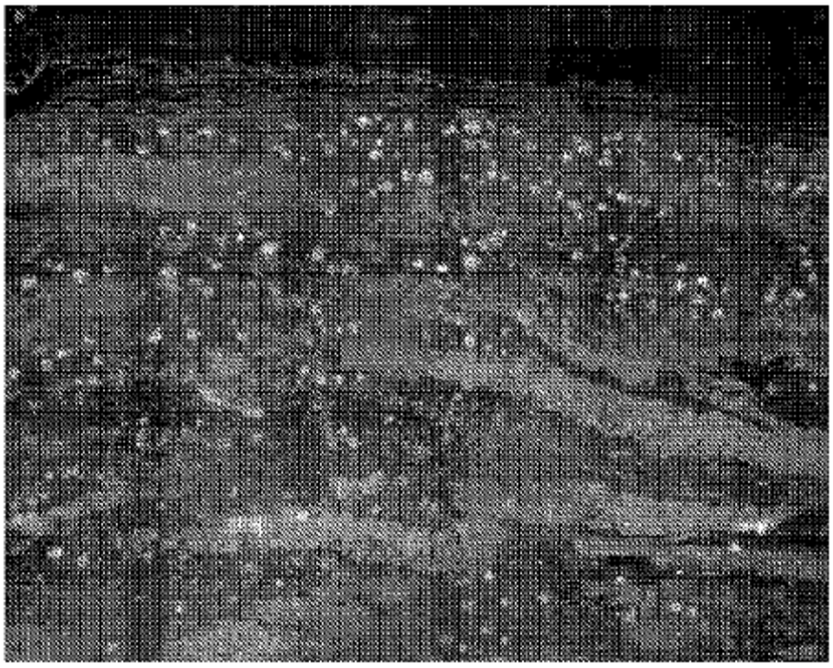


FIG. 13E

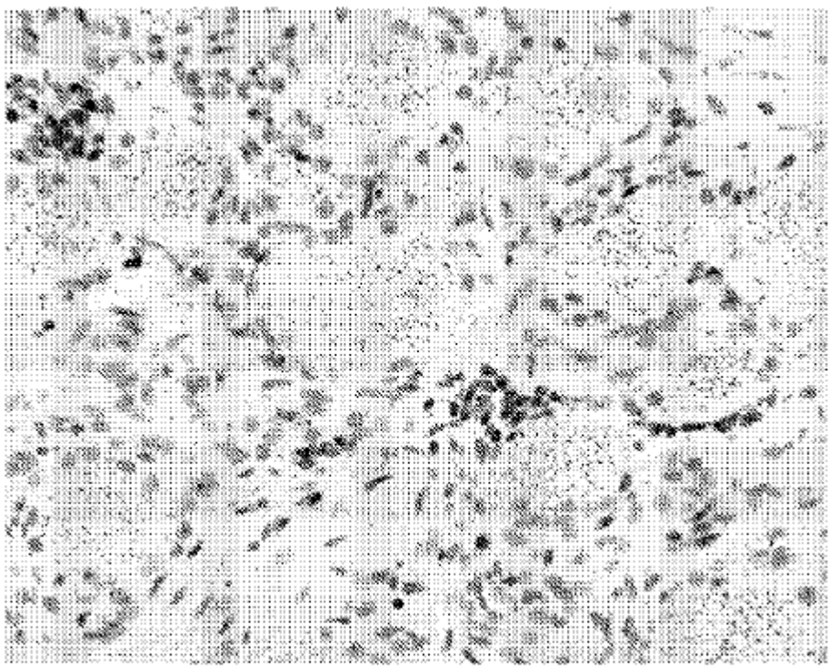
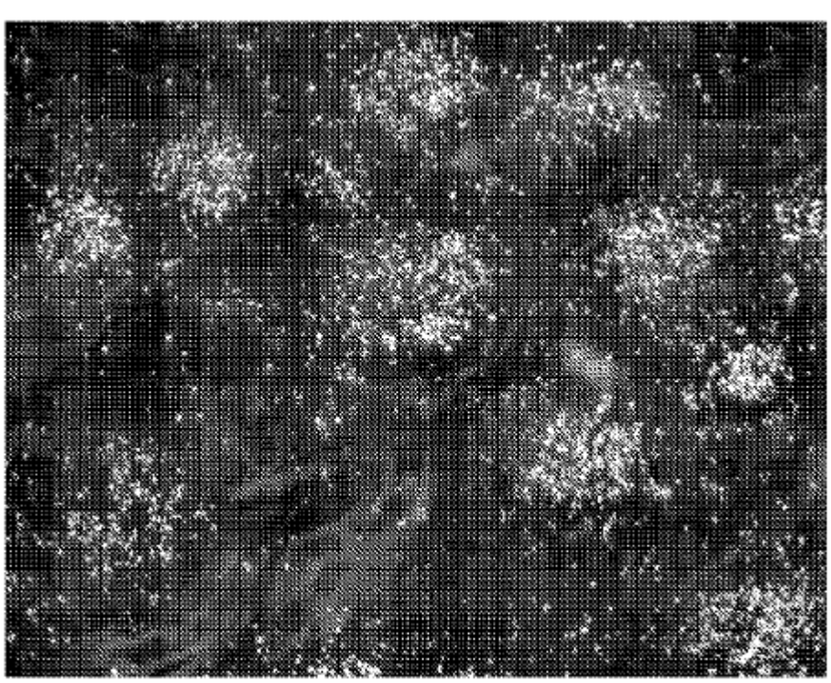


FIG. 13F



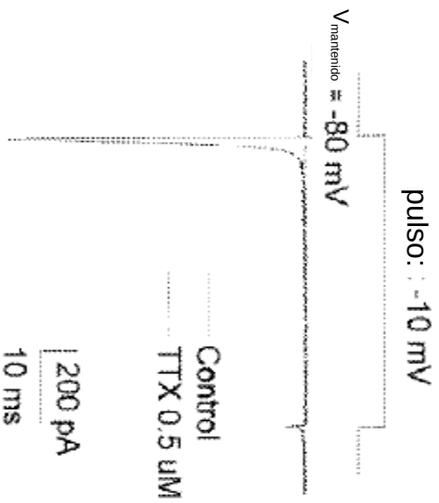


FIG. 14A

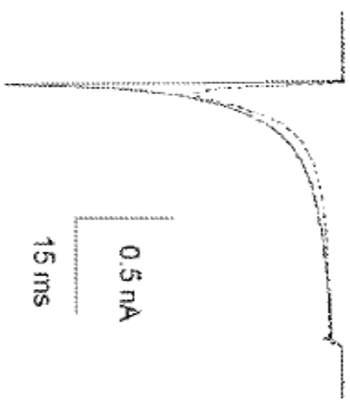


FIG. 14B

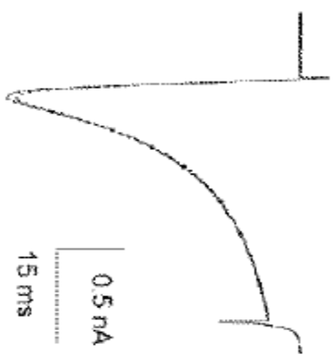


FIG. 14C

SNL

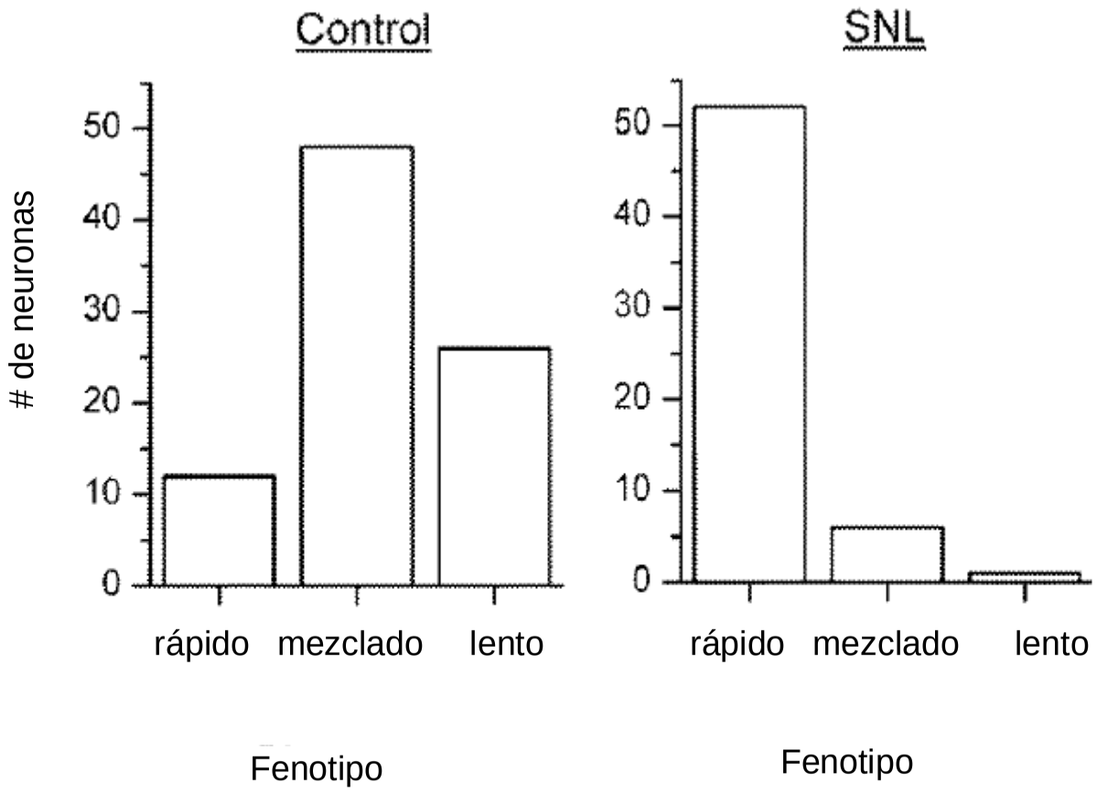


FIG. 14D

FIG. 14E

```
KIIIA              1 CCNCSSKWCR-DHSRCC                          16
GpTx-1{1-34}       1 DCLGFMRKCIPDNDKCCRPN-LVCSRTHKWCKYVF        34
 Huwentoxina-IV    1 ECLEIFKACNPSNDQCCKSSKLVCSRKTRWCKYQI        35
 Huwentoxina-I     1 ACKGVFDACTPGKNECCPNR--VCSDKHKWCKWKL        33
ProTx II           1 YCQKWMWTCD-SERKCCEGM--VCR---LWCKKKLW        30
                       *       *       **
```

FIG 15A

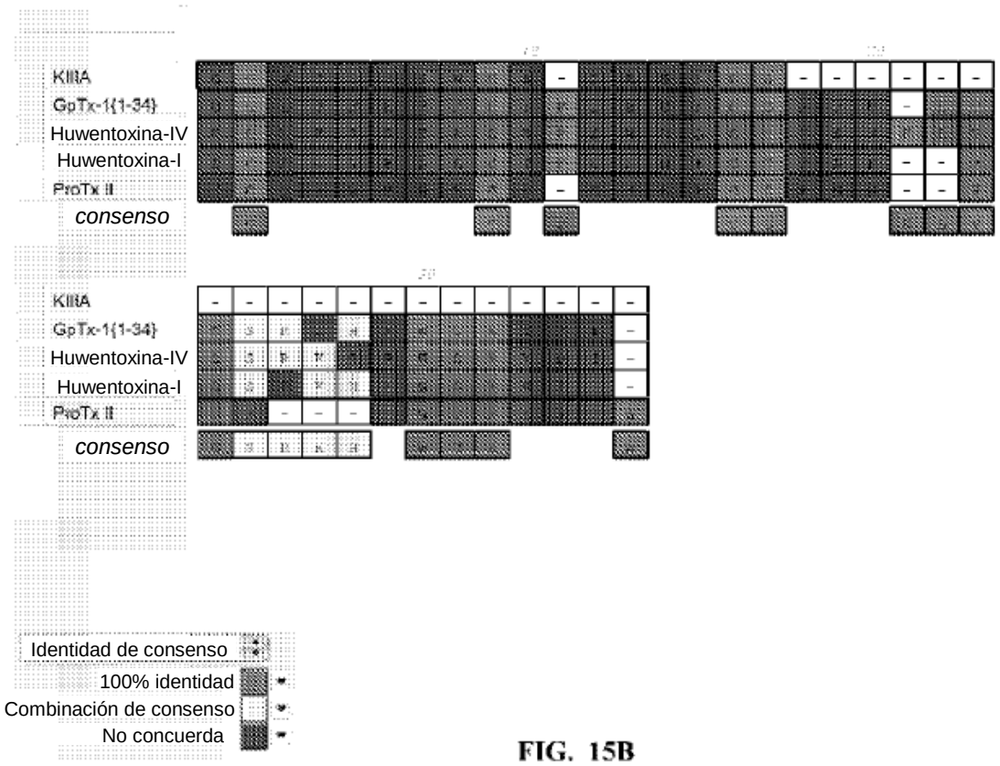


FIG. 15B

FIG. 16

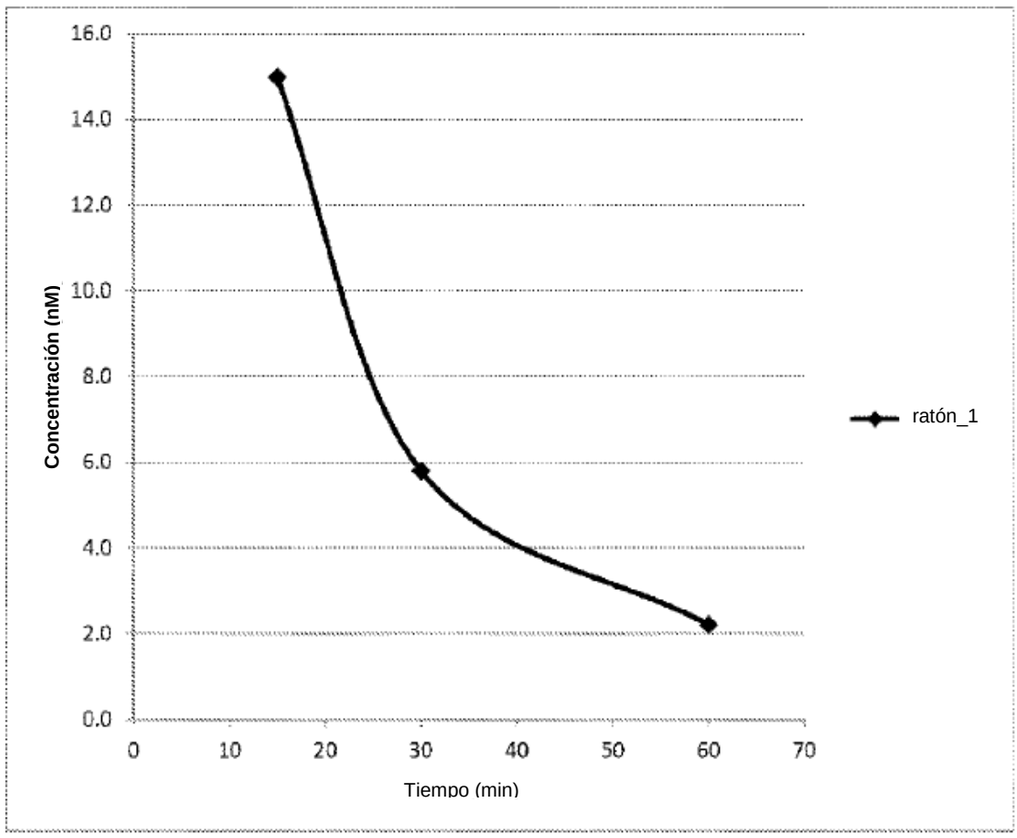

16.0
14.0
12.0
10.0
8.0
6.0
4.0
2.0
0.0
Concentración (nM)
0
10
20
30
40
50
60
70
Tiempo (min)
ratón_1

FIG. 17A

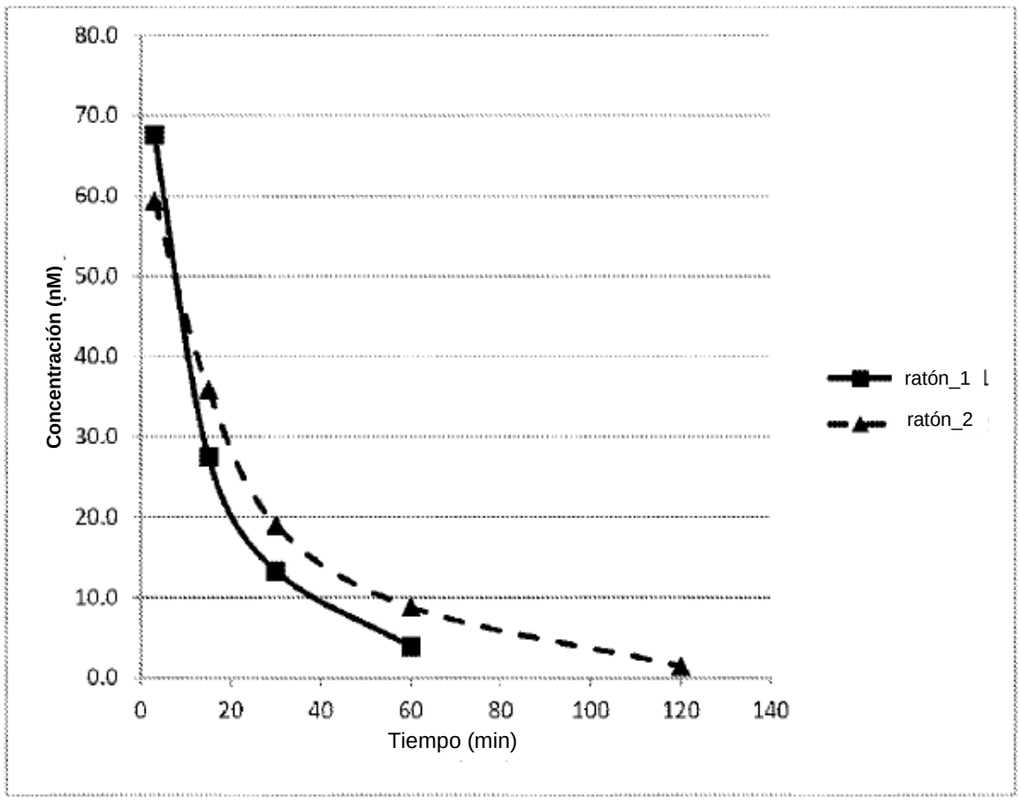

80.0
70.0
60.0
50.0
40.0
30.0
20.0
10.0
0.0
Concentración (nM)
0
20
40
60
80
100
120
140
Tiempo (min)
ratón_1
ratón_2

FIG. 17B

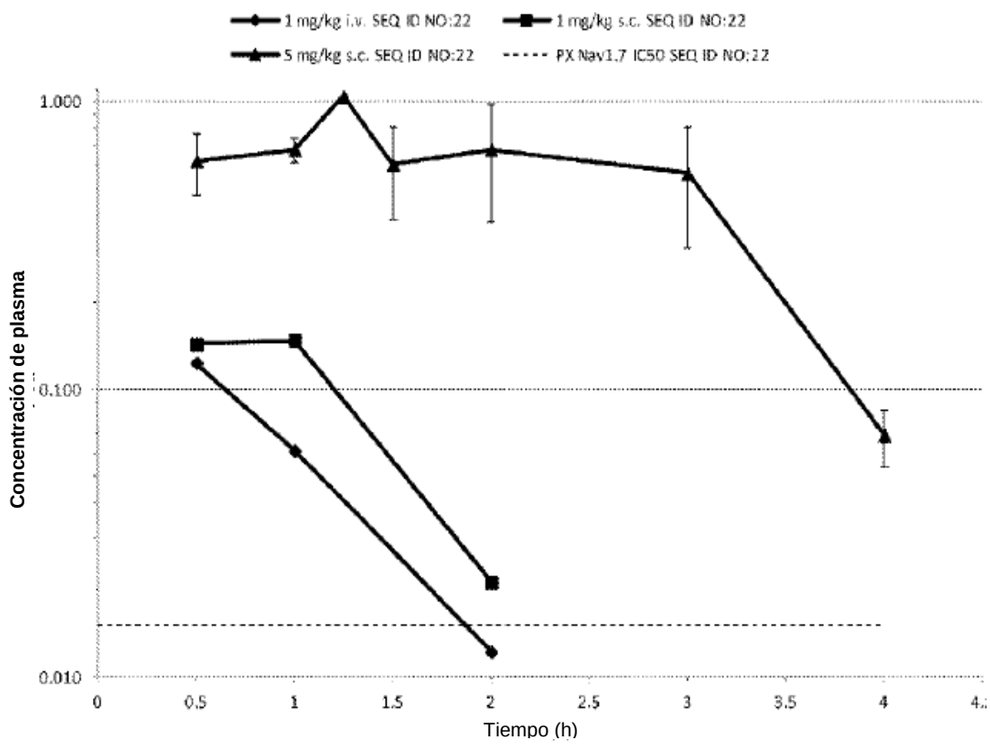

1 mg/kg i.v. SEQ ID NO:22
1 mg/kg s.c. SEQ ID NO:22
5 mg/kg s.c. SEQ ID NO:22
PX Nav1.7 IC50 SEQ ID NO:22
Concentración de plasma
1.000
0.100
0.010
0
0.5
1
1.5
2
2.5
3
3.5
4
Tiempo (h)

FIG. 18

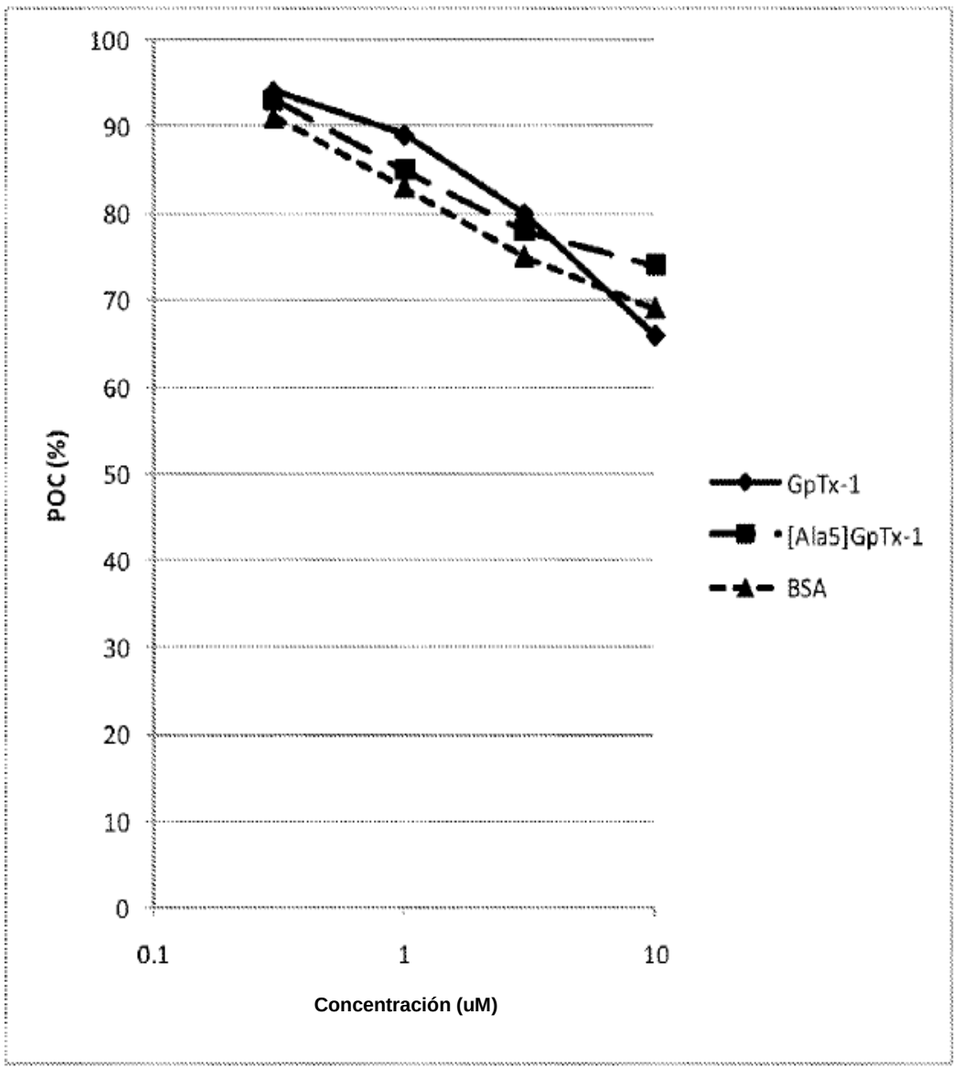

100
90
80
70
60
50
40
30
20
10
0
POC (%)
0.1
1
10
Concentración (uM)
GpTx-1
[Ala5]GpTx-1
BSA

FIG. 19A

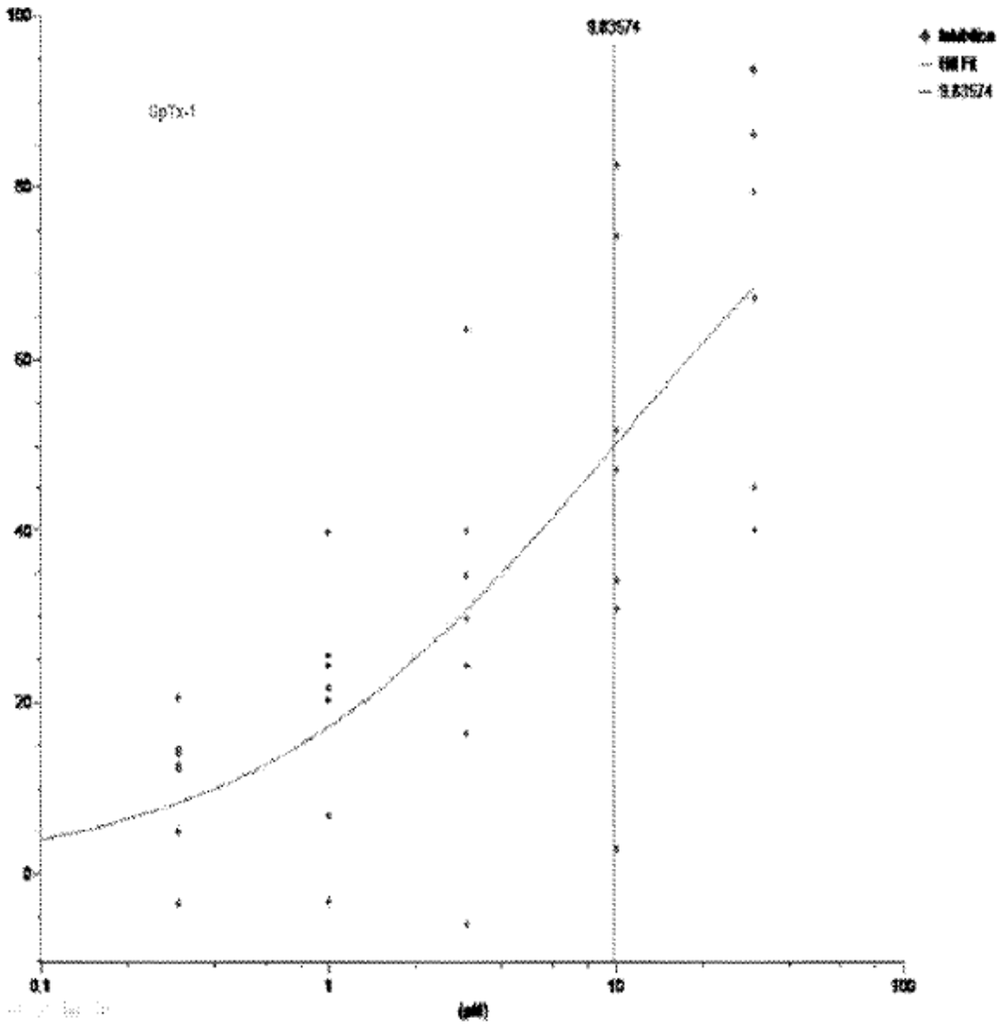


FIG. 19B

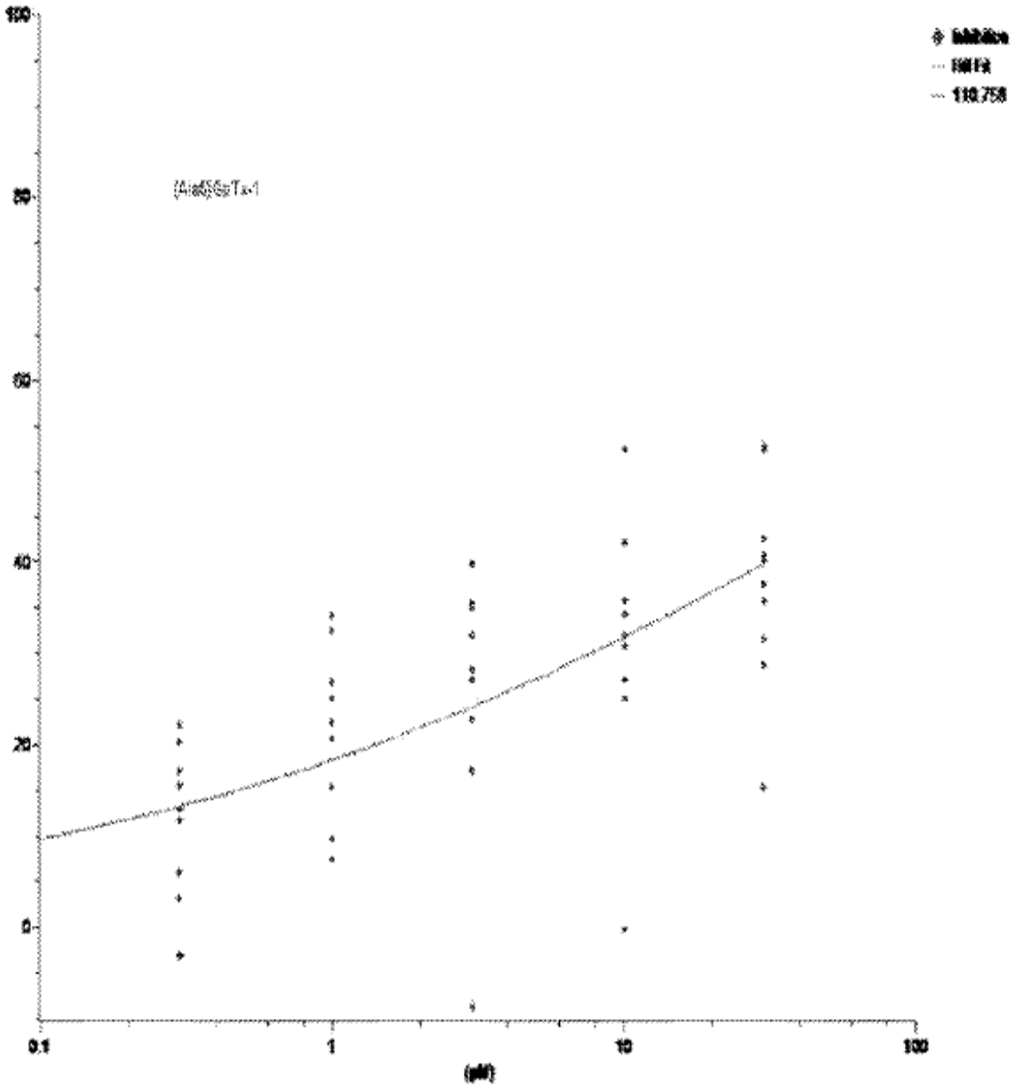


FIG. 20

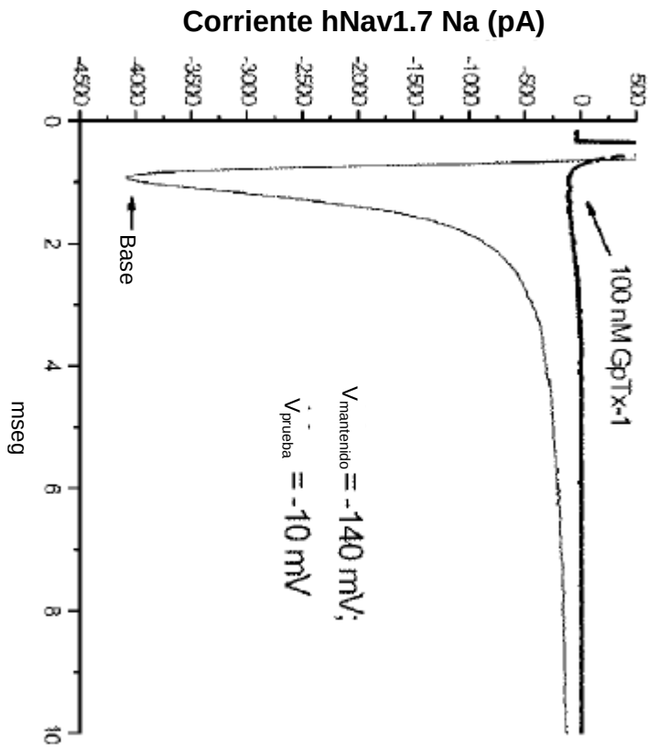

Corriente hNav1.7 Na (pA)
500
0
-500
-1000
-1500
-2000
-2500
-3000
-3500
-4000
-4500
0
2
4
6
8
10
mseg
Base
100 nM GpTx-1
V mantenido = -140 mV;
V prueba = -10 mV

FIG. 21

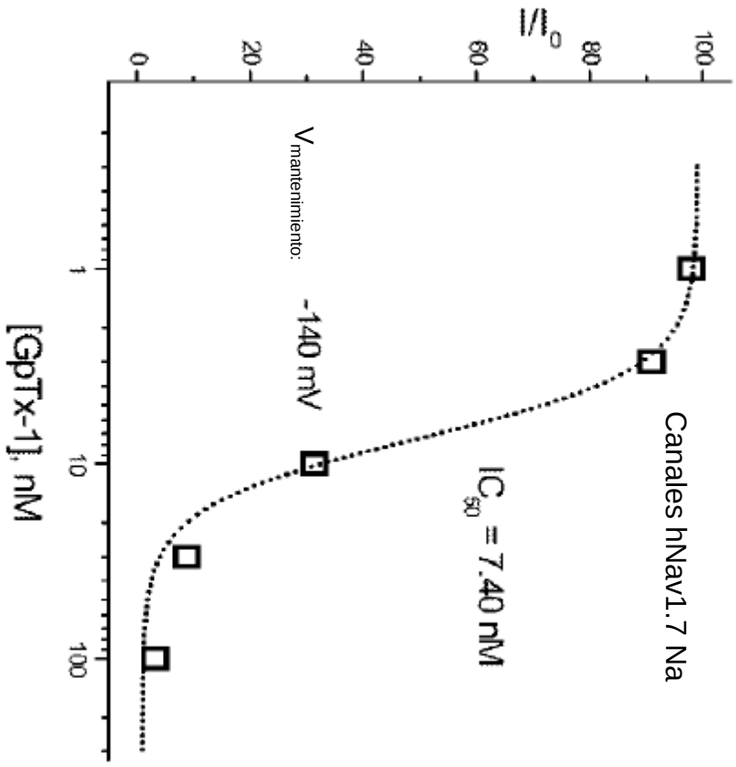

I/I0
100
80
60
40
20
0
Canales hNav1.7 Na
IC50 = 7.40 nM
Vmantenimiento:
-140 mV
1
10
100
[GpTx-1], nM

FIG. 22

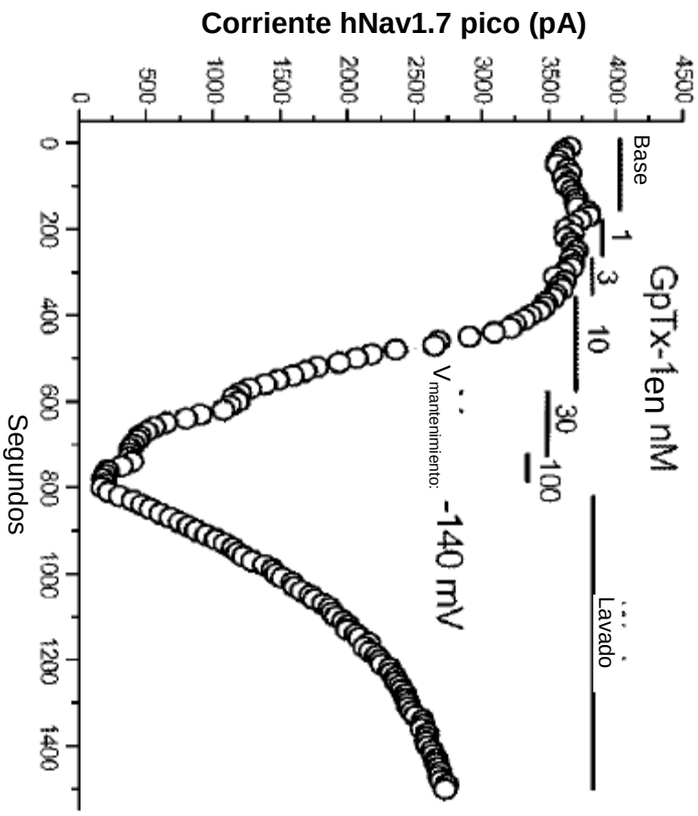

Corriente hNav1.7 pico (pA)
4500
4000
3500
3000
2500
2000
1500
1000
500
0
0
200
400
600
800
1000
1200
1400
Segundos
Base
1
3
10
30
100
GpTx-1 en nM
Lavado
V mantenimiento: -140 mV

FIG. 23

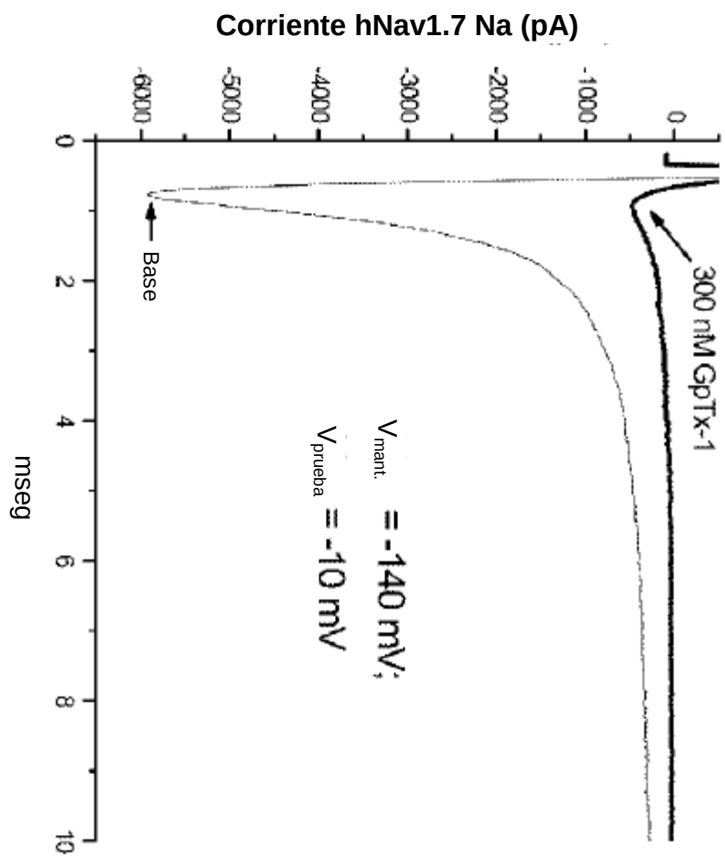

Corriente hNav1.7 Na (pA)
0
-1000
-2000
-3000
-4000
-5000
-6000
300 nM GpTx-1
Base
$V_{mant.}$ = -140 mV;
V_{prueba} = -10 mV
0
2
4
6
8
10
mseg

FIG. 24

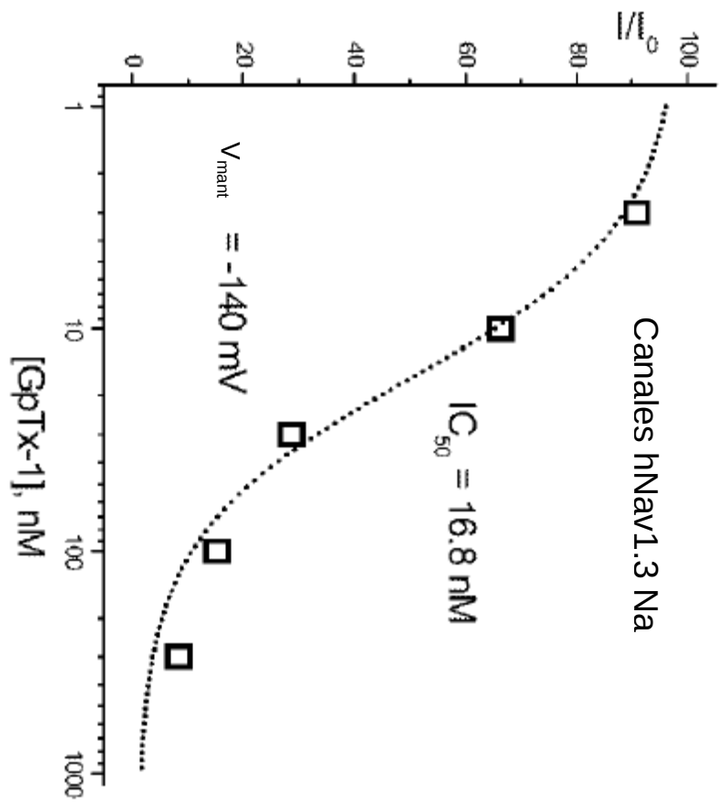

I/I0
100
80
60
40
20
0
1
10
100
1000
[GpTx-1], nM
Canales hNav1.3 Na
IC50 = 16.8 nM
Vmant = -140 mV

FIG. 25

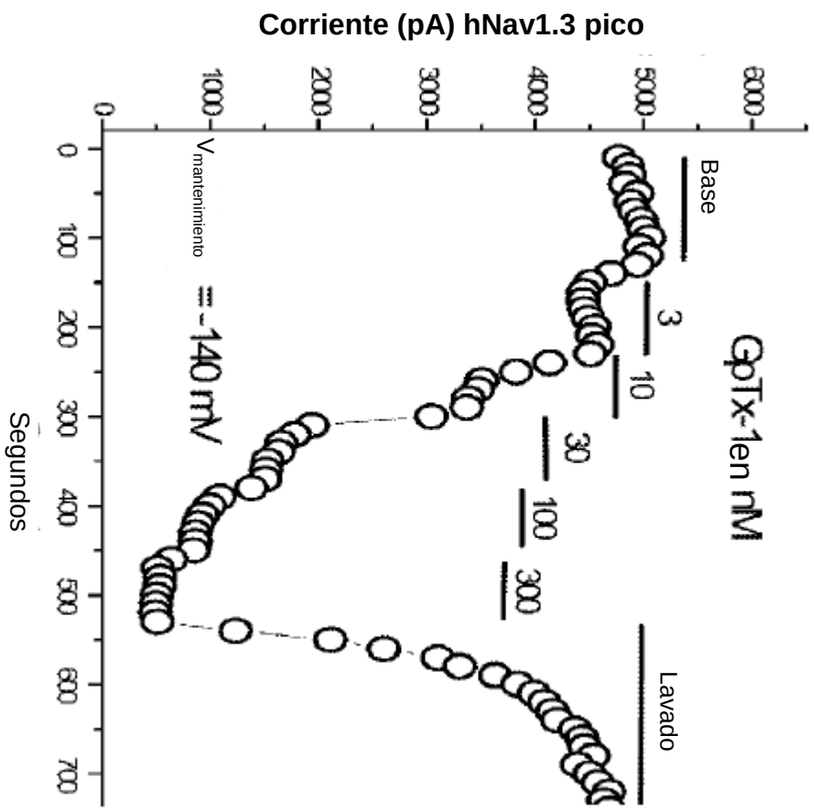

Corriente (pA) hNav1.3 pico
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
0
100
200
300
400
500
600
700
Segundos
V mantenimiento = -140 mV
Base
3
10
30
100
300
Lavado
GpTx-1 en nM

FIG. 26

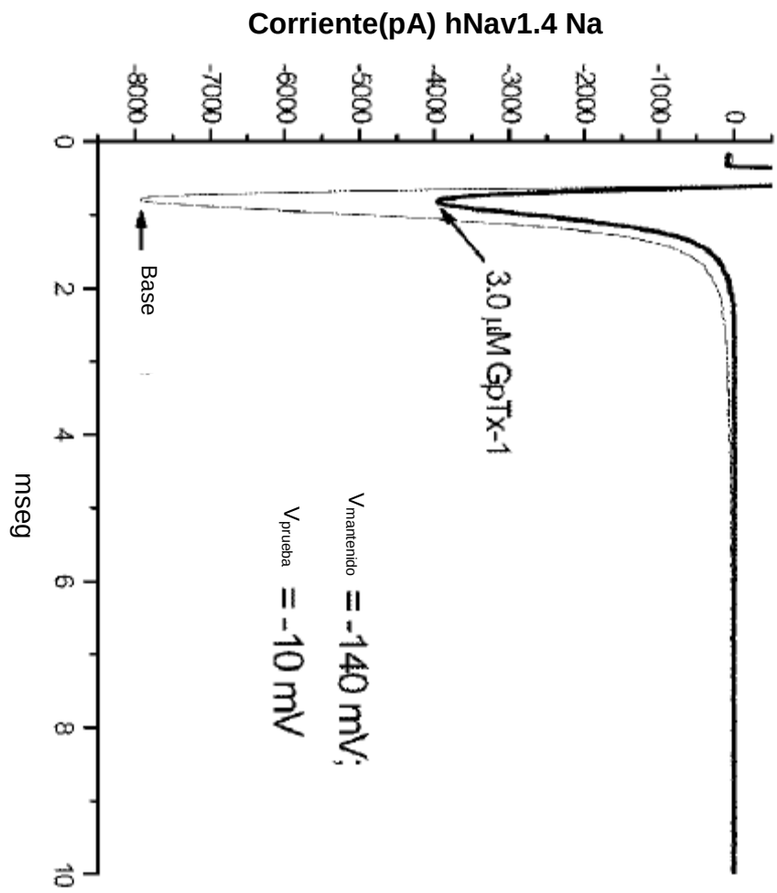

Corriente(pA) hNav1.4 Na
0
-1000
-2000
-3000
-4000
-5000
-6000
-7000
-8000
0
2
4
6
8
10
mseg
Base
3.0 µM GpTx-1
V mantenido = -140 mV;
V prueba = -10 mV

FIG. 27

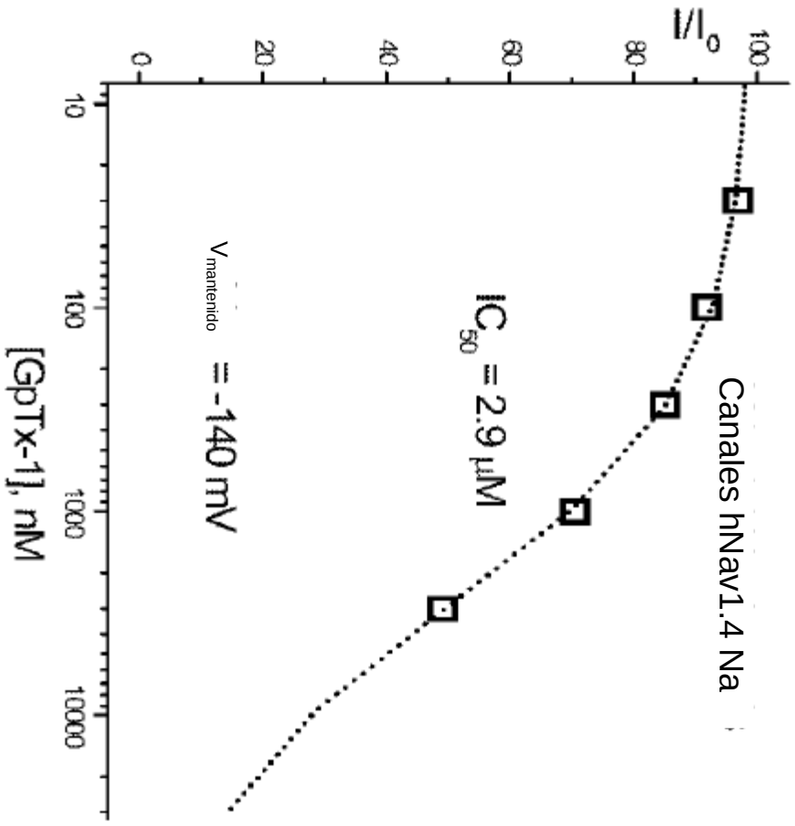

I/I0
100
80
60
40
20
0
10
100
1000
10000
[GpTx-1], nM
Canales hNav1.4 Na
IC50 = 2.9 µM
Vmantenido = -140 mV

FIG. 28

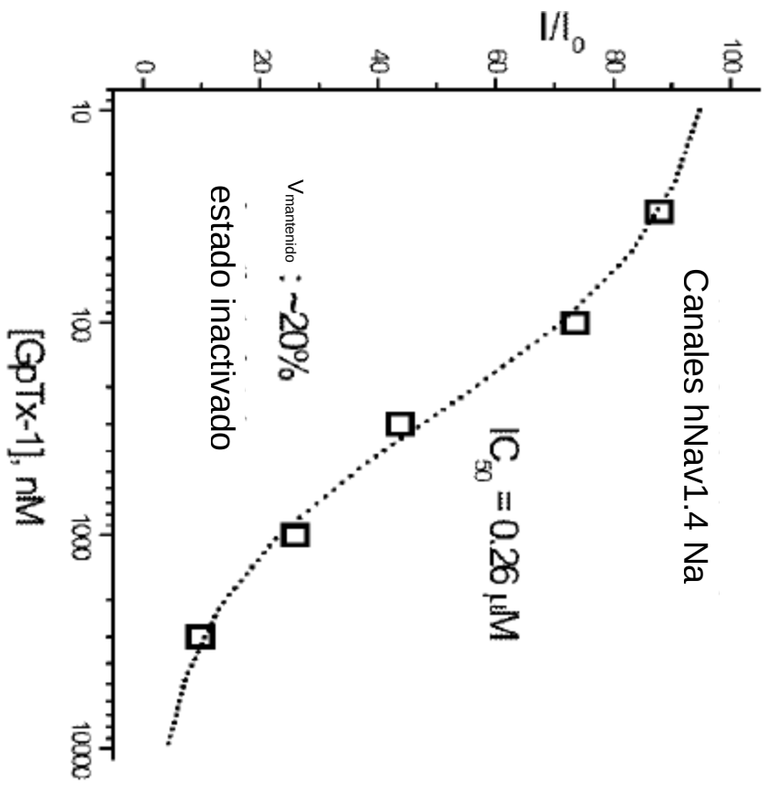

I/I0
100
80
60
40
20
0
10
100
1000
10000
[GpTx-1], nM
Canales hNav1.4 Na
IC50 = 0.26 µM
Vmantenido : ~20%
estado inactivado

FIG. 29

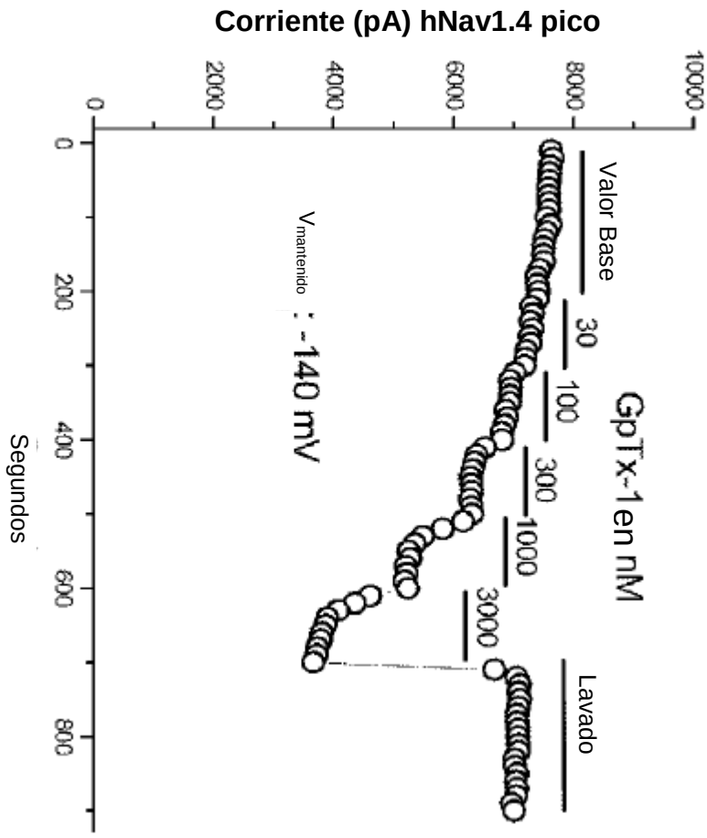

Corriente (pA) hNav1.4 pico
10000
8000
6000
4000
2000
0
0
200
400
600
800
Segundos
Valor Base
30
100
300
1000
3000
Lavado
GpTx-1 en nM
Vmantenido : -140 mV

FIG. 30

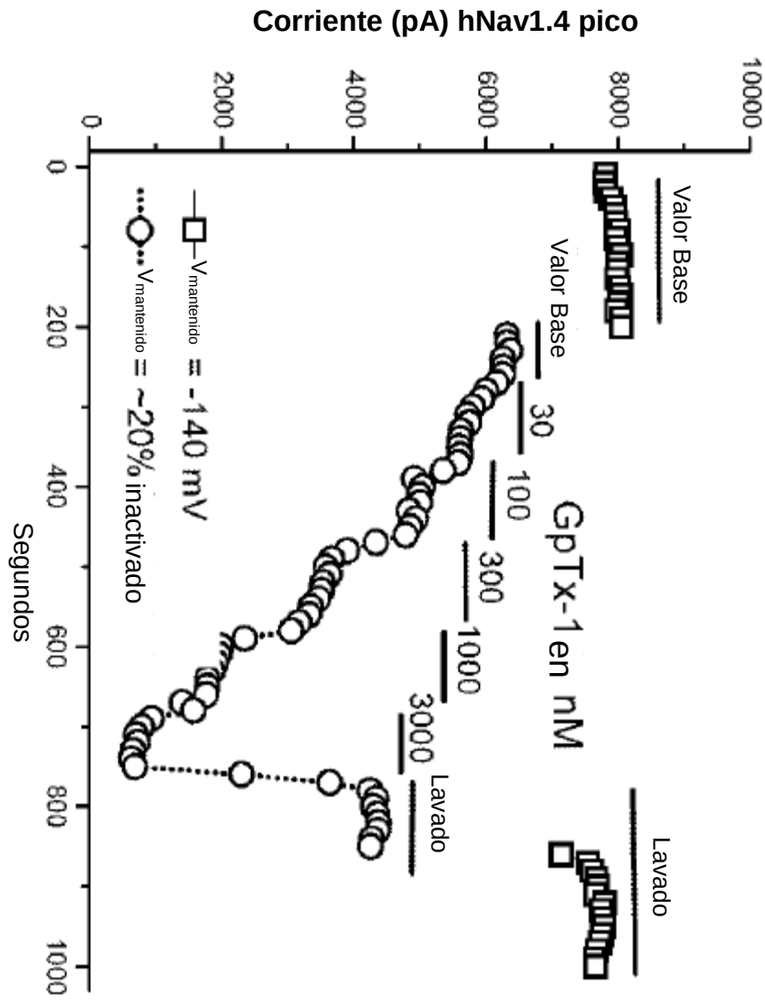

Corriente (pA) hNav1.4 pico
10000
8000
6000
4000
2000
0
0
200
400
600
800
1000
Segundos
Valor Base
Valor Base
30
100
300
1000
3000
GpTx-1 en nM
Lavado
Lavado
V mantenido = -140 mV
V mantenido = ~20% inactivado

FIG. 31

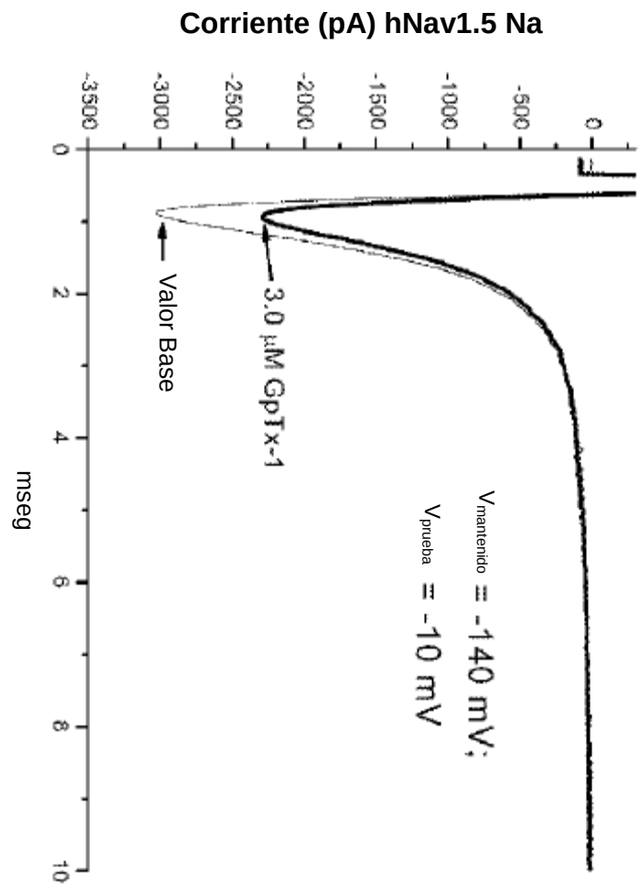

Corriente (pA) hNav1.5 Na
0
-500
-1000
-1500
-2000
-2500
-3000
-3500
0
2
4
6
8
10
mseg
Valor Base
3.0 µM GpTx-1
Vmantenido = -140 mV;
Vprueba = -10 mV

FIG. 32

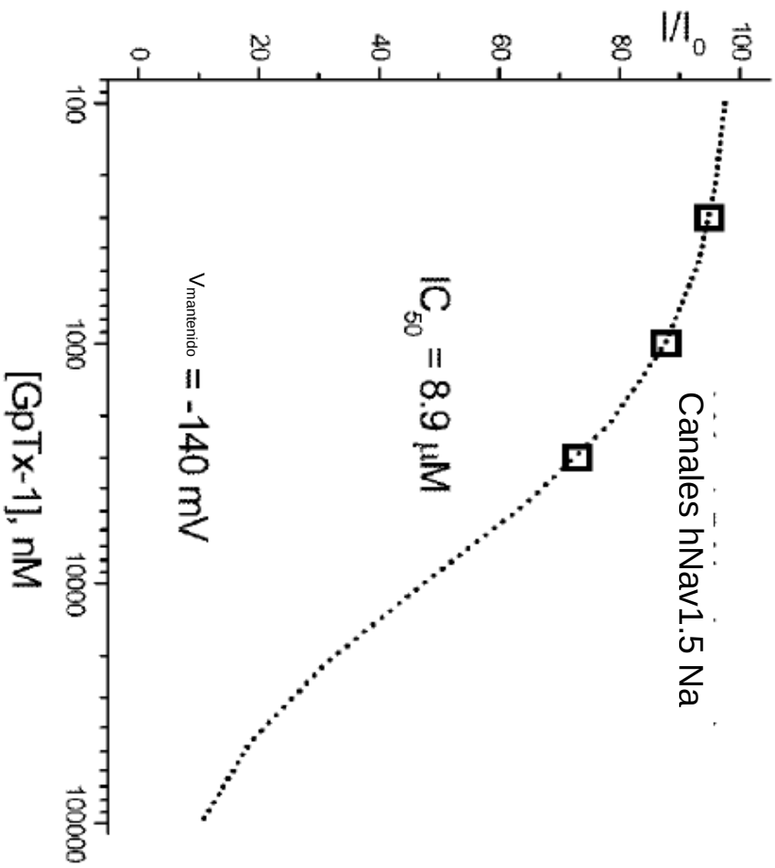

I/I0
100
80
60
40
20
0
100
1000
10000
100000
[GpTx-1], nM
Canales hNav1.5 Na
IC50 = 8.9 µM
Vmantenido = -140 mV

FIG. 33

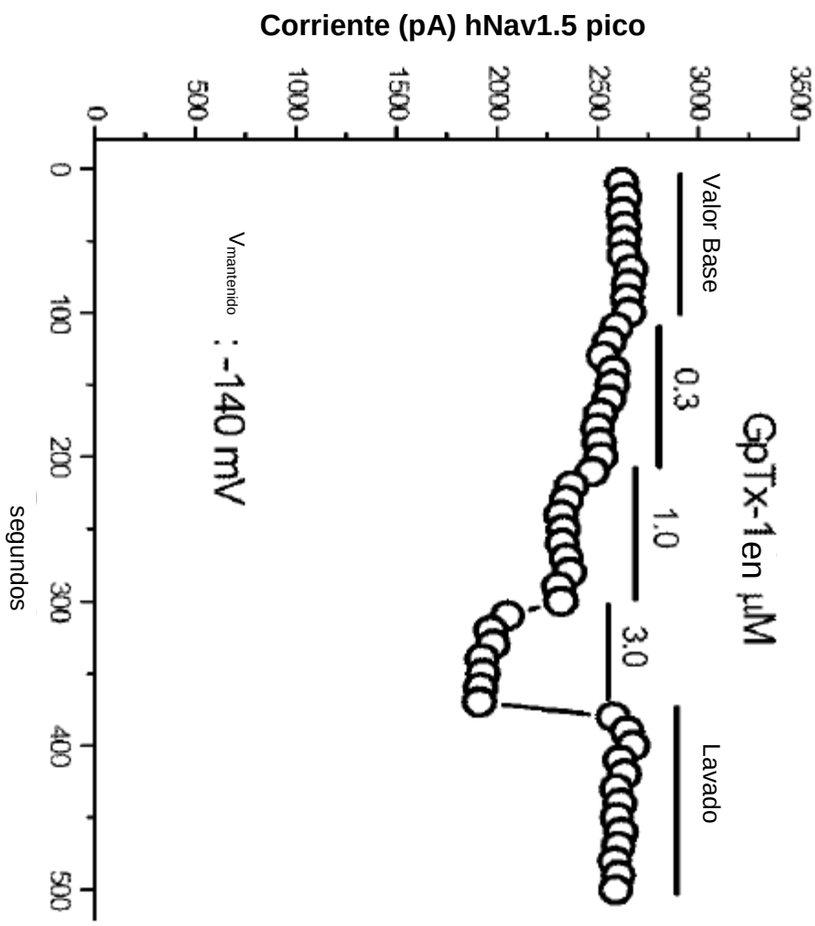

Corriente (pA) hNav1.5 pico
3500
3000
2500
2000
1500
1000
500
0
0
100
200
300
400
500
segundos
Valor Base
0.3
1.0
3.0
Lavado
GpTx-1en µM
V mantenido : -140 mV

FIG. 34

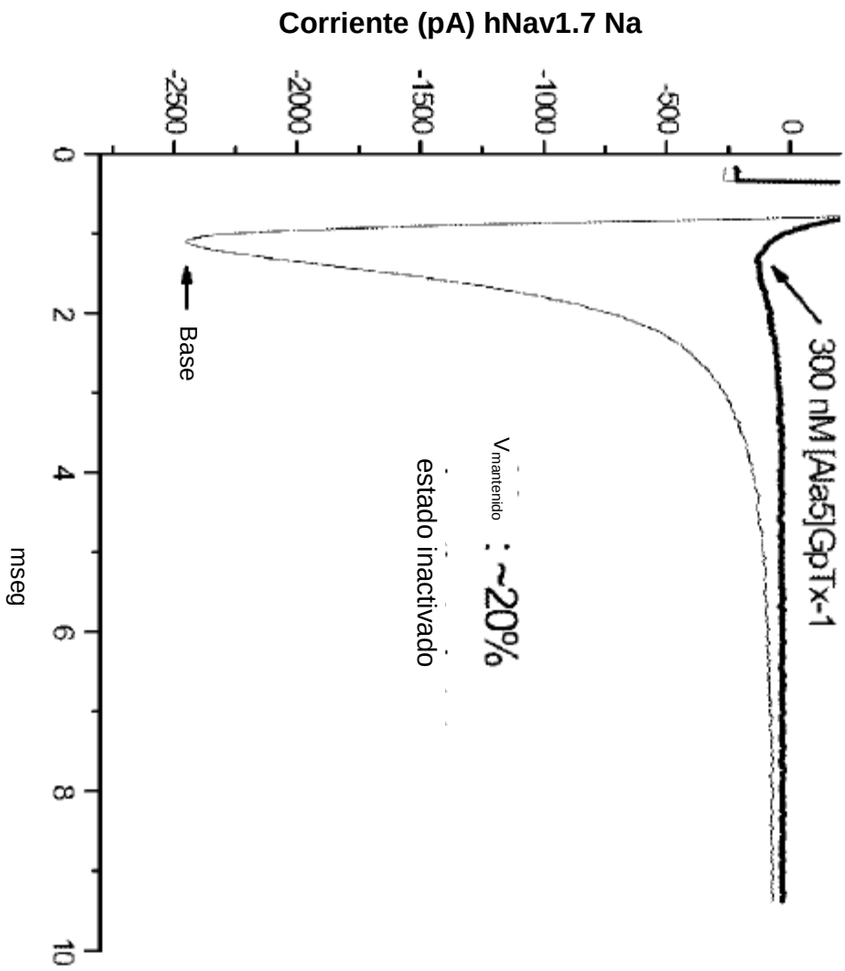

Corriente (pA) hNav1.7 Na
0
-500
-1000
-1500
-2000
-2500
0
2
4
6
8
10
mseg
Base
300 nM [Ala5]GpTx-1
$V_{mantenido}$: ~20%
estado inactivado

Fig. 35

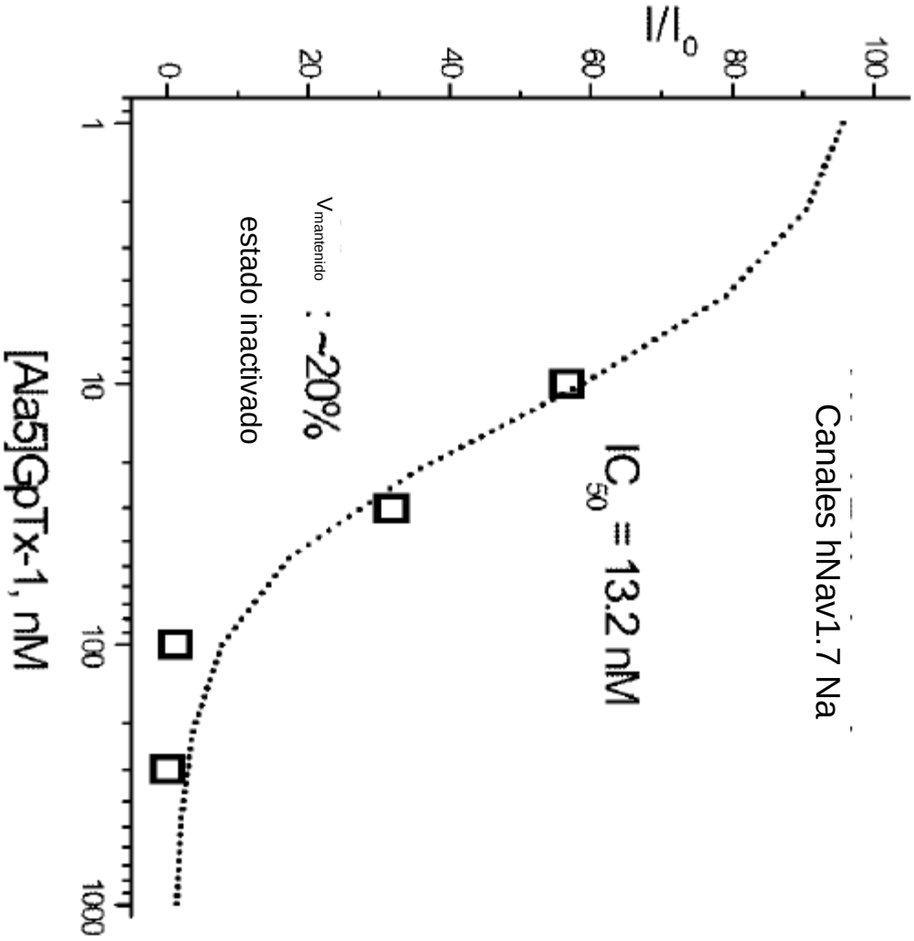

Canales hNav1.7 Na
IC_{50} = 13.2 nM
$V_{mantenido}$: ~20%
estado inactivado
I/I_0
[Ala5]GpTx-1, nM
0
20
40
60
80
100
1
10
100
1000

Fig. 36

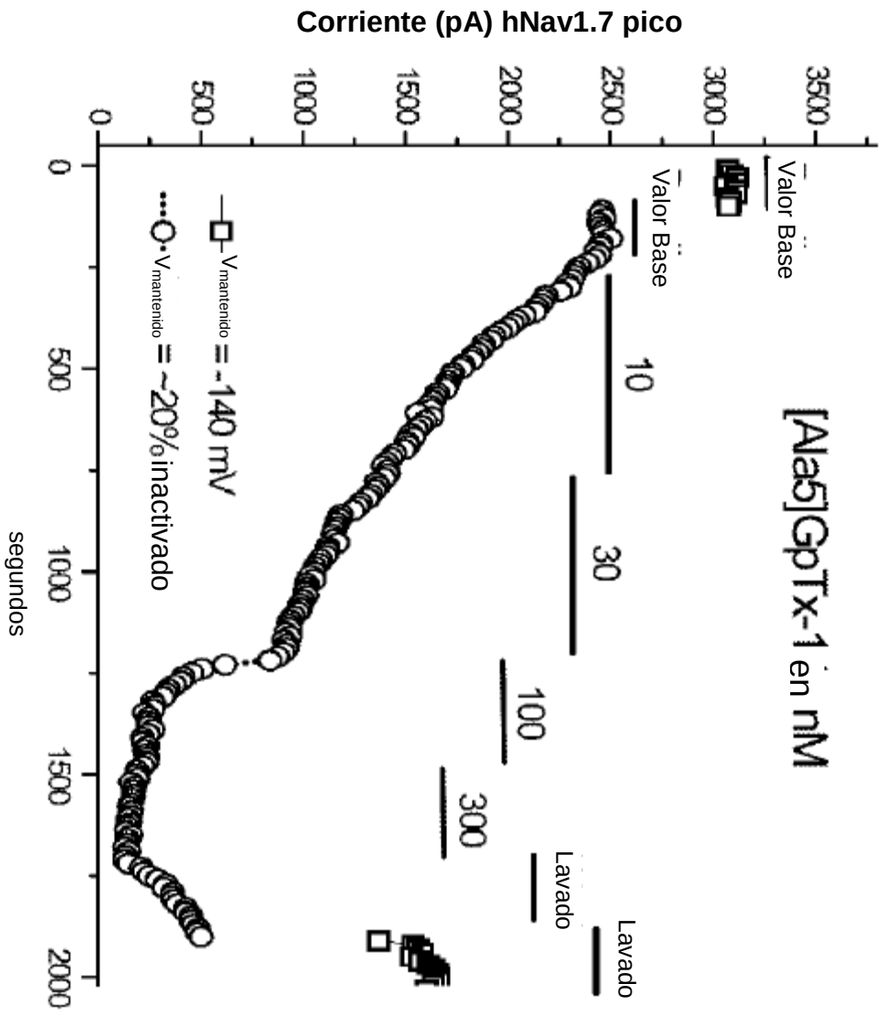

Corriente (pA) hNav1.7 pico
[Ala5]GpTx-1 en nM
Valor Base
Valor Base
10
30
100
300
Lavado
Lavado
V mantenido = -140 mV
V mantenido = ~20% inactivado
segundos
0
500
1000
1500
2000
2500
3000
3500
0
500
1000
1500
2000

Fig. 37

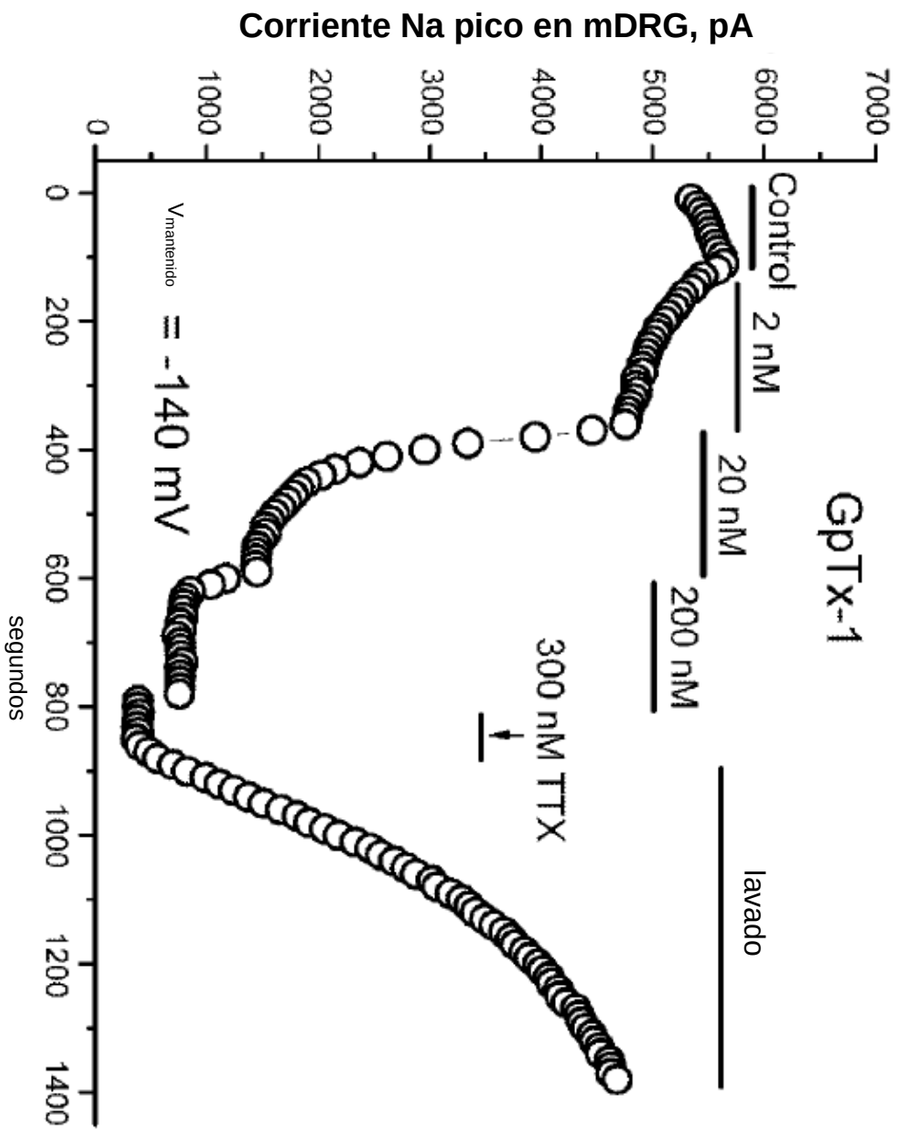

Corriente Na pico en mDRG, pA
7000
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
0
200
400
600
800
1000
1200
1400
segundos
Control
2 nM
20 nM
200 nM
GpTx-1
300 nM TTX
lavado
$V_{mantenido}$ = -140 mV

FIG. 38

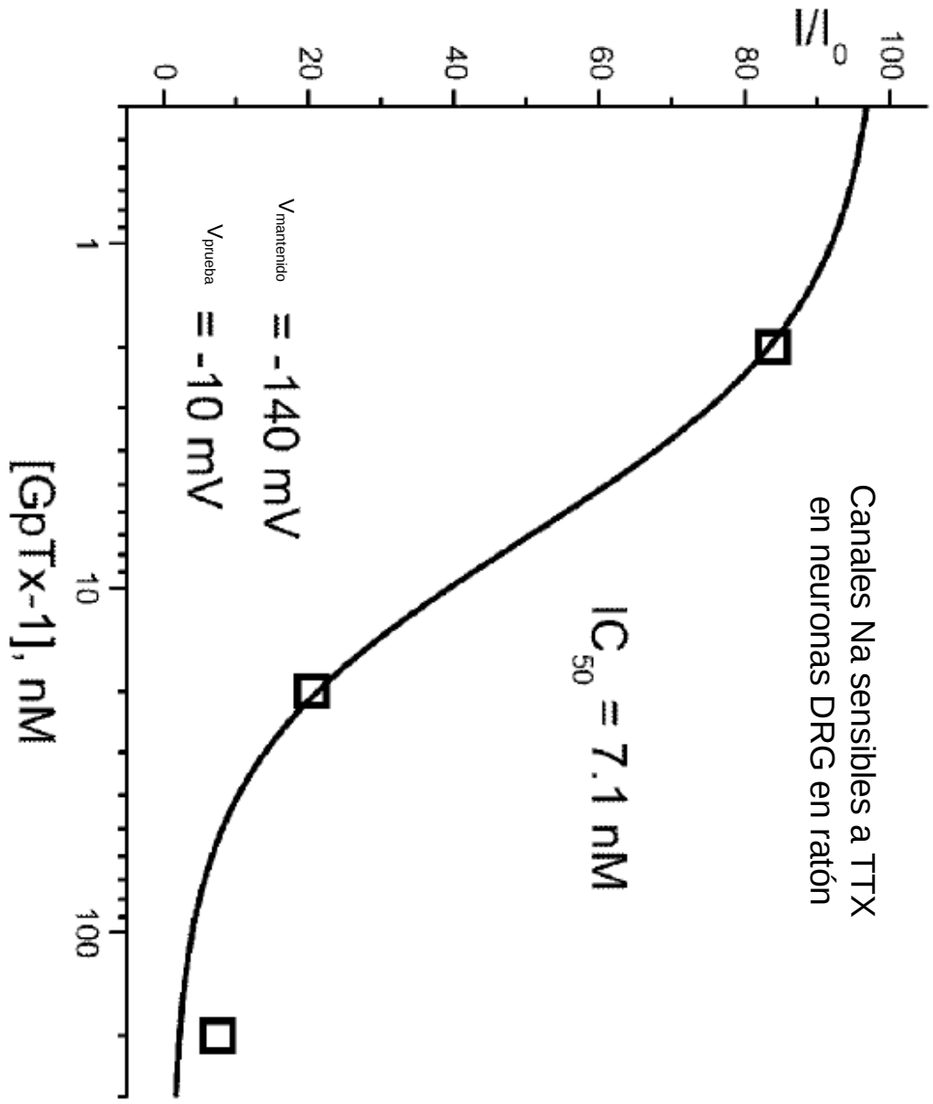

Canales Na sensibles a TTX
en neuronas DRG en ratón
I/I_0
100
80
60
40
20
0
IC_{50} = 7.1 nM
$V_{mantenido}$ = -140 mV
V_{prueba} = -10 mV
1
10
100
[GpTx-1], nM

FIG. 39

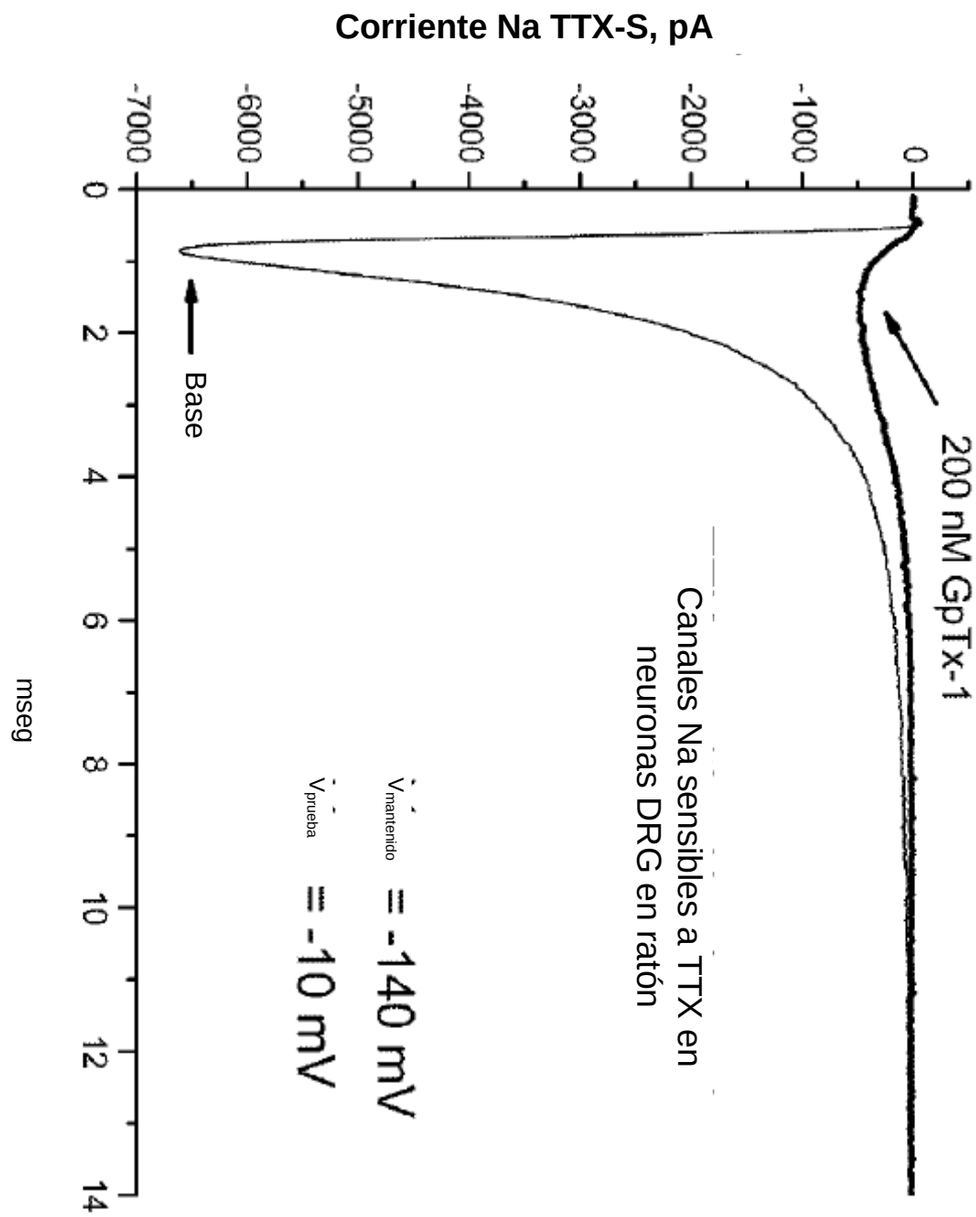

Corriente Na TTX-S, pA
0
-1000
-2000
-3000
-4000
-5000
-6000
-7000
0
2
4
6
8
10
12
14
mseg
200 nM GpTx-1
Base
Canales Na sensibles a TTX en neuronas DRG en ratón
V mantenido = -140 mV
V prueba = -10 mV

FIG. 40

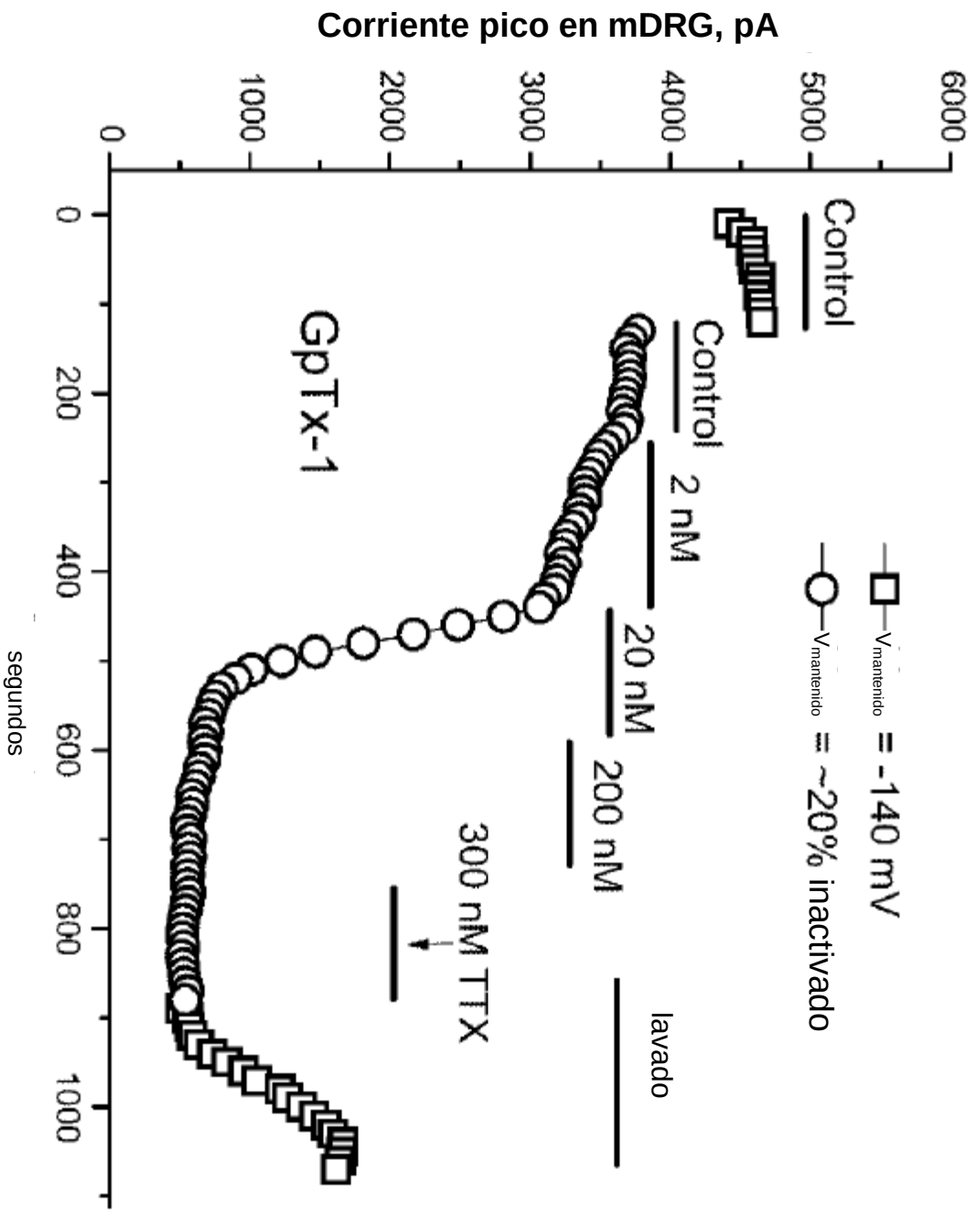

Corriente pico en mDRG, pA
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
0
200
400
600
800
1000
segundos
Control
Control
2 nM
20 nM
200 nM
300 nM TTX
lavado
GpTx-1
$V_{mantenido}$ = -140 mV
$V_{mantenido}$ = ~20% inactivado

FIG. 41

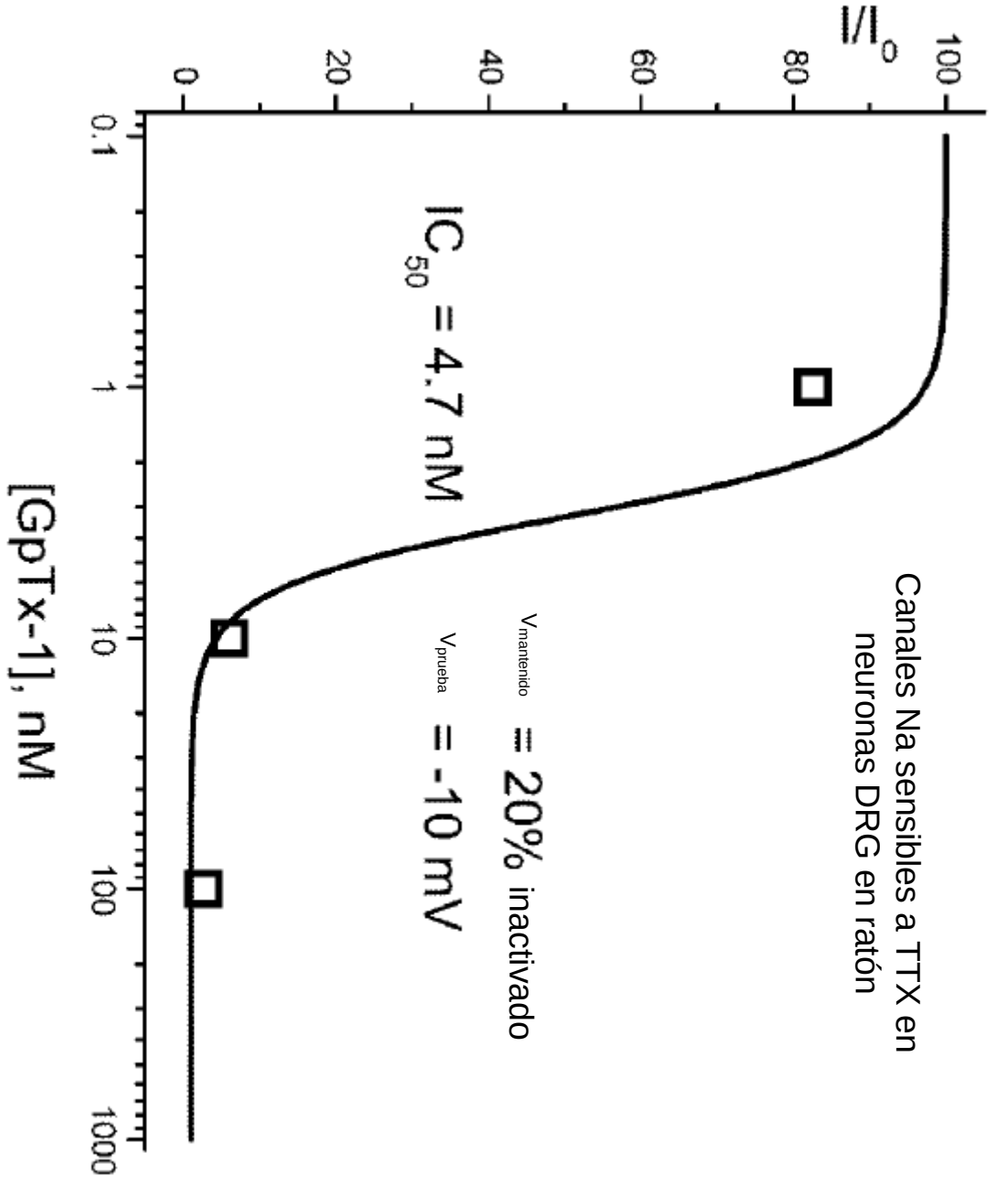

Canales Na sensibles a TTX en neuronas DRG en ratón
$V_{mantenido}$ = 20% inactivado
V_{prueba} = -10 mV
IC_{50} = 4.7 nM
I/I$_0$
100
80
60
40
20
0
0.1
1
10
100
1000
[GpTx-1], nM

Fig. 42

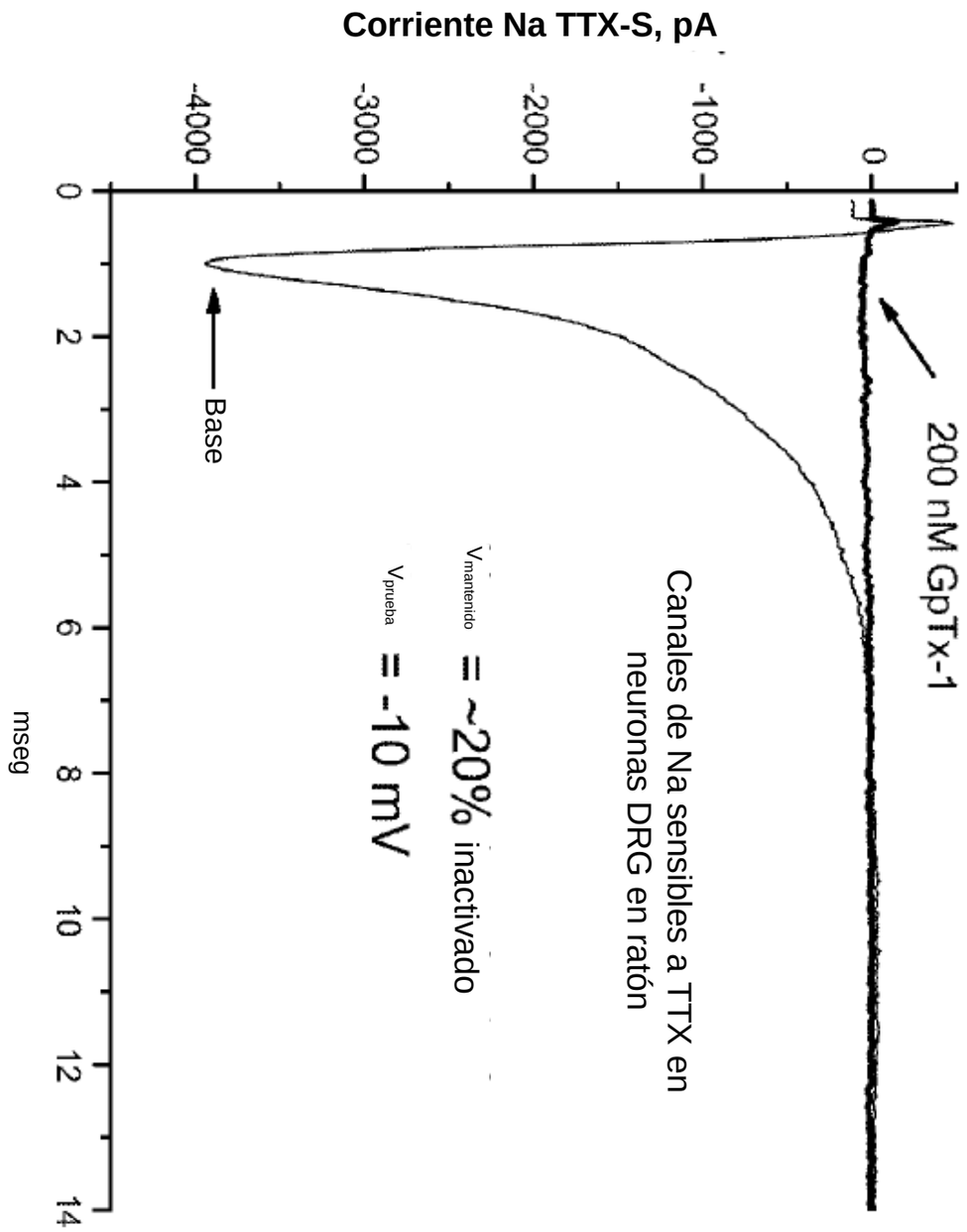

Corriente Na TTX-S, pA
0
-1000
-2000
-3000
-4000
0
2
4
6
8
10
12
14
mseg
200 nM GpTx-1
Base
Canales de Na sensibles a TTX en neuronas DRG en ratón
$V_{mantenido}$ = ~20% inactivado
V_{prueba} = -10 mV

Fig. 43

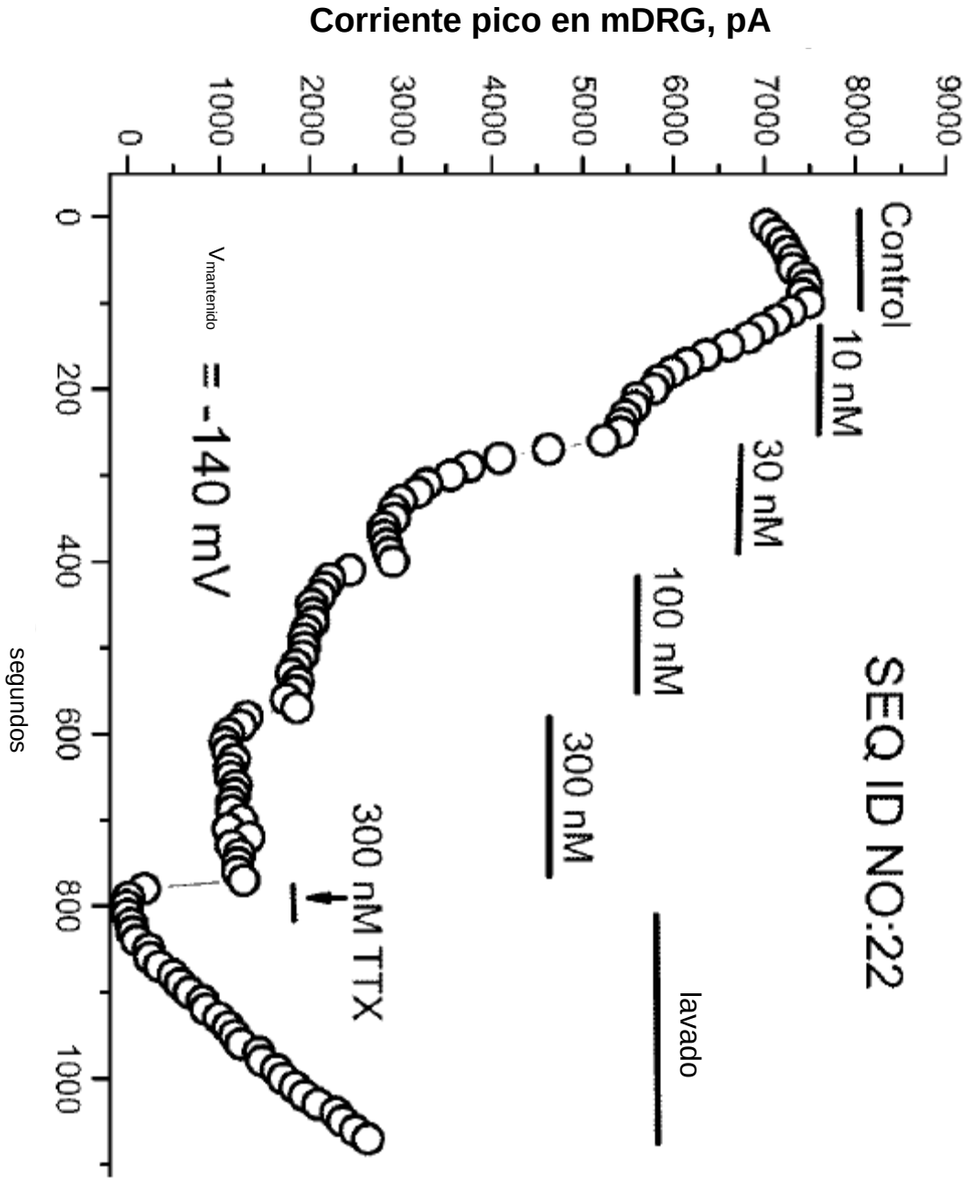

Corriente pico en mDRG, pA
9000
8000
7000
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
0
200
400
600
800
1000
segundos
Control
10 nM
30 nM
100 nM
300 nM
lavado
300 nM TTX
SEQ ID NO:22
Vmantenido = -140 mV

Fig. 44

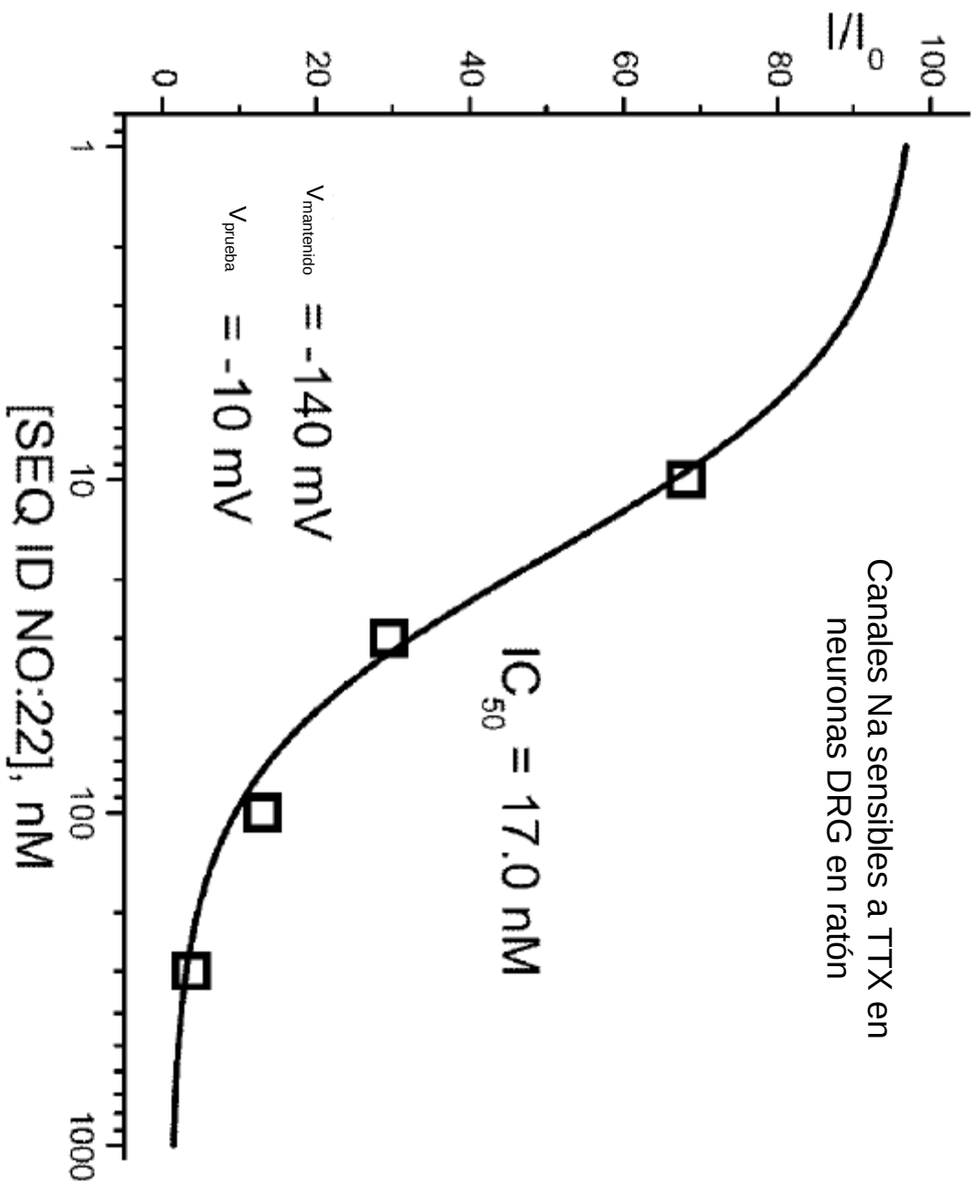

Canales Na sensibles a TTX en neuronas DRG en ratón
I/I_0
100
80
60
40
20
0
IC_{50} = 17.0 nM
$V_{mantenido}$ = -140 mV
V_{prueba} = -10 mV
1
10
100
1000
[SEQ ID NO:22], nM

FIG. 45

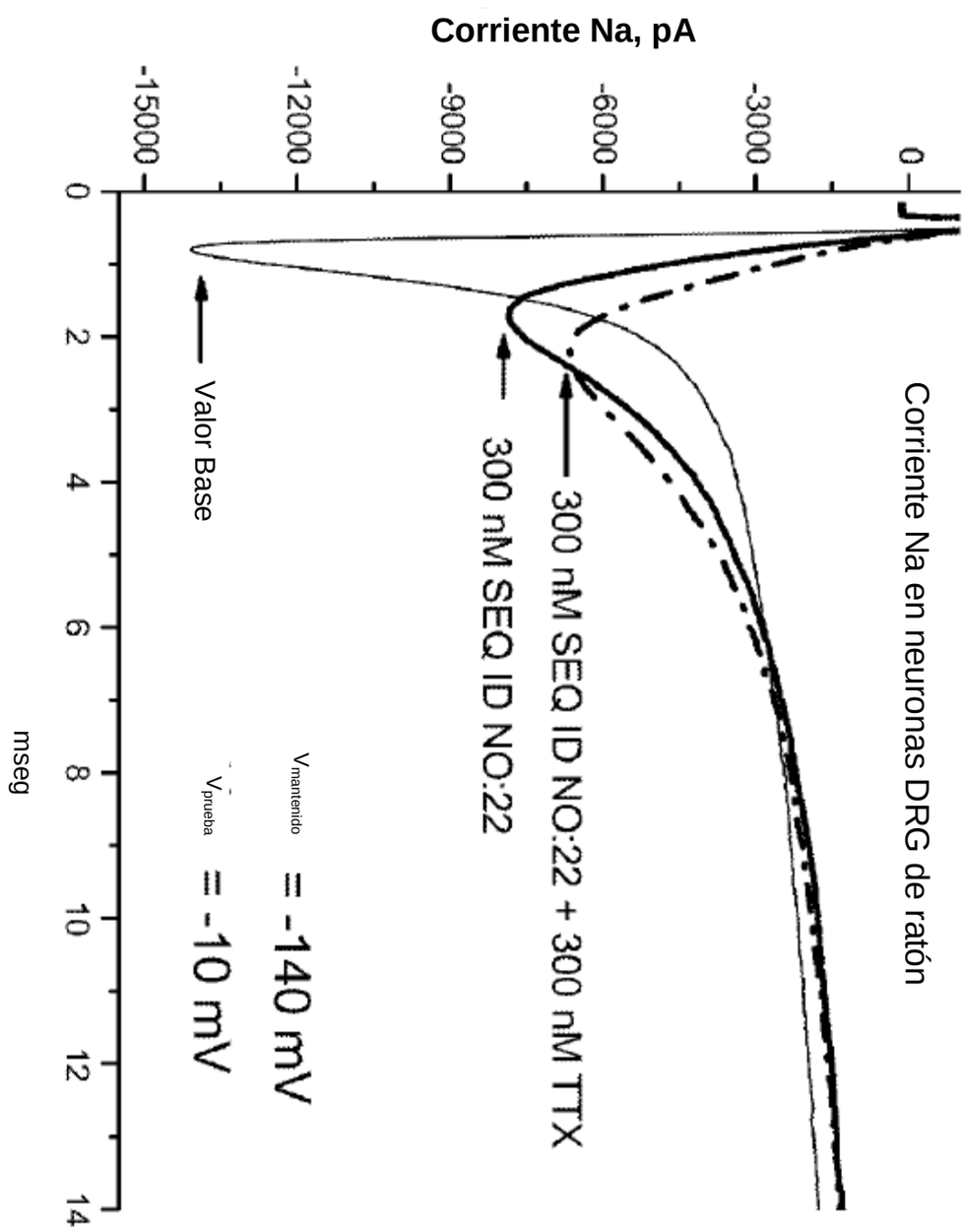

Corriente Na, pA
0
-3000
-6000
-9000
-12000
-15000
0
2
4
6
8
10
12
14
mseg
Corriente Na en neuronas DRG de ratón
300 nM SEQ ID NO:22 + 300 nM TTX
300 nM SEQ ID NO:22
Valor Base
V mantenido ≡ -140 mV
V prueba ≡ -10 mV

FIG. 46

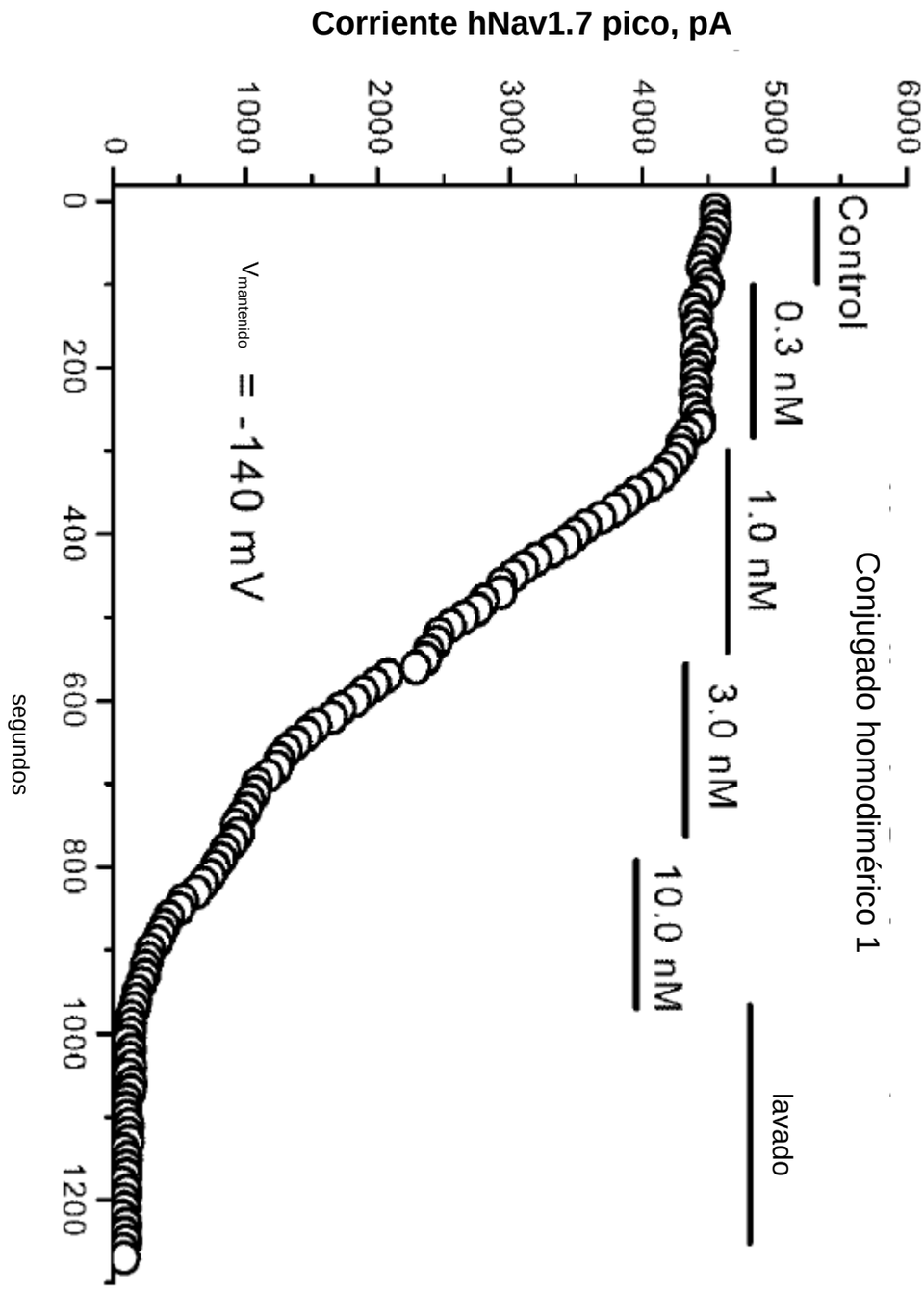

Corriente hNav1.7 pico, pA
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
0
200
400
600
800
1000
1200
segundos
Control
0.3 nM
1.0 nM
3.0 nM
10.0 nM
lavado
Conjugado homodimérico 1
$V_{mantenido}$ = -140 mV

FIG. 47

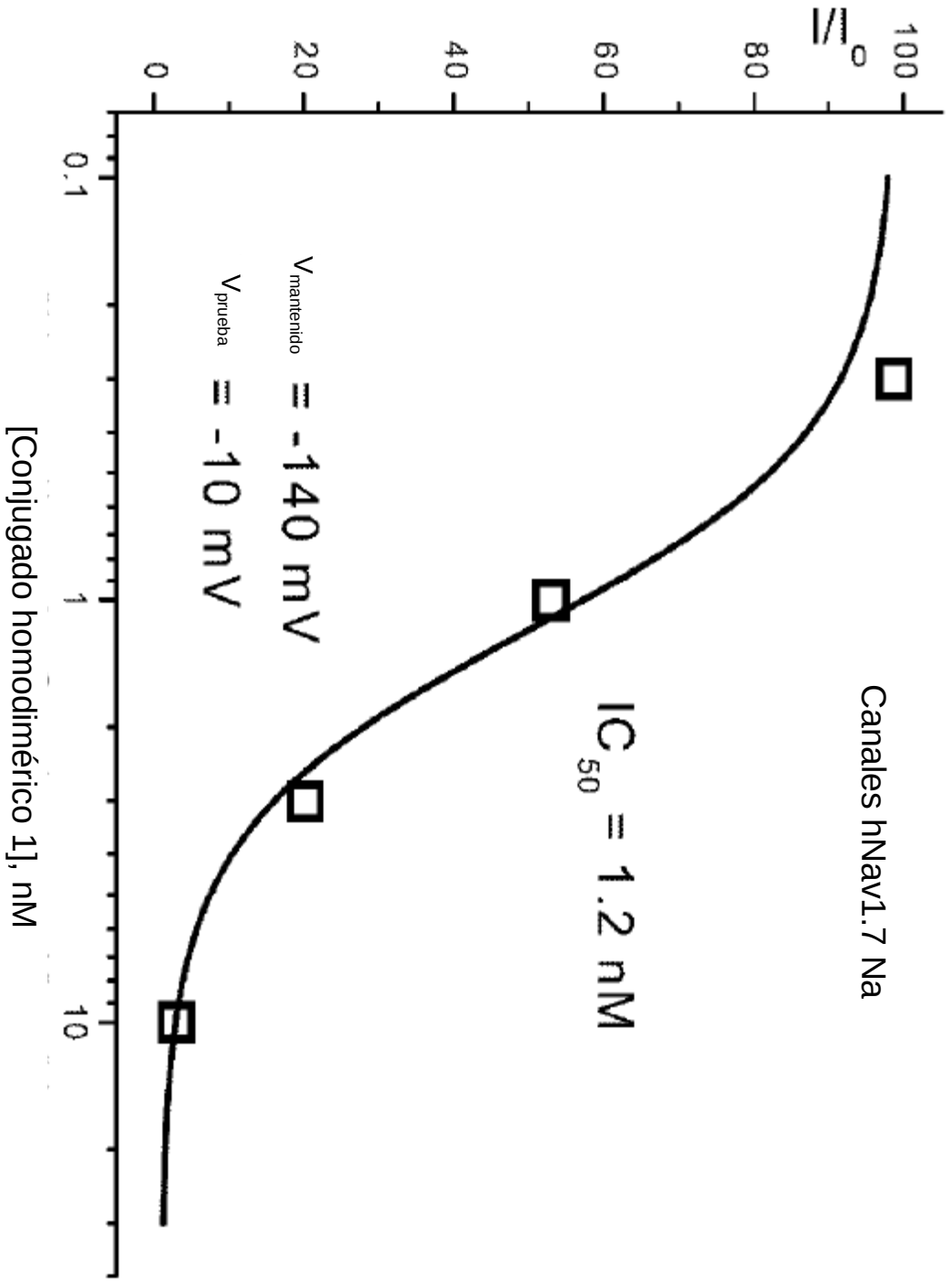

I/I0
100
80
60
40
20
0
0.1
1
10
[Conjugado homodimérico 1], nM
Canales hNav1.7 Na
IC50 = 1.2 nM
Vmantenido = -140 mV
Vprueba = -10 mV

FIG. 48

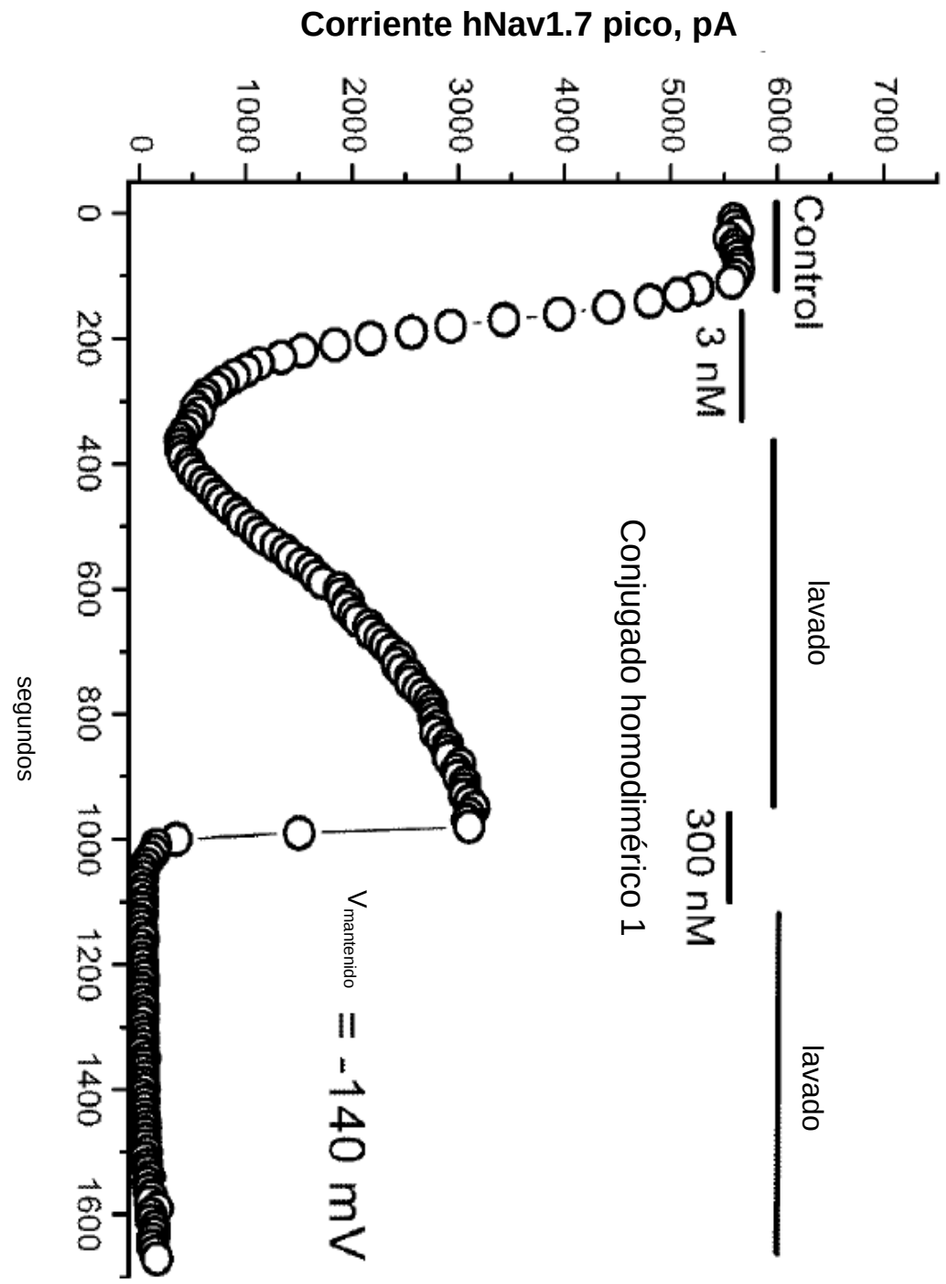

Corriente hNav1.7 pico, pA
7000
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
0
200
400
600
800
1000
1200
1400
1600
segundos
Control
3 nM
lavado
300 nM
lavado
Conjugado homodimérico 1
$V_{mantenido}$ = -140 mV

FIG. 49

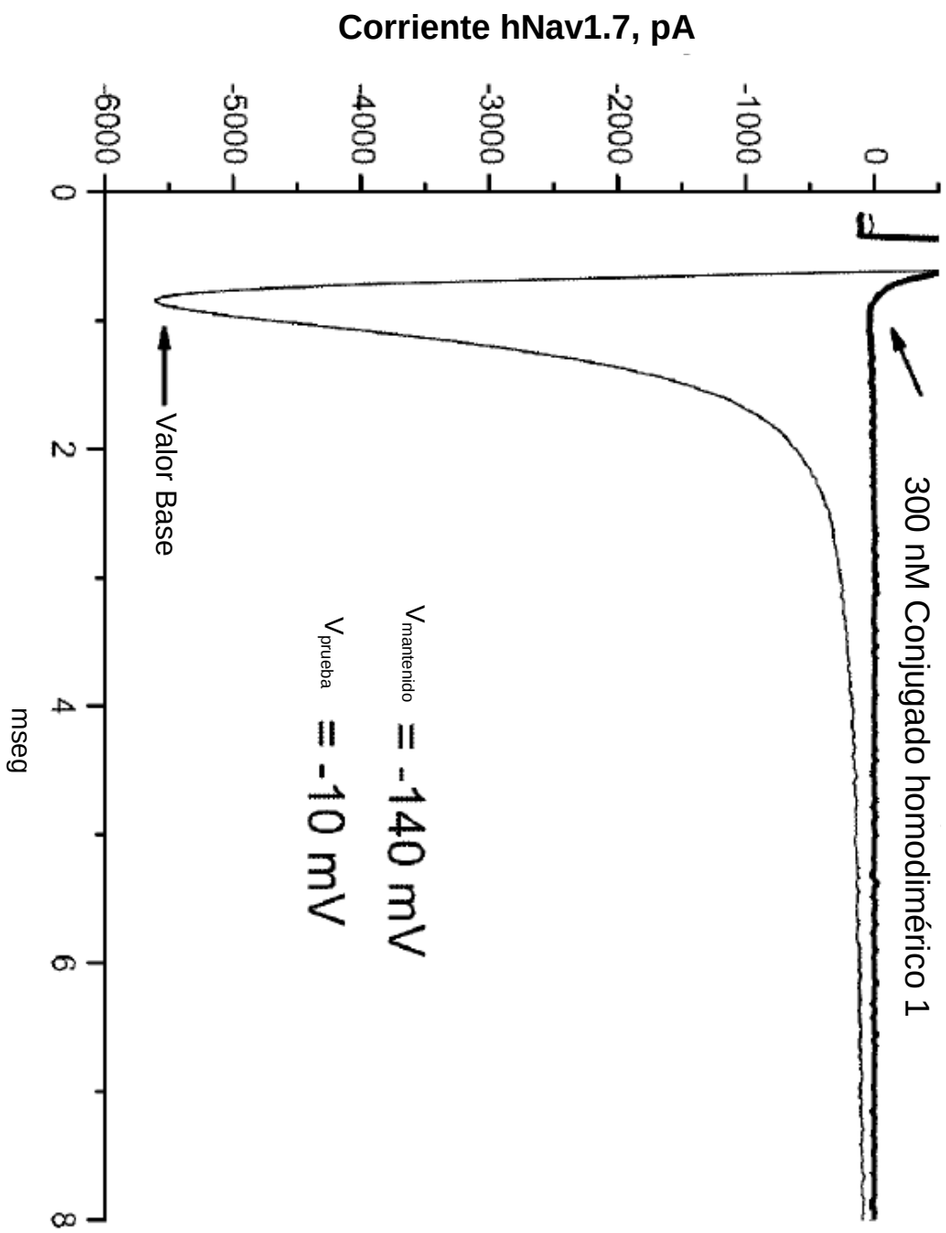

Corriente hNav1.7, pA
0
-1000
-2000
-3000
-4000
-5000
-6000
0
2
4
6
8
mseg
300 nM Conjugado homodimérico 1
Valor Base
V mantenido = -140 mV
V prueba = -10 mV

FIG. 50

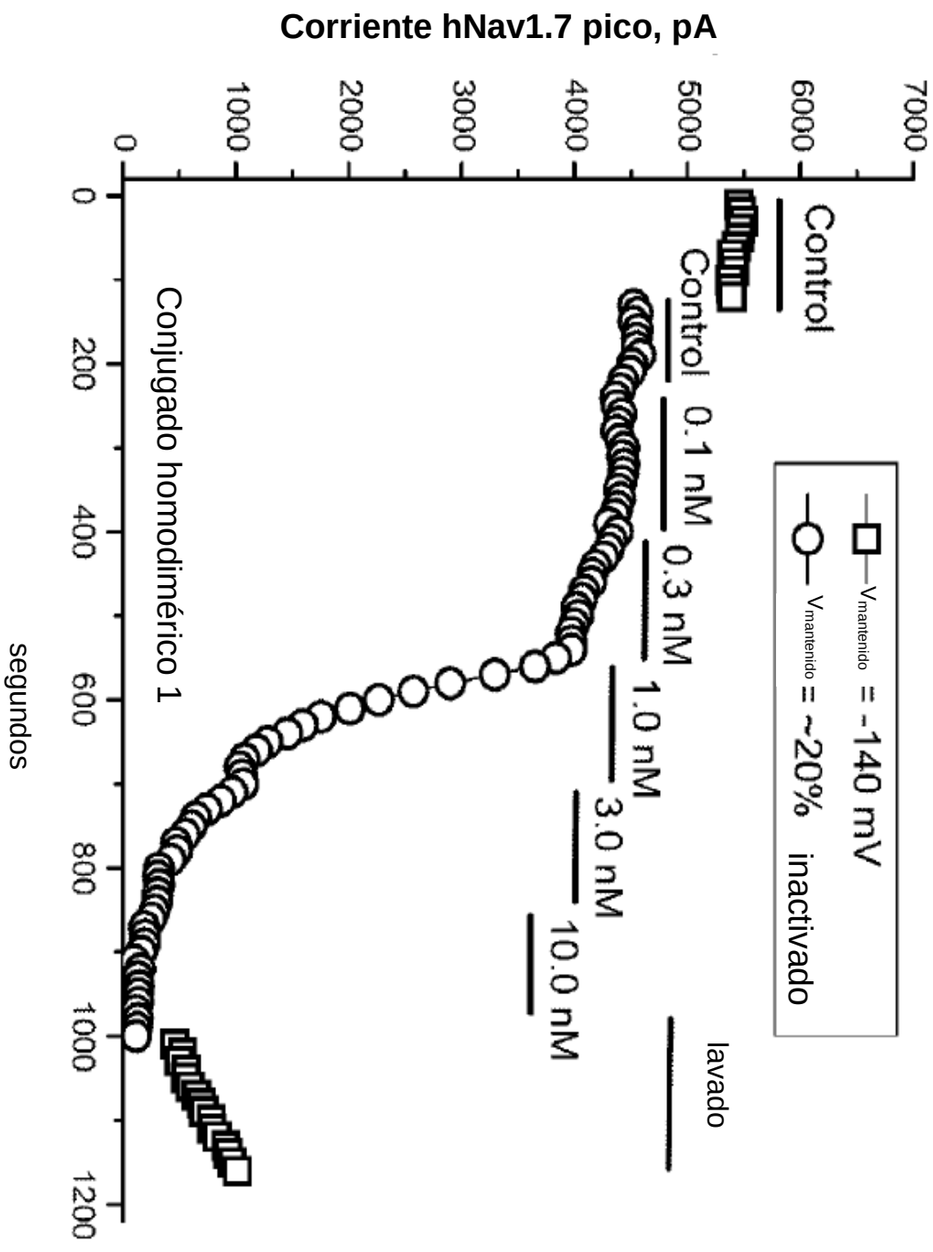

Corriente hNav1.7 pico, pA
7000
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
0
200
400
600
800
1000
1200
segundos
Conjugado homodimérico 1
Control
Control
0.1 nM
0.3 nM
1.0 nM
3.0 nM
10.0 nM
lavado
Vmantenido = -140 mV
Vmantenido = ~20% inactivado

FIG. 51

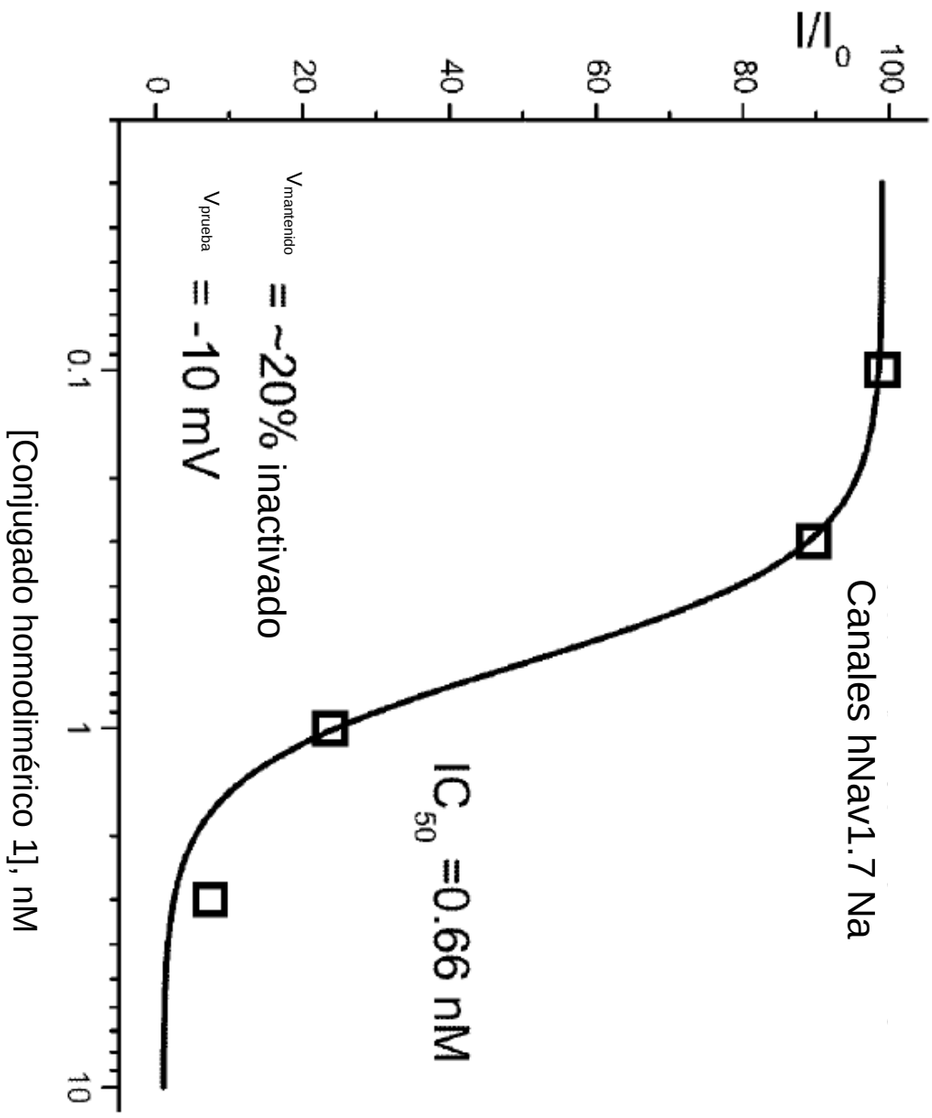

I/I0
100
80
60
40
20
0
0.1
1
10
[Conjugado homodimérico 1], nM
Canales hNav1.7 Na
IC50 =0.66 nM
Vmantenido = ~20% inactivado
Vprueba = -10 mV

FIG. 52

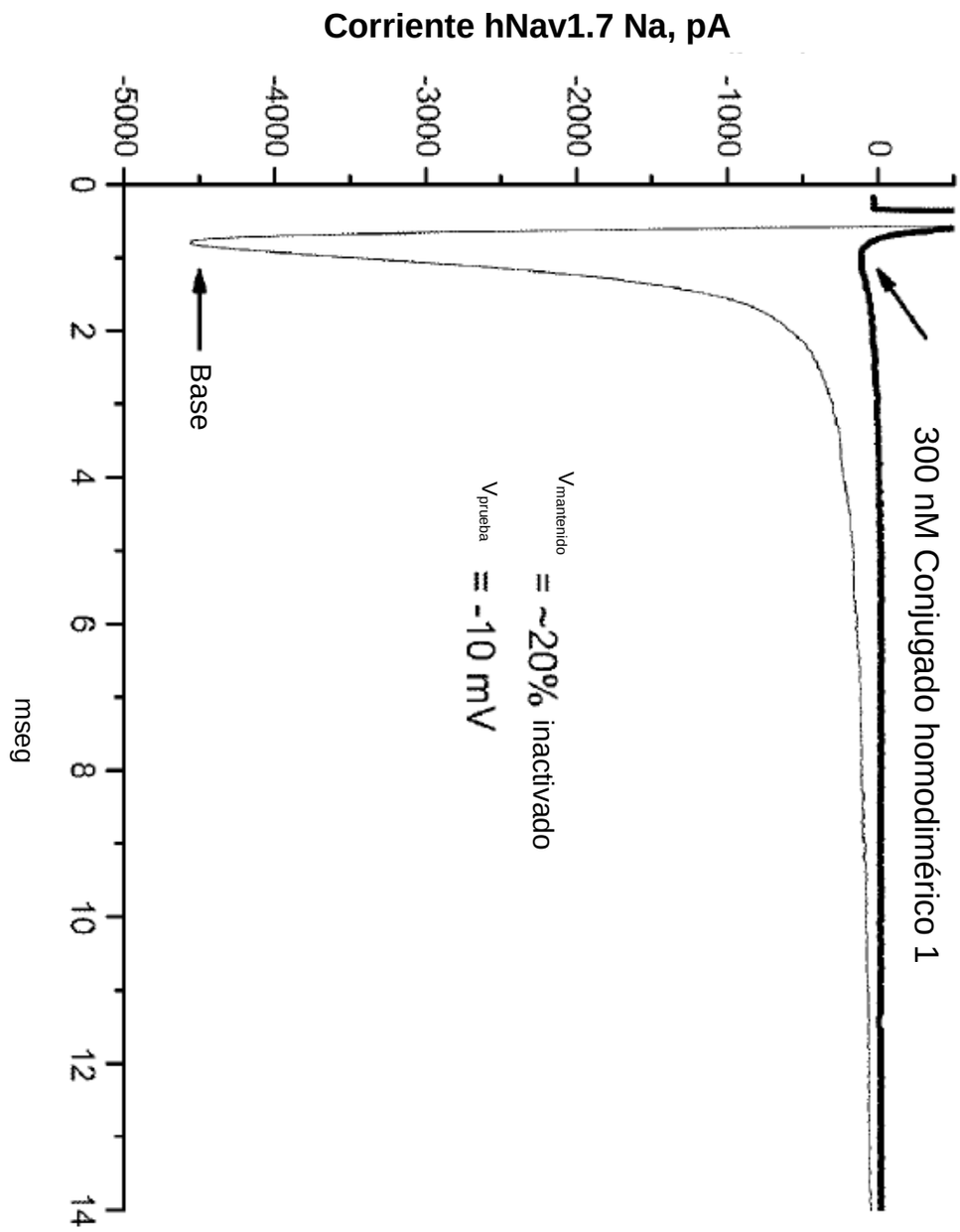

Corriente hNav1.7 Na, pA
0
-1000
-2000
-3000
-4000
-5000
0
2
4
6
8
10
12
14
mseg
300 nM Conjugado homodimérico 1
Base
$V_{mantenido}$ = ~20% inactivado
V_{prueba} = -10 mV

FIG. 53

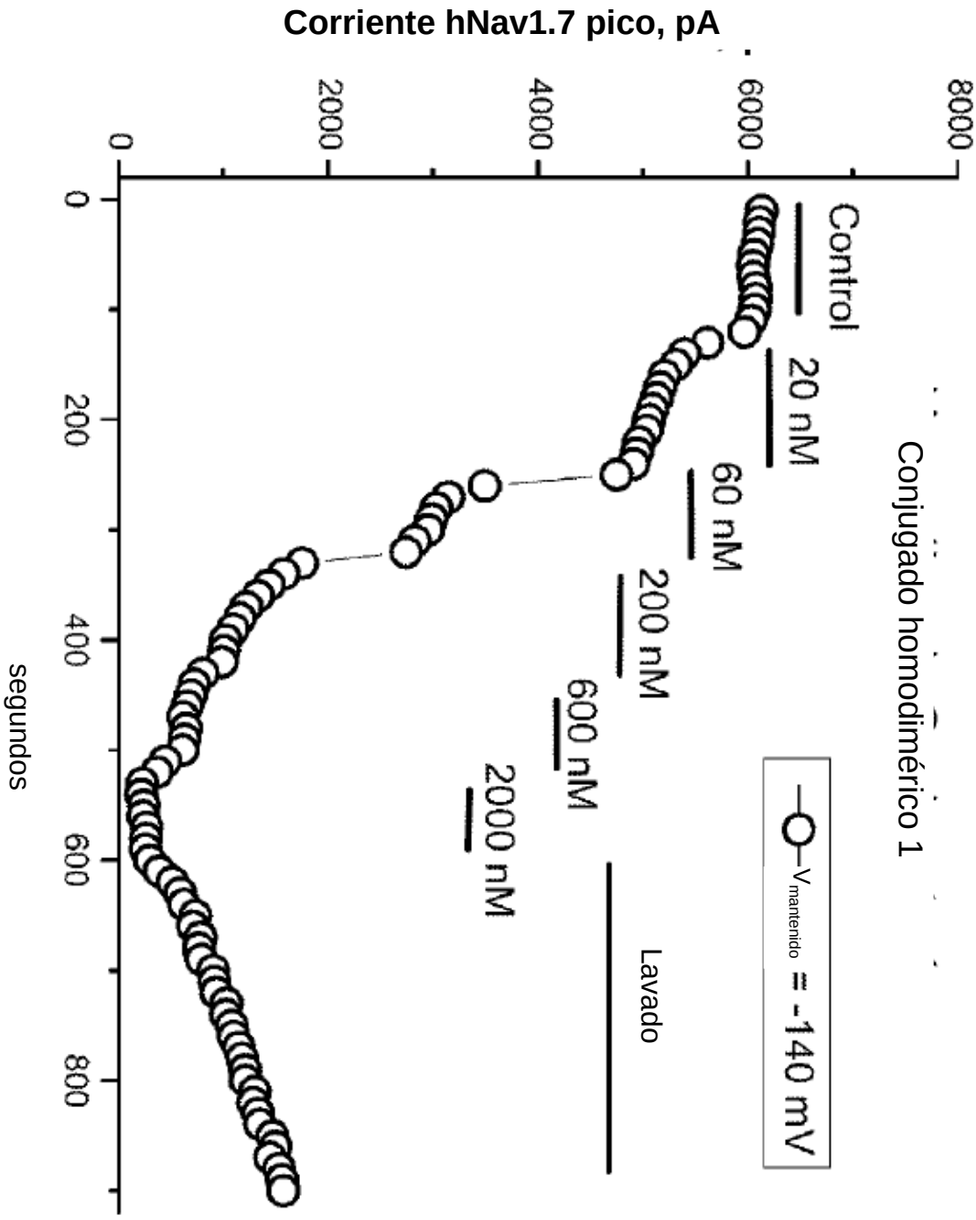

Corriente hNav1.7 pico, pA
8000
6000
4000
2000
0
0
200
400
600
800
segundos
Control
20 nM
60 nM
200 nM
600 nM
2000 nM
Lavado
Conjugado homodimérico 1
V mantenido = -140 mV

FIG. 54

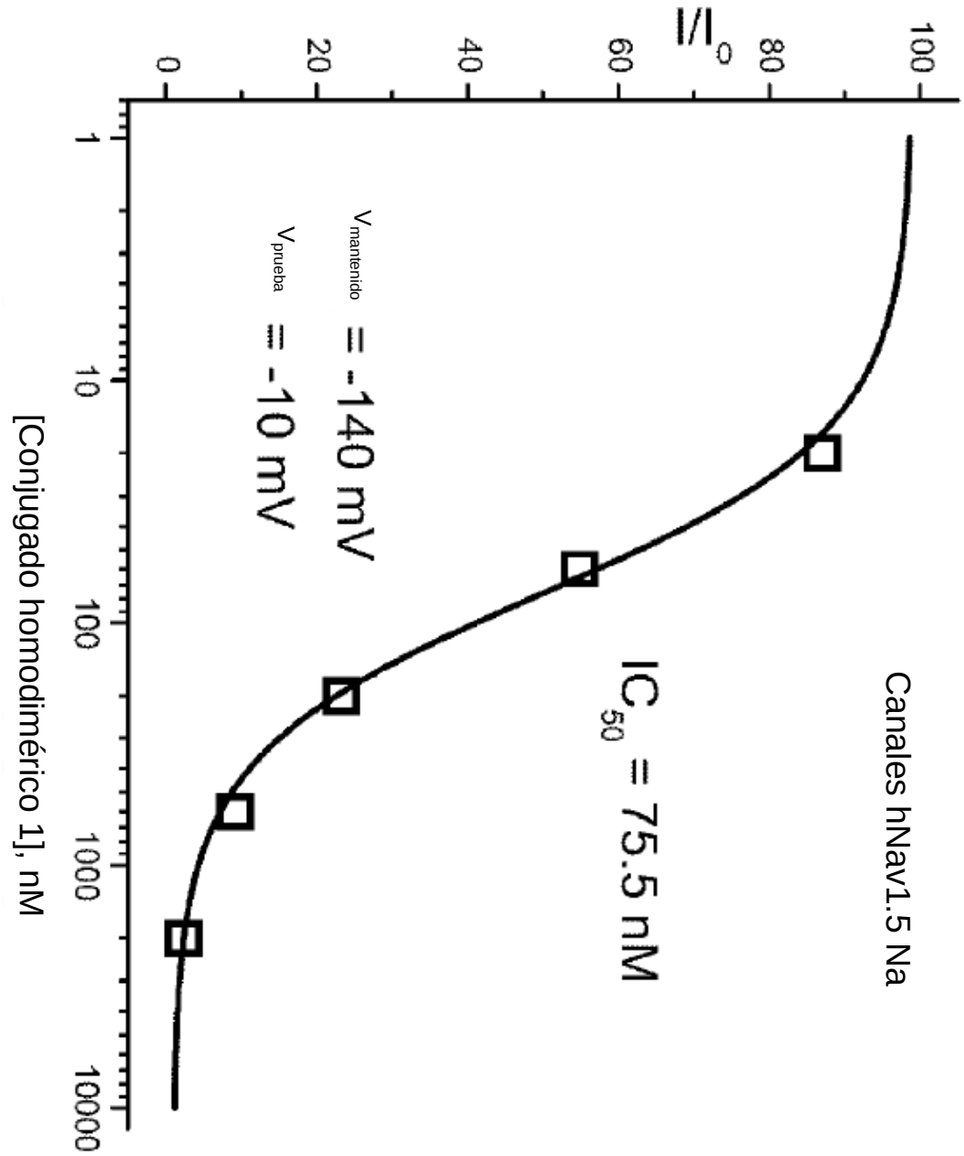

Canales hNav1.5 Na
IC_{50} = 75.5 nM
$V_{mantenido}$ = -140 mV
V_{prueba} = -10 mV
I/I$_0$
0
20
40
60
80
100
1
10
100
1000
10000
[Conjugado homodimérico 1], nM

FIG. 55

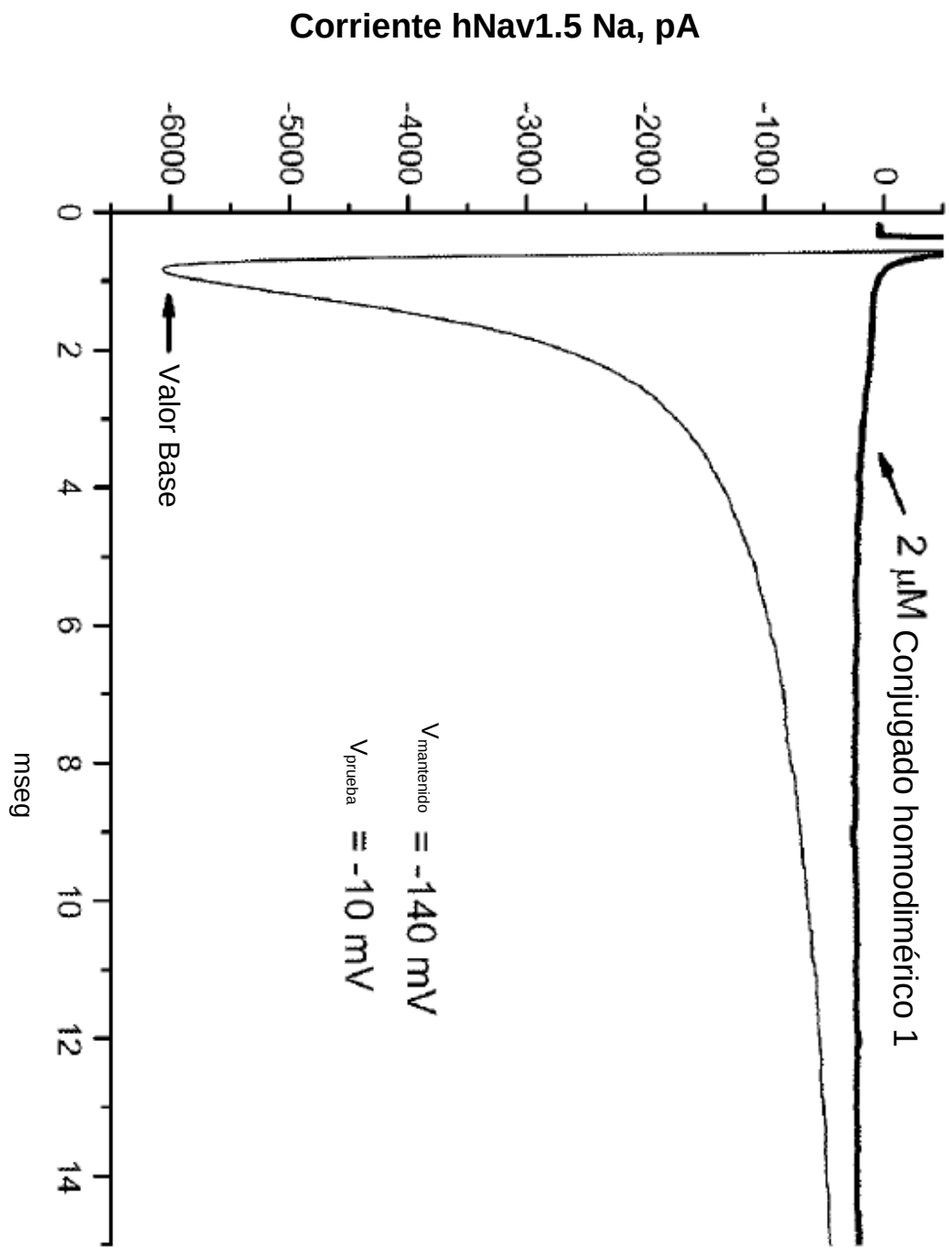

Corriente hNav1.5 Na, pA
0
-1000
-2000
-3000
-4000
-5000
-6000
2 µM Conjugado homodimérico 1
$V_{mantenido}$ = -140 mV
V_{prueba} = -10 mV
Valor Base
0
2
4
6
8
10
12
14
mseg

FIG. 56

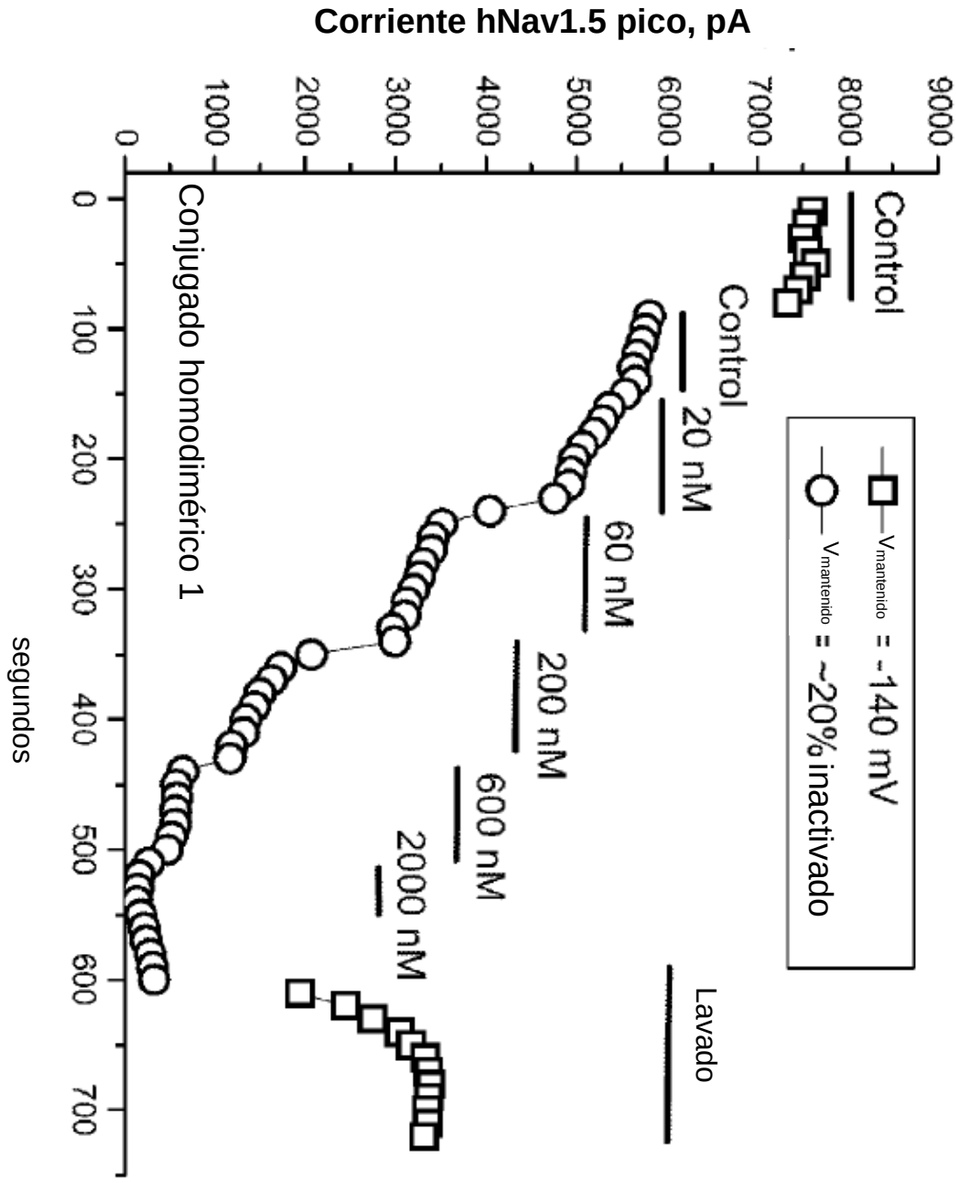

Corriente hNav1.5 pico, pA
9000
8000
7000
6000
5000
4000
3000
2000
1000
0
Control
Control
20 nM
60 nM
200 nM
600 nM
2000 nM
Lavado
Conjugado homodimérico 1
$V_{mantenido}$ = -140 mV
$V_{mantenido}$ = ~20% inactivado
0
100
200
300
400
500
600
700
segundos

FIG. 57

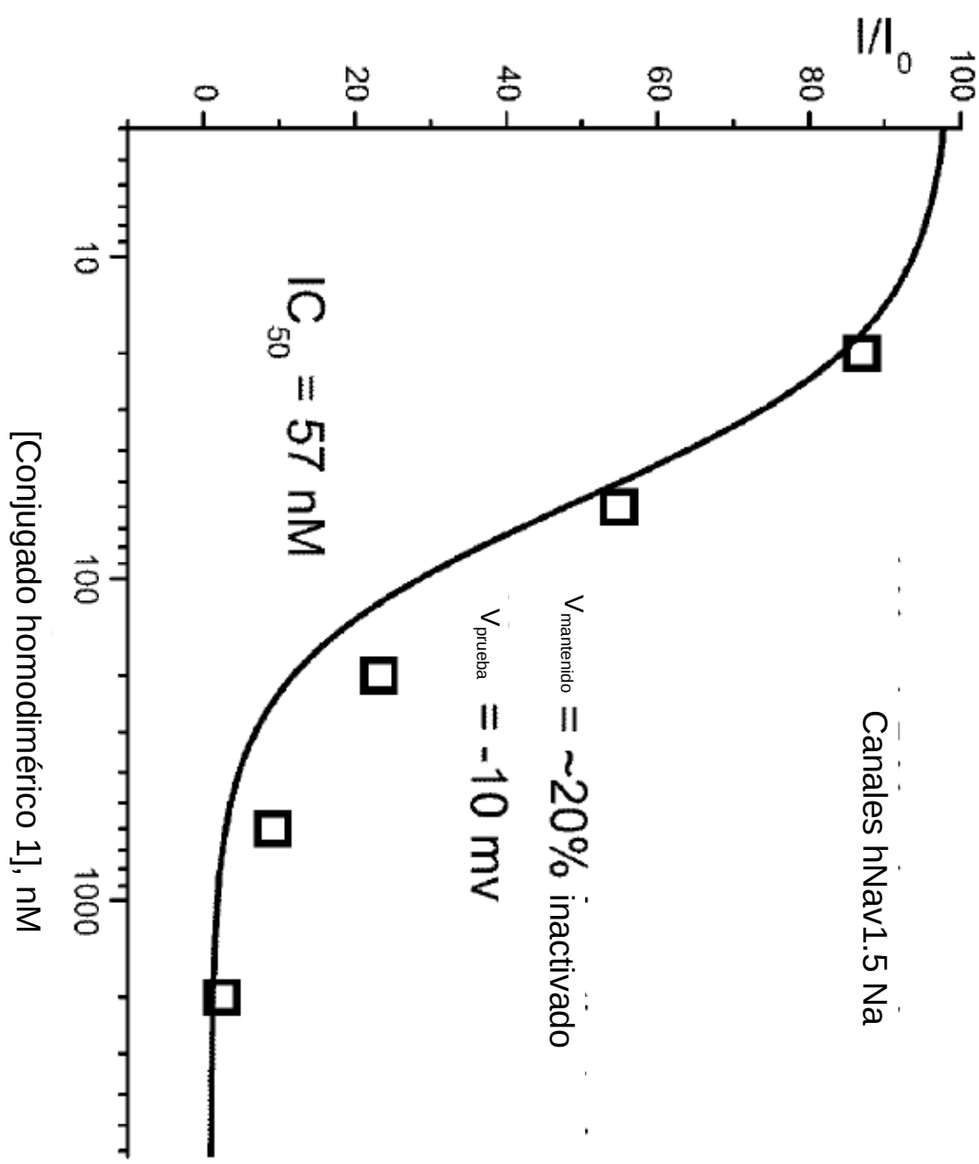

I/I0
100
80
60
40
20
0
10
100
1000
Canales hNav1.5 Na
Vmantenido = ~20% inactivado
Vprueba = -10 mv
IC50 = 57 nM
[Conjugado homodimérico 1], nM

FIG. 58

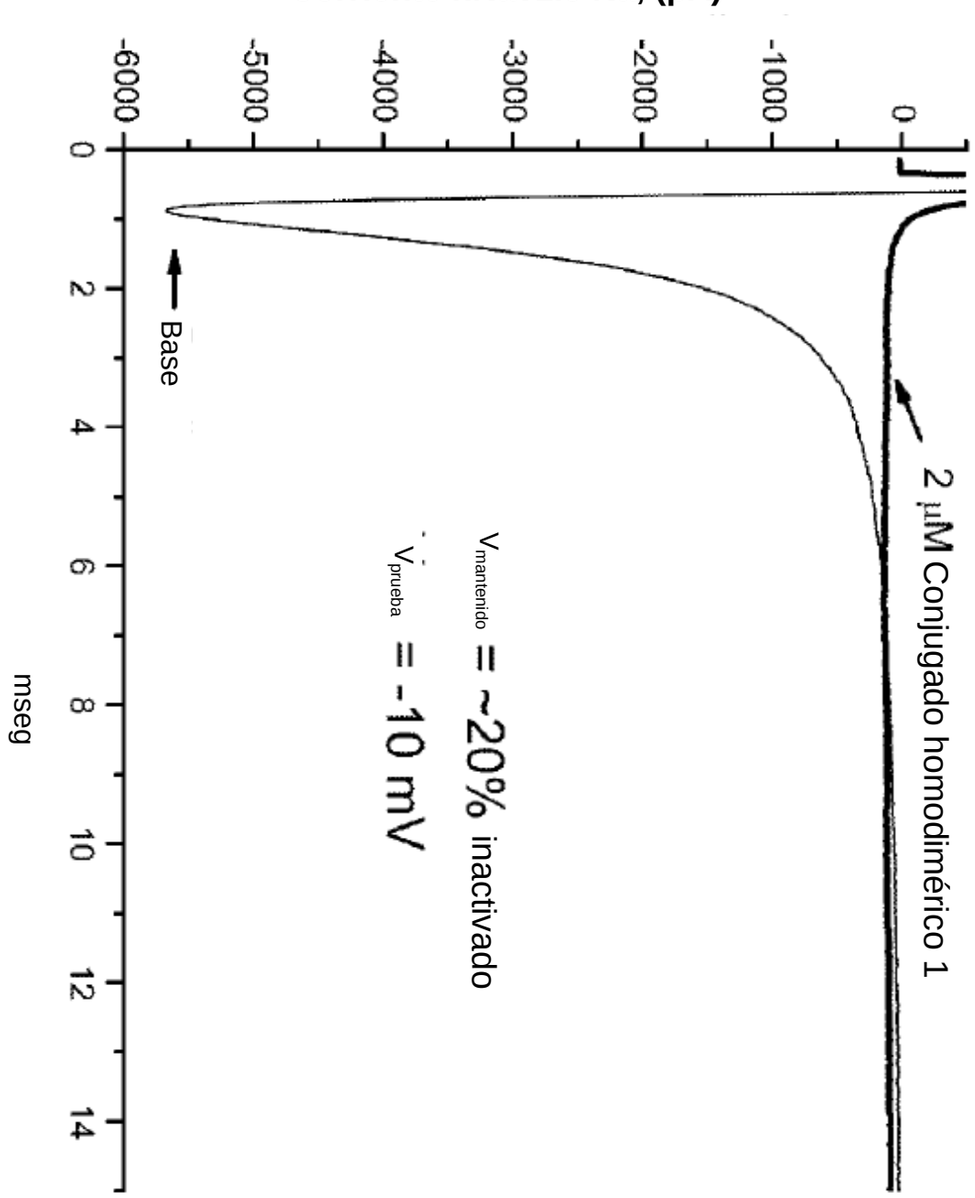

Corriente hNav1.5 Na, (pA)
0
-1000
-2000
-3000
-4000
-5000
-6000
0
2
4
6
8
10
12
14
mseg
Base
2 μM Conjugado homodimérico 1
$V_{mantenido}$ = ~20% inactivado
V_{prueba} = -10 mV

FIG. 59

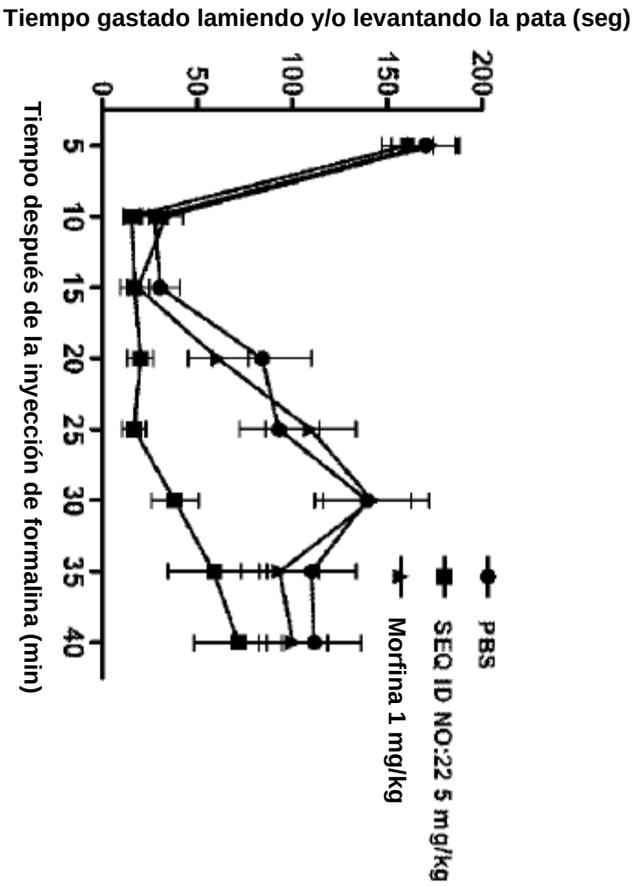

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
50
100
150
200
5
10
15
20
25
30
35
40
Tiempo después de la inyección de formalina (min)
PBS
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 1 mg/kg

FIG. 60

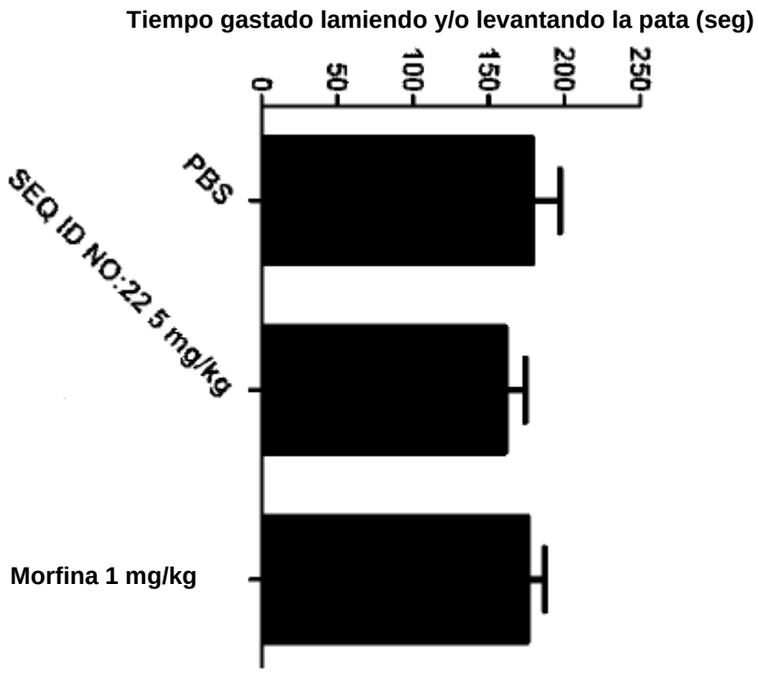

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
50
100
150
200
250
PBS
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 1 mg/kg

FIG. 61

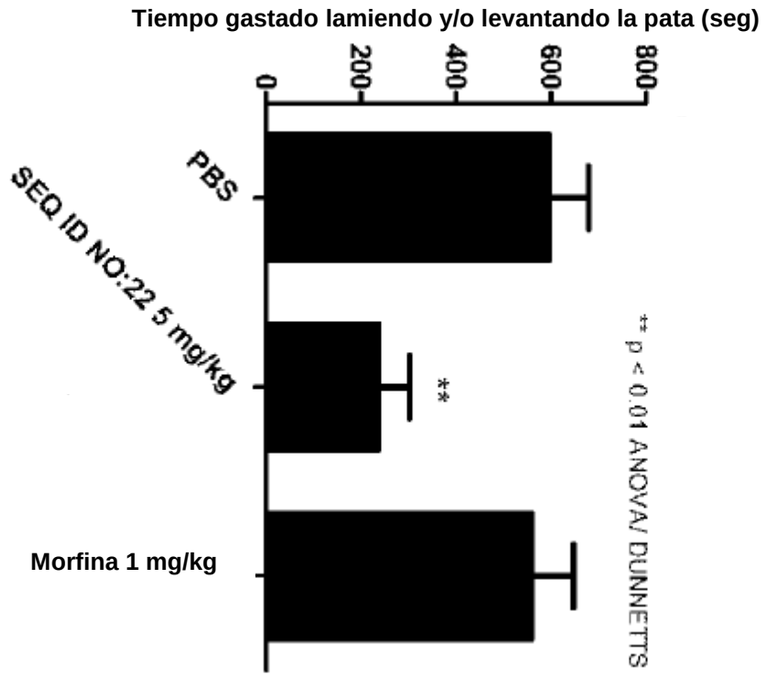

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
200
400
600
800
PBS
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 1 mg/kg
**
** p < 0.01 ANOVA/ DUNNETTS

FIG. 62

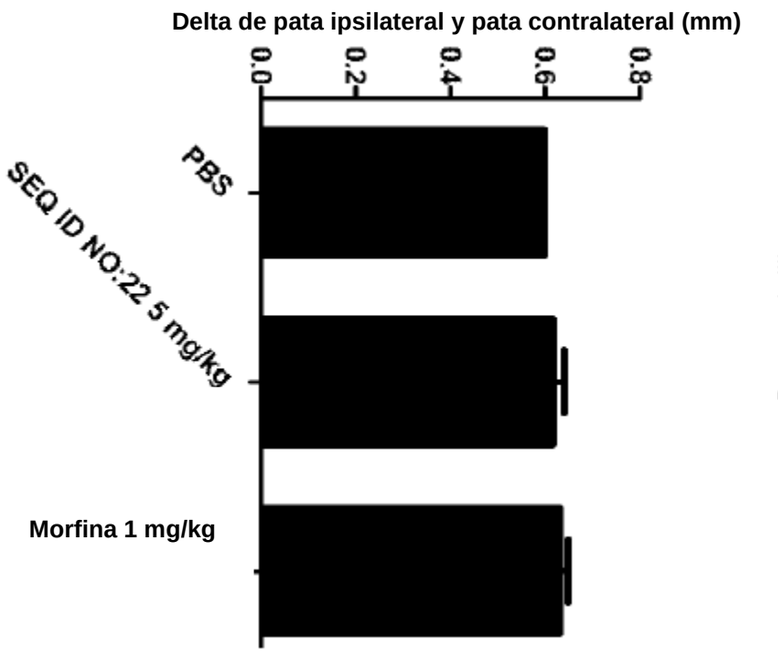

Delta de pata ipsilateral y pata contralateral (mm)
0.0
0.2
0.4
0.6
0.8
PBS
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 1 mg/kg

FIG. 63

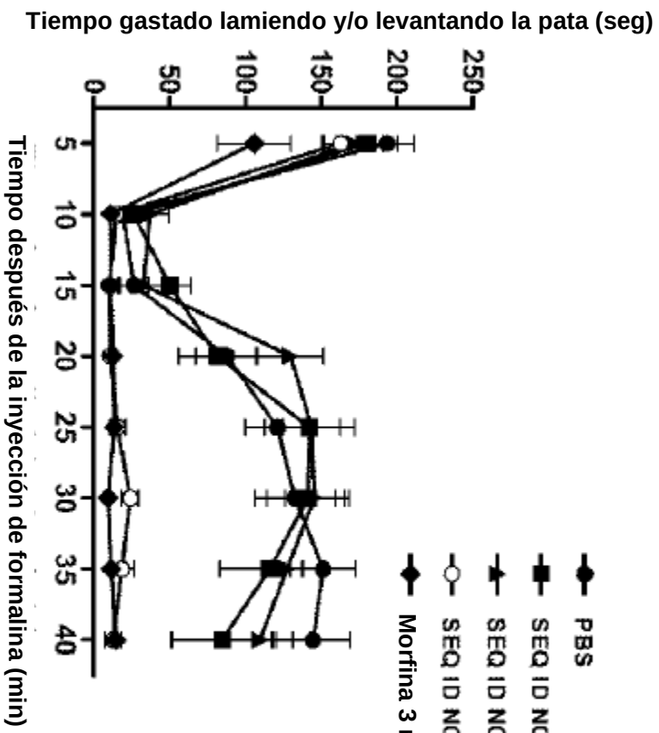

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
50
100
150
200
250
5
10
15
20
25
30
35
40
Tiempo después de la inyección de formalina (min)
PBS
SEQ ID NO:22 0.5 mg/kg
SEQ ID NO:22 1.67 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 3 mg/kg

FIG. 64

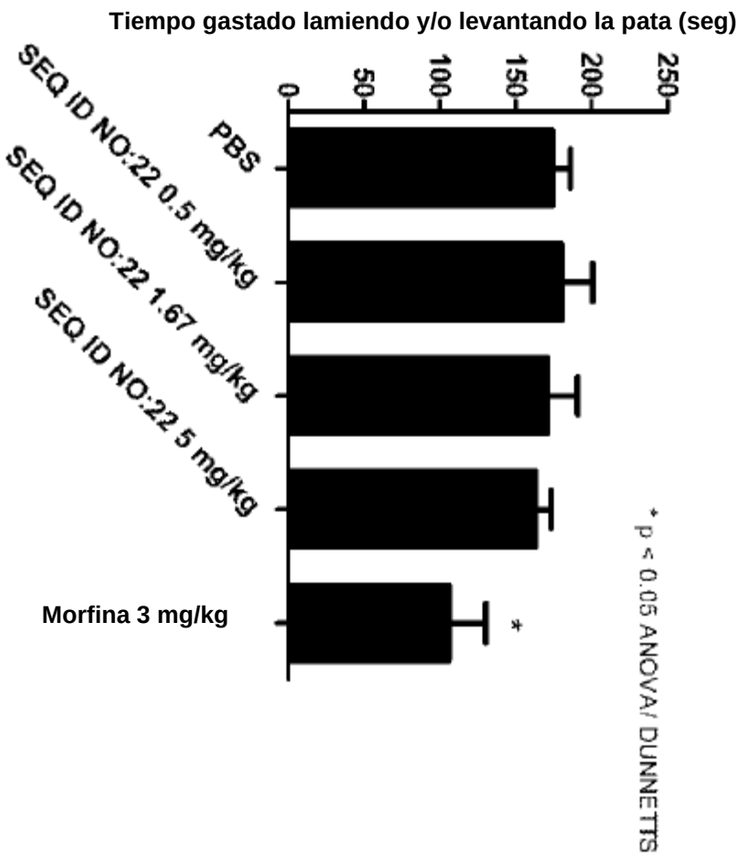

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
50
100
150
200
250
PBS
SEQ ID NO:22 0.5 mg/kg
SEQ ID NO:22 1.67 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 3 mg/kg
*
* p < 0.05 ANOVA/ DUNNETTS

FIG. 65

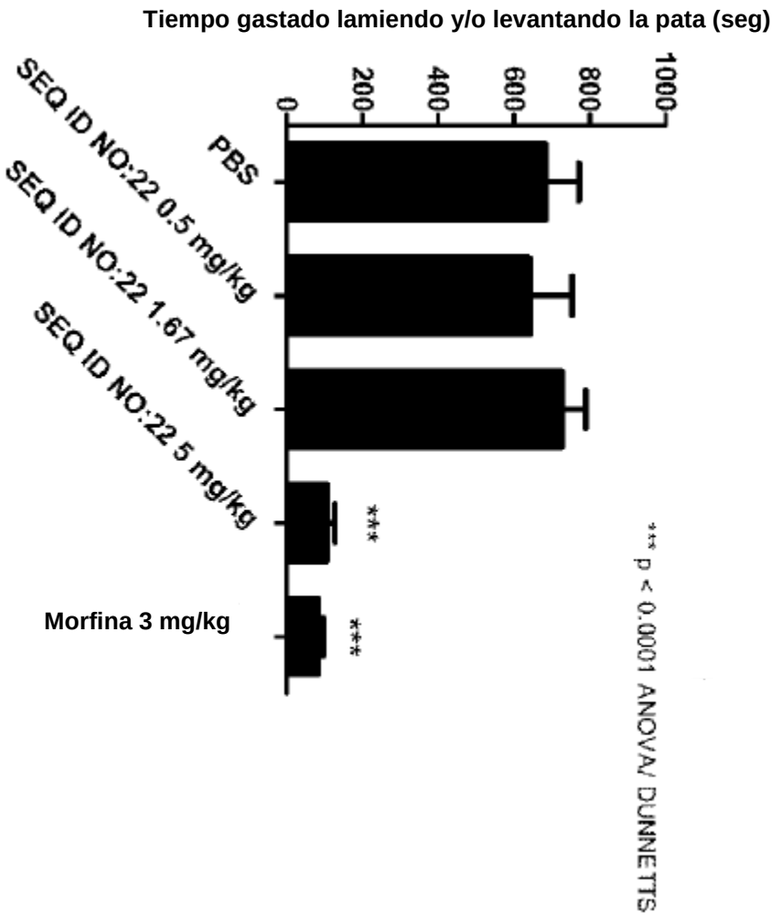

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
200
400
600
800
1000
PBS
SEQ ID NO:22 0.5 mg/kg
SEQ ID NO:22 1.67 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 3 mg/kg
***
***
*** p < 0.0001 ANOVA/ DUNNETTS

FIG. 66

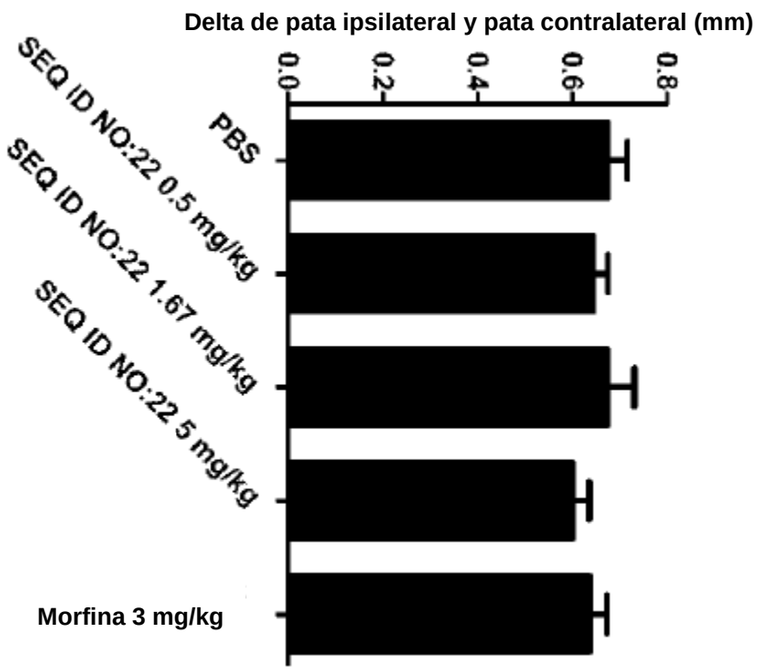

Delta de pata ipsilateral y pata contralateral (mm)
0.0
0.2
0.4
0.6
0.8
PBS
SEQ ID NO:22 0.5 mg/kg
SEQ ID NO:22 1.67 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Morfina 3 mg/kg

FIG. 67

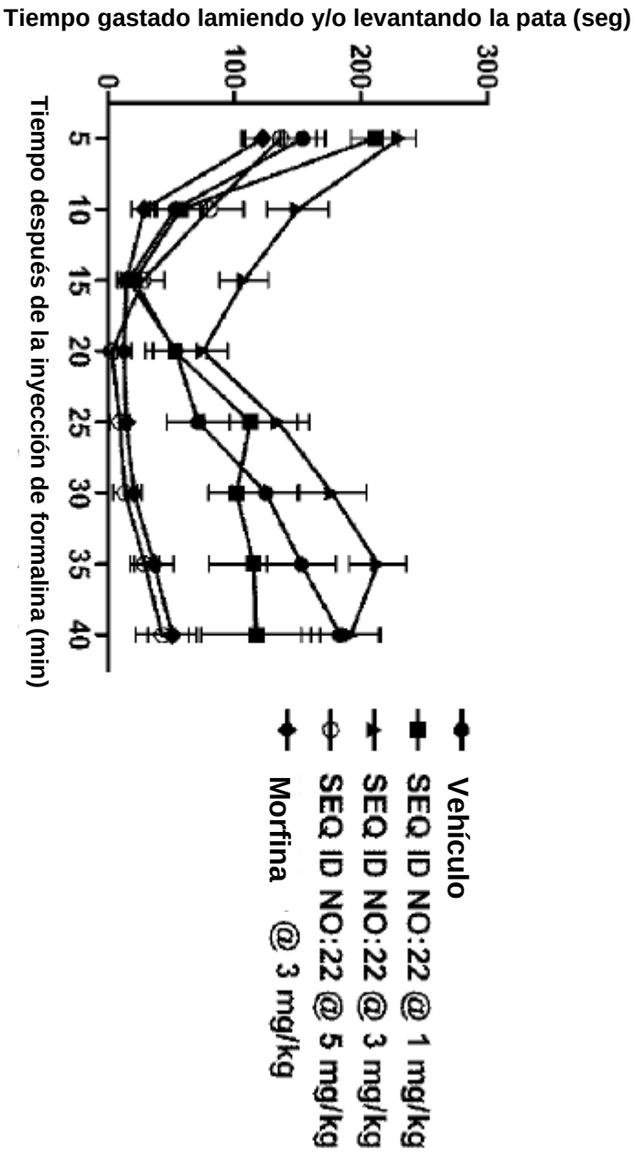

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
100
200
300
5
10
15
20
25
30
35
40
Tiempo después de la inyección de formalina (min)
Vehículo
SEQ ID NO:22 @ 1 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 5 mg/kg
Morfina @ 3 mg/kg

FIG. 68

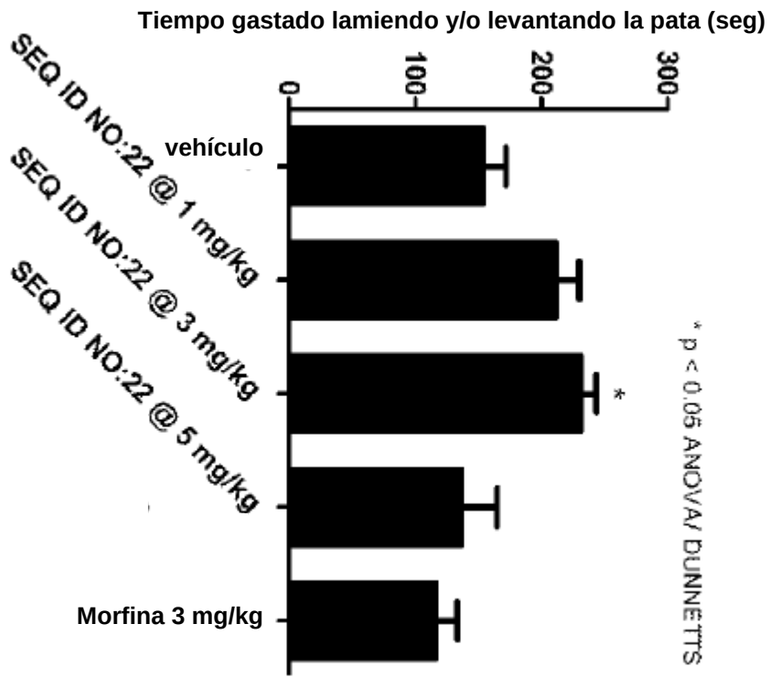

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
100
200
300
vehículo
SEQ ID NO:22 @ 1 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 5 mg/kg
Morfina 3 mg/kg
*
* p < 0.05 ANOVA/ DUNNETTS

FIG. 69

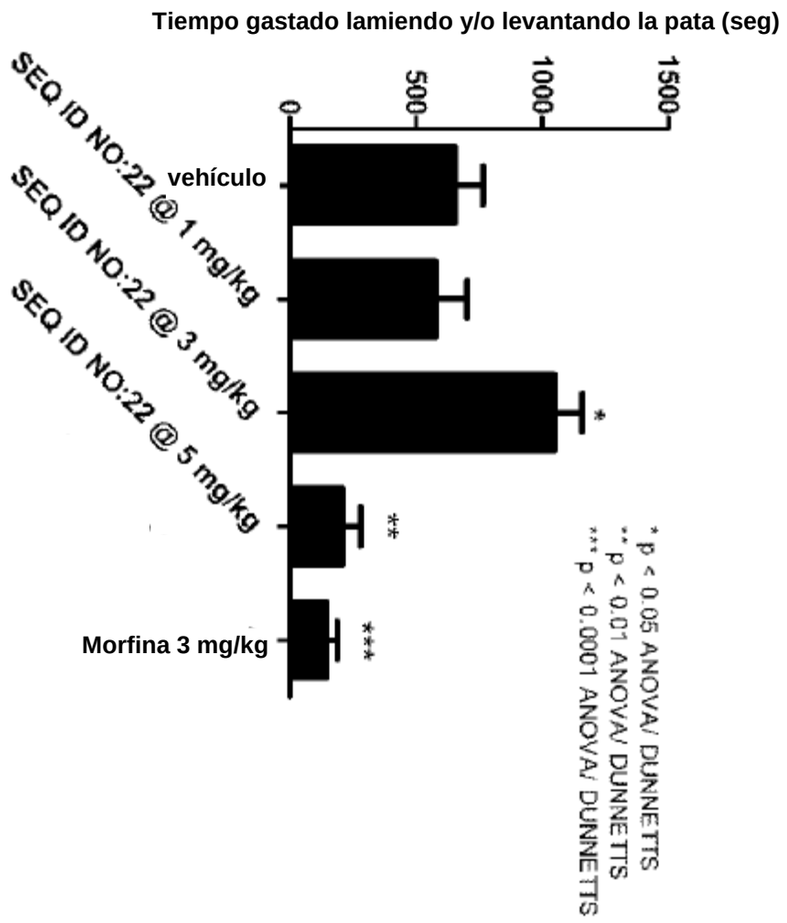

Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
0
500
1000
1500
vehículo
SEQ ID NO:22 @ 1 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 5 mg/kg
Morfina 3 mg/kg
*
**
***
* p < 0.05 ANOVA/ DUNNETTS
** p < 0.01 ANOVA/ DUNNETTS
*** p < 0.0001 ANOVA/ DUNNETTS

FIG. 70

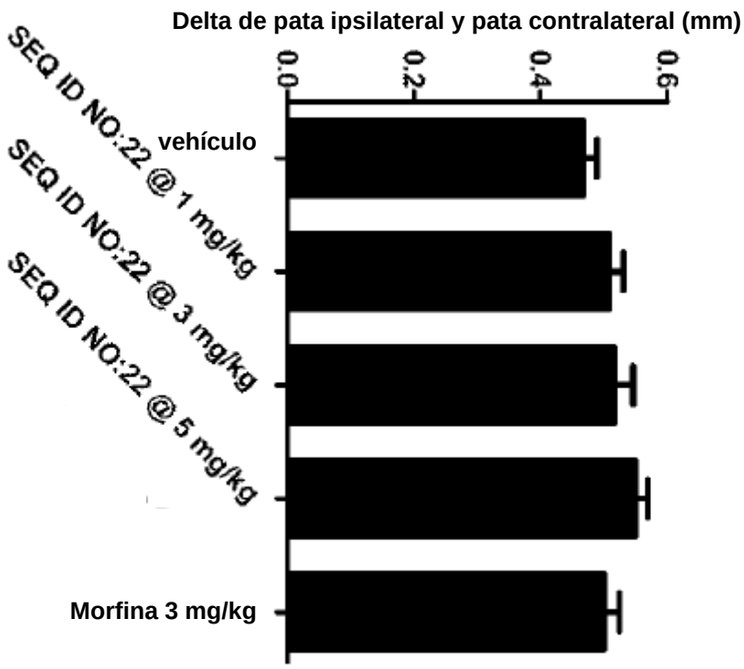

Delta de pata ipsilateral y pata contralateral (mm)
0.0
0.2
0.4
0.6
vehículo
SEQ ID NO:22 @ 1 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 @ 5 mg/kg
Morfina 3 mg/kg

FIG. 71

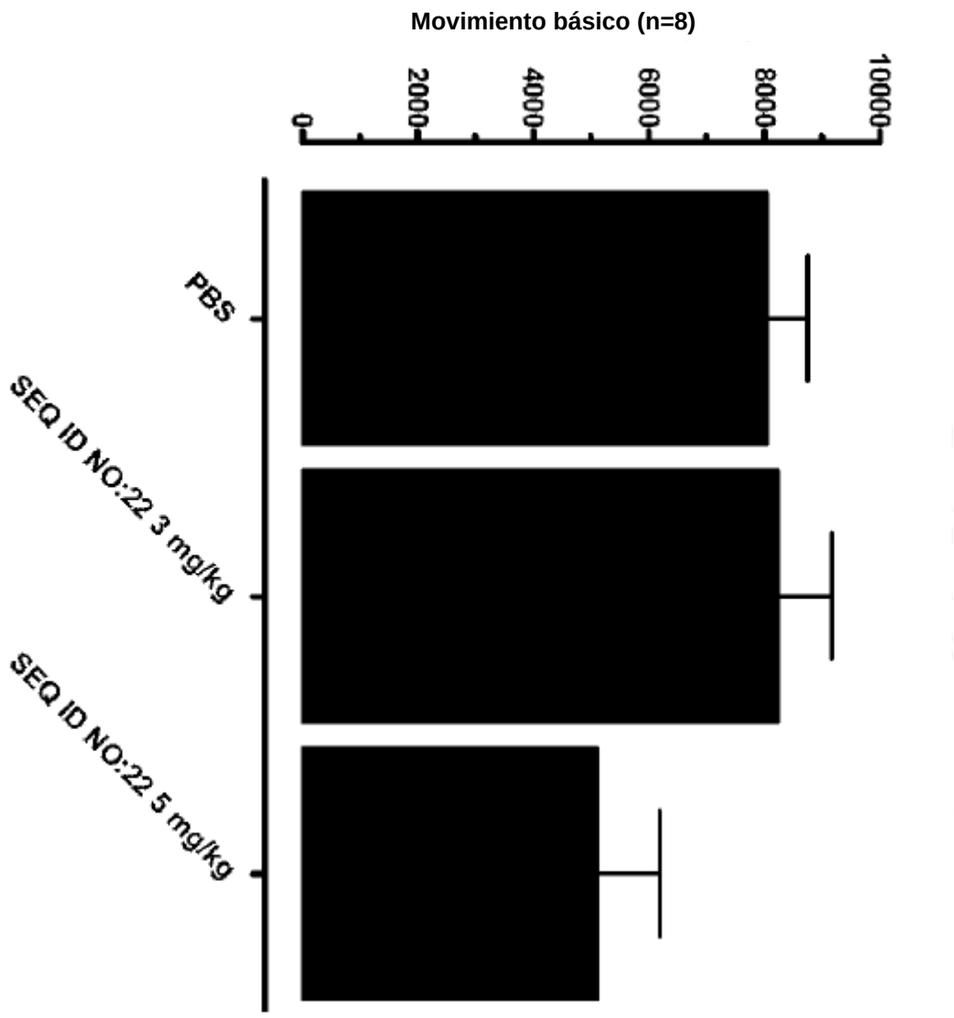

Movimiento básico (n=8)
0
2000
4000
6000
8000
10000
PBS
SEQ ID NO:22 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg

FIG. 72

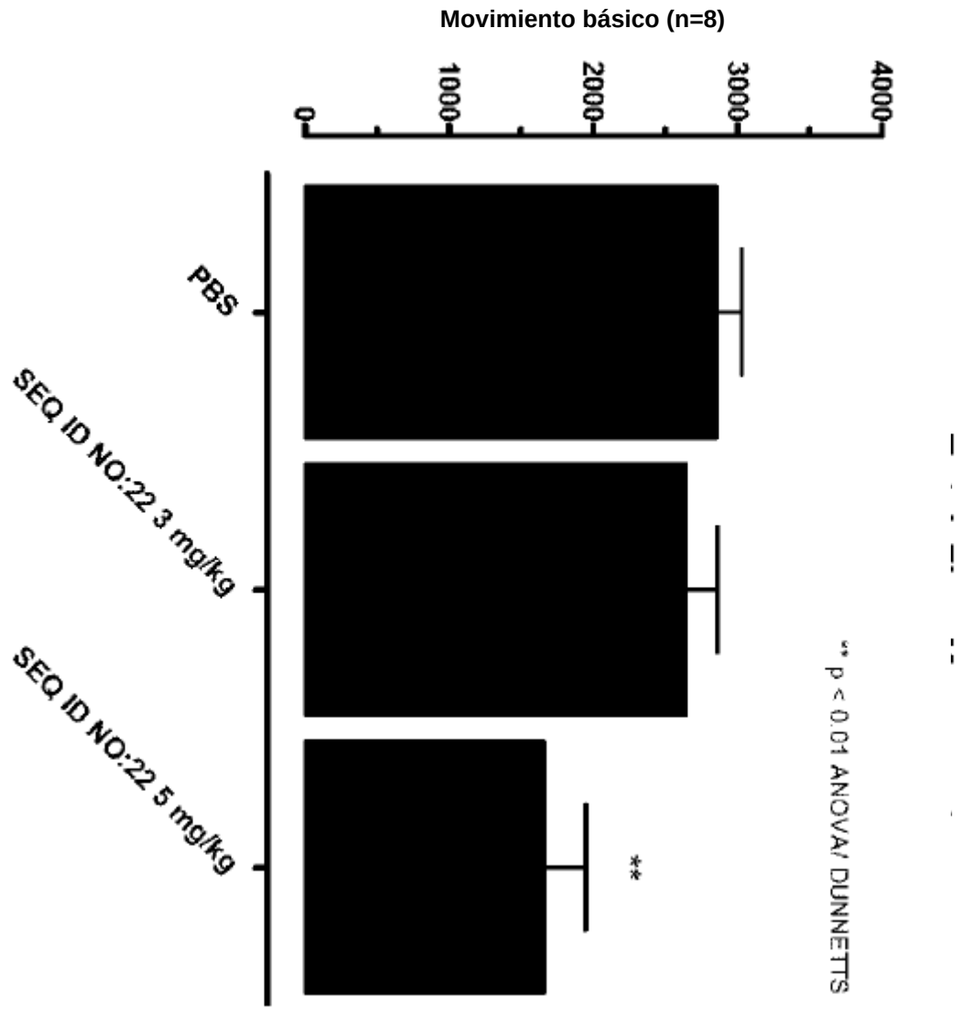

Movimiento básico (n=8)
0
1000
2000
3000
4000
PBS
SEQ ID NO:22 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
**
** p < 0.01 ANOVA/ DUNNETTS

FIG. 73

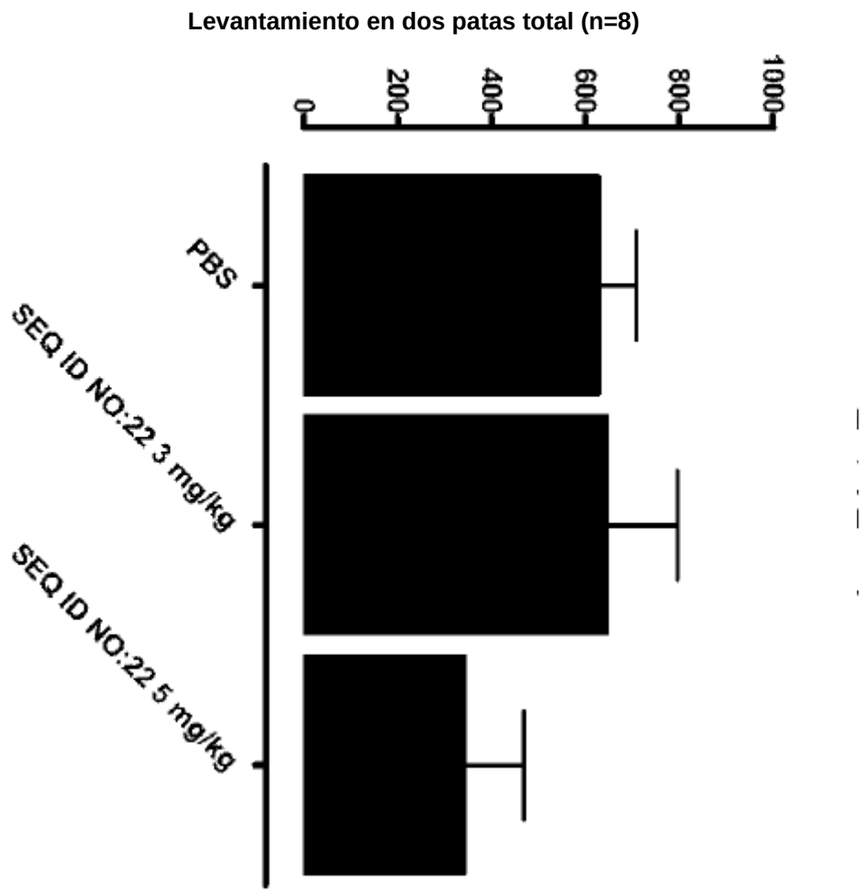

Levantamiento en dos patas total (n=8)
0
200
400
600
800
1000
PBS
SEQ ID NO:22 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg

FIG. 74

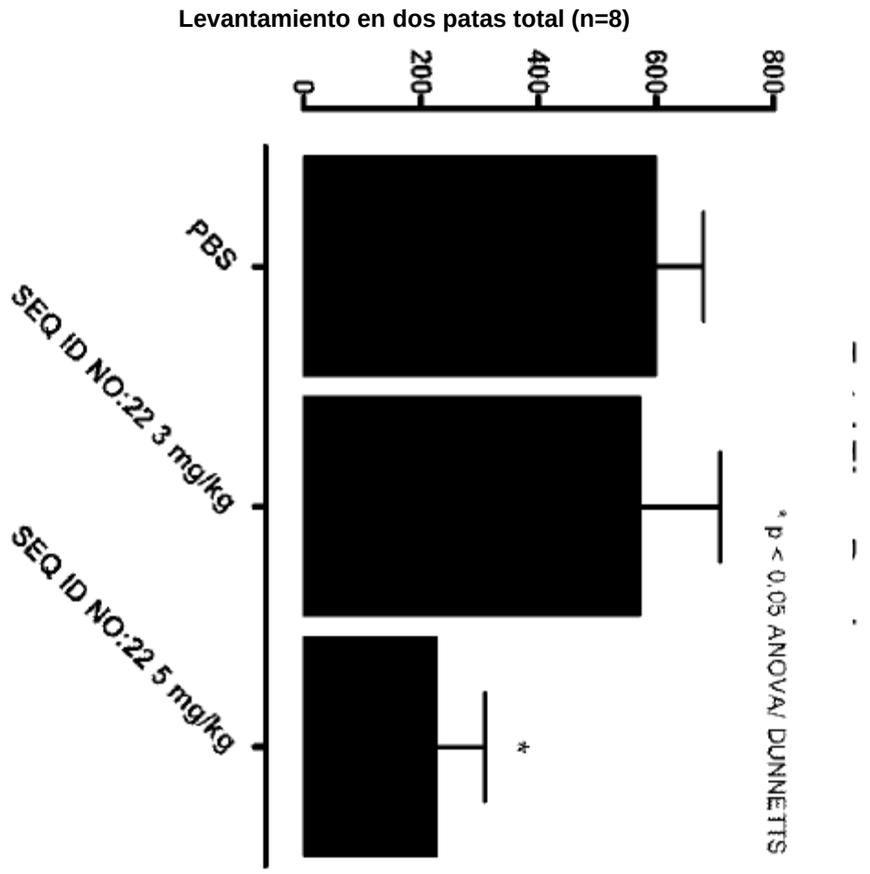

Levantamiento en dos patas total (n=8)
0
200
400
600
800
PBS
SEQ ID NO:22 3 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
*
* p < 0.05 ANOVA/ DUNNETTS

FIG. 75

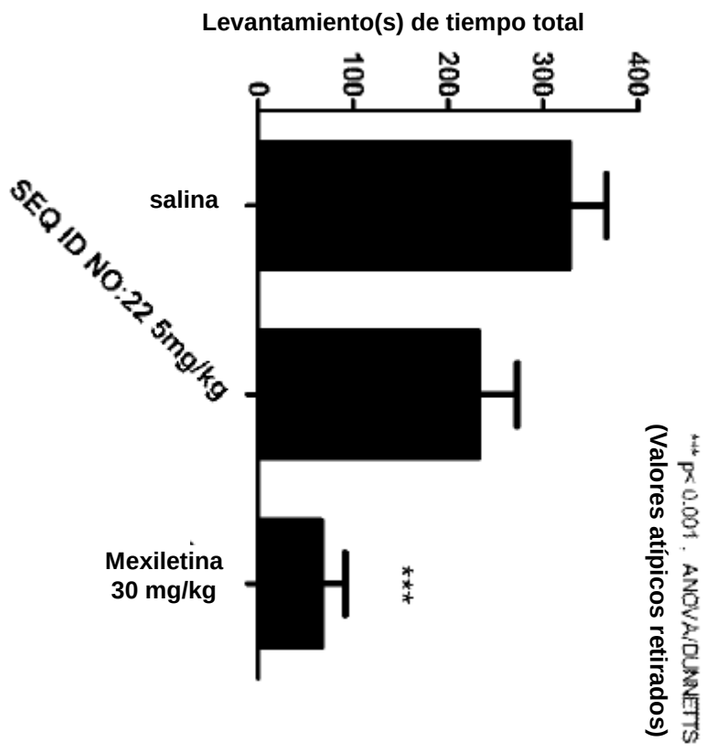

Levantamiento(s) de tiempo total
0
100
200
300
400
salina
SEQ ID NO:22 5mg/kg
Mexiletina
30 mg/kg
***
*** p< 0.001 , ANOVA/DUNNETTS
(Valores atípicos retirados)

FIG. 76

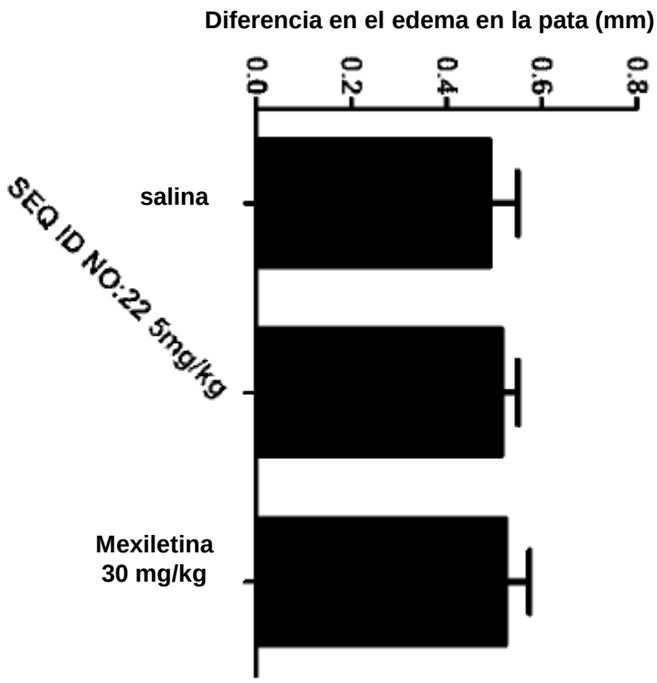

Diferencia en el edema en la pata (mm)
0.0
0.2
0.4
0.6
0.8
salina
SEQ ID NO:22 5mg/kg
Mexiletina
30 mg/kg

FIG. 77

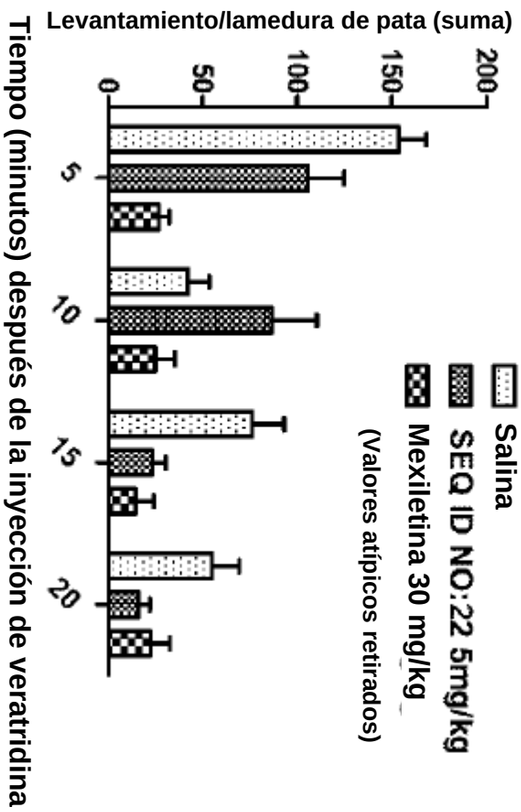

Levantamiento/lamedura de pata (suma)
200
150
100
50
0
5
10
15
20
Tiempo (minutos) después de la inyección de veratridina
Salina
SEQ ID NO:22 5mg/kg
Mexiletina 30 mg/kg
(Valores atípicos retirados)

FIG. 78

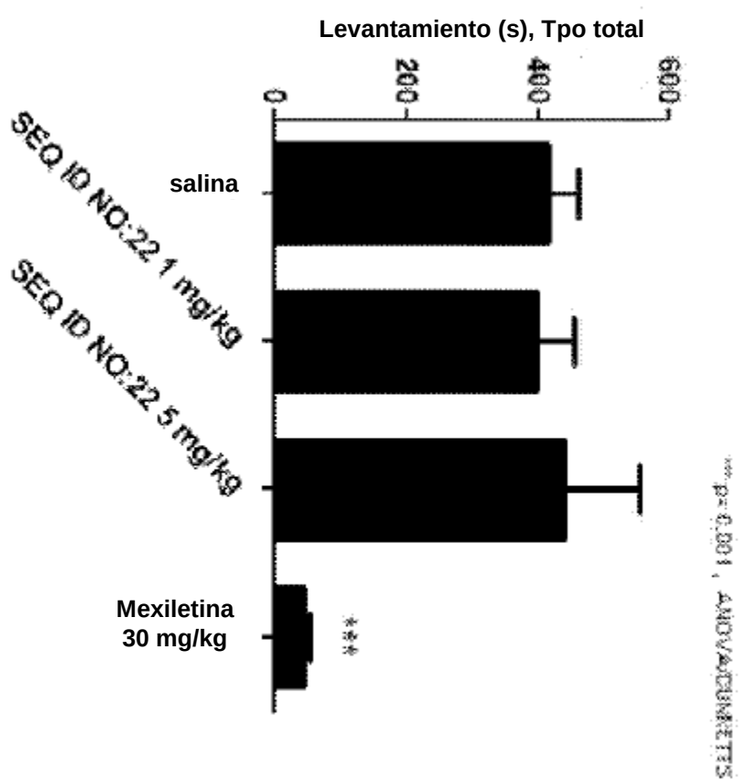

Levantamiento (s), Tpo total
0
200
400
600
salina
SEQ ID NO:22 1 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Mexiletina
30 mg/kg
***
*** p< 0.001, ANOVA/DUNNETTS

FIG. 79

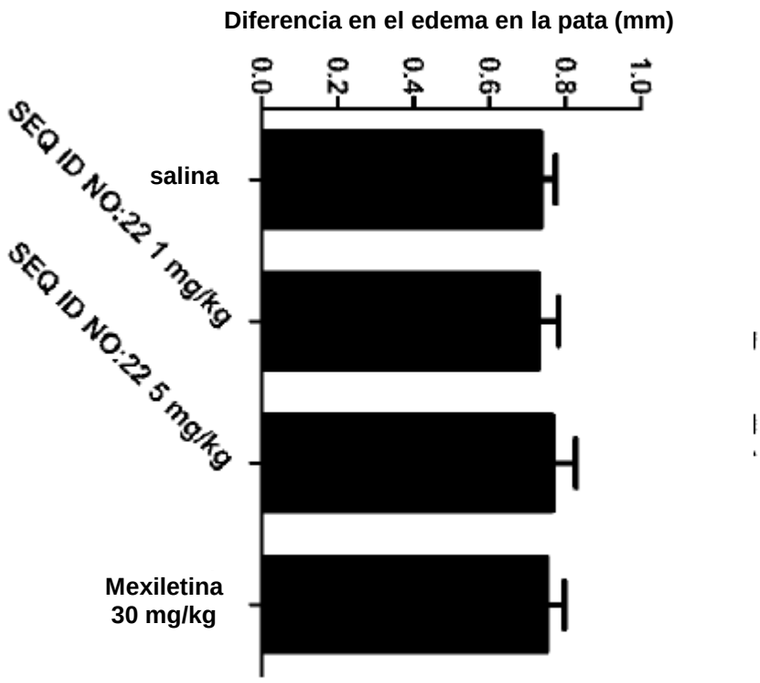

Diferencia en el edema en la pata (mm)
0.0
0.2
0.4
0.6
0.8
1.0
salina
SEQ ID NO:22 1 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Mexiletina
30 mg/kg

FIG. 80

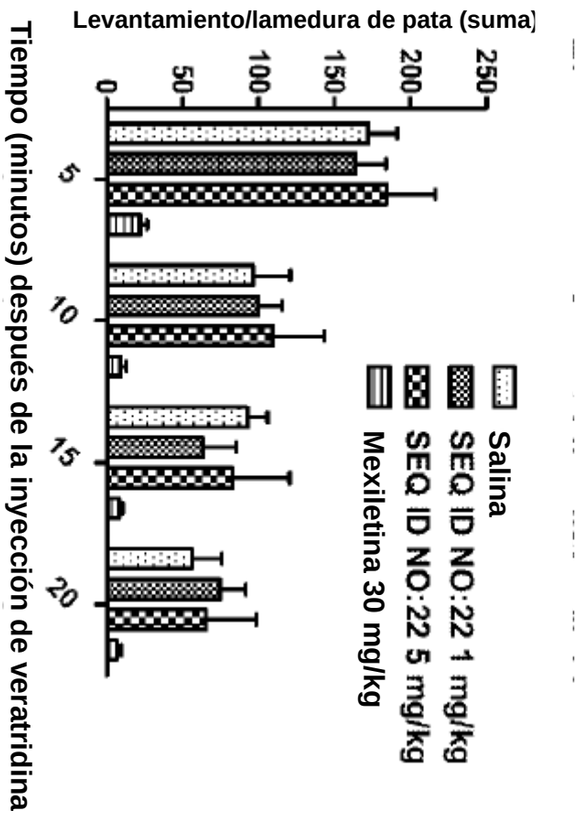

Levantamiento/lamedura de pata (suma)
0
50
100
150
200
250
5
10
15
20
Tiempo (minutos) después de la inyección de veratridina
Salina
SEQ ID NO:22 1 mg/kg
SEQ ID NO:22 5 mg/kg
Mexiletina 30 mg/kg

FIG. 81A

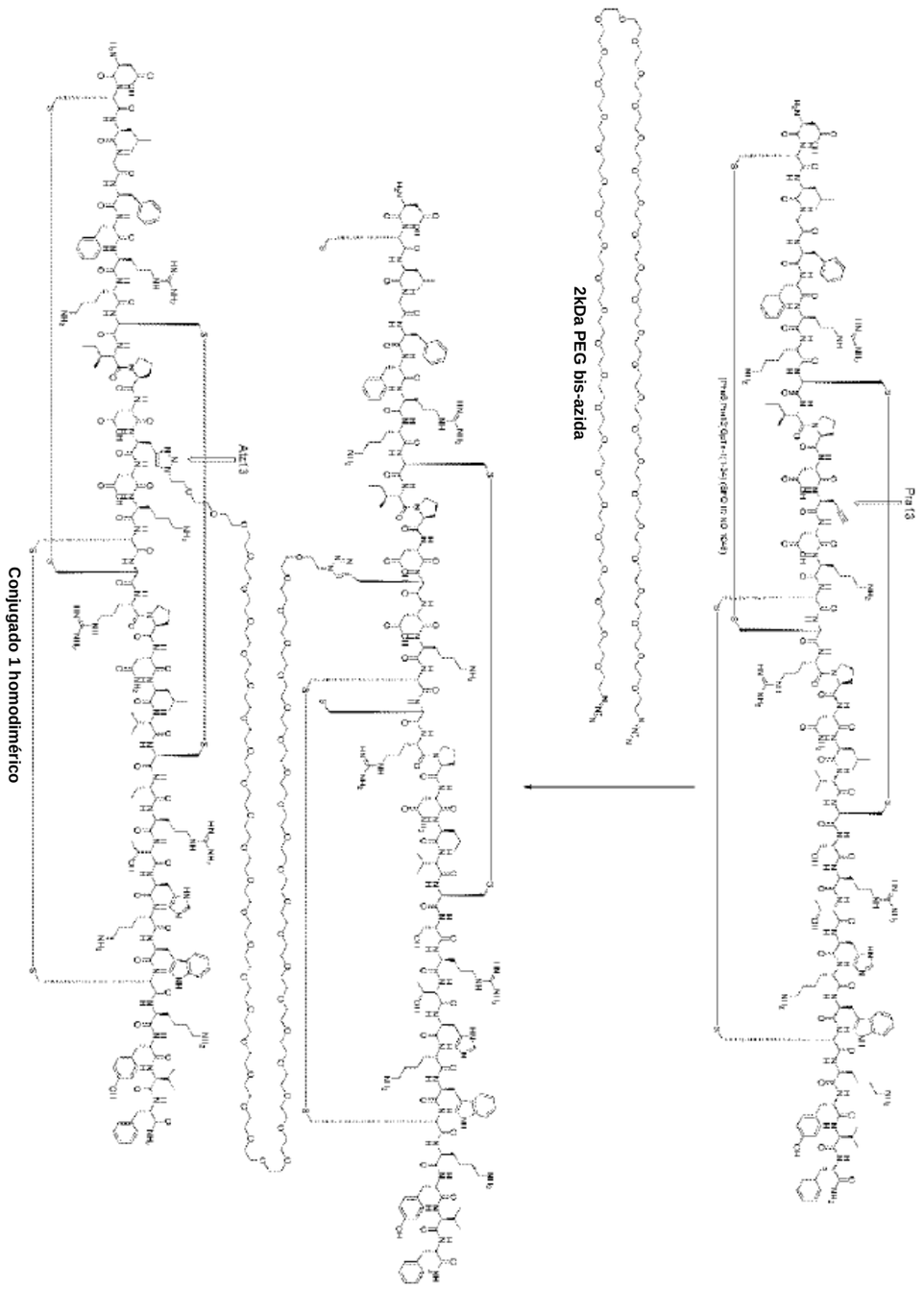


FIG. 81B

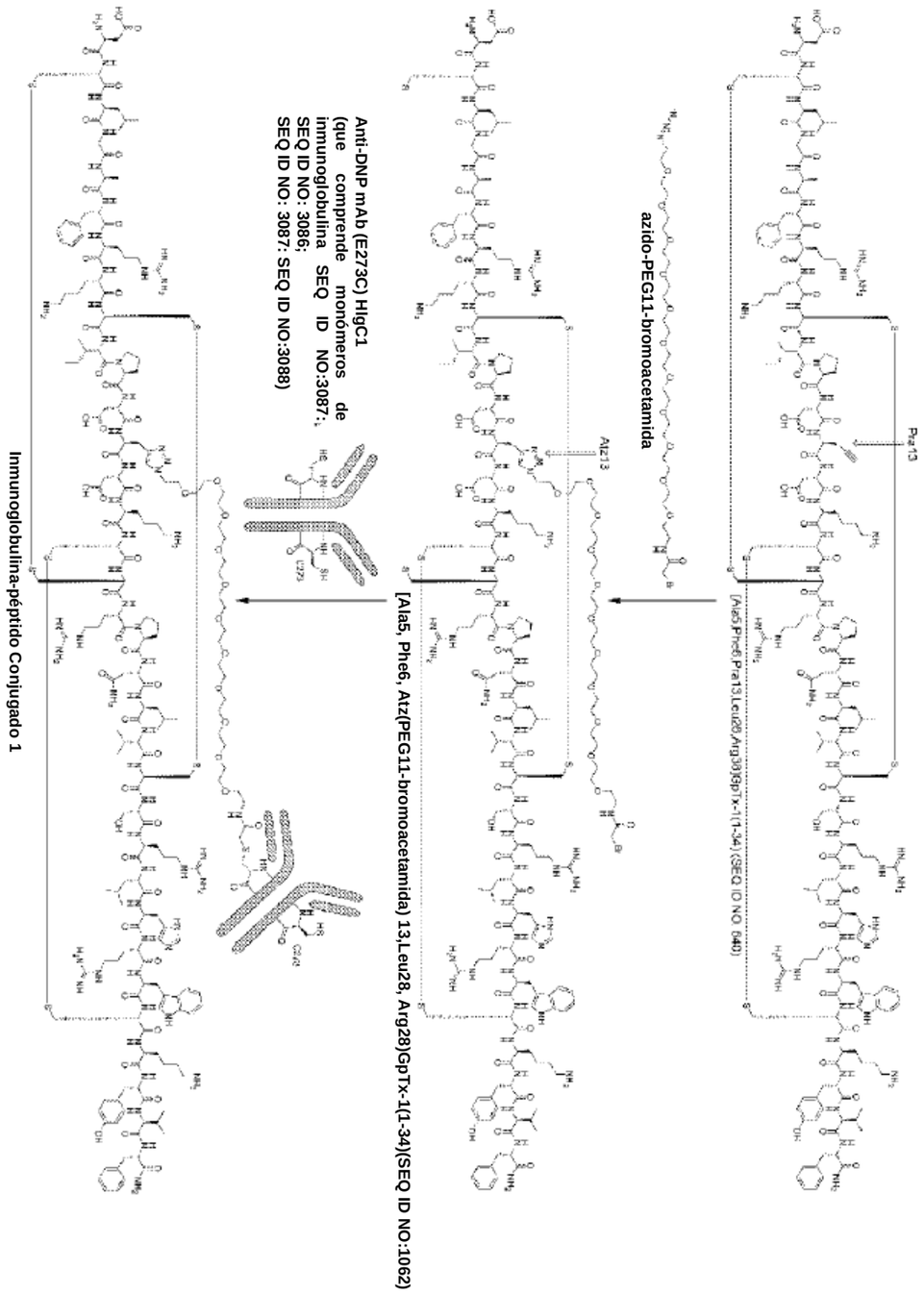

azido-PEG11-bromoacetamida
Anti-DNP mAb (E273C) HIgC1 (que comprende monómeros de inmunoglobulina SEQ ID NO:3087; SEQ ID NO: 3086; SEQ ID NO: 3087: SEQ ID NO:3088)
Inmunoglobulina-péptido Conjugado 1

FIG. 82

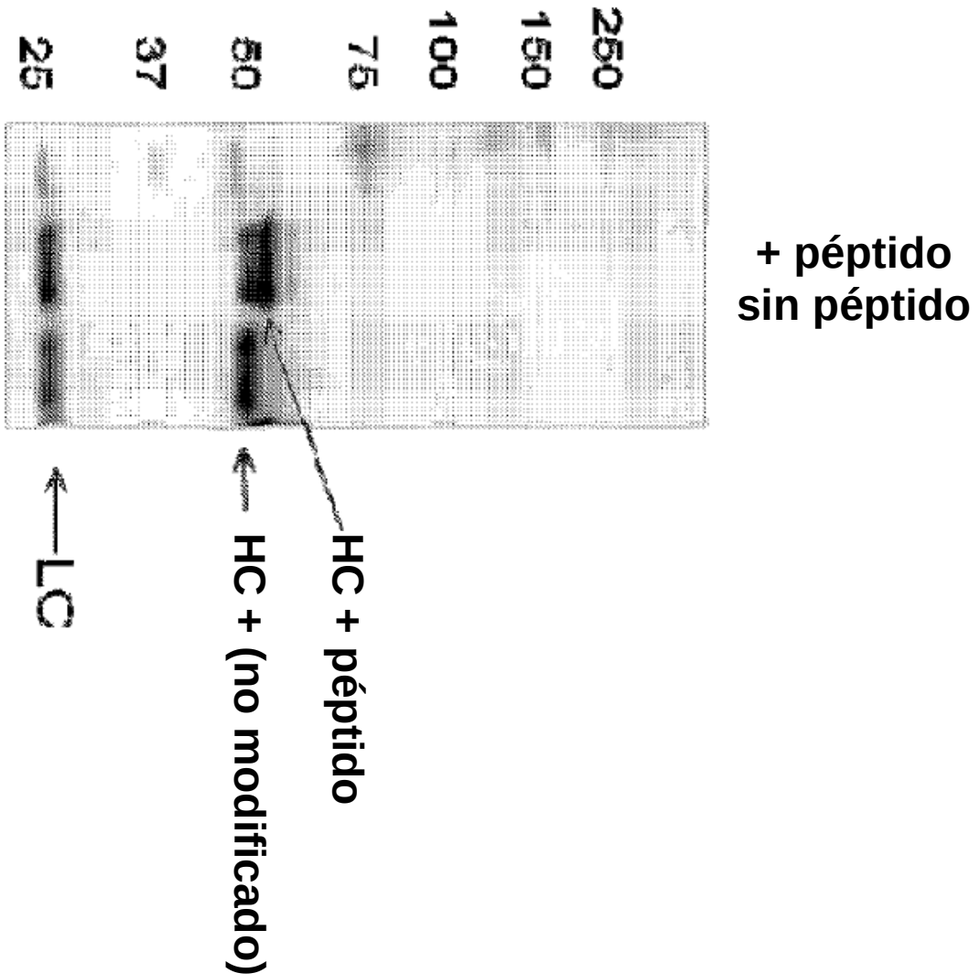

250
150
100
75
50
37
25
+ péptido
sin péptido
HC + péptido
HC + (no modificado)
LC

FIG. 83

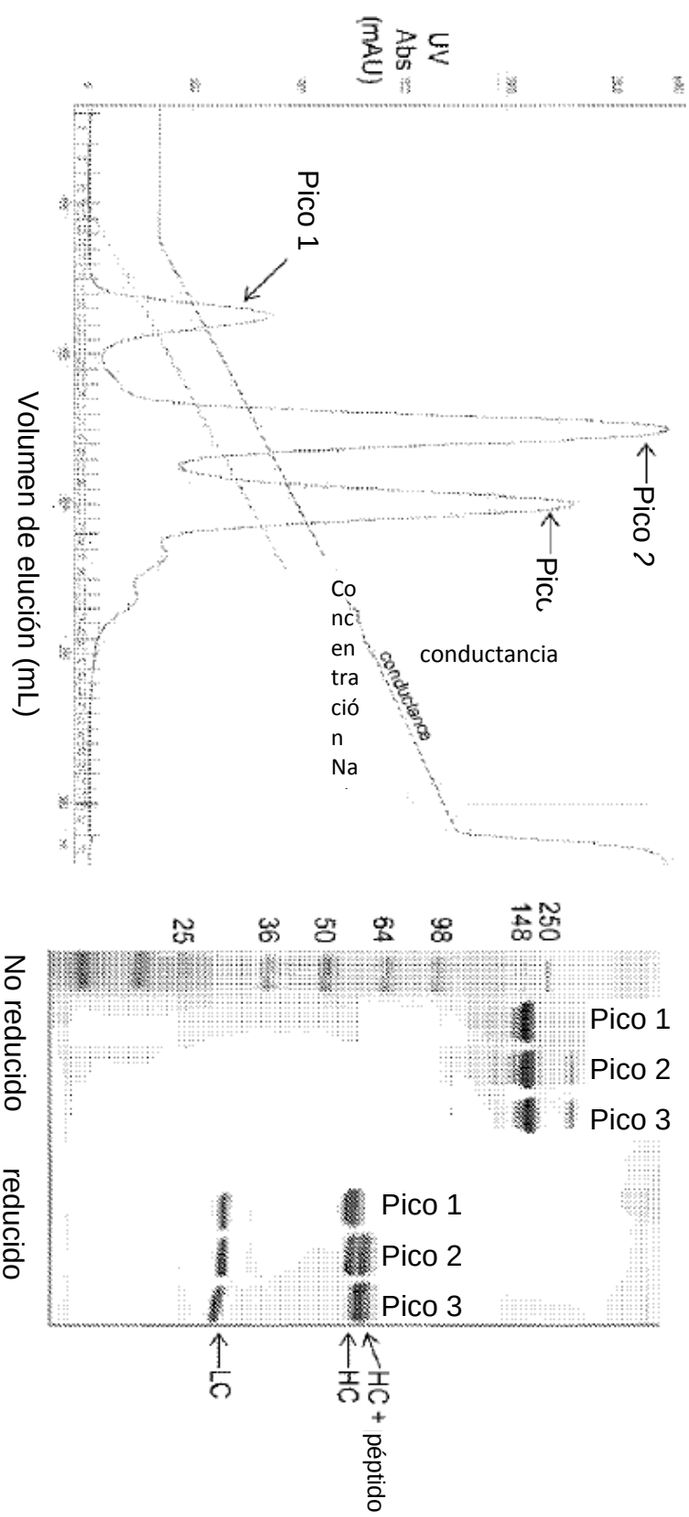

UV
Abs
(mAU)
Pico 1
Pico 2
Pico
Concentración Na
conductancia
conductance
Volumen de elución (mL)
No reducido
reducido
250
148
98
64
50
36
25
Pico 1
Pico 2
Pico 3
Pico 1
Pico 2
Pico 3
LC
HC
HC + péptido

FIG. 84

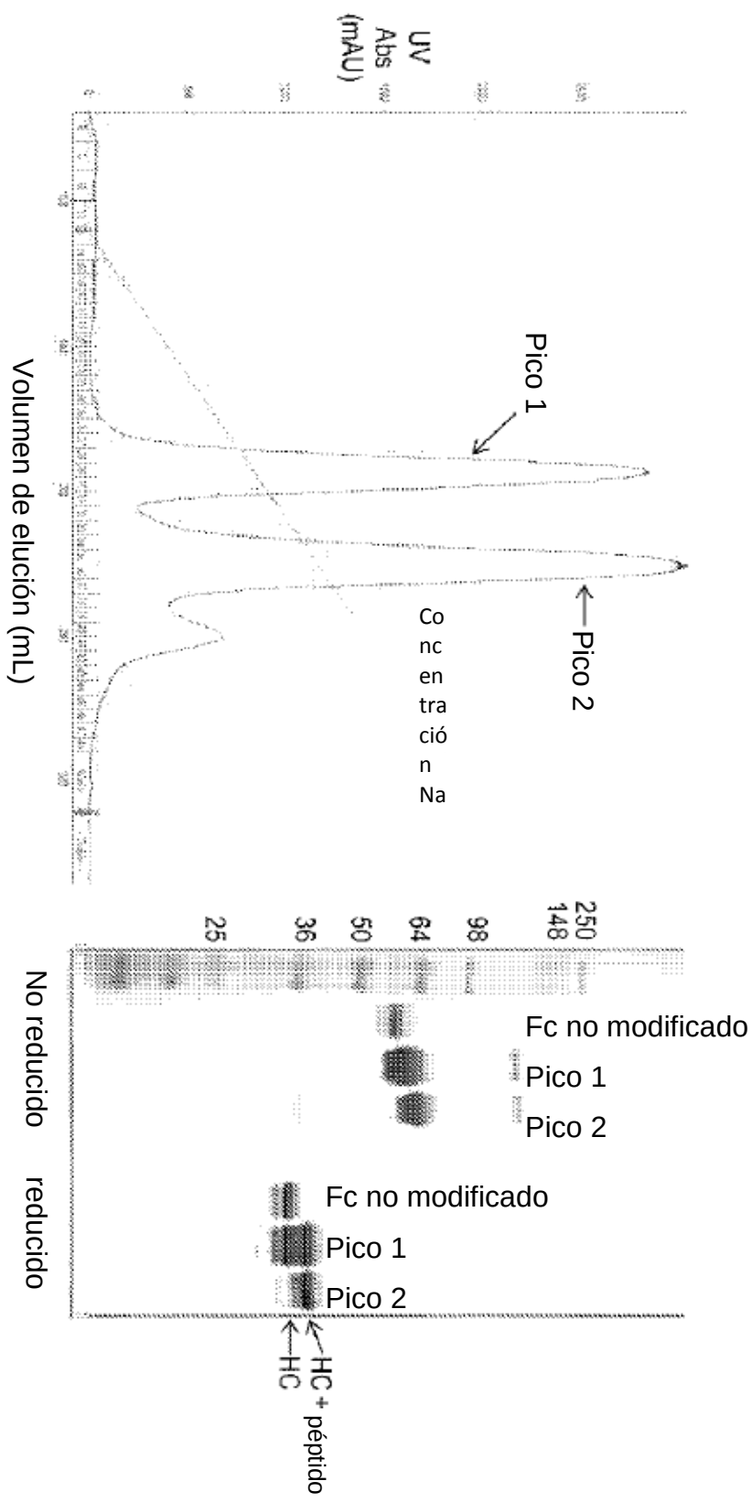

UV
Abs
(mAU)
Volumen de elución (mL)
Pico 1
Pico 2
Concentración Na
25
36
50
64
98
250
148
No reducido
Fc no modificado
Pico 1
Pico 2
reducido
Fc no modificado
Pico 1
Pico 2
HC
HC + péptido

FIG. 85

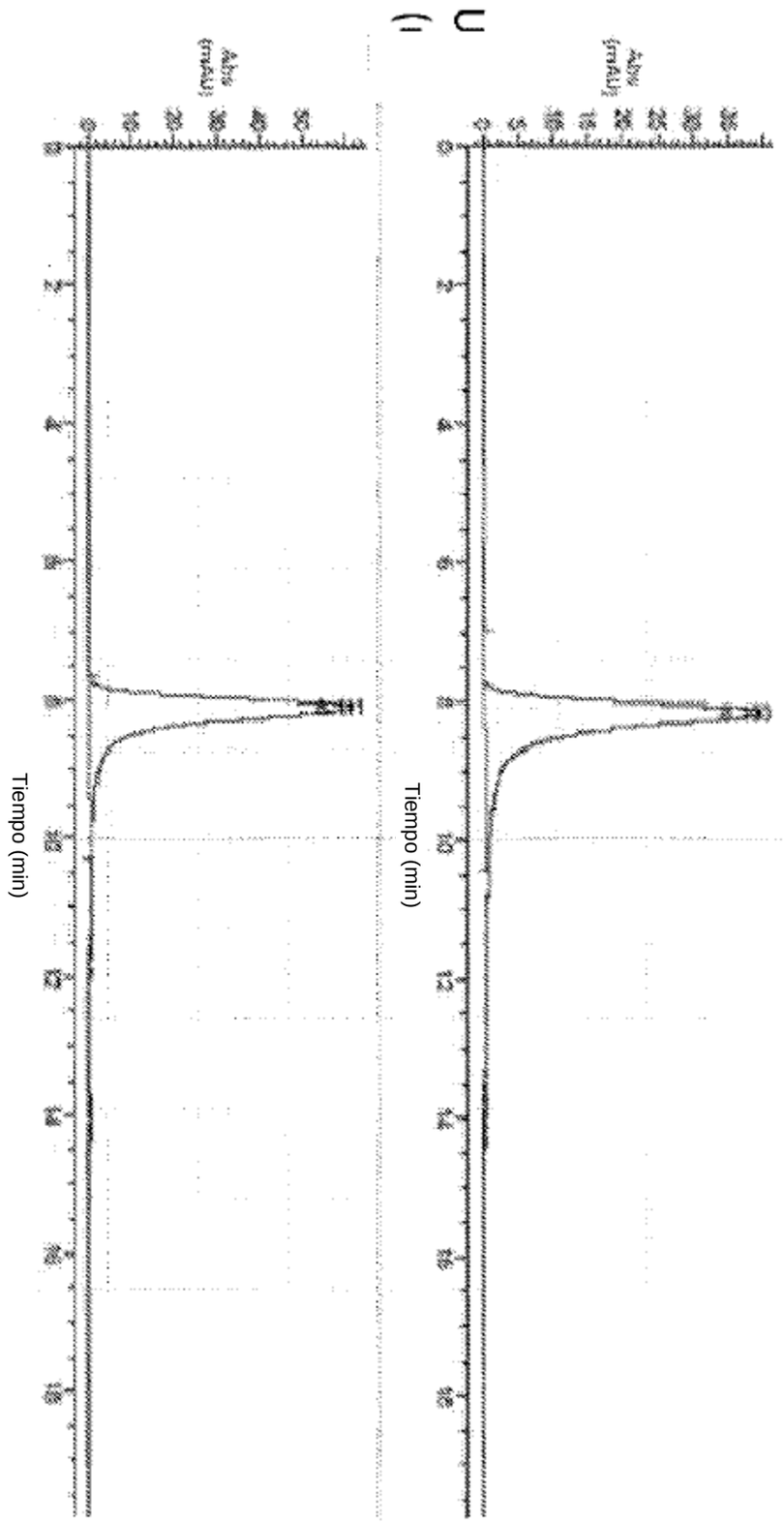


FIG. 86

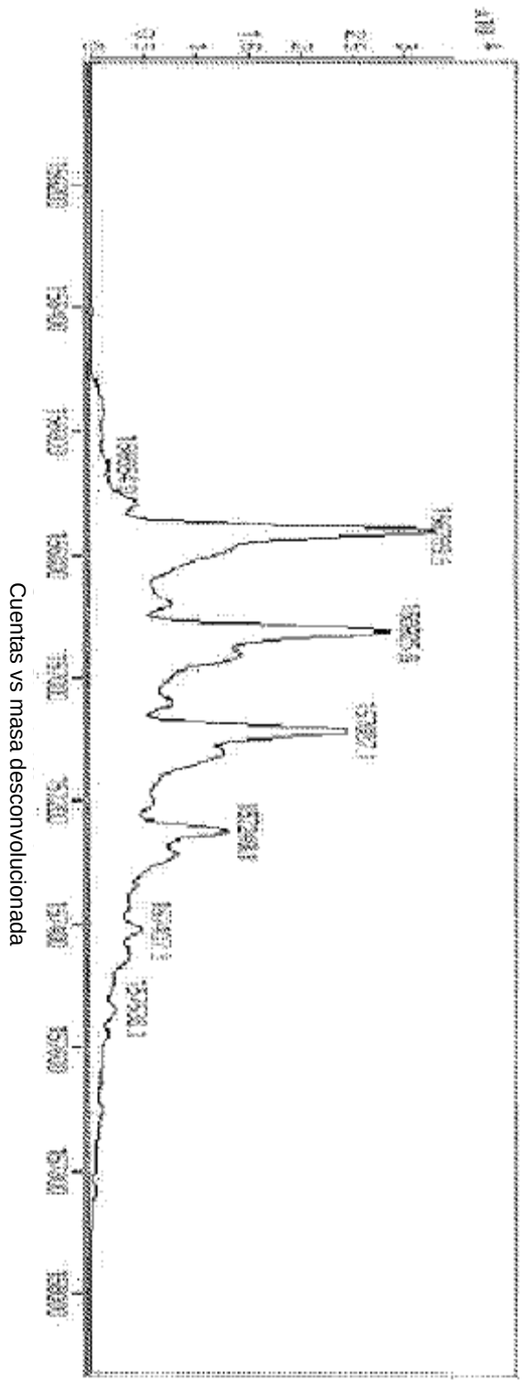


FIG. 87

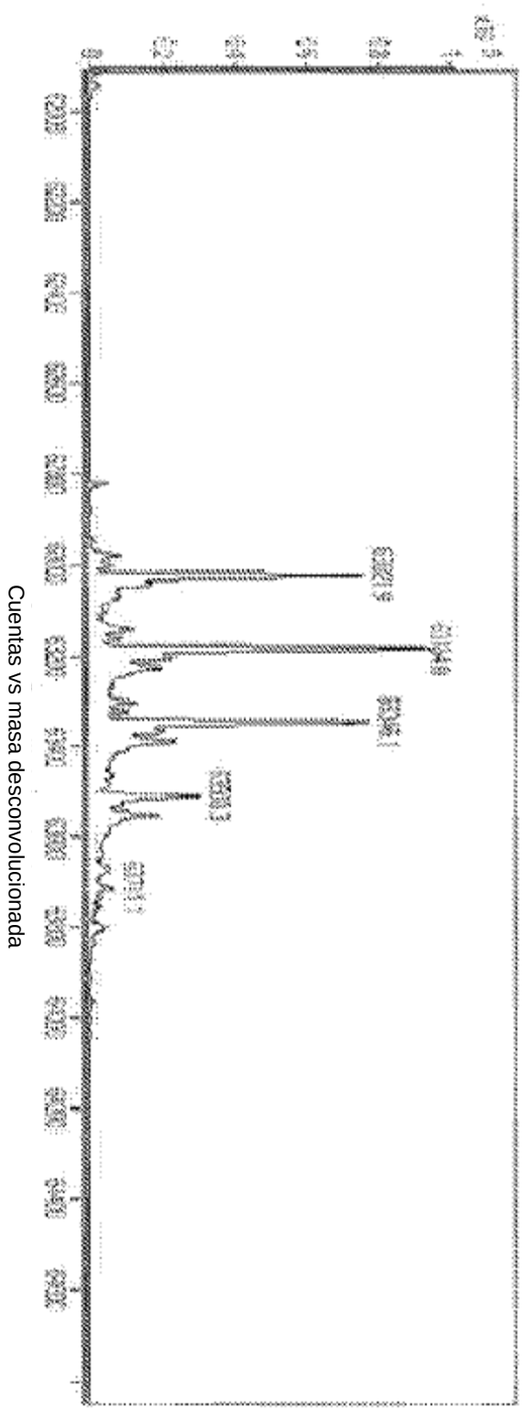


FIG. 88

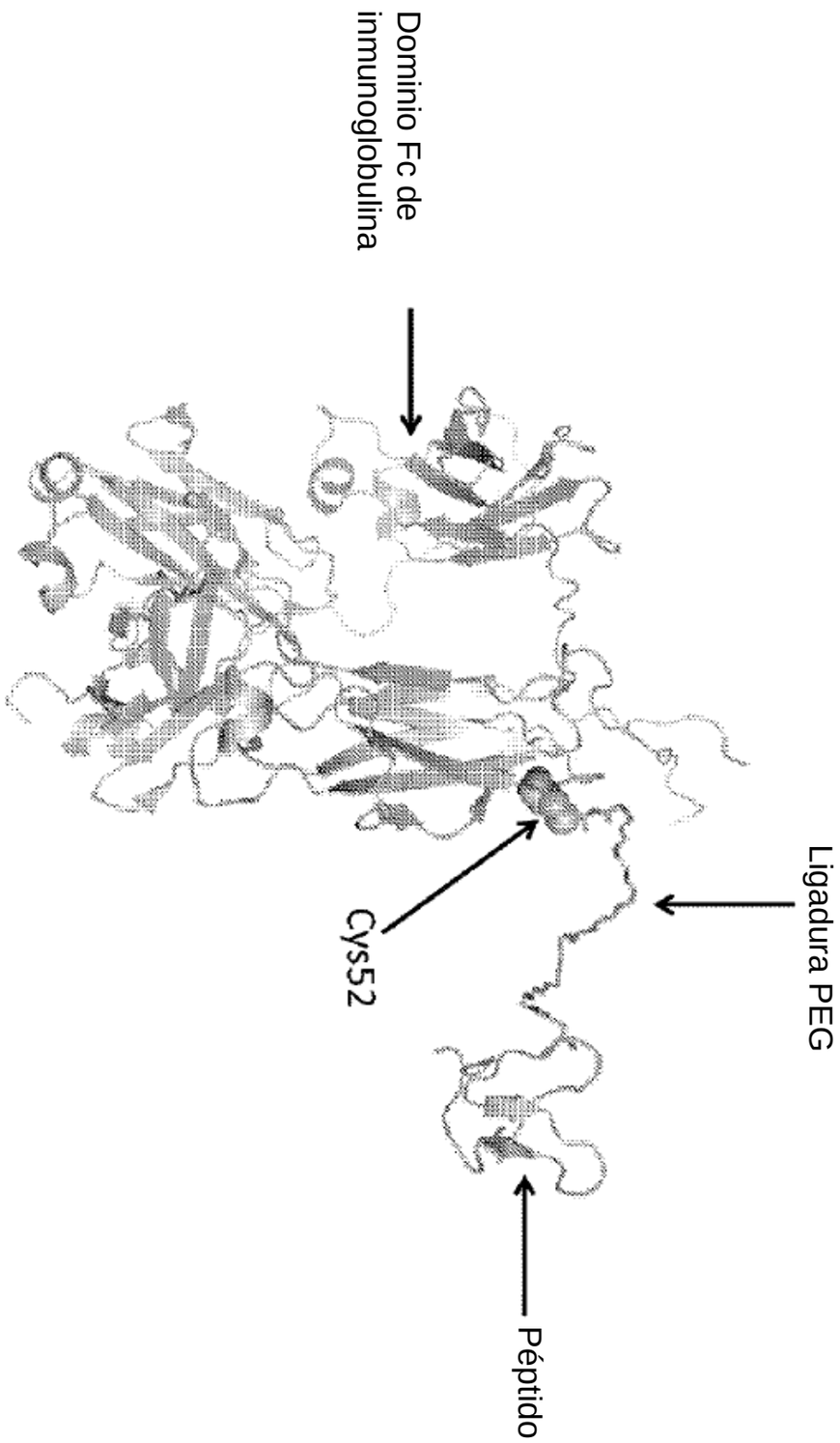


FIG. 89

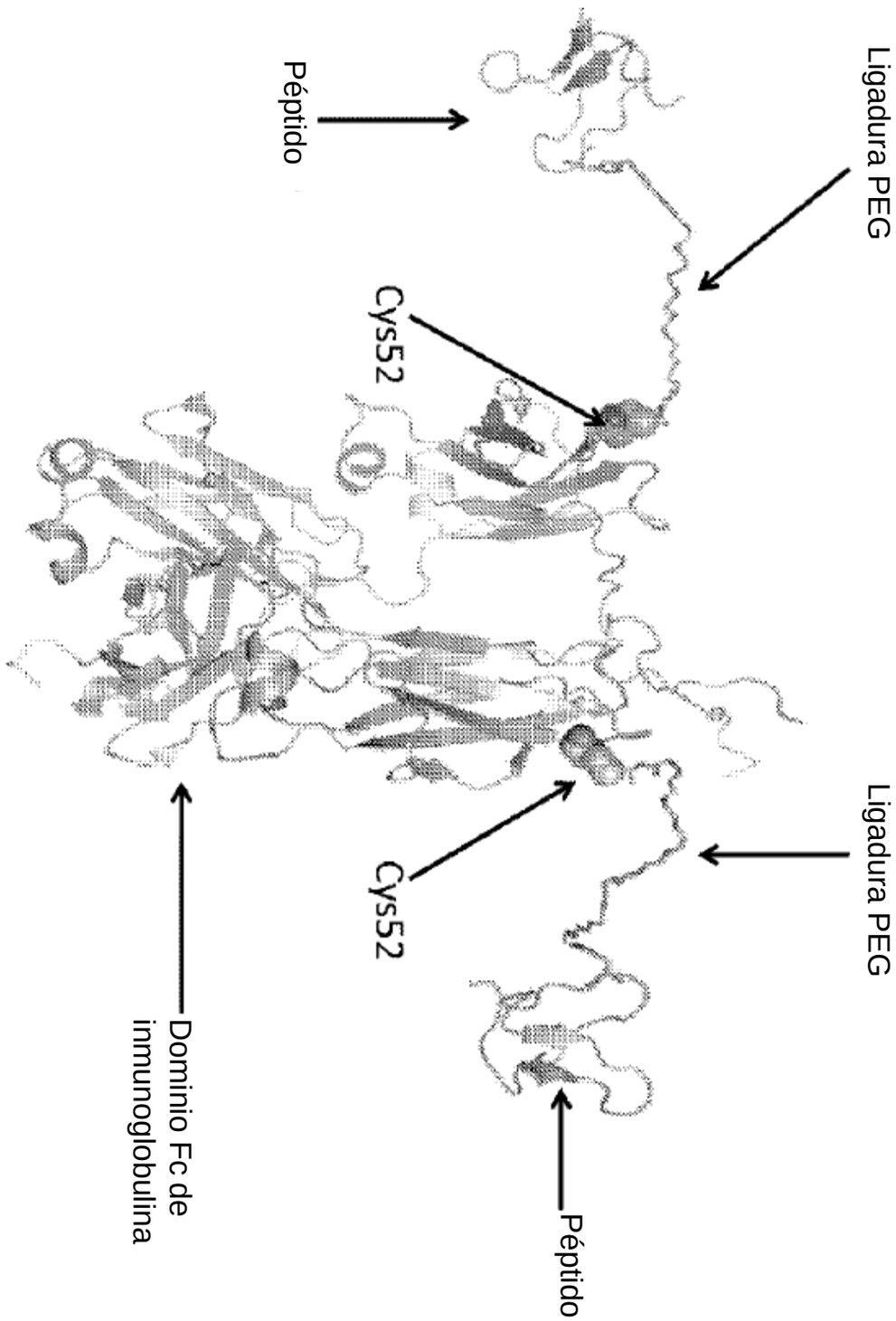

Ligadura PEG
Péptido
Cys52
Cys52
Ligadura PEG
Dominio Fc de inmunoglobulina
Péptido

FIG. 90

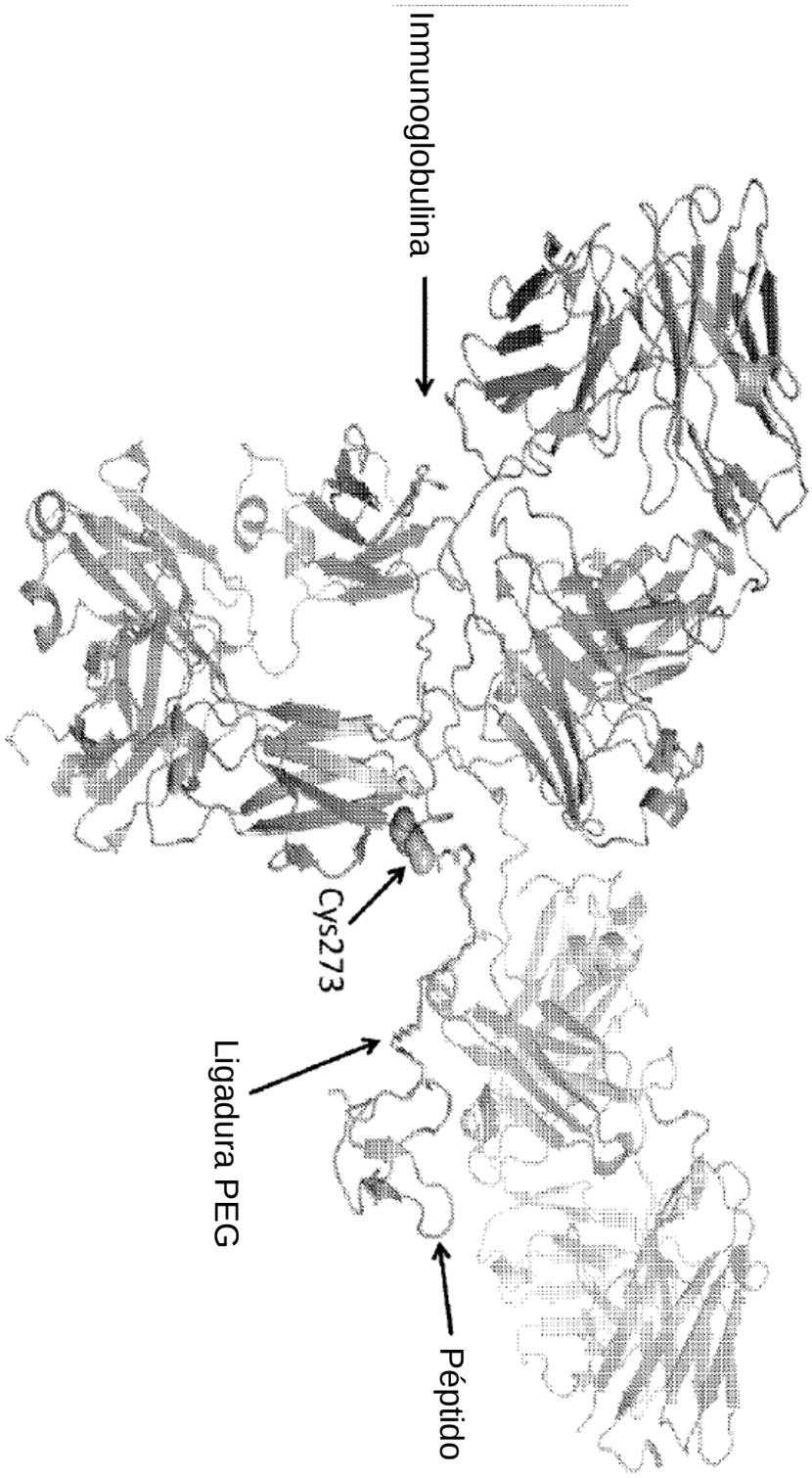


FIG. 91

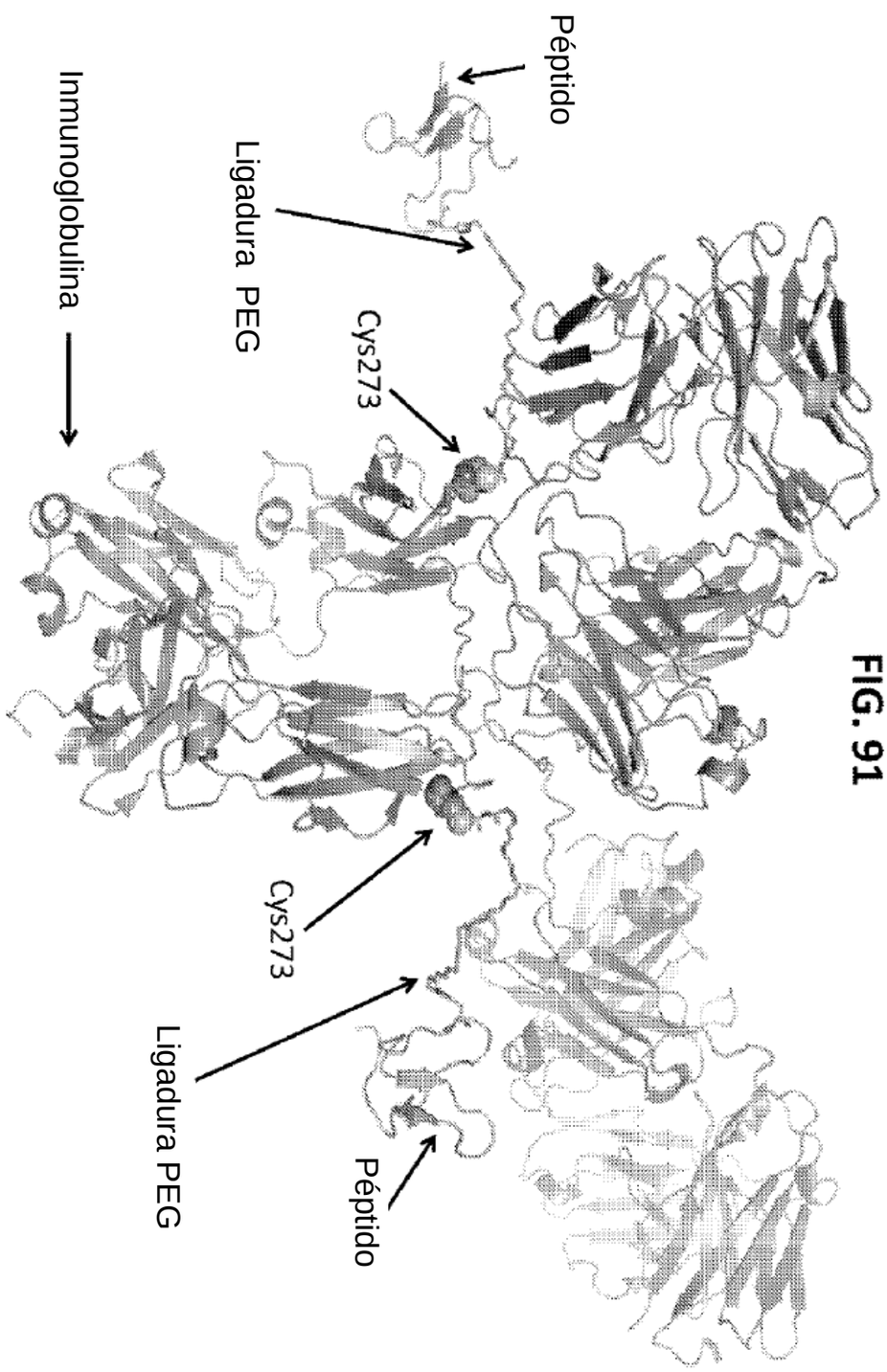

Péptido
Ligadura PEG
Cys273
Inmunoglobulina
Cys273
Ligadura PEG
Péptido

FIG. 91

FIG. 92

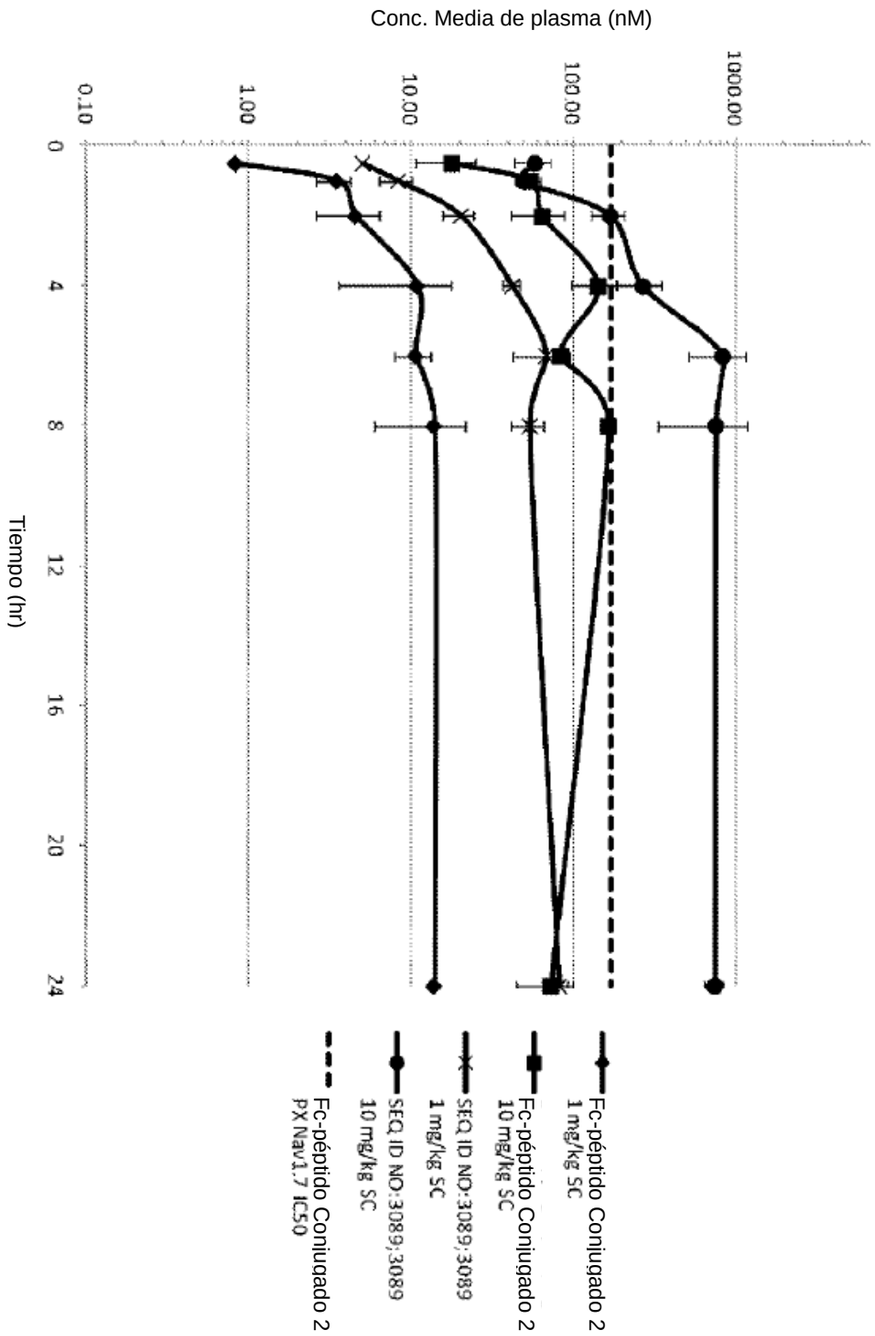

Conc. Media de plasma (nM)
1000.00
100.00
10.00
1.00
0.10
0
4
8
12
16
20
24
Tiempo (hr)
Fc-péptido Conjugado 2 1 mg/kg SC
Fc-péptido Conjugado 2 10 mg/kg SC
SEQ ID NO:3089;3089 1 mg/kg SC
SEQ ID NO:3089;3089 10 mg/kg SC
Fc-péptido Conjugado 2 PX Nav1.7 IC50

FIG. 93

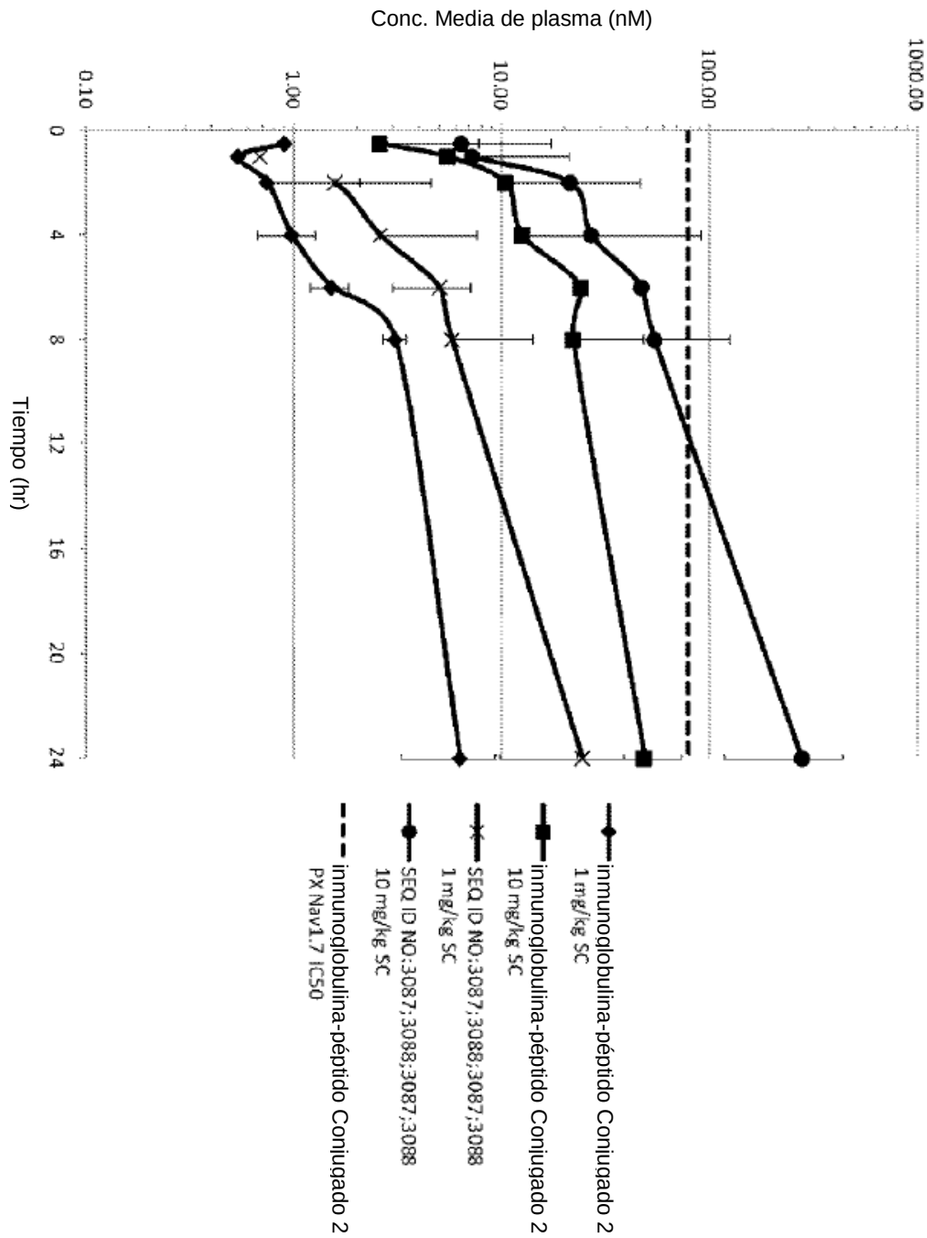

Conc. Media de plasma (nM)
1000.00
100.00
10.00
1.00
0.10
0
4
8
12
16
20
24
Tiempo (hr)
inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 1 mg/kg SC
inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 10 mg/kg SC
SEQ ID NO:3087;3088;3087;3088 1 mg/kg SC
SEQ ID NO:3087;3088;3087;3088 10 mg/kg SC
inmunoglobulina-péptido Conjugado 2 PX Nav1.7 IC50

FIG. 94

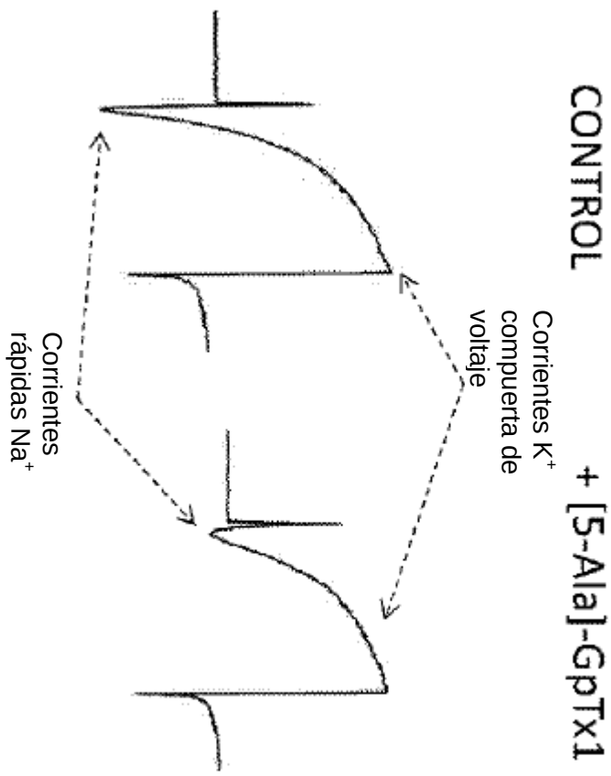

CONTROL
+ [5-Ala]-GpTx1
Corrientes K^+ compuerta de voltaje
Corrientes rápidas Na^+

FIG. 95

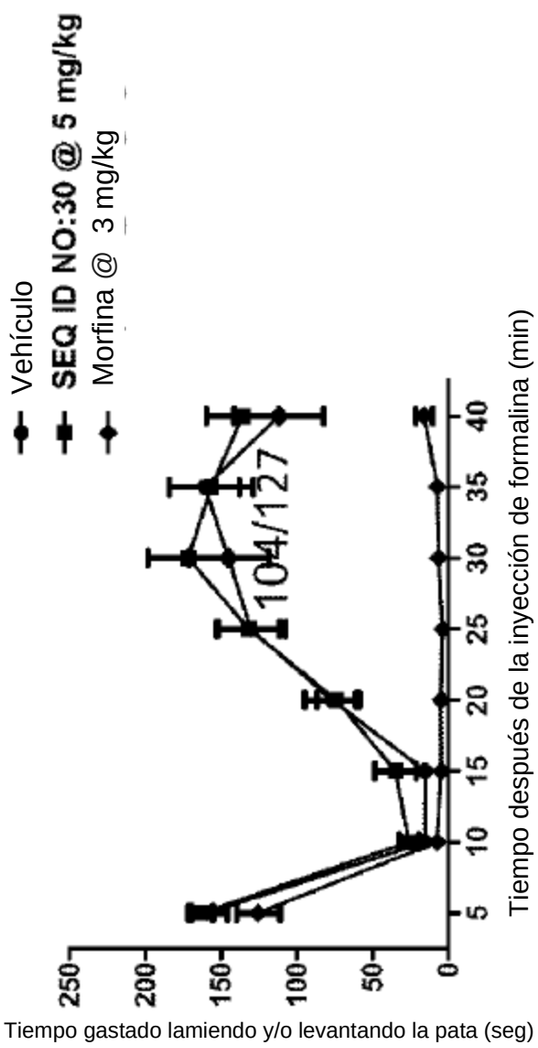

Vehículo
SEQ ID NO:30 @ 5 mg/kg
Morfina @ 3 mg/kg
Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
250
200
150
100
50
0
5
10
15
20
25
30
35
40
Tiempo después de la inyección de formalina (min)

FIG. 96

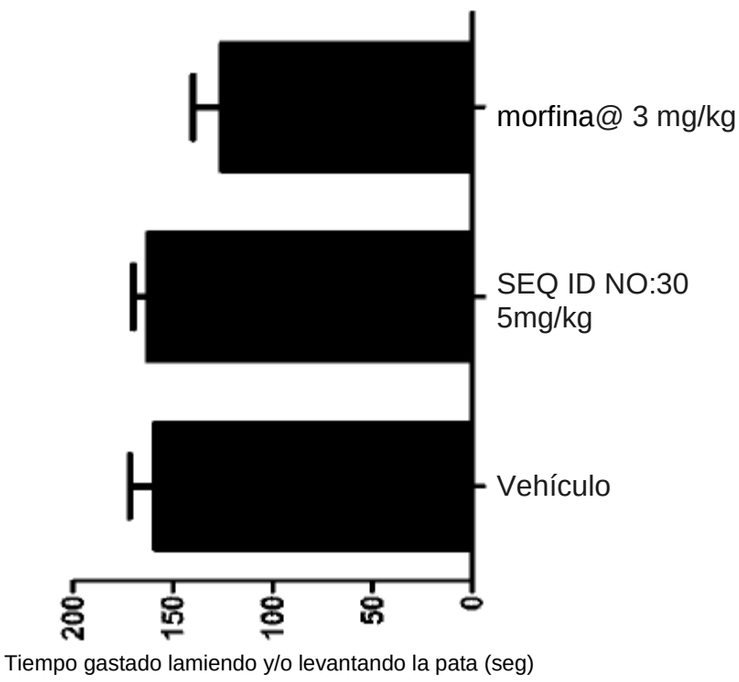

morfina@ 3 mg/kg
SEQ ID NO:30
5mg/kg
Vehículo
200
150
100
50
0
Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)

FIG. 97

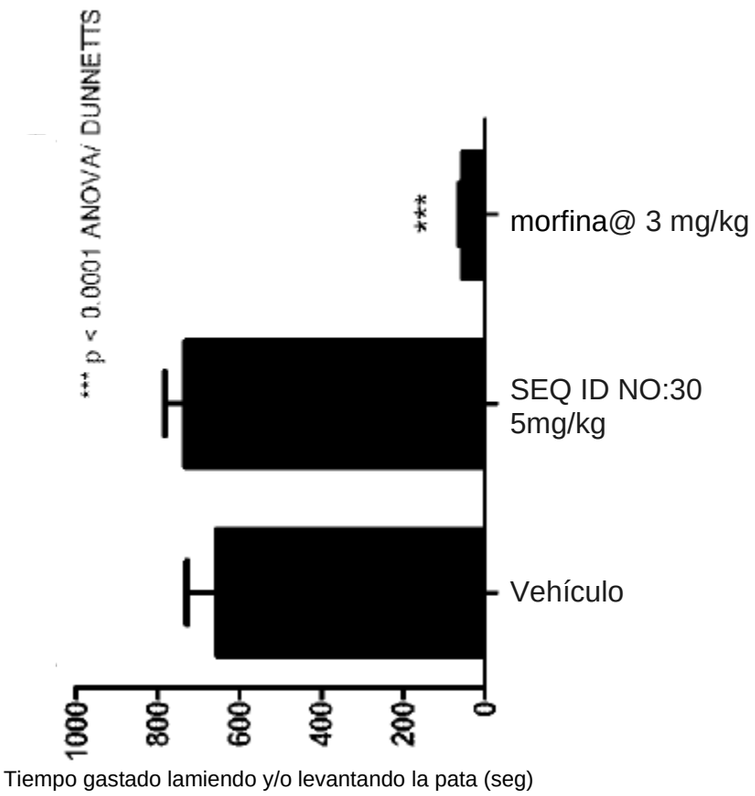
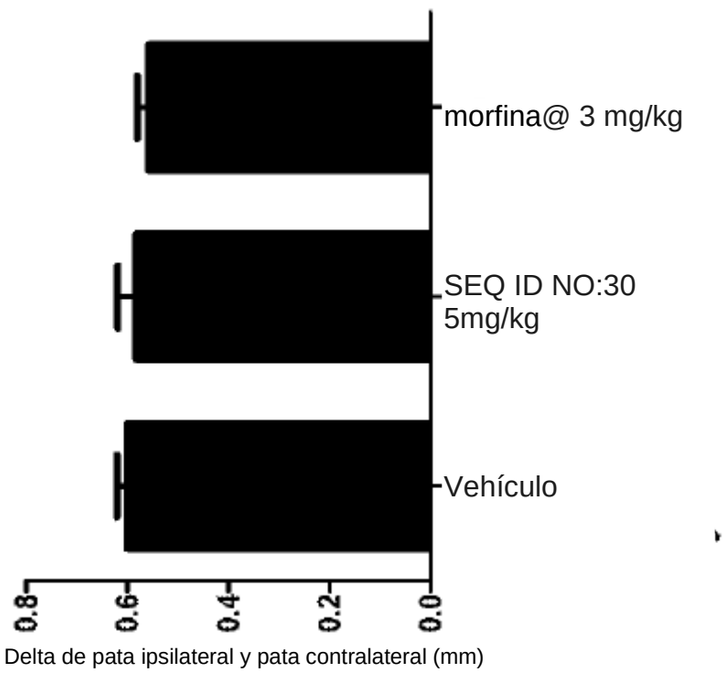

*** p < 0.0001 ANOVA/ DUNNETTS
***
morfina@ 3 mg/kg
SEQ ID NO:30
5mg/kg
Vehículo
1000
800
600
400
200
0
Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)

FIG. 98


morfina@ 3 mg/kg
SEQ ID NO:30
5mg/kg
Vehículo
0.8
0.6
0.4
0.2
0.0
Delta de pata ipsilateral y pata contralateral (mm)

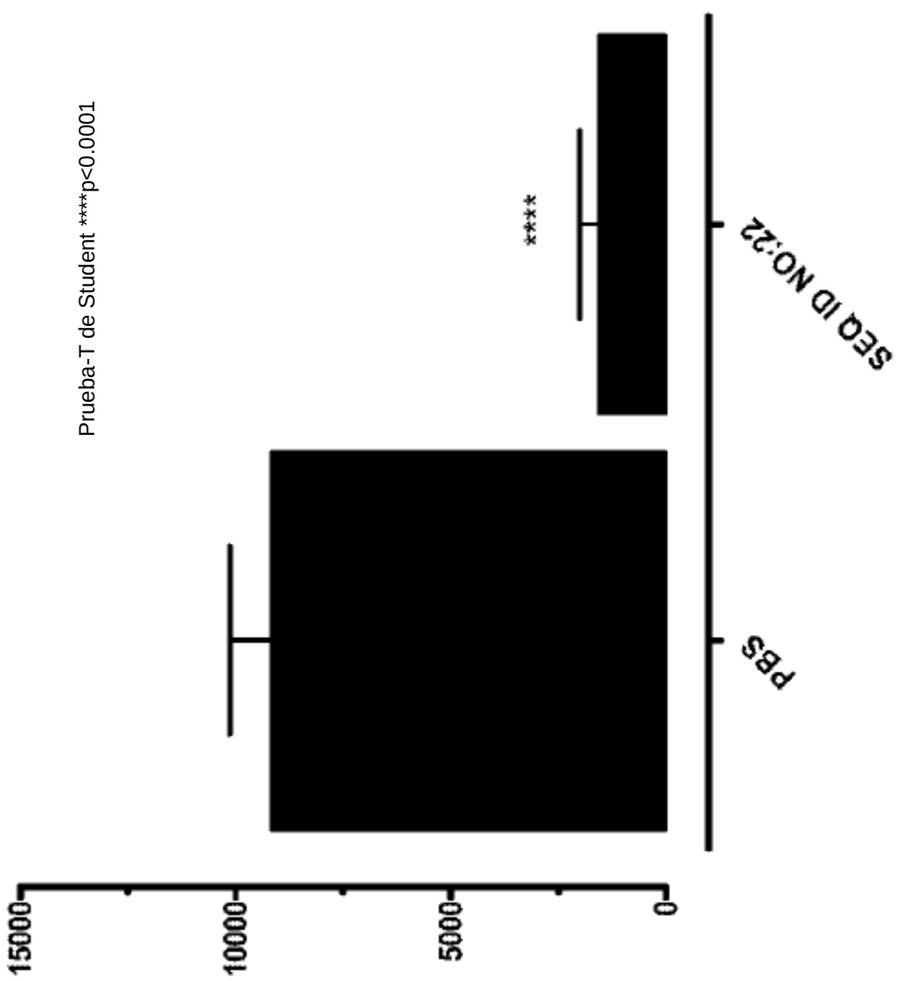

Prueba-T de Student ****p<0.0001
****
SEQ ID NO:22
PBS
15000
10000
5000
0
Movimiento básico (n=10)

FIG. 100

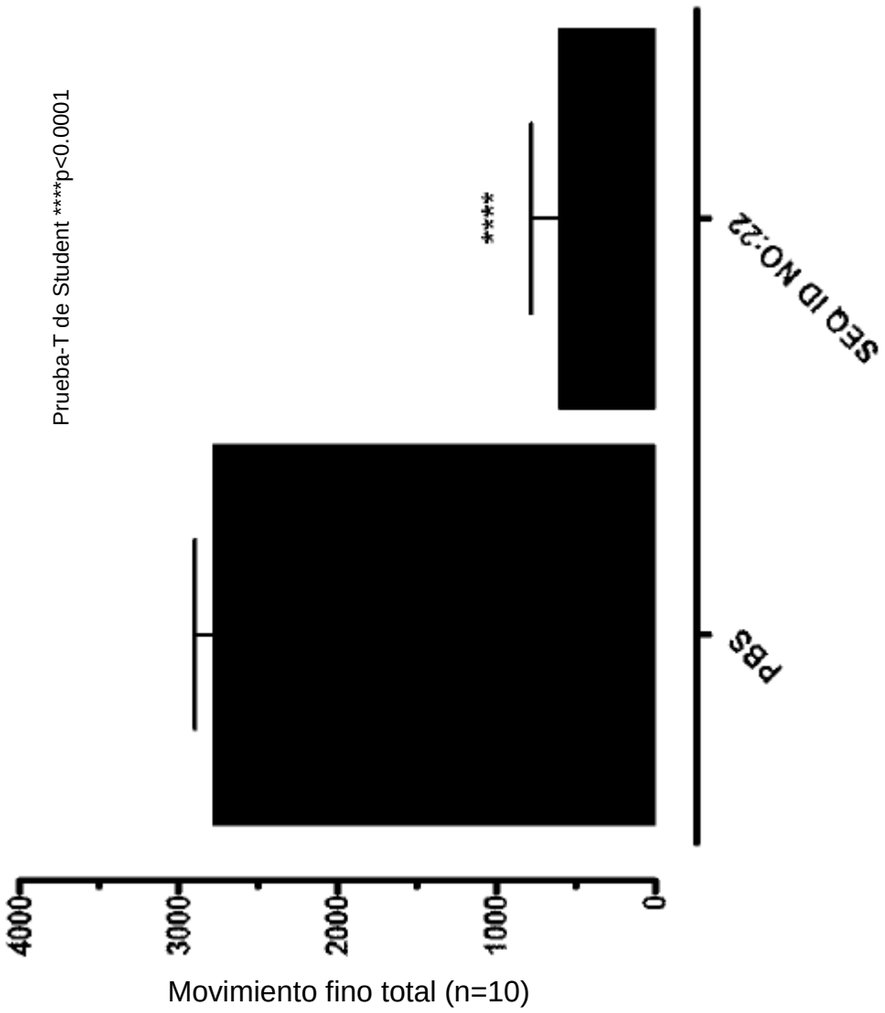

Prueba-T de Student ****p<0.0001
****
SEQ ID NO:22
PBS
4000
3000
2000
1000
0
Movimiento fino total (n=10)

FIG. 101

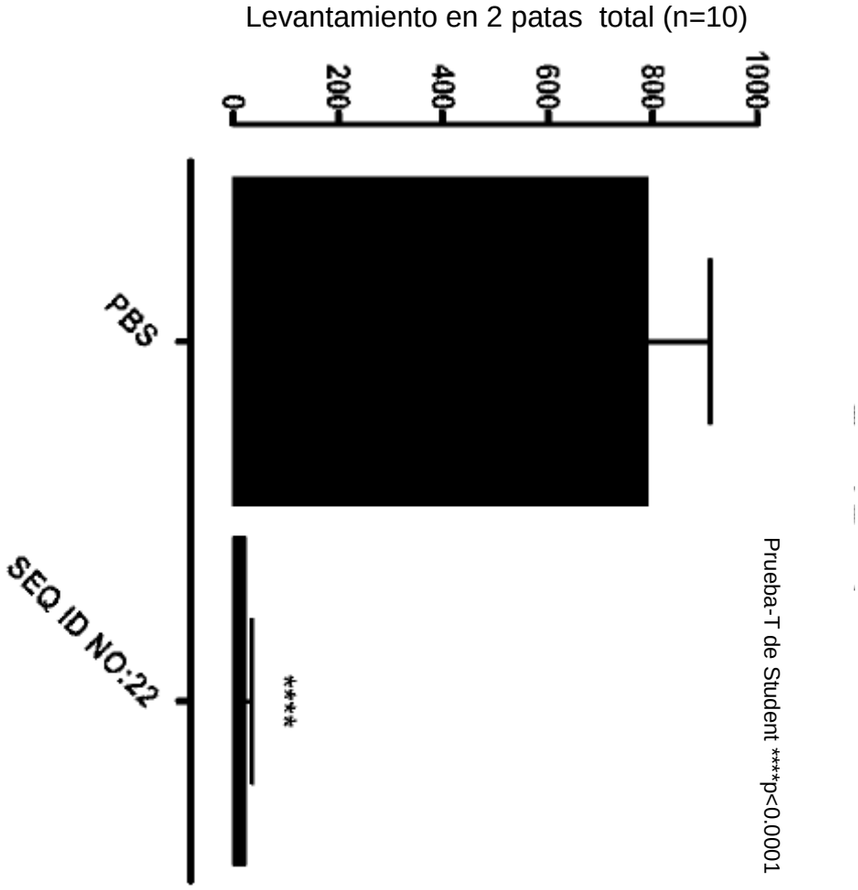
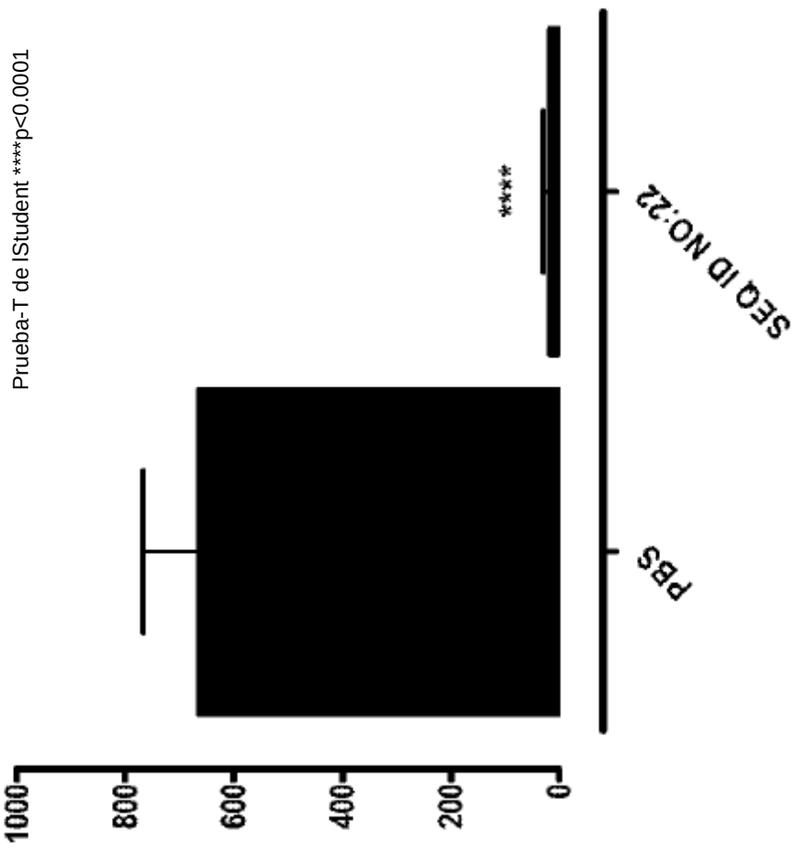

Levantamiento en 2 patas total (n=10)
0
200
400
600
800
1000
PBS
SEQ ID NO:22
****
Prueba-T de Student ****p<0.0001

FIG. 102



Tiempo total Levantamiento en 2 patas (n=10)

FIG. 103

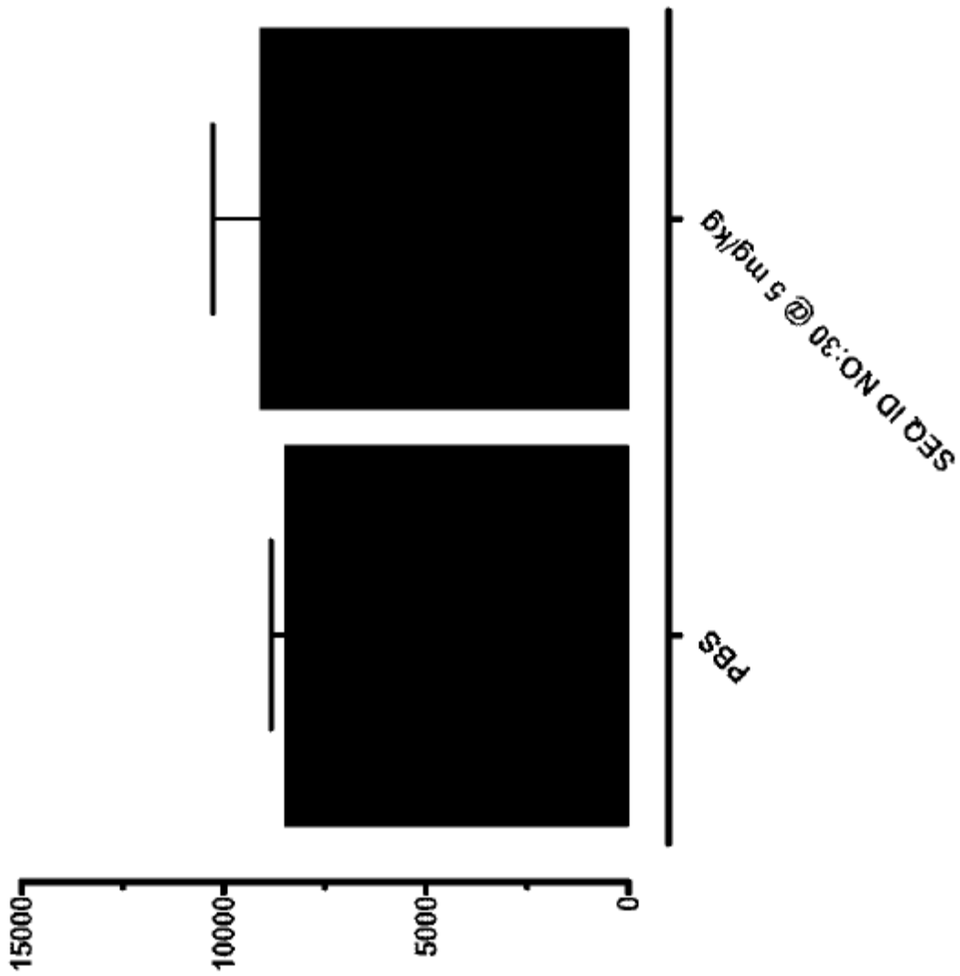
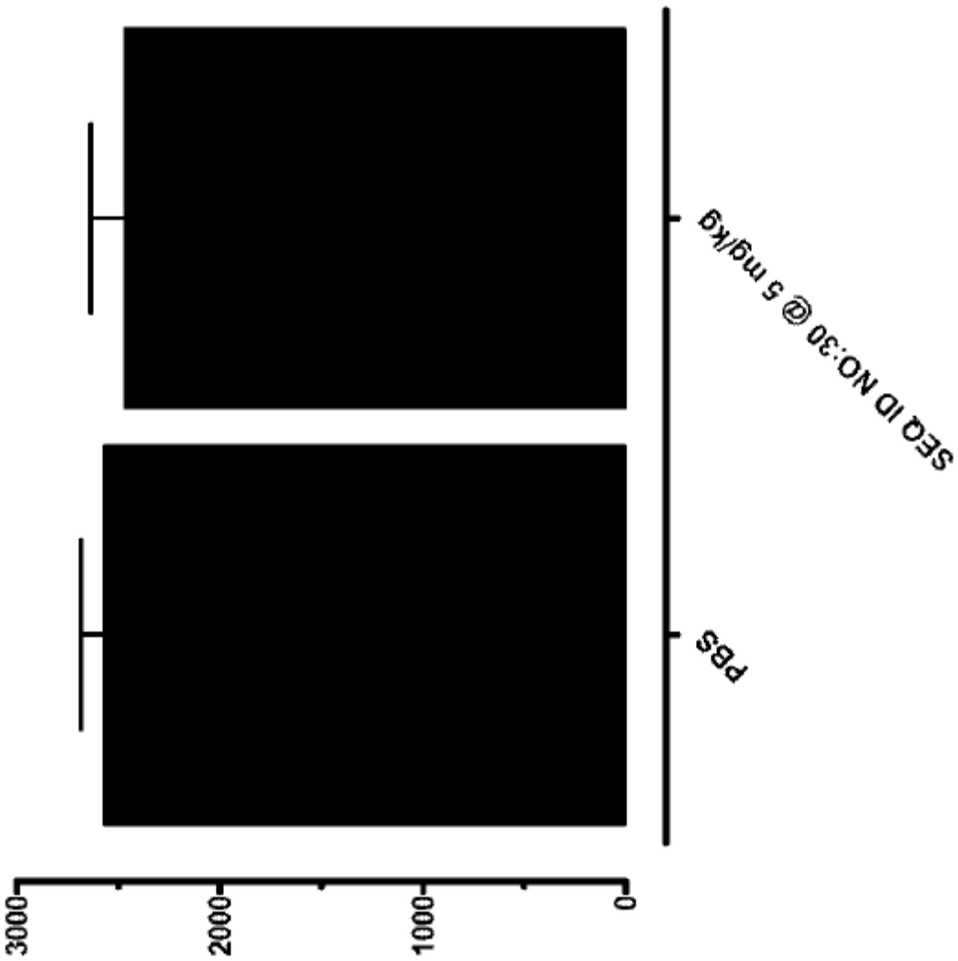
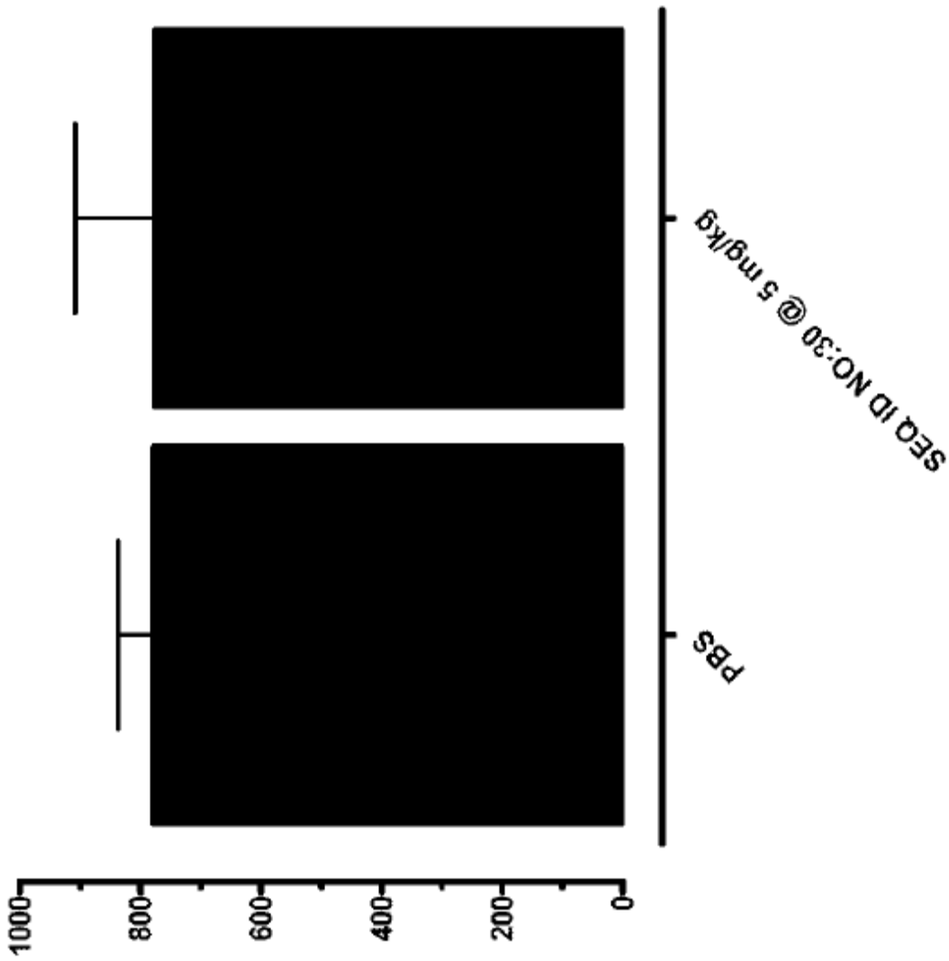

SEQ ID NO:30 @ 5 mg/kg
pbs
15000
10000
5000
0
Movimiento básico (n=12)

FIG. 104



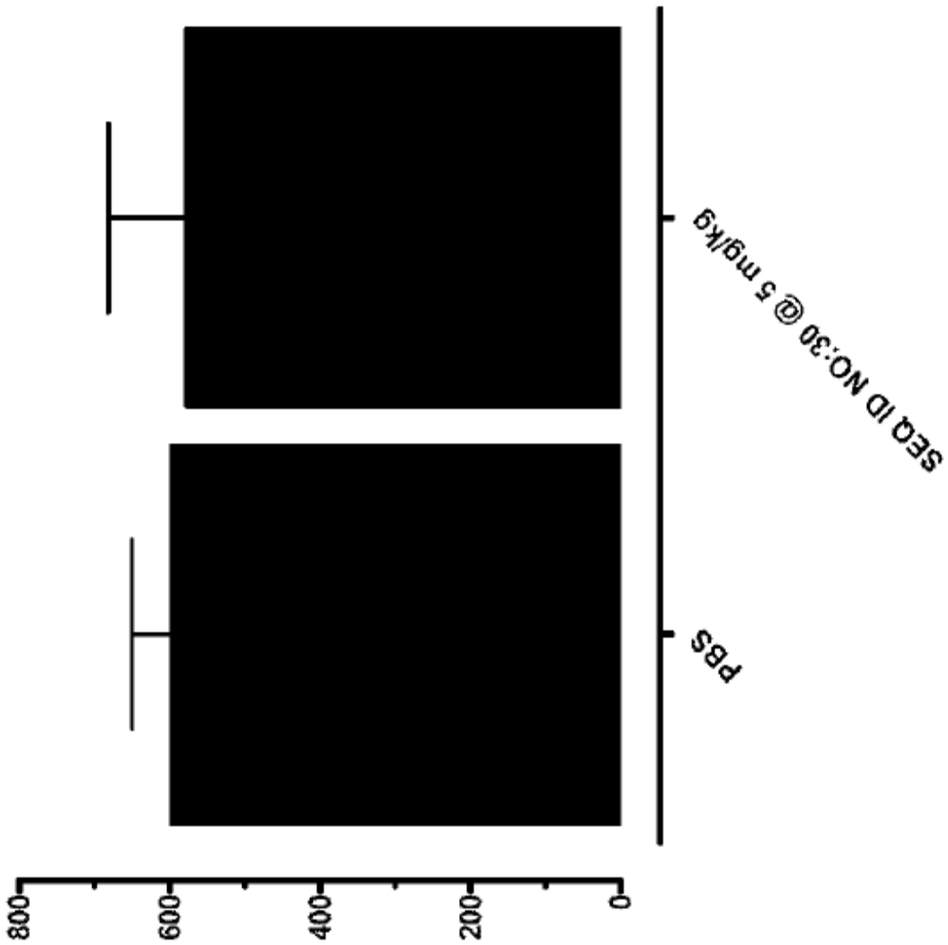
Movimiento fino total (n=12)

FIG. 105



Levantamiento en 2 patas total (n=12)

FIG. 106



Tiempo total levantamiento en 2 patas (n=12)

FIG. 107

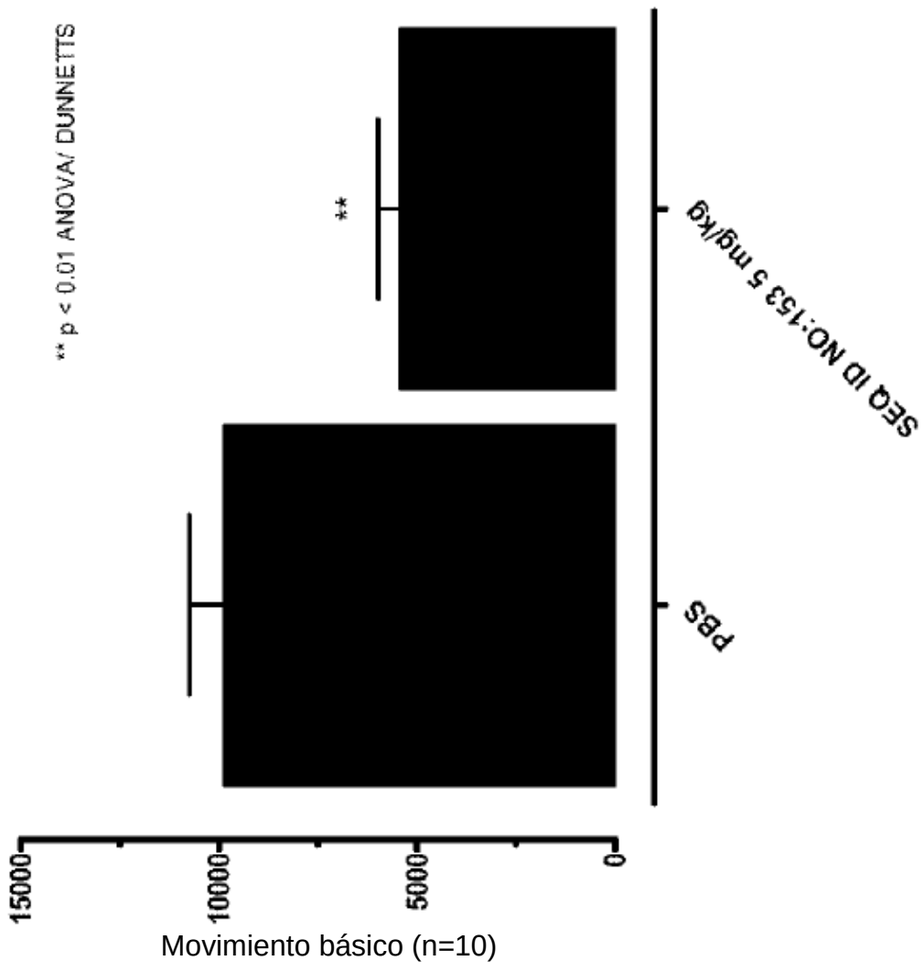

** p < 0.01 ANOVA/ DUNNETTS
**
SEQ ID NO:153 5 mg/kg
PBS
15000
10000
5000
0
Movimiento básico (n=10)

FIG. 108

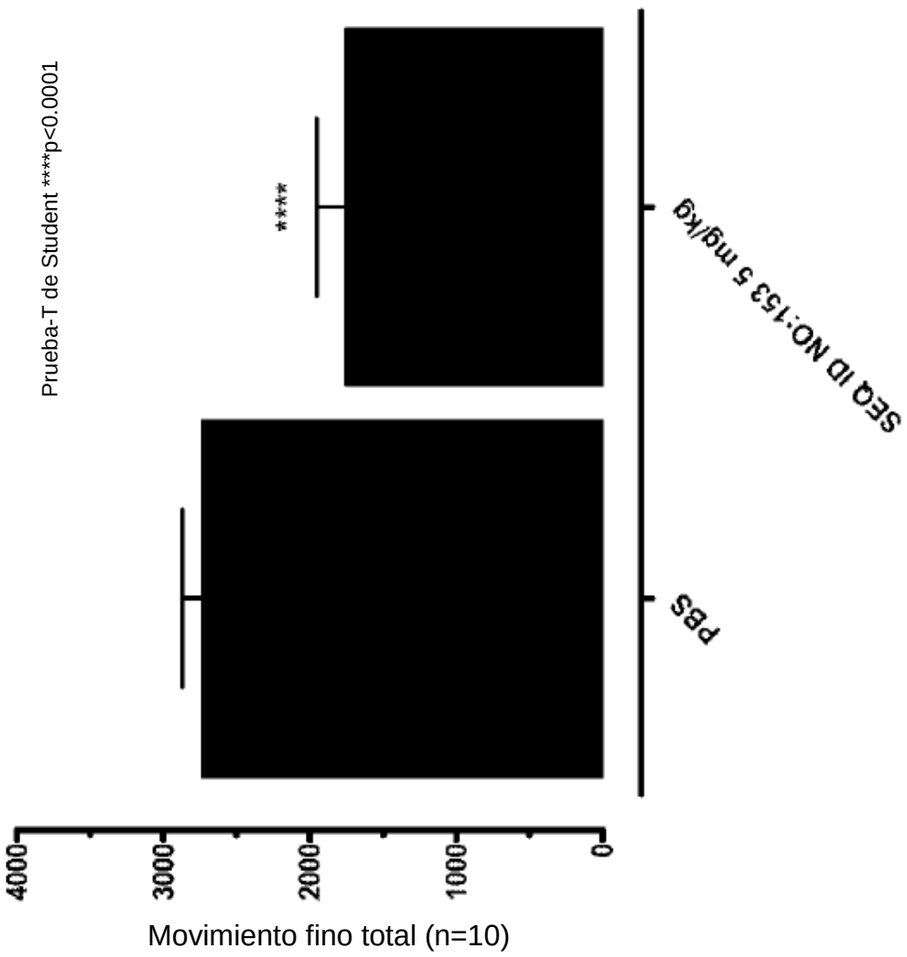

Prueba-T de Student ****p<0.0001
****
SEQ ID NO:153 5 mg/kg
PBS
4000
3000
2000
1000
0
Movimiento fino total (n=10)

FIG. 109

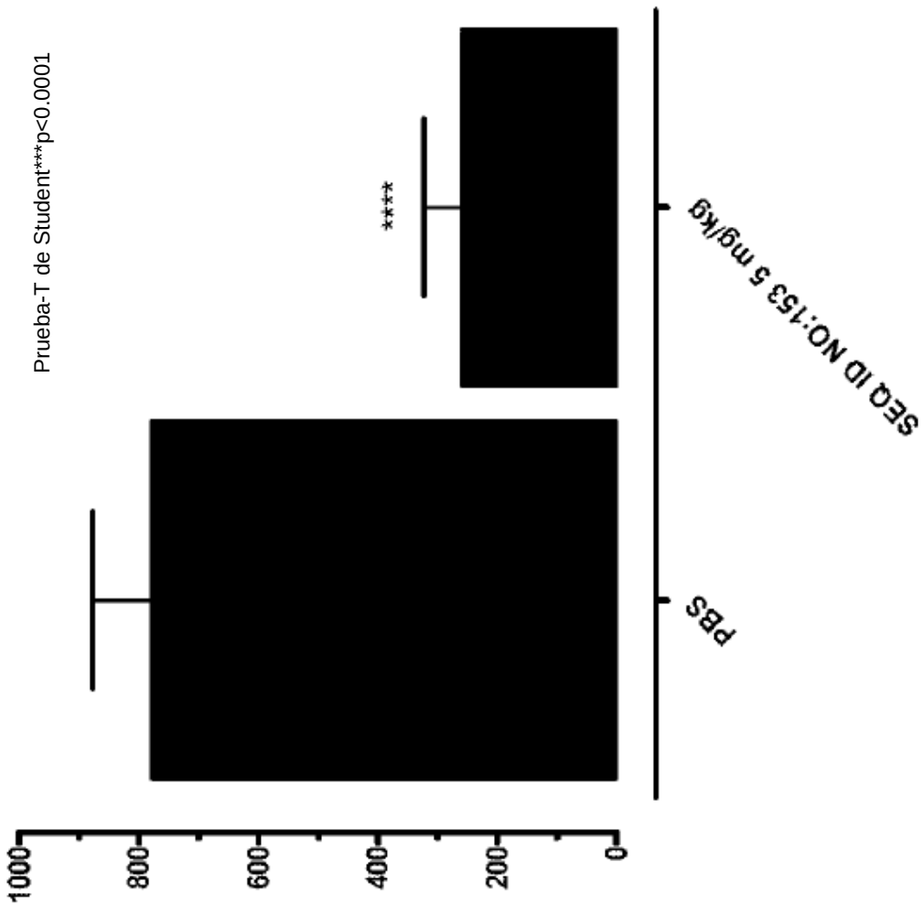
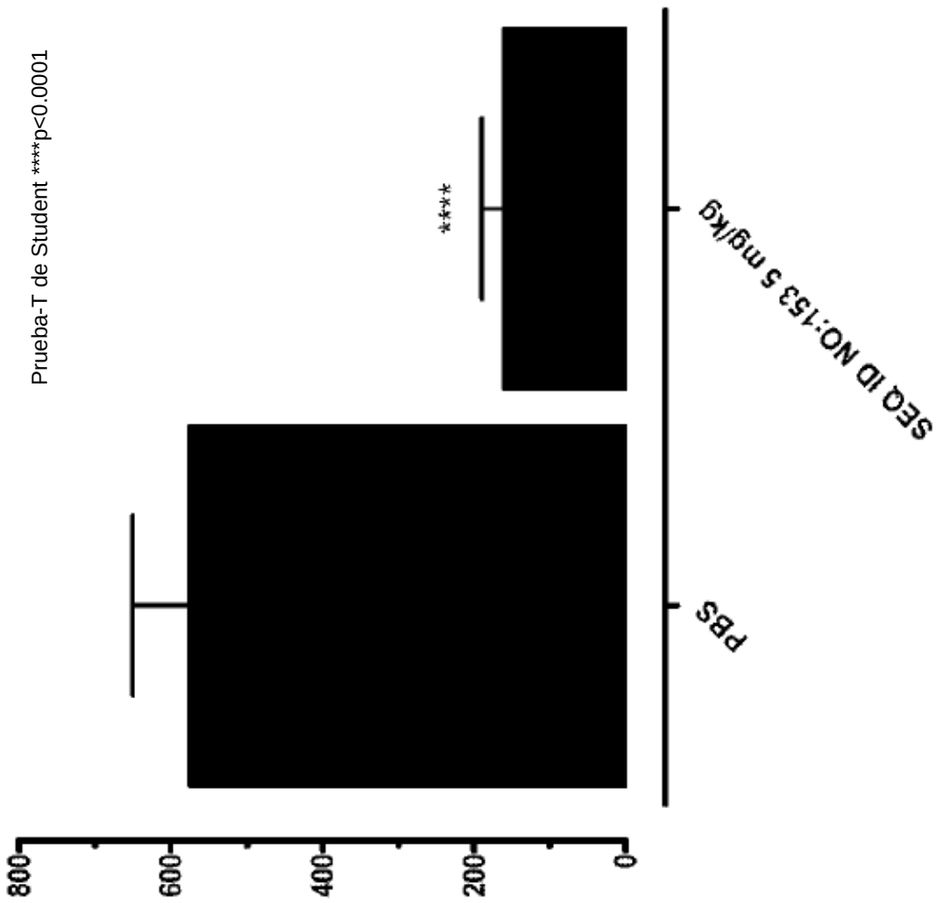

Prueba-T de Student***p<0.0001
****
SEQ ID NO:153 5 mg/kg
PBS
1000
800
600
400
200
0
Levantamiento en 2 patas total (n=10)

FIG. 110



Tiempo total Levantamiento en 2 patas (n=10)

FIG. 111

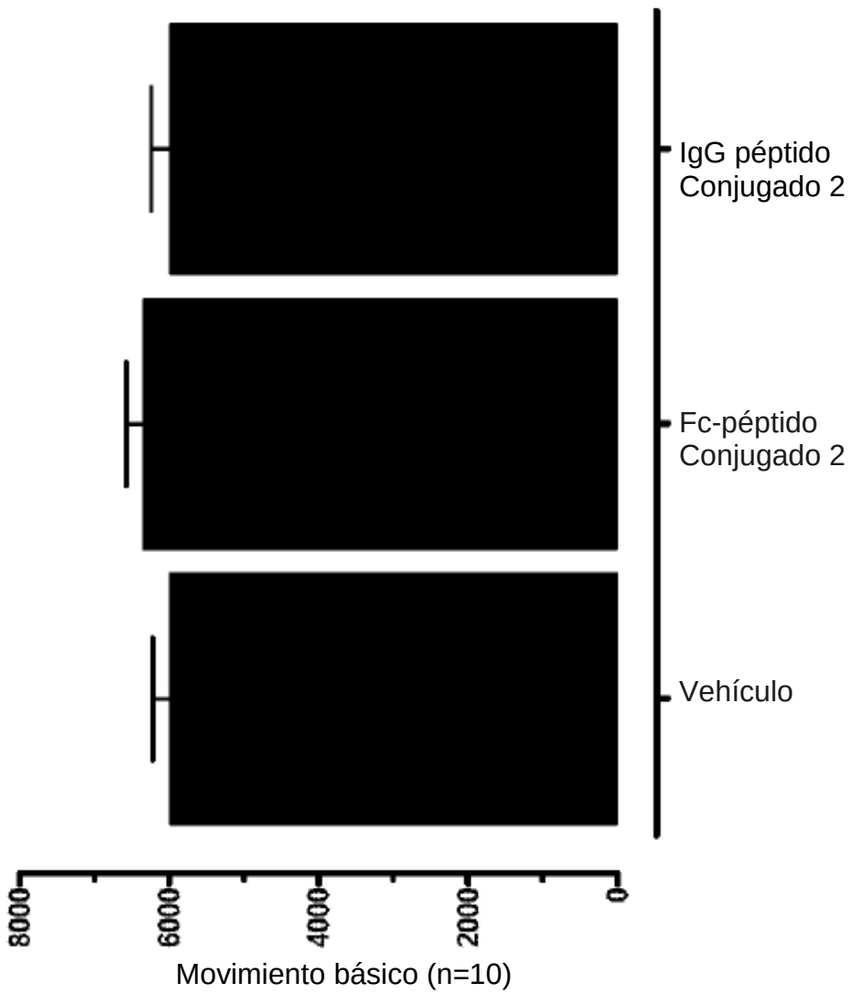

IgG péptido
Conjugado 2
Fc-péptido
Conjugado 2
Vehículo
8000
6000
4000
2000
0
Movimiento básico (n=10)

FIG. 112

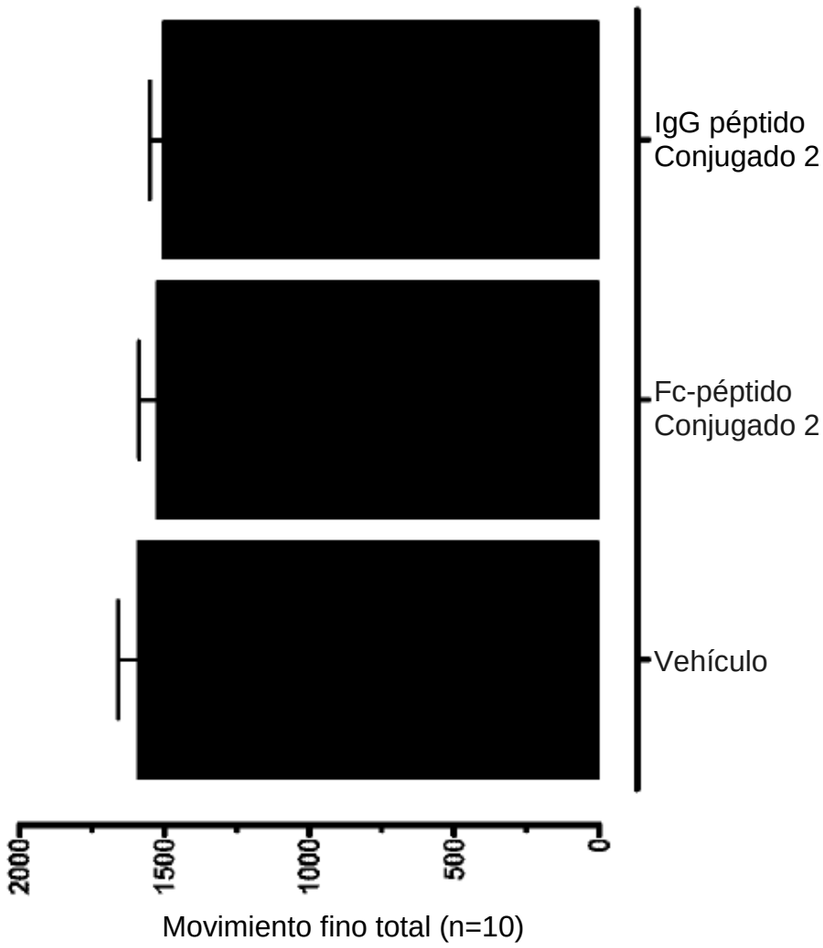

IgG péptido
Conjugado 2
Fc-péptido
Conjugado 2
Vehículo
2000
1500
1000
500
0
Movimiento fino total (n=10)

FIG. 113

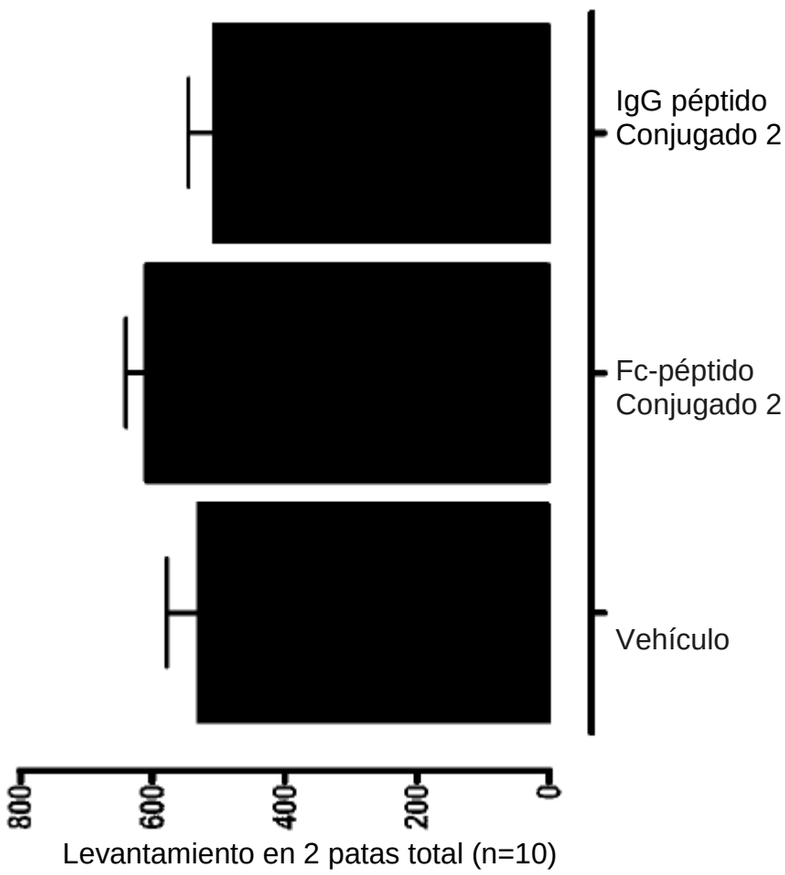

IgG péptido
Conjugado 2
Fc-péptido
Conjugado 2
Vehículo
800
600
400
200
0
Levantamiento en 2 patas total (n=10)

FIG. 114

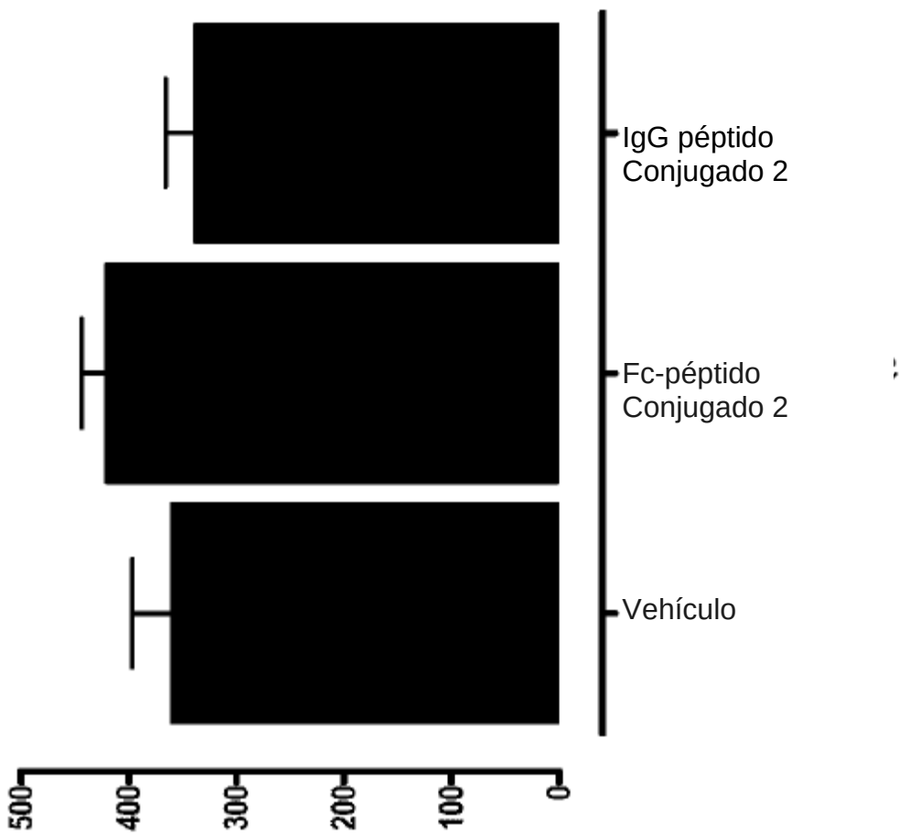

IgG péptido
Conjugado 2
Fc-péptido
Conjugado 2
Vehículo
500
400
300
200
100
0
Tiempo total Levantamiento en 2 patas (n=10)

FIG. 115

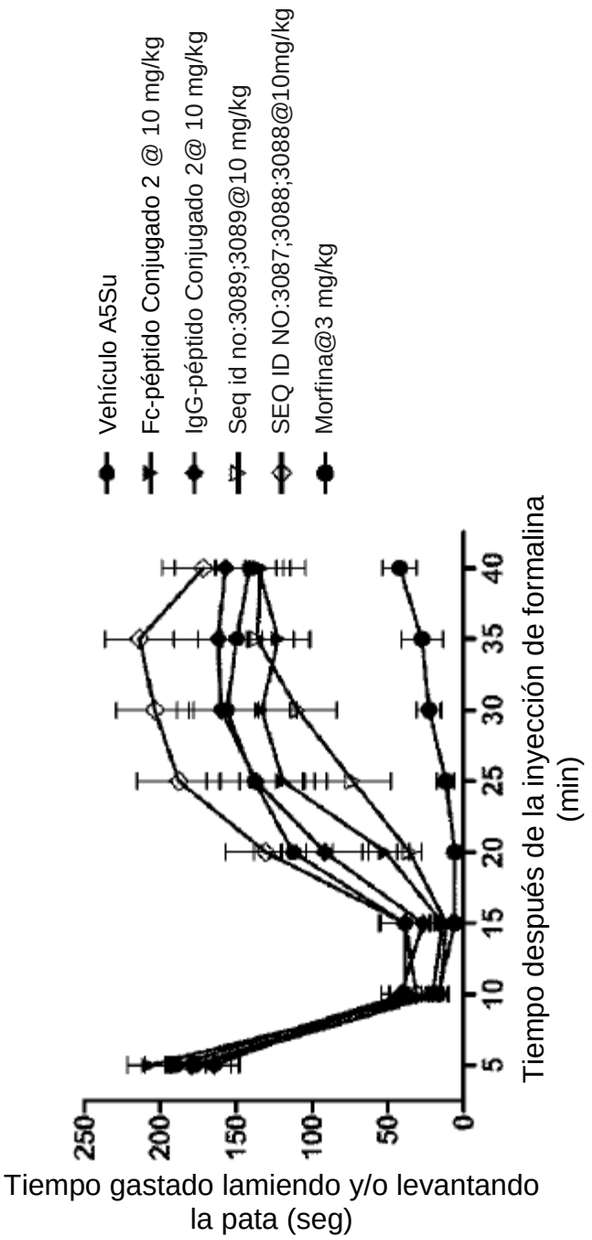

Vehículo A5Su
Fc-péptido Conjugado 2 @ 10 mg/kg
IgG-péptido Conjugado 2@ 10 mg/kg
Seq id no:3089;3089@10 mg/kg
SEQ ID NO:3087;3088;3088@10mg/kg
Morfina@3 mg/kg
Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)
250
200
150
100
50
0
5
10
15
20
25
30
35
40
Tiempo después de la inyección de formalina (min)

FIG. 116

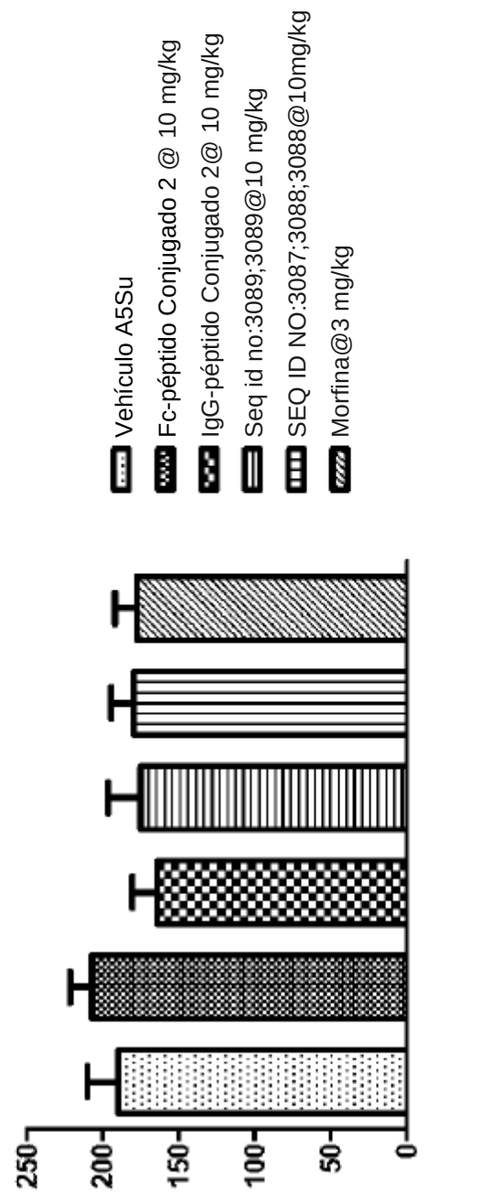
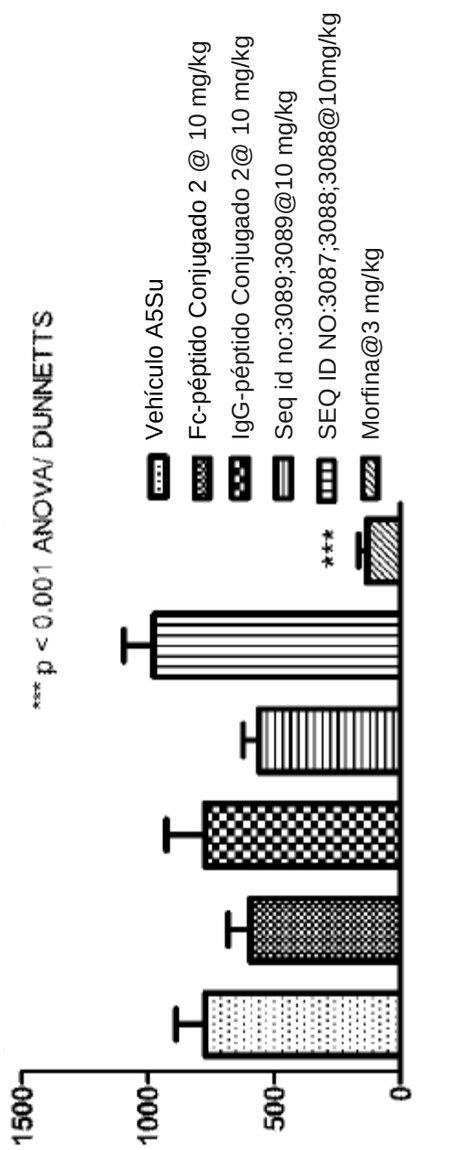

Vehículo A5Su
Fc-péptido Conjugado 2 @ 10 mg/kg
IgG-péptido Conjugado 2@ 10 mg/kg
Seq id no:3089;3089@10 mg/kg
SEQ ID NO:3087;3088;3088@10mg/kg
Morfina@3 mg/kg
250
200
150
100
50
0
Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)

FIG. 117


*** p < 0.001 ANOVA/ DUNNETTS
Vehículo A5Su
Fc-péptido Conjugado 2 @ 10 mg/kg
IgG-péptido Conjugado 2@ 10 mg/kg
Seq id no:3089;3089@10 mg/kg
SEQ ID NO:3087;3088;3088@10mg/kg
Morfina@3 mg/kg
***
1500
1000
500
0
Tiempo gastado lamiendo y/o levantando la pata (seg)

LISTADO DE SECUENCIAS

<110> AMGEN INC.

<120> INHIBIDORES POTENTES Y SELECTIVOS DE NAV1.3 Y NAV1.7

<130> A-1592-WO-PCT

<140>
<141> 2012-03-16

<150> 61/453,492
<151> 2011-03-16

<150> 61/608,088
<151> 2012-03-07

<160> 3098

<170> PatentIn versión 3.5

<210> 1
<211> 34
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(34)
<223> D-aminoácidos
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 3
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> SeMet

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 4
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 4
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Ala Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 5
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 5
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 6
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 6

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Ala Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 7
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 7
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Ala Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 8
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 8
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Ala Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 9
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 9
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Ala Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 10
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 10
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Ala His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 11
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 11
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Ala Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 12
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 12
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Ala Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 13
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 13
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Ala Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 14
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 14
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Ala
20 25 30

Val Phe

<210> 15
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 15
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Ala Phe

<210> 16
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 16
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Ala
35

<210> 17
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 17
Glu Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 18
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 18
Glu Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 19
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 19
Asp Cys Glu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 20
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 20

Ala Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 21
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 21
Asp Cys Ala Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 22
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 22
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 23
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 23
Asp Cys Leu Gly Phe Ala Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 24
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 24
Asp Cys Leu Glu Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 25
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 25
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Glu Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 26
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 26
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 27
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 27
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Glu Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 28
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 28
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Glu Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 29
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 29
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Glu Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 30
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 30
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Glu Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 31
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 31
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Glu Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 32
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 32
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Glu
20 25 30

Val Phe

<210> 33
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 33
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Glu Phe

<210> 34
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 34
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Glu

<210> 35
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 35
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Glu
35

<210> 36
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 36
Lys Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 37
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 37
Lys Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 38
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 38
Asp Cys Lys Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 39
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 39
Asp Cys Leu Lys Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 40
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 40
Asp Cys Leu Gly Phe Met Lys Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 41
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 41
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Lys Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 42
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 42
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Lys Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 43
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 43
Asp Cys Leu Gly Phe Met Ala Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 44
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 44
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Ala Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 45
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 45
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ala Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 46
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 46
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Ala Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 47
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 47
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Ala Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 48
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 48
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Lys Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 49
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 49
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Lys Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 50
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 50
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Lys Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 51
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 51
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Lys Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 52
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 52
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Lys Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 53
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 53
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Lys Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 54
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 54
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Lys His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 55
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 55
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Lys Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 56
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 56
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Lys Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 57
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 57
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Lys
20 25 30

Val Phe

<210> 58
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 58
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Lys Phe

<210> 59
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido

sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 59
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Lys

<210> 60
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 60
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Lys
35

<210> 61
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 61
Arg Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 62
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 62
Arg Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 63
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 63
Asp Cys Leu Arg Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 64
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido Sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 64
Asp Cys Leu Gly Phe Arg Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 65
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 65
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Arg Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 66
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 66
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Arg Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 67

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 67
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Arg Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 68
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 68
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Arg Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 69
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 69
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Arg Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 70
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 70
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Arg His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 71
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 71
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Arg Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 72
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 72
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 73
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 73
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Arg Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 74
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 74
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Arg Phe

<210> 75
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 75
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Arg

<210> 76
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 76
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Arg
35

<210> 77
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 77
Xaa Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 78
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 78
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 79
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 79
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 80
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 80
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 81
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 81
Trp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 82
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 82
Asp Cys Leu Gly Trp Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 83
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 83
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Trp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 84
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 84

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Trp Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 85
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 85
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Val Phe

<210> 86
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 86
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Trp

<210> 87
<211> 35
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 87
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Trp
35

<210> 88
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 88
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 89
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 89
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 90
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 90
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asn Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 91
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 91
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Ser Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 92
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 92
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Gln Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 93
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 93
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Ser Ser Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 94
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 94
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Lys Thr Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 95
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 95
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Gln Phe

<210> 96
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 96
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Ile

<210> 97
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 97
Tyr Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 98
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 98
Asp Cys Gln Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 99
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 99
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Lys
20 25 30

Val Xaa Trp
35

<210> 100
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 100
Ala Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 101
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 101
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Ala

<210> 102
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 102
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Glu Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 103
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 103
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Arg Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 104
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 104
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Arg Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 105
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 105
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 106
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 106
Trp Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 107
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Acido libre de terminal C

<400> 107
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 108
<211> 33
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 108
Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys
1 5 10 15

Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr Val
20 25 30

Phe

<210> 109
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 109
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Phe Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 110
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 110
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Tyr Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 111
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 111
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Leu Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 112
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 112
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Phe Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 113
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 113
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Tyr Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 114
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 114
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Leu Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 115
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> Cit

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 115
Asp Cys Leu Gly Phe Met Xaa Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 116
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> Cit

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 116
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Xaa Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 117
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> Cit

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 117
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 118
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 118
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Thr Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 119
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 119
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 120
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 120
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Met Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 121
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 121
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 122
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 122
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Leu

<210> 123
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 123
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 124
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 124
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 125
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 125
Asp Xaa Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Xaa Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 126
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 126
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Gly Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 127
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 127
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Lys
20 25 30

Val Phe Trp
35

<210> 128
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 128
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 129
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> 2-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 129
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 130
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 2-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 130
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 131
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> 2-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 131
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Xaa
35

<210> 132
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> acetil de terminal N

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 132
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 133
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 133
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Trp
35

<210> 134
<211> 33
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 134
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Gly Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr Val
20 25 30

Phe

<210> 135
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 135
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Xaa Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Xaa Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 136
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Nal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 2-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 136
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 137
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Nal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 137
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 138
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 138
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa Trp
35

<210> 139
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 2-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 139
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa Trp

35

<210> 140
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 140
Asp Ala Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Ala Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 141
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 141
Asp Cys Leu Ala Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 142
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 142

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ala Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 143
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 143
Asp Cys Leu Gly Glu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 144
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 144
Asp Cys Leu Gly Phe Glu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 145

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 145
Asp Cys Leu Gly Phe Met Glu Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 146
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 146
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 147
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 147
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 148
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 148
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 149
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 149
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Glu Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 150
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 150
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Glu Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 151
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 151
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Glu Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 152
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 152
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 153
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 153
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 154
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 154
Asp Cys Leu Gly Phe Lys Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 155
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 155
Asp Cys Arg Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 156
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 156
Asp Cys Leu Gly Arg Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 157
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 157
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Arg Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 158
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 158
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Arg Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 159
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 159
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Arg
20 25 30

Val Phe

<210> 160
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)

<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 160
Asp Cys Leu Xaa Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 161
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 161
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 162
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 162
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Xaa Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 163
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 163
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 164
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 164
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Xaa Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 165
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 165
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Xaa Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 166
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 166
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 167
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 167
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 168
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 168
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 169
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 169
Asp Cys Leu Trp Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 170
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 170
Asp Cys Leu Gly Phe Trp Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 171
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 171

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Trp Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 172
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 172
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Trp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 173
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 173
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Trp Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 174
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido

sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 174
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Trp Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 175
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 175
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Trp Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 176
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 176
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Trp Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 177
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 177
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Trp Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 178
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 178
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Trp His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 179
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 179
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Trp Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 180
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 180
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Trp Phe

<210> 181
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 181
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Ser Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 182
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 182
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Gln Xaa

<210> 183
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 183
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Gln Xaa

<210> 184
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 184
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Arg Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Gln Xaa

<210> 185
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 185
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Arg Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Gln Xaa

<210> 186
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 186
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Arg Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Gln Xaa

<210> 187
<211> 36
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 187
Arg Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe Trp
35

<210> 188
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> pGlu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 188

Xaa Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 189
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 189
Ile Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 190
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 190
Pro Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 191
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 191
Ser Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 192
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 192
Thr Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 193
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 193
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Leu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 194
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 194
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Gly Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 195
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 195
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Ile Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 196
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido

sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 196
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Thr Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 197
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 197
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Tyr Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 198
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 198
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Gly Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 199
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 199
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Phe Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 200
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 200
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Tyr Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 201
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (1)..(1)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 201
Xaa Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 202
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 202
Asp Cys Trp Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 203
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 203
Asp Cys Xaa Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 204
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 204
Asp Cys Leu Gly Lys Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 205
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 205
Asp Cys Leu Gly Phe Met Trp Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 206
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 206
Asp Cys Leu Gly Phe Met Xaa Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 207
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 207
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Trp Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 208
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> 1-Nal

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 208
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Xaa Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 209
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 209
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Lys Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 210
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 210
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Arg Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 211

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 211
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Xaa Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 212
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 212
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Ala Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 213
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 213
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Glu Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 214
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 214
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Lys Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 215
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 215
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Arg Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 216
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 216
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Trp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 217
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintética

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 217
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Xaa Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 218
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 218
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Trp Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 219
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 219
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Xaa Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 220
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 220
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Ala Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 221
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 221
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Xaa Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 222
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 222
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Ala Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 223
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 223
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Glu Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 224
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 224
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Trp Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 225
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 225
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Xaa Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 226
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 226
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Ala Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 227
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 227
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Glu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 228
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 228
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Lys Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 229
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 229
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Arg Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 230
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 230
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 231
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 231
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Lys Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 232
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 232
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Arg Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 233
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 233
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Trp Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 234
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 234
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Xaa Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 235
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 235
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Trp Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 236
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 236
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 237
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 237
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Xaa His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 238
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 238
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Trp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 239
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 239
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 240

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 240
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Xaa Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 241
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> 1Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 241
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Xaa
35

<210> 242
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Bip

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 242
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 243
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cha

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 243
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 244
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 244
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 245
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Cha

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 245
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 246
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 246
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 247
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> pI-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 247
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 248
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 248
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Ile Phe

<210> 249

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> pI-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 249
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 250
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 250
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 251
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 251
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 252
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 252
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Trp Phe

<210> 253
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 253
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Val Phe

<210> 254
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 254
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 255
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 255
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 256
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 256
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 257
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 257
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 258
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 258
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 259
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 259
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 260
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 260
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 261
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 261
Asp Cys Leu Gly Ala Trp Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 262
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 262
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 263
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 263
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 264
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 264
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 265
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 265

Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 266
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 266
Asp Cys Leu Gly His Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 267
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 267
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 268
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 268
Asp Cys Leu Gly Met Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 269
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 269
Asp Cys Leu Gly Pro Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 270
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 270
Asp Cys Leu Gly Thr Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 271
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 271
Asp Cys Leu Gly Tyr Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 272
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 272
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 273
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-aminoácido

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 273
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 274
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 274
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 275
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Phg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 275
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 276
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 276
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 277
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2PAL

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 277
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 278
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 278
Asp Cys Leu Gly Phe Asn Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 279
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 279
Asp Cys Leu Gly Phe Gln Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 280
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 280
Asp Cys Leu Gly Phe Gly Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 281
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 281
Asp Cys Leu Gly Phe His Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 282
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 282
Asp Cys Leu Gly Phe Ile Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 283
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 283
Asp Cys Leu Gly Phe Pro Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 284
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 284
Asp Cys Leu Gly Phe Ser Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 285
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 285
Asp Cys Leu Gly Phe Thr Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 286
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 286
Asp Cys Leu Gly Phe Tyr Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 287
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 287
Asp Cys Leu Gly Phe Val Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 288
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Phg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 288
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 289
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 289
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 290
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 290
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 291
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> pI-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 291
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 292
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 292
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 293
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 293
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 294
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES

<222> (6)..(6)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 294
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 295
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> Lys(Me2)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 295
Asp Cys Leu Gly Phe Met Xaa Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 296
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 296
Asp Cys Leu Gly Phe Met Xaa Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 297
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 297
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Xaa Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 298
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> Lys(Me2)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 298
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Xaa Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 299
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 299
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Tyr Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 300
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 300
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 301

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 301
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Val Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 302
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 302
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Phe Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 303
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 303
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Leu Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 304
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 304
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys His Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 305
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 305
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ser Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 306

<400> 306
000

<210> 307
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 307
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Met Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 308
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 308
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Pro Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 309
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 309
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Thr Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 310
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 310
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 311
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 311
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 312
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 312
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Xaa Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 313
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> Lys(Me2)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 313
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Xaa Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 314
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> Lys(Me2)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 314
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Xaa Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 315
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 315
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Xaa Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 316
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 316
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Xaa Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 317
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 317
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Xaa Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 318
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 318
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Xaa Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 319
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 319
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Phe Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 320
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 320
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Pro Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 321
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 321
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Ile Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 322
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 322
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Leu Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 323
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 323
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Ser Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 324
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 324
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Gly Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 325
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 325
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Asn Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 326
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 326
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu His Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 327
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 327
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Asp Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 328
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)

<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 328
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 329
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 329
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Thr Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 330
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> Phg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 330
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 331
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 331
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Tyr Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 332
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 332
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Met Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 333
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 333
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 334
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 334
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 335
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (25)..(25)
<223> Lys(Me2)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 335
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 336
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 336
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 337
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido Sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 337
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg His His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 338
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 338
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Ser His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 339
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 339
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Gln His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 340
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 340
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Tyr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 341
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 341
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Phe His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 342
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 342
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Asn His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 343
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 343
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Gly His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 344
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 344
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Val His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 345
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 345
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Pro His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 346
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 346
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Met His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 347
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 347
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Asp His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 348
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 348
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Ile His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 349
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 349
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Xaa His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 350
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 350
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Xaa His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 351
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 351
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 352
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 352
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 353
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 353
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 354
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> Lys(Me2)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 354
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 355
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Lys(Me2)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 355
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 356
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 356
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 357
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 357
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 358
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> pI-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 358
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 359
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 359
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 360
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Bip

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 360
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 361
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 361
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 362
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Phg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 362
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 363
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (29)..(29)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 363
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 364
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 364
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Xaa Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 365
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 365
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Xaa Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 366
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 366
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Gln
20 25 30

Val Phe

<210> 367
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 367
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Ile
20 25 30

Val Phe

<210> 368

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 368
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Met
20 25 30

Val Phe

<210> 369
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 369
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Thr
20 25 30

Val Phe

<210> 370
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> NMePhe

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 370
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 371
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 371
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 372
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 372
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Val
20 25 30

Val Phe

<210> 373
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 373
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Leu
20 25 30

Val Phe

<210> 374
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> Phg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 374
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 375
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> Cha

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 375
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 376
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> Bip

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 376
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 377
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 377
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Phe
20 25 30

Val Phe

<210> 378
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 378
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Gly
20 25 30

Val Phe

<210> 379
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 379
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Asn
20 25 30

Val Phe

<210> 380
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 380
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys His
20 25 30

Val Phe

<210> 381
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> pI-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 381
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 382
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 382
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Ser
20 25 30

Val Phe

<210> 383
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 383
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Pro
20 25 30

Val Phe

<210> 384
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 384
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa

20 25 30

Val Phe

<210> 385
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 385
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 386
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Cha

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 386
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 387

<400> 387
000

<210> 388
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 388
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 389
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 389
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 390
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 390
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Phe Phe

<210> 391
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 391
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Met Phe

<210> 392
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 392

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

His Phe

<210> 393
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Phg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 393
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 394
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 394
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Asn Phe

<210> 395
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 395
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Asp Phe

<210> 396
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 396
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Thr Phe

<210> 397
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 397
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Ser Phe

<210> 398
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 398
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Pro Phe

<210> 399
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 399
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Tyr Phe

<210> 400
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 400
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Leu Phe

<210> 401
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 401
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Gly Phe

<210> 402
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 402

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 403
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 403
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 404
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> aminoácido D

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 404
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 405
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> Cha

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 405
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 406
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> Phg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 406
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 407
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 407
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 408
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 408
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 409
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 409
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 410
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 410
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 411
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 411
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 412
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> 2-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 412
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Xaa
35

<210> 413
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> 4CO2-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 413
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30
Val Phe Xaa
35

<210> 414
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> 2PAL

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 414
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Xaa
35

<210> 415
<211> 33
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 415
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val

<210> 416
<211> 32
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 416
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

<210> 417
<211> 31
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 417
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

<210> 418
<211> 30
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 418
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys

20 25 30

<210> 419
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 419
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Glu Phe

<210> 420
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 420

Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 421
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 421
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Xaa Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 422
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 422
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Trp Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 423
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 423
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Trp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 424
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 424

Asp Cys Leu Trp Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 425
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 425
Xaa Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 426
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 426
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Ala Phe

<210> 427
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 427
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 428
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 428
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Trp Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 429
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 429
Asp Cys Leu Glu Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 430
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 430
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Glu

<210> 431
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 431
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Ala

<210> 432
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 432
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Ala
20 25 30

Val Phe

<210> 433
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 433
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Ala Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 434
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 434
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Ala Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 435
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 435
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 436

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 436
Asp Cys Leu Gly Ala Met Glu Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 437
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 437
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Glu Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 438
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 438
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Glu Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 439
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido
      sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 439

Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Glu Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 440
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 440
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Trp
            20   25   30

Val Phe

<210> 441
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 441
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 442
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 442
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 443
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 443
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Val Phe

<210> 444
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 444
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Trp Phe

<210> 445
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 445

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 446
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 446
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Val Phe

<210> 447
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 447
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Trp Phe

<210> 448
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 448
Asp Cys Leu Gly Phe Trp Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 449
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 449
Asp Cys Leu Gly Phe Trp Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Val Phe

<210> 450
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 450
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Trp Phe

<210> 451
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 451
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Val Phe

<210> 452
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 452
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 453
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 453
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 454
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 454
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 455
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 455
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Trp
20 25 30

Xaa Phe

<210> 456
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 456
Asp Cys Leu Gly Phe Trp Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 457
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 457
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 458
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 458
Asp Cys Leu Gly Phe Trp Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 459
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 459
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Trp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 460
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 460
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Trp Phe

<210> 461
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 461
Asp Cys Leu Gly Phe Trp Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 462
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 462
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 463
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 463
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 464
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 464
Trp Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 465
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 465
Trp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 466
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> 1-Nal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 466
Xaa Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 467
<211> 34
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 467
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ser Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Lys His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Glu Ile

<210> 468
<211> 33
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 468
Asp Cys Leu Gly Trp Phe Lys Gly Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Gly Tyr Lys Cys Asn Arg Arg Asp Lys Trp Cys Lys Tyr Lys
20 25 30

Leu

<210> 469
<211> 33
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 469
Asp Cys Leu Gly Trp Phe Lys Gly Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Asn Tyr Lys Cys Asn Arg Arg Glu Gln Trp Cys Lys Tyr Lys
20 25 30

Leu

<210> 470
<211> 35
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<400> 470
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Lys
35

<210> 471
<211> 35
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<400> 471
Asp Cys Leu Gly Trp Phe Lys Gly Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Gly Tyr Lys Cys Asn Arg Arg Asp Lys Trp Cys Lys Tyr Lys
20 25 30

Leu Trp Lys
35

<210> 472
<211> 34

<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<400> 472
Asp Cys Leu Gly Trp Phe Lys Gly Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Gly Tyr Lys Cys Asn Arg Arg Asp Lys Trp Cys Lys Tyr Lys
20 25 30

Leu Trp

<210> 473
<211> 35
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<400> 473
Asp Cys Leu Gly Trp Phe Lys Gly Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Asn Tyr Lys Cys Asn Arg Arg Asp Lys Trp Cys Lys Tyr Lys
20 25 30

Leu Trp Lys
35

<210> 474
<211> 34
<212> PRT
<213> Grammostola porteri

<400> 474
Asp Cys Leu Gly Trp Phe Lys Gly Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Glu Asn Tyr Lys Cys Asn Arg Arg Asp Lys Trp Cys Lys Tyr Lys
20 25 30

Leu Trp

<210> 475
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> el de terminal N es opcinalmente acetilado, biotinilado, 4-pentinoilado o PEGilado

<220>
<221> MOD_RES

<222> (1)..(1)
<223> Cualquier aminoácido o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Cualquier aminoácido o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Cys, SeCys o cualquier aminoácido alquilo

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> Cualquier aminoácido ácido, hidrofóbico, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Gly, Ala o cualquier aminoácido básico o hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Gly, Ala, 2-Abu, Nle, Nva o cualquier aminoácido hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> Gly, Ala o cualquier aminoácido aromático o hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> Cualquier aminoácido básico, ácido o neutral hidrofílico o Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> Cualquier aminoácido básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> Cys o SeCys

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> Pro o cualquier aminoácido básico, neutral o hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)

<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (16)..(16)
<223> Cualquier aminoácido básico, neutral hidrofilico o ácido o Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Cys o SeCys

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> Cys, SeCys o cualquier aminoácido alquilo

<220>
<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> Pro, Gly o cualquier aminoácido básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> Cualquier aminoácido básico, hidrofóbico o neutral hidrofílico
<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> Cualquier aminoácido hidrofóbico o básico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> Cuakquier aminoácido hidrofóbico, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> Cys o SeCys

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> Ser, Ala o cualquier aminoácido hidrofílico neutral

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Ala o cualquier aminoácido ácido, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> Cualquier aminoácido ácido, básico, neutral hidrofílico o hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Cualquier aminoácido aromático o básico

<220>

<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Cualquier aminoácido ácido, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (30)..(30)
<223> Trp, 5-bromoTrp, 6-bromoTrp, 1-Nal, 2-Nal, 5-cloroTrp,
6-cloroTrp or tioTrp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> Cys o SeCys

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Cualquier aminoácido hidrofóbico o aromático

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> Cualquier aminoácido hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (36)..(36)
<223> Cualquier aminoácido neutral, básico o hidrofóbico o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> Cualquier aminoácido neutral, básico o hidrofóbico o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (38)..(38)
<223> Cualquier aminoácido neutral, básico o hidrofóbico o ausente

<220>
<223> de terminal C opcionalmente amidado

<220>
<223> ver la especificación según se presenta para la descripción detallada
De sustitucines y modalidades preferidas

<400> 475
Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Asp Xaa
1 5 10 15

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Lys
20 25 30

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
35

<210> 476
<211> 38

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> el de terminal N es opcionalmente acetilado, biotinilado, 4-pentinoilado o PEGilado
<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Cualquier aminoácido o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Cualquier aminoácido o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> Cualquier aminoácido ácido, hidrofóbico, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Gly, Ala o cualquier aminoácido hidrofóbico o básico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> Gly, Ala o cualquier aminoácido aromático o hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> Cualquier aminoácido básico, ácido, o neutral hidrofóbico o Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> Cualquier aminoácido básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> Pro o cualquier aminoácido ácido, neutral o hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (16)..(16)
<223> Cualquier aminoácido básico, neutral hidrofílico o ácido o Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> Pro, Gly o cualquier aminoácido básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> Cualquier aminoácido básico, hidrofóbico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> Cualquier aminoácido básico o hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (23)..(23)
<223> Cualquier aminoácido hidrofóbico, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> Ser, Ala o cualquier aminoácido neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Ala o cualquier aminoácido ácido, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> Cualquier aminoácido ácido, básico, neutral hidrofílico o hidrofóbico
amino

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Cualquier aminoácido aromático o básico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Cualquier aminoácido ácido, básico o neutral hidrofílico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (30)..(30)
<223> Trp, 5-bromoTrp, 6-bromoTrp, 1-Nal, 2-Nal, 5-cloroTrp,
6-cloroTrp or tioTrp

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Cualquier aminoácido hidrofóbico o aromático

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> Cualquier aminoácido hidrofóbico

<220>
<221> MOD_RES
<222> (36)..(36)
<223> Cualquier aminoácido neutral, básico o hidrofóbico o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (37)..(37)
<223> Cualquier aminoácido neutral, básico o hidrofóbico o ausente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (38)..(38)
<223> Cualquier aminoácido neutral, básico o hidrofóbico o ausente

<220>
<223> de terminal C opcionalmente amidado

<220>
<223> ver especificación según se presenta para la descripción detallada de Sustituciones y modalidades preferidas

<400> 476
Xaa Xaa Cys Xaa Xaa Ala Xaa Xaa Xaa Cys Xaa Xaa Xaa Xaa Asp Xaa
1 5 10 15

Cys Cys Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Cys Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Cys Lys
20 25 30

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
35

<210> 477
<211> 20
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 477
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
1 5 10 15

Gly Gly Gly Ser
20

<210> 478
<211> 246
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<400> 478

```
Met Glu Trp Ser Trp Val Phe Leu Phe Phe Leu Ser Val Thr Thr Gly
1               5                   10                  15

Val His Ser Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu
            20                  25                  30

Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp
        35                  40                  45

Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp
    50                  55                  60

Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly
65                  70                  75                  80

Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn
                85                  90                  95

Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp
            100                 105                 110

Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro
        115                 120                 125

Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu
    130                 135                 140

Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn
145                 150                 155                 160

Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile
                165                 170                 175

Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr
            180                 185                 190

Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys
        195                 200                 205

Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys
    210                 215                 220

Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu
225                 230                 235                 240
```

Ser Leu Ser Pro Gly Lys
245

<210> 479
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cualquier aminoácido
<400> 479
Xaa Xaa Asn Xaa Xaa Gly
1 5

<210> 480
<211> 4
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 480
Gly Gly Gly Gly
1

<210> 481
<211> 5
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 481
Gly Gly Gly Gly Gly
1 5

<210> 482

<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 482
Gly Gly Gly Gly Gly Gly Gly
1 5

<210> 483
<211> 15
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 483
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

<210> 484
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 484
Gly Gly Gly Gly Gly Lys
1 5

<210> 485
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 485
Gly Gly Gly Gly Gly Lys Arg
1 5

<210> 486
<211> 8
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 486
Gly Gly Gly Lys Gly Gly Gly Gly
1 5

<210> 487
<211> 8
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 487

Gly Gly Gly Asn Gly Ser Gly Gly
1 5

<210> 488
<211> 8
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 488
Gly Gly Gly Cys Gly Gly Gly Gly
1 5

<210> 489
<211> 5
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 489
Gly Pro Asn Gly Gly
1 5

<210> 490
<211> 8
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 490
Gly Gly Gly Lys Gly Gly Gly Gly
1 5

<210> 491
<211> 5
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido

sintético

<400> 491
Gly Gly Gly Gly Ser
1 5

<210> 492
<211> 10
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 492
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10

<210> 493
<211> 25
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 493
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
1 5 10 15

Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
20 25

<210> 494
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 494
Gly Gly Glu Gly Gly Gly
1 5

<210> 495
<211> 8
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 495
Gly Gly Glu Glu Glu Gly Gly Gly
1 5

<210> 496
<211> 5
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 496
Gly Glu Glu Glu Gly
1 5

<210> 497
<211> 4
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 497
Gly Glu Glu Glu
1

<210> 498
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 498
Gly Gly Asp Gly Gly Gly
1 5

<210> 499
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 499
Gly Gly Asp Asp Asp Gly Gly
1 5

<210> 500
<211> 5
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 500
Gly Asp Asp Asp Gly
1 5

<210> 501
<211> 4
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 501
Gly Asp Asp Asp
1

<210> 502
<211> 21
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 502
Gly Gly Gly Gly Ser Asp Asp Ser Asp Glu Gly Ser Asp Gly Glu Asp
1 5 10 15

Gly Gly Gly Gly Ser
20

<210> 503
<211> 5
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 503
Trp Glu Trp Glu Trp
1 5

<210> 504
<211> 5
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 504
Phe Glu Phe Glu Phe
1 5

<210> 505
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 505
Glu Glu Glu Trp Trp Trp
1 5

<210> 506
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 506
Glu Glu Glu Phe Phe Phe
1 5

<210> 507
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 507
Trp Trp Glu Glu Glu Trp Trp
1 5

<210> 508
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 508
Phe Phe Glu Glu Glu Phe Phe
1 5

<210> 509
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Cualquier aminoácido

<220>

<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cualquier aminoácido

<400> 509

Xaa Xaa Tyr Xaa Xaa Gly
1 5

<210> 510
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cualquier aminoácido

<400> 510
Xaa Xaa Ser Xaa Xaa Gly
1 5

<210> 511
<211> 6
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (1)..(1)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> Cualquier aminoácido

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cualquier aminoácido

<400> 511
Xaa Xaa Thr Xaa Xaa Gly
1 5

<210> 512
<211> 22
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 512
Gly Ser Gly Ser Ala Thr Gly Gly Ser Gly Ser Thr Ala Ser Ser Gly
1 5 10 15

Ser Gly Ser Ala Thr His
20

<210> 513
<211> 22
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 513
His Gly Ser Gly Ser Ala Thr Gly Gly Ser Gly Ser Thr Ala Ser Ser
1 5 10 15

Gly Ser Gly Ser Ala Thr
20

<210> 514
<211> 19
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 514
Ala Glu Ala Ala Ala Lys Glu Ala Ala Ala Lys Glu Ala Ala Ala Lys
1 5 10 15

Ala Gly Gly

<210> 515
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 515
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 516
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 516
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 517
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 517
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 518
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 518
Xaa Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 519
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 519
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Xaa Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 520
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 520
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 521
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 521
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Phe

<210> 522
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 522
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Xaa Xaa

<210> 523
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 523
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 524
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 524
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Xaa Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 525
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 525
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 526
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 526
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Xaa Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 527
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 527
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Xaa Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 528
<211> 35
<212> PRT
<213> Ornithoctonus huwena

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 528
Glu Cys Leu Glu Ile Phe Lys Ala Cys Asn Pro Ser Asn Asp Gln Cys
1 5 10 15

Cys Lys Ser Ser Lys Leu Val Cys Ser Arg Lys Thr Arg Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Gln Ile
35

<210> 529
<211> 33
<212> PRT
<213> Ornithoctonus huwena

<400> 529
Ala Cys Lys Gly Val Phe Asp Ala Cys Thr Pro Gly Lys Asn Glu Cys
1 5 10 15

Cys Pro Asn Arg Val Cys Ser Asp Lys His Lys Trp Cys Lys Trp Lys
20 25 30
Leu

<210> 530
<211> 16
<212> PRT
<213> Conus kinoshitai

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 530
Cys Cys Asn Cys Ser Ser Lys Trp Cys Arg Asp His Ser Arg Cys Cys
1 5 10 15

<210> 531
<211> 30
<212> PRT
<213> Thrixopelma pruriens

<400> 531
Tyr Cys Gln Lys Trp Met Trp Thr Cys Asp Ser Glu Arg Lys Cys Cys
1 5 10 15

Glu Gly Met Val Cys Arg Leu Trp Cys Lys Lys Lys Leu Trp
20 25 30

<210> 532
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 532
Xaa Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30
Tyr Val Phe
35

<210> 533
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 533
Xaa Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 534
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 534
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 535
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 535
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 536
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 536
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 537
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (11)..(11)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 537
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Xaa Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 538
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 538
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Xaa Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 539
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 539
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Xaa Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 540
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>

<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 540
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Xaa Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 541
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 541
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Xaa Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 542
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 542
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 543
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 543
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Xaa His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 544
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 544
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 545
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 545
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 546
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 546
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 547
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 547
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 548
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 548
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 549

<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 549
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Xaa
35

<210> 550
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 550
Xaa Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Xaa
35

<210> 551
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 551
Xaa Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 552
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 552
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 553
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 553
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 554
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 554
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 555
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 555
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Xaa Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 556
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 556
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Xaa His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Xaa

<210> 557
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 557
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 558
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 558
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 559
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 559
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Xaa

<210> 560
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 560
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa Xaa
35

<210> 561
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 561
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 562
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 562
Xaa Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 563
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 563
Asp Cys Xaa Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 564
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 564
Asp Cys Leu Xaa Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 565
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 565
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 566
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 566
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Xaa Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 567
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (8)..(8)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 567
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Xaa Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 568
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 568

Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 569
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (18)..(18)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 569
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Xaa Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 570
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (19)..(19)
<223> Atz(amino-PEG10)
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 570
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Xaa Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 571
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 571
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Xaa Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 572
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 572
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Xaa Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 573
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (24)..(24)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 573
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Xaa Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 574
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 574
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 575
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (27)..(27)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 575
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Xaa Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 576
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 576
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 577
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 577
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 578

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 578
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 579
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 579
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Xaa
35

<210> 580
<211> 36
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (36)..(36)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 580
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Trp Xaa
35

<210> 581
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 581

Xaa Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 582
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 582
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 583
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Atz(amino-PEG10)
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 583
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 584
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (29)..(29)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 584

Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Xaa Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 585
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 585
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 586
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (33)..(33)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 586
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Xaa Phe

<210> 587
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (34)..(34)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 587
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Xaa

<210> 588
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (35)..(35)
<223> Atz(amino-PEG10)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 588
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Xaa
35

<210> 589
<211> 65
<212> PRT
<213> Odontobuthus doriae

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 589
Gly Val Arg Asp Ala Tyr Ile Ala Asp Asp Lys Asn Cys Val Tyr Thr
1 5 10 15

Cys Ala Ser Asn Gly Tyr Cys Asn Thr Glu Cys Thr Lys Asn Gly Ala
20 25 30

Glu Ser Gly Tyr Cys Gln Trp Ile Gly Arg Tyr Gly Asn Ala Cys Trp
35 40 45

Cys Ile Lys Leu Pro Asp Glu Val Pro Ile Arg Ile Pro Gly Lys Cys
50 55 60

Arg
65

<210> 590
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(20kDaPEG)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 590
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 591
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 591
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 592

<400> 592
000

<210> 593
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Atz(20kDaPEG)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 593
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 594
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (22)..(22)
<223> Atz(20kDaPEG)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 594
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Xaa Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 595
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 595
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Glu Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 596
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 3Pal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 596
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 597
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 597
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Tyr Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 598
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 598
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gly Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 599
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 599
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His His Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 600
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 600
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 601
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 601

Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asn Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 602
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> aminoácido D

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 602
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 603
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> bAla

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 603
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 604
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Aib

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 604
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 605
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 605
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 606
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 606
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 607
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 607
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 608
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> OctylGly

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 608
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 609
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Tle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 609
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 610
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> hLeu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 610
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 611
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 611
Asp Cys Leu Gly Met Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 612
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 612
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 613
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 3Pal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 613
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 614
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Thi

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 614
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 615
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cpg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 615
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 616
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Chg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 616
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 617
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 617
Asp Cys Leu Gly Ser Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 618
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 618
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 619
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-Bz-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 619
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 620
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> DiMeO-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 620
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 621
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> DiCl-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 621
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 622
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> pI-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 622
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 623
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4CF3-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 623
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 624
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-F-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 624
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 625
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-Me-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 625
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 626
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4tBu-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 626
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 627
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMeVal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 627
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 628
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMeLeu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 628
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 629
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 629
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 630
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Cl-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 630
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 631
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> hPhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 631
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 632
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Sar

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 632
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 633
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-amino acid

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 633
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 634
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> bAla

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 634
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 635
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Aib

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 635
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 636
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 636
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 637
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 637
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 638
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 638
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 639
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> OctylGly

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 639
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 640
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 640
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 641
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 641
Asp Cys Leu Gly Met Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 642
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 3Pal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 642
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 643
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 643
Asp Cys Leu Gly Ser Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 644
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 644
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 645
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> DiMeO-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 645
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 646
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Sar

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 646
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 647
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> D-amino acid

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 647
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 648
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> bAla

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 648
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 649
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 649
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 650
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 650

Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 651
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 651
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 652
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> DiMeO-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 652
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 653
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> DiCl-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 653
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 654
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4CF3-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 654
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 655
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-F-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 655
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 656
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMeVal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 656
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 657
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 657
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 658
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Sar

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 658
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 659
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Tle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 659
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 660
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> hLeu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 660
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 661
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 661
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 662
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Thi

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 662
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 663
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cpg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 663
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 664
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Chg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 664
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 665
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-Bz-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 665
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 666
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> DiCl-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 666
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 667
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> pI-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 667
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 668
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4CF3-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 668
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 669
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-F-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 669
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 670
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> 4-Me-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 670
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 671
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4tBu-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 671
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 672
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMeVal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 672
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 673
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMeLeu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 673
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 674
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMePhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 674
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 675
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Cl-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 675
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 676
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> hPhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 676
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 677
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> OctylGly

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 677
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 678
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Tle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 678
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 679
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> hLeu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 679
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 680
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cha

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 680
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 681
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cha

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 681
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 682
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Thi

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 682
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 683
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Cpg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 683
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 684
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Chg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 684
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 685
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-Bz-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 685
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 686
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4-Me-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 686
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 687
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 4tBu-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 687
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 688
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> NMeLeu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 688
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 689
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Cl-Phe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 689
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 690

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> hPhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 690
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 691
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 691
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 692
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (32)..(32)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 692
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 693
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 693
Asp Cys Leu Gly Met Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 694
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 694
Asp Cys Leu Arg Met Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 695
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (32)..(32)
<223> 1'NMeTrp

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 695
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Ser Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Xaa
20 25 30

Val Phe

<210> 696
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 696
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 697
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 697
Asp Cys Leu Gly Ala Gly Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 698
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 698
Asp Cys Leu Gly Ala Tyr Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 699
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 1'NMeTrp

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 699
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 700
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 700
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 701
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 701
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 702
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 702

Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 703
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 703
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 704
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 704

Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 705
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 705
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 706
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 706
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 707
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 707
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 708
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 708
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 709
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 709
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 710
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 710
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 711
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 711
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 712
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 712
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 713
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> Cit

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 713
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 714
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 714
Asp Cys Leu Gly Thr Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 715
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 715
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gly Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 716
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 716
Asp Xaa Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Xaa Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 717
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 717
Asp Xaa Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Xaa Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 718
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 718
Asp Xaa Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Xaa Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 719
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 719
Asp Xaa Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Xaa Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 720
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 720
Asp Xaa Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Xaa Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 721
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 721
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 722
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 722
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 723
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 723
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 724
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 724
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 725
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 725
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 726
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 726
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 727
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 727
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 728
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 728
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 729

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 729
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 730
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 730
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Ala Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 731
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 731
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Ala Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 732
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 732
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Ala Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 733
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 733
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Glu Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 734
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 734
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Glu Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 735
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 735

Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Glu Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 736
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (15)..(15)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 736
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Xaa Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 737
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 737
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His His Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 738
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 738
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Ser Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 739
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 739
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 740
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> 3Pal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 740
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 741
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> 4-aminoPhe

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 741
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 742
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Lys(Ac)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 742
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 743
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> SDMArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 743
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 744
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> hArg

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 744
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 745
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Arg(Me)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 745
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 746
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Orn

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 746
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 747
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Dap

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 747
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 748
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Cit

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 748
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 749
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> HCit

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 749
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 750
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 750
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 751
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 751
Asp Cys Leu Gly Gly Val Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 752
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 752
Asp Cys Leu Gly Gly Ile Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 753
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 753
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 754
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 754

Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 755
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 755
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 756
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> N-term 4-Pen

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 756
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 757
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> de terminal N 4-Pen

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 757
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 758
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> de terminal N 4-Pen

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 758
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 759
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> de terminal N 4-Pen

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 759
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 760
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> de terminal N 4-Pen

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 760
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 761
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Guf

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 761

Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 762
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Dab

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 762
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 763
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 763
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 764
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 764
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Phe Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 765
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 765
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Tyr Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 766
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 766
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Leu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 767
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 767
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asn Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 768
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (25)..(25)
<223> Cit

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 768
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Xaa Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 769
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 769
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 770

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 770
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Met Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 771
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> Lys(Me)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 771
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 772
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (28)..(28)
<223> pSer

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 772
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Xaa Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 773
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 773
Asp Cys Leu Gly Thr Met Arg Lys Cys Asp Pro Glu Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 774
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 774
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Glu Phe

<210> 775
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 775
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Glu
            20   25   30

Val Phe

<210> 776
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 776
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Glu Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 777
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 777
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Ala Phe

<210> 778
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 778
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Ala
20 25 30

Val Phe

<210> 779

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 779
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Ala Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 780
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 780
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 781
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 781
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Glu Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 782
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 782
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Glu Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 783
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)

<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 783
Asp Cys Leu Glu Phe Met Arg Lys Cys Xaa Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 784
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 784
Xaa Cys Leu Gly Phe Met Arg Glu Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 785
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 785
Xaa Cys Leu Gly Phe Met Glu Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 786
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> 1-Nal

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 786
Xaa Cys Leu Gly Phe Glu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 787
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 787
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 788
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 788
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr Glu Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 789
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 789
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Glu Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 790
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 790
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Glu
35

<210> 791
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Met[O]

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 791
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 792
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Met[O]

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 792
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 793
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 793
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 794
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(Ac-Pra)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 794
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 795
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(Ac-Pra)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 795
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 796
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 796
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 797
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 797
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 798
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 798
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 799
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(Ac-Pra)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 799
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 800
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 800
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 801
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(4-Pen)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 801
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 802
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 802
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Xaa Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 803
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (12)..(12)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 803
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Xaa Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 804
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(4-Pen)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 804
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 805
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(4-Pen)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 805
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 806
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(4-Pen)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 806
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 807

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> N-term 4-Pen

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 807
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 808
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(4-Pen)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 808
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 809
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 809
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 810
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 810
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 811
<211> 36
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 811
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe
35

<210> 812
<211> 36
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 812
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe
35

<210> 813
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 813
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Trp
35

<210> 814
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 814
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Trp
35

<210> 815
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 815
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Trp
35

<210> 816
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 816

Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Trp
35

<210> 817
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 817
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Phe
35

<210> 818
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 818
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe Phe
35

<210> 819

<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 819
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 820
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 820
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 821
<211> 36
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 821
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe
35

<210> 822
<211> 36
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 822
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe
35

<210> 823
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 823
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 824
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 824
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Ala Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 825
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 825
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 826
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 826
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 827
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 827
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gly Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 828
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 828
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His His Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 829
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 829
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 830
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 830
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Leu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 831
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 831
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Met Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 832
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 832
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asn Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 833
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 833
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Pro Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 834
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 834

Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 835
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 835
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Ser Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 836
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 836
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 837

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 837
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asp Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 838
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 838
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Glu Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 839
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 839
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Phe Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 840
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 840
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Gly Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 841
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 841
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp His Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 842
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 842
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ile Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 843
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 843
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Lys Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 844
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 844
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Leu Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 845
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 845
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Met Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 846
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 846
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Pro Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 847
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 847
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Gln Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 848
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 848
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Arg Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 849
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 849
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ser Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 850
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 850
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Thr Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 851
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 851
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Val Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 852
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 852
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Trp Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 853
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 853
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 854
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 854
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 855
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 855
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 856
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 856
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Leu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 857
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 857
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Met Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 858
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 858
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 859
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 859
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Ser Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 860
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 860
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 861
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 861
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asp Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 862
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 862
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Glu Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 863
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 863
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Phe Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 864
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 864
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp His Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 865
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 865
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ile Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 866
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 866
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Lys Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 867
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 867
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Leu Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 868
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 868
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Met Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 869
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 869
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Gln Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 870
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 870
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Arg Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 871
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 871
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ser Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 872
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 872
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Val Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 873
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 873
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Tyr Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 874
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 874
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Gly
35

<210> 875
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 875
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Gly
35

<210> 876
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C
<400> 876
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Gly
35

<210> 877
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 877
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ile
35

<210> 878
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 878
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ile
35

<210> 879
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 879
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ile
35

<210> 880
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 880
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ile
35

<210> 881
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 881
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Leu
35

<210> 882
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 882
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Leu
35

<210> 883
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 883
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp

1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Leu
35

<210> 884
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 884
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Leu
35

<210> 885
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 885
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ser
35

<210> 886
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 886
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ser
35

<210> 887
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 887
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ser
35

<210> 888
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 888
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ser
35

<210> 889
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 889
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Thr
35

<210> 890
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 890
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Thr
35

<210> 891
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 891
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Thr
35

<210> 892
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 892
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Thr
35

<210> 893
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 893
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Tyr
35

<210> 894
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 894
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Tyr
35

<210> 895
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 895
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Tyr
35

<210> 896
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 896
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Tyr
35

<210> 897
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 897
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ala
35

<210> 898
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 898
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala
35

<210> 899
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 899
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Phe Ala
35

<210> 900
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 900
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Tyr Ala
35

<210> 901
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 901
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys

20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Leu Ala
35

<210> 902
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 902
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ile Ala
35

<210> 903
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 903
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala Ala
35

<210> 904
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 904
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ser Ala
35

<210> 905
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 905
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Thr Ala
35

<210> 906
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 906
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala Ala
35

<210> 907
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 907
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Gly Ala
35

<210> 908
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 908
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ala
35

<210> 909
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 909

Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala
35

<210> 910
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 910
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Phe Ala
35

<210> 911
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 911
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Tyr Ala
35

<210> 912
<211> 39

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 912
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Leu Ala
35

<210> 913
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 913
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ile Ala
35

<210> 914
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 914
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala Ala
35

<210> 915
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 915
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ser Ala
35

<210> 916
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 916
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Thr Ala
35

<210> 917
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 917
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala Ala
35

<210> 918
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 918
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Gly Ala
35

<210> 919
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 919
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ala

35

<210> 920
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 920
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala
35

<210> 921
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 921
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Ala
35

<210> 922
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 922
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Ala
35

<210> 923
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 923
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe Phe
35

<210> 924
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 924
Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 925
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 925
Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp
1 5 10 15

Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg
20 25 30

Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 926
<211> 40
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 926
Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro
1 5 10 15

Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His
20 25 30

Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 927
<211> 41
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 927

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile
1 5 10 15

Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr
20 25 30

His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 928
<211> 42
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 928
Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys
1 5 10 15
Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg
20 25 30

Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 929
<211> 43
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 929
Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys
1 5 10 15

Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser
20 25 30

Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 930
<211> 44
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 930
Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg
1 5 10 15

Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys
20 25 30

Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 931
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 931
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 932
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 932
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 933
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 933
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 934
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 934
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 935
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 935
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Gly Phe
35

<210> 936
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 936
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 937
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 937
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe

35

<210> 938
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 938
Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 939
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 939
Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp
1 5 10 15
Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg
20 25 30

Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 940
<211> 40
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 940
Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro
1 5 10 15

Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His
20 25 30

Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 941
<211> 41
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 941
Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile
1 5 10 15

Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr
20 25 30

His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 942
<211> 42
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 942
Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys
1 5 10 15

Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg
20 25 30

Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 943
<211> 43
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 943
Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys
1 5 10 15

Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser
20 25 30

Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 944
<211> 44
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 944
Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg
1 5 10 15

Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys
20 25 30

Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40

<210> 945
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 945
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 946
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 946
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Gly Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 947
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 947
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ser Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 948
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 948
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ile Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 949
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 949
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Pro Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 950
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 950
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Met Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe

35

<210> 951
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 951
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Val Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 952
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 952
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Thr Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 953
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 953
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Phe Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 954
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 954
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Tyr Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 955
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 955
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Gly Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 956

<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 956
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ser Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 957
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 957
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ile Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 958
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 958
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Leu Asp

1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 959
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 959
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Met Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 960
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 960
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Val Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 961
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 961
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Thr Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 962
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 962
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Phe Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 963
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 963
Gly Ser Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Tyr Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 964
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 964
Gly Ile Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 965
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 965
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 966
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 966
Gly Thr Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 967
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 967
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 968
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 968
Gly Gly Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 969
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 969
Gly Phe Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 970
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 970
Gly Tyr Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 971
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 971
Gly Leu Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 972
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 972
Gly Val Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 973
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 973
Gly Ile Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 974
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 974
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 975
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 975
Gly Thr Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 976
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 976
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 977
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 977
Gly Gly Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 978
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 978
Gly Phe Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 979
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 979
Gly Tyr Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
            20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
        35

<210> 980
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 980
Gly Leu Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
            20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
        35

<210> 981
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 981
Gly Val Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
            20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 982
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 982
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Gly Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 983
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 983
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ser Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 984
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 984
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ile Asp

1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 985
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 985
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Leu Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 986
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 986
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Met Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 987
<211> 37
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 987
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Val Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 988
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 988
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Thr Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 989
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 989
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Phe Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 990
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 990
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Tyr Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 991
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 991
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Gly Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 992
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 992
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ser Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 993
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 993
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ile Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 994
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 994
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Leu Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 995
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 995
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Met Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 996
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 996
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Val Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 997
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 997
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Thr Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 998
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 998
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Phe Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 999
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 999
Gly Ala Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Tyr Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1000
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1000
Gly Gly Ser Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1001
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1001
Gly Gly Trp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1002
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1002

Gly Gly Phe Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1003
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1003
Gly Gly Ile Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1004
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1004
Gly Gly Ser Ser Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1005
<211> 38
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1005
Gly Gly Ser Trp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15
Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1006
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1006
Gly Gly Ser Phe Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1007
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1007
Gly Gly Ser Ile Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1008
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1008
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Ile Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1009
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1009
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Phe Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1010
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1010
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Trp Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1011
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1011
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Ile Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1012
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1012
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Phe Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe

35 40 45

<210> 1013
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1013
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Trp Cys Leu Gly Ala Leu
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1014
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1014
Gly Gly Ser Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1015
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1015
Gly Gly Trp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1016
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1016
Gly Gly Phe Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15
Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1017
<211> 37
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1017
Gly Gly Ile Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp
1 5 10 15

Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys
20 25 30

Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1018
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1018
Gly Gly Ser Ser Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1019
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1019
Gly Gly Ser Trp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1020
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1020
Gly Gly Ser Phe Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp

20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1021
<211> 38
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1021
Gly Gly Ser Ile Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn
1 5 10 15

Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp
20 25 30

Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35

<210> 1022
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1022
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Ile Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1023
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1023
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Phe Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1024
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1024
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Trp Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Ala Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1025
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1025
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Ile Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1026
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1026
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Phe Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15

Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1027
<211> 45
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> Ácido libre de de terminal C

<400> 1027
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Trp Cys Leu Gly Ala Phe
1 5 10 15
Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val
20 25 30

Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr Val Phe Phe
35 40 45

<210> 1028
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1028
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1029
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> N-term Biotin

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Ahx

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1029
Xaa Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 1030
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Lys(Biotin)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1030
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1031
<211> 35
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> N-term Biotin

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> Ahx

<220>
<221> MOD_RES
<222> (14)..(14)
<223> Atz

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1031
Xaa Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys
1 5 10 15

Cys Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys
20 25 30

Tyr Val Phe
35

<210> 1032
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> N-term DOTA

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1032

Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Asn Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1033
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(DOTA)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1033
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1034
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1034
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1035
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1035
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1036
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1036
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1037
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1037
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1038
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG3-((2-hidroxietil)tio)acetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1038

Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1039
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1039
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1040
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG3-((2-hidroxietil)tio)acetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1040
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1041
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> N-term ((2-Hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-triazol

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1041
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1042
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(ethyl-triazol-PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1042
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1043
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG3-((2-hidroxietil)tio)acetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1043
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1044
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG11-((2-hidroxietil)tio)acetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1044
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1045
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> N-term ((2-Hidroxietil)tio)acetamida-NPEG11-triazol

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1045
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1046
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1046
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1047
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1047
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1048
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1048
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1049
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1049
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1050
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: péptido sintético

<400> 1050
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg
1 5

<210> 1051

<400> 1051
000

<210> 1052

<400> 1052
000

<210> 1053

<400> 1053
000

<210> 1054

<400> 1054
000

<210> 1055

<400> 1055
000

<210> 1056

<400> 1056
000

<210> 1057

<400> 1057
000

<210> 1058

<400> 1058
000

<210> 1059

<400> 1059
000

<210> 1060

<400> 1060
000

<210> 1061

<400> 1061
000

<210> 1062
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG11-bromoacetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1062
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1063
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG3-bromoacetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1063
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1064
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG11-bromoacetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1064
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1065
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG3-bromoacetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1065
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1066
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> bromoacetamida de terminal N-PEG11-triazol

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1066
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1067
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> K(etil-triazol-PEG11-bromoacetamida)
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1067
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1068
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG3-bromoacetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1068
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1069
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Atz(PEG11-bromoacetamida)

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1069
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1070
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<223> bromoacetamida de terminal N-PEG11-triazol

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1070
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Arg Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1071
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1071
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1072
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1072
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1073
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1073
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1074
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1074
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1075
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1075
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1076
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1076
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1077
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1077
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1078
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1078
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1079
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1079
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1080
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1080
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1081
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1081
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1082
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1082
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1083
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1083
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1084
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1084
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1085
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1085

Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1086
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1086
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1087
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1087
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1088
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1088
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1089
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1089
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1090
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1090
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1091
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1091
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1092
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1092
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1093
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1093
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1094
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1094
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1095
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1095
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1096
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1096
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1097
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1097
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1098
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1098
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1099
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1099
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1100
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1100
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1101
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1101
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1102
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1102
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1103
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1103
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1104
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1104
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1105
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1105
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1106
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1106
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1107
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1107
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1108
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1108
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1109
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1109
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1110
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1110
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1111
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1111
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1112
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1112
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1113

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1113
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1114
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1114
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1115
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1115
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1116
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1116
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1117
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1117
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1118
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1118
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1119
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1119
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1120
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1120
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1121
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1121
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1122
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1122
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1123
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1123
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1124
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1124
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1125
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1125
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1126
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1126
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1127
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1127
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1128
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1128
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1129
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1129

Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1130
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1130
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1131
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1131
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1132
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1132
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1133
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1133
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1134
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1134
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1135
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1135
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1136
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1136
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1137
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1137
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1138
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1138
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1139
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1139
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1140

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1140

Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1141
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1141
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1142
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1142
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1143
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1143
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1144
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1144
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1145
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1145
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1146
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1146
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1147
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1147
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1148
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1148
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1149
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1149
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1150
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1150
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1151
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1151
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1152
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1152
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1153
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1153
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1154
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1154
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1155
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1155
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1156
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1156
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1157
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1157
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1158
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1158
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1159
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1159
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1160
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1160

Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1161
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1161
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1162
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1162
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1163
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1163
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1164
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1164
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1165

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1165
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1166
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1166
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1167
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1167
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1168
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1168
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1169
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1169
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1170
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1170
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1171
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1171
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1172
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1172
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1173
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1173
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1174
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1174
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1175
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1175
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1176
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1176
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1177
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1177
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1178
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1178
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1179
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1179
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1180
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1180
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1181
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1181
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1182
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1182
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1183
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1183
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1184
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1184
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1185
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1185
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1186
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1186
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1187
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1187
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1188
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1188
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1189
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1189
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1190
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1190
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1191
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1191
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1192
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1192
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1193
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1193
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1194
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1194
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1195
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1195
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1196
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1196
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1197
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1197
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1198
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1198
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1199
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1199
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1200
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1200
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1201
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1201
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1202
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1202
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1203
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1203
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1204
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1204
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1205
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1205
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1206
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1206
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1207
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1207
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1208
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1208
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1209

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1209
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1210
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1210
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1211
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1211
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1212
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1212
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1213
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1213
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1214
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1214
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1215
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1215
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1216
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1216
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1217
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1217
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1218
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1218
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1219
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1219
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1220
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1220
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1221
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1221
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1222
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1222
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1223
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1223
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1224
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1224
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1225
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1225
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1226
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1226
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1227
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1227
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1228
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1228
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1229
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1229
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1230
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1230
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1231
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1231
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1232
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1232
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1233
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1233
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1234
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1234
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1235
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1235
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1236
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1236
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1237
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1237
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1238
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1238
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1239
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1239
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1240
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1240
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1241
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1241
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1242
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial
<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1242
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1243
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1243
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1244
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1244
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1245
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1245
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1246
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1246
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1247
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1247
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1248
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1248
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1249
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1249
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1250
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1250
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1251
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1251
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1252
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1252
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1253
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1253
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1254
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1254
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1255
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1255
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1256
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1256
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1257
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1257
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1258
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1258
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1259
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1259

Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1260
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1260
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1261
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1261

Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1262
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1262
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1263
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1263
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1264
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1264
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1265
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1265
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1266
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1266
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1267
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1267
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1268
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1268
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1269
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1269
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1270
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1270
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1271
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1271
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1272
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1272
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1273
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1273
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1274
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1274
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1275
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1275
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1276
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1276
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1277
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1277
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1278
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1278
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1279
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1279
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1280
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1280
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1281
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1281
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1282
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1282
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1283
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1283
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1284
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1284
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1285
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1285
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1286
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1286
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1287
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1287
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1288
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1288
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1289
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1289
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1290
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1290
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1291
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1291
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1292
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1292
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1293
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1293
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1294
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1294
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1295
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1295
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1296
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1296
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1297
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1297
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1298
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1298
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1299
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1299
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1300
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1300
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1301
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1301
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1302
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1302
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1303
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1303
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1304
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1304
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1305
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1305
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1306
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1306
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1307
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1307
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1308
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1308
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1309
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1309
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1310
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1310
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1311
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1311
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1312
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1312
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1313
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1313
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1314
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1314
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1315
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1315
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1316
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1316
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1317
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1317
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1318
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1318
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1319
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1319
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1320
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1320
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1321
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1321
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1322
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1322
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1323
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1323
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1324
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1324
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1325
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1325
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1326
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1326
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1327
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1327
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1328
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1328
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1329
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1329
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1330
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1330
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1331
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1331
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1332
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1332
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1333
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1333
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1334
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1334
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1335
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1335
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1336
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1336
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1337
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1337
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1338
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1338
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1339
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1339
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1340
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1340
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1341
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1341
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1342
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1342
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1343
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1343
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1344
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1344
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1345
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1345
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1346
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1346
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1347
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1347
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1348
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1348
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1349
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1349
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1350
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1350
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1351
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1351
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1352
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1352
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1353

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1353
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1354
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1354
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1355
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1355
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1356
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1356
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1357
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1357
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1358
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1358
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1359
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1359
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1360
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1360
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1361
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1361
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1362
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1362
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1363
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1363
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1364
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1364
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1365
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1365
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1366
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1366
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1367
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1367
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1368
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1368
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1369
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1369
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1370
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1370
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1371
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1371
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1372
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1372
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1373
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1373
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1374
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1374

Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1375
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1375
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1376
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1376
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1377
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1377
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1378
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1378
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1379
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1379
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1380
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1380
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1381
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1381
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1382
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1382
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1383
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1383
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1384
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1384
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1385
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1385
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1386
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1386
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1387
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1387
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1388
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1388
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1389
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1389
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1390
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1390
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1391
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1391
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1392
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1392
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1393
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1393
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1394
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1394
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1395
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1395
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1396
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1396
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1397
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1397
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1398
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1398
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1399
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1399
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1400
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1400
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1401
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1401
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1402
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1402
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1403
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1403
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1404
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1404
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1405
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1405
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1406
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1406
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1407
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1407
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1408
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1408
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1409
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1409
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1410
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1410
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1411
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1411
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1412
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1412
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1413
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1413
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1414
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1414
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1415
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1415

Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1416
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1416
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1417
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1417

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1418
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1418
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1419
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1419
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1420
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1420
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1421
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1421

Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1422
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1422
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1423
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1423

Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1424
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1424
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1425
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1425
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1426
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1426
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1427
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1427
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1428
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1428
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1429
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1429
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1430
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1430
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1431
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1431
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1432
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1432
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1433
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1433
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1434
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1434
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1435
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1435
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1436
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1436
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1437
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1437
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1438
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1438
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1439
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1439
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1440
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1440
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1441
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1441
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1442
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1442
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1443

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1443
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1444
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1444
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1445

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1445
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1446
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1446
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1447
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1447
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1448
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1448
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1449
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1449
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1450
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1450

Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1451
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1451
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1452
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1452
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1453
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1453
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1454
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1454
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1455
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1455
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1456
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1456
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1457
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1457
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1458
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1458
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1459
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1459
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1460
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1460
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1461
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1461
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1462
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1462
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1463
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1463
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1464
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1464
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1465
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1465
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1466
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1466
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1467
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1467
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1468
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1468
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1469
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1469
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1470
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1470

Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1471
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1471
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1472
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1472
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1473
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1473
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1474
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1474
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1475
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1475
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1476
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1476
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1477
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1477
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1478
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1478
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1479
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1479
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1480
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1480
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1481
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1481
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1482
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1482
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1483
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1483
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1484
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1484
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1485
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1485
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1486
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1486
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1487
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1487
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1488
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1488
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1489
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1489
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1490
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1490
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1491
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1491
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1492
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1492
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1493
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1493
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1494
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1494
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1495
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1495
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1496
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1496
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1497
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1497
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1498
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1498
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1499
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1499
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1500
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1500
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1501
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1501
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1502
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1502
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1503
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1503
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1504
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1504
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1505
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1505
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1506
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1506
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1507
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1507
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1508
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1508
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1509
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1509
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1510
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1510
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1511
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1511
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1512
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1512
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1513
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1513
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1514
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1514
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1515
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1515
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1516
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1516
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1517
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1517
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1518
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1518
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1519
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1519
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1520
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1520
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1521
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1521
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1522
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1522
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1523
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1523
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1524
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1524
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1525
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1525
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1526
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1526
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1527
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1527
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1528
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1528
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1529
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1529
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1530
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1530
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1531
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1531
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1532
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1532
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1533
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1533
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1534
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1534
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1535
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1535
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1536
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1536
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1537
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1537
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1538
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1538
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1539
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1539
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1540
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1540
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1541
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1541
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1542
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1542
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1543
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1543
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1544
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1544
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1545
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1545
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1546
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1546

Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1547
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1547
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1548
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1548
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1549
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1549
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1550
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1550
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1551
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1551
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1552
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1552
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1553
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1553
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1554
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1554
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1555
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1555
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1556
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1556
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1557
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1557
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1558
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1558
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1559
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1559
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1560
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1560
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1561
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1561
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1562
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1562
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1563
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1563
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1564
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1564
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1565
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1565
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1566
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1566
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1567
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1567
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1568
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1568
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1569
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1569
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1570
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1570
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1571
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1571
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1572
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1572
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1573
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1573
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1574
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1574
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1575
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1575
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1576
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1576
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1577
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1577
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1578
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1578
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1579
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1579
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1580
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1580
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1581
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1581
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1582
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1582
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1583
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1583
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1584

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1584
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1585
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1585
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1586

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1586
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1587
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1587
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1588
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1588
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1589
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1589
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1590
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1590
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1591
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1591
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1592
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1592
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1593
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1593
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1594
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1594
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1595
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1595
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1596
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1596
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1597
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1597
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1598
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1598
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1599
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1599
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1600
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1600
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1601
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1601
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1602
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1602
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1603
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1603
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1604
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1604
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1605
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1605
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1606
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1606
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1607
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1607
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1608
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1608
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1609
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1609
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1610
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1610
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1611
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1611
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1612
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1612
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1613
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1613
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1614
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1614
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1615
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1615
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1616
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1616
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1617
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1617
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1618
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1618
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1619
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1619
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1620
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1620
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1621
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1621
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1622
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1622
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1623
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1623
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1624
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1624
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1625
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1625
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1626
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1626
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1627
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1627
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1628
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1628
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1629
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1629
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1630
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1630
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1631
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1631
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1632
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1632
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1633
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1633
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1634
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1634
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1635

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1635
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1636
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1636
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1637

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1637
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1638
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1638
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1639
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1639
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1640
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1640
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1641

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1641
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1642
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1642

Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1643
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1643
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1644
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1644
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1645
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1645
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1646
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1646
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Glu Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1647
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1647
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1648
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1648
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1649
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1649
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1650
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1650
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1651
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1651
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1652
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1652
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1653
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1653
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1654
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1654
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1655
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1655
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1656
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1656
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1657
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1657
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1658
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1658
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1659
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1659
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1660
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1660
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1661
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1661
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1662
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1662
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1663
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1663
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1664
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1664
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1665
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1665
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1666
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1666
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1667
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1667
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1668
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1668
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1669
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1669
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1670
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1670
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1671
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1671
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1672
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1672
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1673
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1673
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1674
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1674
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1675
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1675
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1676
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1676
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1677
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1677
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1678
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1678
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1679
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1679
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1680
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1680
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1681
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1681
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1682
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1682
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1683
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1683
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1684

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1684
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1685
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1685
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1686
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1686
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1687
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1687
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1688
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1688
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1689
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1689
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1690

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1690
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1691
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1691
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1692
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1692
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1693
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1693
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1694
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1694
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1695
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1695
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1696
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1696
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1697
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1697
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1698
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1698

Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1699
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1699
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1700
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1700
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1701
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1701
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1702
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1702
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1703
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1703
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1704
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1704
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1705
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1705
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1706
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1706
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1707
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1707
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1708
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1708
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1709
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1709
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1710
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1710
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1711
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1711
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1712
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1712
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1713

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1713
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1714
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1714
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1715
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1715
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1716
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1716
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1717

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1717
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1718
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1718
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1719
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1719
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1720
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1720
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1721
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1721
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1722
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1722
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1723
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1723
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1724
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1724
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1725
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1725
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1726
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1726
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1727
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1727
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1728
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1728
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1729
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1729
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1730
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1730
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1731
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1731
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1732
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1732
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1733
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1733
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1734
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1734
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1735
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1735
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1736
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1736
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1737
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1737
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1738
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1738
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1739
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1739
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1740
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1740
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1741
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1741
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1742
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1742
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1743
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1743

Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1744
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1744
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1745
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1745
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1746
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1746
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1747
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1747
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1748
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1748
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1749
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1749
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1750
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1750
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1751
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1751
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1752
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1752
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1753
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1753
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1754
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1754
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1755
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1755
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1756
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1756
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1757
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1757
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1758

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1758
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1759
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1759

Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1760
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1760
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1761
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1761
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1762
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1762
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1763
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1763
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1764
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1764
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1765
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1765
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1766
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1766
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1767
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1767
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1768
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1768
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1769
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1769
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1770
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1770
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1771
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1771
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1772
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1772
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1773
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1773
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1774
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1774
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1775
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1775
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1776
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1776
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1777
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1777
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1778
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1778
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1779
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1779
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1780
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1780
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1781
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1781
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1782
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1782
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1783
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1783
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1784
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1784
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1785
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1785
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1786

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1786
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1787
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1787
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1788
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1788
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1789
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1789
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1790
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1790
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1791
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1791
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1792
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1792
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1793
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1793
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1794
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1794
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1795
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1795
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1796
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1796
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1797
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1797
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1798
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1798
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1799
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1799
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1800
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1800
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1801
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1801
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1802
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1802
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1803
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1803
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1804
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1804
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1805
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1805
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1806
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1806
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1807
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1807
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1808
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1808
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1809
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1809
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1810
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1810
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1811
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1811
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1812
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1812

Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1813
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1813
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1814
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1814
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1815
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1815
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1816
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1816
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1817
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1817
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1818
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1818
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1819
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1819
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1820
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1820
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1821
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1821
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1822
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1822
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1823
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1823
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1824
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1824
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1825
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1825
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1826
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1826
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1827
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1827
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1828
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1828
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1829
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1829
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1830
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1830
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1831
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1831
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1832
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1832
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1833
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1833
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1834
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1834
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1835
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1835
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1836
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1836
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1837
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1837
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1838
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1838
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1839
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1839
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1840
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1840
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1841
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1841
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1842
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1842
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1843
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1843
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1844
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1844
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1845
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1845
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1846
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1846
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1847
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1847
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1848
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1848
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1849
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1849
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1850
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1850
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1851
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1851
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1852
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1852
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1853
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1853
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1854
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1854
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1855
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1855
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1856
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1856
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1857
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1857
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1858
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1858

Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1859
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1859
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1860
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1860
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1861
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1861
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1862
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1862
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1863
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1863
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1864
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1864
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1865
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1865
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1866
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1866
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1867
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1867
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1868
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1868
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1869
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1869
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1870
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1870
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1871
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1871
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1872
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1872
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1873
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1873
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1874
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1874
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1875
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1875
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1876
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1876
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1877
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1877
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1878
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1878
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1879
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1879
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1880
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1880
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1881
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1881
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1882
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1882
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1883
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1883
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1884
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1884
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1885
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1885
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1886
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1886
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1887
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1887
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1888
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1888
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1889
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1889
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1890
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1890
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1891
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1891
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1892
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1892
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1893
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1893
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1894
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1894
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1895
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1895
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1896
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1896
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1897
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1897
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1898
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1898
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1899
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1899
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1900
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1900
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1901
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1901
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1902
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1902
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1903
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1903
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1904
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1904
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1905
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1905
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1906
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1906
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1907
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1907
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1908
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1908
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1909
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1909
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1910
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1910
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1911
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1911
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1912
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1912
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1913
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1913
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1914
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1914
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1915
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1915
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1916
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1916
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1917
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1917
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1918
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1918
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1919
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1919
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1920
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1920
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1921
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1921
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1922
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1922
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1923
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1923
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1924
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1924
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1925
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1925
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1926
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1926
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1927
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1927
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1928
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1928
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1929
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1929
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1930
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1930
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1931
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1931
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1932
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1932
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1933
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1933
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1934
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1934
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1935
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1935
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1936
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1936
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1937
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1937
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 1938
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1938
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1939
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1939
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1940
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1940
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1941
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1941
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1942
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1942

Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1943
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1943
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1944
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1944
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1945
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1945
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1946
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1946

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1947
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1947
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1948
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1948

Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1949
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1949
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1950
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1950
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1951
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1951
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1952
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1952
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1953
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1953
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1954
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1954
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1955
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1955
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1956

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1956
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1957
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1957
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1958
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1958
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1959
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1959
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1960
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1960
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1961
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1961
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1962
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1962
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1963
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1963
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1964
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1964
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1965
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1965
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1966
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1966
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1967
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1967
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1968
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1968
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1969
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1969
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1970
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1970
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1971
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1971
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1972
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1972
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1973
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1973
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1974
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1974
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1975
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1975
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1976
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1976
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1977
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1977
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1978
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1978
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1979
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1979
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1980
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1980
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1981
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1981
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1982
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1982
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1983
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1983
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1984
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1984
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1985
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1985
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1986
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1986
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 1987
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1987
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1988
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1988
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1989
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 1989
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1990
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1990
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1991
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1991
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1992
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1992
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1993
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1993
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1994
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1994
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1995
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1995

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1996
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1996
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1997
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1997
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 1998
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 1998
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 1999
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 1999
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2000
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2000
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2001
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2001
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2002
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2002
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2003
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2003
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2004
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2004
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2005

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2005
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2006
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2006
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2007
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2007
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2008
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2008
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2009
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2009
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2010
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2010
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2011

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2011
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2012
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2012
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2013

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2013
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2014
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2014
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2015
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2015
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2016
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2016
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2017
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2017
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2018
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2018
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2019
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2019
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2020
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2020
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2021
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2021
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2022
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2022
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2023
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2023
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2024
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2024
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2025
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2025
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2026
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2026
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2027
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2027
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2028
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2028
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2029
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2029
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2030
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2030
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2031
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2031
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2032
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2032
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2033
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2033
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2034
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2034
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2035
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2035
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2036
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2036
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2037
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2037
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2038
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2038
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2039
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2039
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2040
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2040
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2041
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2041
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2042
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2042

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2043
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2043
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2044
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2044
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2045
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2045
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2046
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2046
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2047
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2047
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2048
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2048
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2049
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2049
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2050
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2050
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2051
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2051
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2052
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2052
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2053
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2053
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2054
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2054
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2055
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2055
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2056
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2056
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2057
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2057
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2058
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2058
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2059
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2059
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2060
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2060
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2061
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2061
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2062
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2062
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2063
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2063
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2064
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2064
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2065
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2065
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2066
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2066
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2067
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2067
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2068
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2068
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2069
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2069
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2070
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2070
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2071
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2071
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2072
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2072
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2073
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2073
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2074
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2074
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2075
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2075
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2076
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2076
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2077
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2077
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2078
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2078
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2079
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2079
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2080
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2080
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2081
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2081
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2082
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2082
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2083
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2083
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2084
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2084
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2085
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2085
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2086
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2086
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2087
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2087
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2088
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2088
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2089
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2089
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2090
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2090
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2091
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2091
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2092
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2092
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2093
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2093
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2094
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2094
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2095
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2095
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2096
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2096
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2097
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2097
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2098
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2098
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2099
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2099
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2100
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2100
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2101
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2101
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2102
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2102
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2103
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2103
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2104
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2104
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2105
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2105
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2106
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2106
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2107
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2107
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2108
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2108
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2109
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2109
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2110
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2110
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2111
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2111
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2112
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2112
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2113
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2113
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2114
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2114
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2115
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2115
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2116
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2116
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2117
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2117
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2118
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2118
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2119
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2119
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2120
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2120
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2121
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2121
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2122
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2122
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2123
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2123
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2124
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2124
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2125
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2125
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2126
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2126
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2127
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2127
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2128
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2128
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2129
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2129
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2130
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2130
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2131
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2131
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2132
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2132
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2133
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2133
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2134
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2134
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2135
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2135
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2136
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2136
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2137
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2137
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2138
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2138
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2139
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2139
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2140
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2140
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2141
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2141
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2142
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2142
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2143
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2143
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2144
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2144
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2145
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2145
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2146
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2146
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2147
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2147
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2148
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2148
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2149
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2149
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2150
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2150
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2151
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2151
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2152
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2152
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2153
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2153
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2154
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2154
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2155
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2155
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2156
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2156
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2157
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2157
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2158
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2158
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2159
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2159
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2160
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2160
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2161
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2161
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2162
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2162
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2163
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2163
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2164
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2164
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2165
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2165
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2166
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2166
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2167
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2167
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2168
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2168
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2169
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2169
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2170

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2170
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2171
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2171
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2172
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2172
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2173
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2173
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2174
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2174
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2175
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2175
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2176
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2176
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2177
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2177
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2178
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2178
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2179
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2179
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2180
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2180
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2181
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2181
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2182
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2182
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2183
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2183
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2184
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2184
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2185
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2185
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2186
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2186
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2187
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2187
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2188
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2188
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2189
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2189
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2190
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2190
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2191
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2191
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2192
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2192
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2193
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2193
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2194
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2194
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2195
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2195
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2196
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2196
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2197
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2197
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2198
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2198
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2199
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2199
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2200
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2200
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2201
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2201
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2202
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2202
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2203
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2203
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2204
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2204
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2205
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2205
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2206
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2206
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2207
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2207
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2208
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2208
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2209
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2209
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2210
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2210
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2211
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2211
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2212
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2212
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2213
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2213
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2214
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2214
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2215
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2215
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2216
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2216
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2217
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2217
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2218
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2218
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2219
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2219
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2220
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2220
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2221
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2221
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2222
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2222
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Asp Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2223
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2223
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2224
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2224

Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2225
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2225
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2226
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2226
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2227
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2227
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2228
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2228
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2229

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2229
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2230
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2230
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2231
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2231
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2232
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2232
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2233
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2233
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2234
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2234
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2235
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2235
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2236
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2236
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2237
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2237
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2238
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2238
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2239
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2239
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2240
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2240
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2241
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2241
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2242
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2242
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2243
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2243
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2244
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2244
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2245
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2245
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2246
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2246
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2247
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2247
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2248
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2248
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2249
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2249
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2250
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2250
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2251
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2251
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2252
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2252
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2253
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2253
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2254
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2254
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2255
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2255
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2256
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2256
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2257
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2257
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2258
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2258
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2259
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2259
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2260
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2260
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2261
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2261
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2262
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2262
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2263
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2263
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2264
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2264
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2265
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2265
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2266
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2266

Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2267
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2267
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2268
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2268
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2269
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2269
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2270
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2270
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2271
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2271
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2272
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2272
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2273
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2273
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2274
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2274
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2275
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2275
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2276
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2276
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2277
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2277
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2278
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2278
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2279
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2279
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2280
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2280
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2281
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2281
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2282
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2282
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2283
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2283
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2284
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2284
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2285
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2285
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2286
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2286
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2287
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2287
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2288
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2288
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2289
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2289
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2290
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2290
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2291
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2291
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2292
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2292
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2293
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2293
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2294
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2294
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2295
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2295
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2296
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2296
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2297
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2297
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2298
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2298
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2299
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2299
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2300
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2300
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2301
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2301
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2302
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2302
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2303
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2303
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2304
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2304
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2305
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2305
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2306
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2306
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2307
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2307
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2308
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2308
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2309
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2309
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2310
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2310
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2311
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2311
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2312
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2312
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2313
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2313
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2314
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2314
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2315
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2315
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2316
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2316
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2317
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2317
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2318
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2318
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2319
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2319
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2320
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2320
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2321
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2321
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2322
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2322
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2323
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2323
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2324
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2324

Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2325
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2325
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2326
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2326

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2327
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2327
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2328
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2328
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2329
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2329
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2330
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2330

Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2331
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2331
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2332
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2332

Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2333
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2333
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2334
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2334
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2335
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2335
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2336
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2336
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2337
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2337
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2338
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2338
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2339
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2339
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2340
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2340
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2341
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2341
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2342
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2342
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2343
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2343
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2344
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2344
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2345
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2345
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2346
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2346
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2347
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2347
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2348
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2348
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2349
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2349
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2350
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2350
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2351
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2351
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2352

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2352
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2353
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2353
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2354

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2354
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2355
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2355
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2356
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2356
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2357
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2357
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2358
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2358
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2359
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2359
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2360
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2360
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2361
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2361
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2362
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2362
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2363
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2363
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2364
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2364
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2365
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2365
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2366
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2366
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2367
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2367
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2368
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2368
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2369
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2369
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2370
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2370
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2371
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2371
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2372
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2372
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2373
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2373
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2374
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2374
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2375
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2375
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2376
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2376
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2377
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2377
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2378
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2378
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2379
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2379
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2380
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2380

Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2381
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2381
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2382
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2382
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2383
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2383
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2384
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2384

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2385
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2385
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2386
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2386
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2387
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2387
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2388
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2388
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2389
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2389
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2390
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2390
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2391
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2391
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2392
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2392
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2393
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2393
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2394
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2394
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2395
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2395
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2396
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2396
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2397
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2397
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2398
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2398
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2399
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2399
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2400
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2400
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2401
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2401
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2402
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2402
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2403
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2403
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2404
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2404
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2405
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2405
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2406
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2406
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2407
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2407
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2408
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2408
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2409
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2409
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2410
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2410
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2411
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2411
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2412
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2412
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2413
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2413
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2414
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2414
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2415
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2415
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2416
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2416
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2417
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2417
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2418
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2418
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2419
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2419
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2420
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2420
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2421
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2421
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2422
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2422
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2423
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2423
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2424
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2424
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2425
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2425
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2426
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2426
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2427
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2427
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2428
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2428
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2429
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2429
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2430
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2430
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2431
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2431
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2432
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2432
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2433
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2433
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2434
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2434
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2435
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2435
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2436
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2436
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2437
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2437
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2438
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2438
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2439
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2439
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2440
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2440
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2441
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2441
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2442
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2442
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2443
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2443
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2444
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2444
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2445
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2445
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2446
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2446
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2447
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2447
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2448
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2448
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2449
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2449
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2450
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2450
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2451
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2451
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2452
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2452
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2453
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2453
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2454
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2454
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2455
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2455
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2456
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2456
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2457
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2457
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2458
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2458
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2459
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2459
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2460
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2460
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2461
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2461
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2462
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2462
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2463
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2463
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2464
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2464
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2465
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2465
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2466
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2466
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2467

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2467
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2468
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2468
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2469

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2469
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2470
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2470
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2471
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2471
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2472
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2472
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2473
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2473
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2474
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2474
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2475
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2475
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2476
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2476
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2477
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2477
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2478
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2478
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2479
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2479
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2480
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2480
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2481
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2481
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2482
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2482
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2483
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)

<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2483
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2484
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2484
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2485
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2485
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2486
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2486
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2487
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2487
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2488
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2488
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2489
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2489
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2490
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2490
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2491
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2491
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2492
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2492
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2493
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2493
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2494
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2494
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2495
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2495
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2496
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2496
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2497
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2497
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2498
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2498
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2499
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2499
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2500
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2500
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2501
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2501
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2502
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2502
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2503
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2503
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2504
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2504
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2505
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2505
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2506
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2506
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2507
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2507
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2508
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2508
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2509
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2509
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2510
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2510
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2511
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2511
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2512
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2512
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2513
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2513
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2514
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2514
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2515
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2515
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2516
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2516
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2517
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2517
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2518
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2518
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2519
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2519
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2520
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2520
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2521
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2521
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2522
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2522
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2523
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2523
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2524
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2524
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2525
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2525
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2526
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2526
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2527
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2527
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2528
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2528
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2529
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2529
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2530
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2530
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2531
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2531
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2532
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2532
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2533
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2533
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2534
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2534
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2535
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2535
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2536
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2536
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2537
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2537
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2538
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2538
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2539
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2539
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2540
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2540
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2541
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2541
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2542
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2542

Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2543
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2543
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2544
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2544
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2545
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2545
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2546
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2546
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2547
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2547
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2548
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2548
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2549
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2549
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2550
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2550
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2551
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2551
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2552
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2552
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2553
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2553
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2554
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2554
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2555
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2555
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2556
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2556
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2557
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2557
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2558
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2558
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2559
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2559
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2560
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2560
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2561
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2561
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2562
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2562
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2563
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2563
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2564
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2564
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2565
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2565
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2566
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2566
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2567
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2567
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2568
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2568
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2569
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2569
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2570
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2570
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2571
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2571
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2572
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2572
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2573
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2573
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2574
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2574
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2575
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2575
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2576
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2576
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2577
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2577
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2578
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2578
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2579
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2579

Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2580
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2580
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2581
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2581
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2582
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2582
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2583
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2583
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2584
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2584
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2585
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2585
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2586
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2586
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2587
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2587
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2588
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2588
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2589
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2589
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2590
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2590
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2591
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2591
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2592
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2592
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2593
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2593
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2594
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2594
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2595
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2595

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2596
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2596
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2597
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2597
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2598
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2598
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2599
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2599
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2600
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2600
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2601
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2601
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2602
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2602
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2603
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2603
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2604
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2604
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2605

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2605
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2606
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2606
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2607
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2607
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2608
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2608
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2609

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2609
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2610
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2610
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2611
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2611
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2612
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2612
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2613
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2613
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2614
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2614
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2615
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2615
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2616
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2616
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2617
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2617
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2618
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2618
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2619
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2619
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2620
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2620
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2621
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2621
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2622
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2622
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2623
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2623
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2624
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2624
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2625
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2625
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2626
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2626
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2627
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2627
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2628
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2628
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2629
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2629
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2630
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2630
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2631
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2631
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2632
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2632
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2633
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2633
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2634
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2634
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2635
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2635
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2636
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2636
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2637
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2637
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2638
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2638
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2639
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2639
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2640
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2640
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2641
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2641
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2642
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2642
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2643
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2643
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2644
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2644
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2645
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2645
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2646
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2646
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2647
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2647
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2648
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2648
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2649
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2649
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2650
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2650
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2651
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2651
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2652
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2652
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2653
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2653
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2654
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2654
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Thr His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2655
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2655
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2656
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2656
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2657
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2657
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2658
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2658
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2659
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2659
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2660
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2660
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2661
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2661
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2662
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2662
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2663
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2663
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2664
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2664
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2665
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2665
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2666
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2666
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2667
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2667
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2668
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2668
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2669
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2669
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2670
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2670
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2671
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2671
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2672
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2672
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2673
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2673
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2674
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2674
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2675
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2675
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2676
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2676
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2677
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2677
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2678
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2678
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2679
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2679
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2680
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2680
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2681
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2681
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2682
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2682
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2683
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2683
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2684
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2684
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2685
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2685
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2686
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2686
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2687
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2687
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2688
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2688
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2689
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2689
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2690
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2690
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2691
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2691
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2692
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2692
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2693
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2693
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2694
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2694
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2695
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2695
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2696
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2696
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2697
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2697
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2698
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2698
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2699
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2699
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2700
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2700
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2701
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2701
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2702
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2702
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2703
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2703
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2704
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2704
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2705
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2705
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2706
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2706
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2707
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2707
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2708
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2708
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2709
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2709
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2710
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2710
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2711
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2711
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2712
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2712
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2713
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2713
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2714
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2714
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2715
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2715
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2716
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2716
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2717
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2717
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2718
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2718
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2719
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2719
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2720
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2720
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2721
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2721
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2722
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2722
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2723
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2723
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2724
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2724
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2725
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2725
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2726
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2726
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2727
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2727
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2728
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2728
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2729
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2729
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2730
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2730
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2731
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2731
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2732
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2732
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2733
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2733
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2734
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2734

Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2735
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2735
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2736
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2736
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2737
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2737
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2738
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2738

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2739
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2739
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2740
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2740

Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2741
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2741
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2742
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2742
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2743
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2743
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2744
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2744
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2745
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2745
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2746
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2746
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2747
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2747
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2748

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2748
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2749
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2749
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2750
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2750
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2751
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2751
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2752
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2752
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2753
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2753
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2754
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2754
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2755
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2755
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2756
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2756
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2757
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2757
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2758
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2758
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2759
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2759
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2760
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2760
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2761
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2761
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2762
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2762
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2763
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2763
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2764
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2764
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2765
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2765
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2766
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2766
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2767
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2767
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2768
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2768
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2769
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2769
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2770
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2770
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2771
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2771
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2772
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2772
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2773
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2773
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2774
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2774
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2775
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2775
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2776
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2776
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2777
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2777
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2778
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2778
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2779
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2779
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2780
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2780
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2781
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2781
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2782
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2782
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2783
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2783
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2784
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2784
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2785
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2785
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2786
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2786
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2787
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2787

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2788
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2788
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2789
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2789
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2790
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2790
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2791
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2791
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2792
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2792
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2793
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2793
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2794
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2794
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2795
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2795
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2796
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2796
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2797

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2797
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2798
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2798
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Leu His Gln Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2799
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2799
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2800
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2800
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2801
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2801
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2802
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2802
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2803
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2803
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2804
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2804
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2805
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2805
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2806
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2806
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2807
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2807
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2808
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2808
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2809
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2809
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2810
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2810
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2811
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2811
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2812
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2812
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2813
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2813
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2814
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2814
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2815
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2815
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2816
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2816
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2817
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2817
Asp Cys Leu Gly Phe Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2818
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2818
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2819
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2819
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2820

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2820
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2821
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2821
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2822
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2822
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2823
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2823
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2824
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2824
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2825
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2825
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2826

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2826
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2827
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2827
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2828
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2828
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2829
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2829
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2830
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2830
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2831
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2831
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2832
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2832
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2833
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2833
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2834
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2834
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2835
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2835
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2836
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2836
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2837
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2837
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2838
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2838
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2839
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2839
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2840
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2840
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2841
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2841
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2842
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2842

Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2843
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2843
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2844
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2844
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2845
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2845
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2846
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2846
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2847
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2847
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2848
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2848
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 2849
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2849
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2850
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2850
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2851
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2851
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2852
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2852
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2853
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2853
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2854
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2854
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2855
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2855
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2856
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2856
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2857
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2857
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2858
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2858
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2859
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2859
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2860
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2860
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2861
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2861
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2862
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2862
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2863
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2863
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2864
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2864
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2865
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2865
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2866
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2866
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2867
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2867
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2868
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2868
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2869
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2869
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2870
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2870
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2871
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2871

Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2872
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2872
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2873
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2873
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2874
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2874
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2875
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2875
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2876
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2876
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2877
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2877
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2878
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2878
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2879
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2879

Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2880
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2880
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2881
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2881
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2882
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2882
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2883

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2883
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2884
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2884
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2885
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2885
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2886
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2886
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2887
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2887
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2888
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2888
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2889
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2889
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2890
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2890
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2891
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2891
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2892
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2892
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2893

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2893
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2894
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2894
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2895
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2895
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2896
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2896
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2897
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2897
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2898
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2898
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2899
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2899
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2900
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2900
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2901
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2901
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2902
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2902
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2903
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2903
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2904
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2904
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2905
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2905
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2906
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2906
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 2907
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2907

Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2908
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2908
Asp Cys Leu Gly Phe Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2909
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2909
Asp Cys Leu Gly Phe Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2910
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2910
Asp Cys Leu Gly Phe Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2911
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2911
Asp Cys Leu Gly Gly Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2912
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2912
Asp Cys Leu Gly Ala Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2913
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2913
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2914
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2914
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2915
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2915
Asp Cys Leu Gly Xaa Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2916
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2916
Asp Cys Leu Gly Val Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2917
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2917
Asp Cys Leu Gly Leu Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2918
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2918
Asp Cys Leu Gly Ile Met Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2919
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2919
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2920

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2920
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2921
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2921
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2922

<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2922
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2923
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2923
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2924
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2924
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2925
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2925
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2926
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2926
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2927
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2927
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2928
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2928
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2929
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2929
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2930
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2930
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2931
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2931
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2932
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2932
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2933
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2933
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2934
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2934
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2935
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2935
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2936
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2936
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2937
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2937
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2938
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2938
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2939
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2939
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2940
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2940
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2941
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2941
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2942
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2942
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2943
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2943
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2944
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2944
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2945
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2945
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2946
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2946
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2947
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2947
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2948
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2948
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2949
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2949
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2950
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2950
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2951
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2951
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2952
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2952
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2953
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2953
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2954
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2954
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2955
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2955
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2956
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2956
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2957
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2957
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2958
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2958
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2959
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2959
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2960
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2960
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2961
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2961
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2962
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2962
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2963
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>

<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2963
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2964
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2964
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2965
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2965
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2966
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2966
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2967
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2967
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2968
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2968
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2969
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2969
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2970
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2970
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2971
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2971
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2972
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2972
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2973
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2973
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2974
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2974
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2975
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2975
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2976
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2976
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2977
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2977
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2978
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2978
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2979
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2979
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2980
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2980
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2981
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2981
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2982
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2982
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2983
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2983
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2984
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2984
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2985
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2985
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2986
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2986
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2987
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2987
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 2988
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2988
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2989
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 2989
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2990
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2990
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2991
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2991
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2992
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>

<223> Amida de terminal C

<400> 2992
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2993
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2993
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2994
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2994
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2995
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2995
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2996
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)

<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2996
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2997
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2997
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2998
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2998
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 2999
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 2999
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3000
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3000
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3001
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3001
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3002
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3002
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3003
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3003
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3004
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3004
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3005
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3005
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3006
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3006
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3007
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3007
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3008
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 3008
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 3009
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3009
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 3010
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido
      sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>

<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3010
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3011
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3011
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3012
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3012
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3013
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3013
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3014
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> 2-Abu

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3014
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3015
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3015
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3016
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3016
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3017
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3017
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3018
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3018
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3019
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 3019
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 3020
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3020
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3021
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3021
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3022
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3022
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3023
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3023
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3024
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3024
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3025
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3025
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3026
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3026
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3027
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3027
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3028
<211> 34

<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3028
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3029
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3029
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3030
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido

sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3030
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3031
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3031
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3032
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3032
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3033
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3033
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3034
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3034
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3035
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3035
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3036
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3036
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3037
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3037
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3038
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3038
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Ile Glu Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3039
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C
<400> 3039
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3040
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3040
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3041
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3041
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3042
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3042
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3043
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES

<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3043
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3044
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3044
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3045
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3045
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3046
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3046
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3047
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3047

Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3048
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3048
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3049
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3049

Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3050
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3050
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3051
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3051
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 3052
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3052
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 3053
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra
<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3053
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3054
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3054
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3055
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3055
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys

1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3056
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3056
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3057
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>

<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3057
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3058
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3058
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3059
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3059
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3060
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3060
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3061
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3061
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3062
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3062
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Glu Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr

20 25 30

Val Phe

<210> 3063
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3063
Asp Cys Leu Gly Gly Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3064
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3064
Asp Cys Leu Gly Ala Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3065
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3065
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3066
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3066
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3067
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3067
Asp Cys Leu Gly Xaa Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3068
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3068
Asp Cys Leu Gly Val Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3069
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3069
Asp Cys Leu Gly Leu Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3070
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3070
Asp Cys Leu Gly Ile Phe Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3071
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3071
Asp Cys Leu Gly Gly Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3072
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3072
Asp Cys Leu Gly Ala Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3073
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3073
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3074
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3074
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3075
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3075
Asp Cys Leu Gly Xaa Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3076
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3076
Asp Cys Leu Gly Val Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3077
<211> 34
<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3077
Asp Cys Leu Gly Leu Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3078
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3078
Asp Cys Leu Gly Ile Leu Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3079
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3079
Asp Cys Leu Gly Gly Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3080
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3080
Asp Cys Leu Gly Ala Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3081
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> 2-Abu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3081
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3082
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nva

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3082
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 3083
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético
<220>
<221> MOD_RES
<222> (5)..(5)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3083
Asp Cys Leu Gly Xaa Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1   5   10   15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20   25   30

Val Phe

<210> 3084
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3084
Asp Cys Leu Gly Val Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15
Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 3085
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES
<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3085
Asp Cys Leu Gly Leu Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
            20 25 30

Val Phe

<210> 3086
<211> 34
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> Nle

<220>
<221> MOD_RES

<222> (13)..(13)
<223> Pra

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3086
Asp Cys Leu Gly Ile Xaa Arg Lys Cys Asp Pro Asp Xaa Asp Lys Cys
1 5 10 15

Cys Arg Pro Asn Leu Val Cys Ser Arg Glu His Lys Trp Cys Lys Tyr
20 25 30

Val Phe

<210> 3087
<211> 448
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<400> 3087
Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Gly Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ala Val Ile Trp Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Tyr Asn Phe Asn Tyr Gly Met Asp Val Trp Gly Gln Gly Thr
100 105 110

Thr Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro
115 120 125

Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly
130 135 140

Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn
145 150 155 160

```
Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln
                165                 170                 175

Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser
            180                 185                 190

Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser
        195                 200                 205

Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr
    210                 215                 220

His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser
225                 230                 235                 240

Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg
                245                 250                 255

Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro
            260                 265                 270

Cys Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala
        275                 280                 285

Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val
    290                 295                 300

Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr
305                 310                 315                 320

Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr
                325                 330                 335

Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu
            340                 345                 350

Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys
        355                 360                 365

Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser
    370                 375                 380

Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp
385                 390                 395                 400

Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser
                405                 410                 415
```

Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala
420 425 430

Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
435 440 445

<210> 3088
<211> 214
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<400> 3088
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Arg
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala Asn Ser Phe Pro Phe
85 90 95

Thr Phe Gly Pro Gly Thr Lys Val Asp Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
100 105 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
115 120 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
130 135 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145 150 155 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
165 170 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

<210> 3089
<211> 227
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Descripción de Secuencia Artificial: Polipéptido sintético

<400> 3089
Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly
1 5 10 15

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met
20 25 30

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His
35 40 45

Glu Asp Pro Cys Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val
50 55 60

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr
65 70 75 80

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly
85 90 95

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile
100 105 110

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val
115 120 125

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser
130 135 140

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu
145 150 155 160

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro
165 170 175

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val
180 185 190

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met
195 200 205

```
His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser
    210                 215                 220

Pro Gly Lys
225
```

<210> 3090
<211> 326
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3090

```
Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Cys Ser Arg
1               5                   10                  15

Ser Thr Ser Glu Ser Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr
            20                  25                  30

Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser
        35                  40                  45

Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser
    50                  55                  60

Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Asn Phe Gly Thr Gln Thr
65                  70                  75                  80

Tyr Thr Cys Asn Val Asp His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys
                85                  90                  95

Thr Val Glu Arg Lys Cys Cys Val Glu Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro
            100                 105                 110

Pro Val Ala Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp
        115                 120                 125

Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp
    130                 135                 140

Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Gln Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly
145                 150                 155                 160

Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Phe Asn
                165                 170                 175

Ser Thr Phe Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Val His Gln Asp Trp
            180                 185                 190

Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Gly Leu Pro
        195                 200                 205

Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Thr Lys Gly Gln Pro Arg Glu
```

```
    210                 215                 220

Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn
225                 230                 235                 240

Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile
                245                 250                 255

Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr
            260                 265                 270

Thr Pro Pro Met Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys
        275                 280                 285

Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys
    290                 295                 300

Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu
305                 310                 315                 320

Ser Leu Ser Pro Gly Lys
                325
```

<210> 3091
<211> 330
<212> PRT
<213> Homo sapiens

```
<400> 3091
Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys
1               5                   10                  15

Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr
            20                  25                  30

Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser
        35                  40                  45

Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser
    50                  55                  60

Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr
65                  70                  75                  80

Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys
                85                  90                  95

Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys
            100                 105                 110

Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro
        115                 120                 125
```

```
Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys
    130                 135                 140

Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp
145                 150                 155                 160

Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu
                165                 170                 175

Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu
            180                 185                 190

His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn
        195                 200                 205

Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly
    210                 215                 220

Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu
225                 230                 235                 240

Met Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr
                245                 250                 255

Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn
            260                 265                 270

Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe
        275                 280                 285

Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn
    290                 295                 300

Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr
305                 310                 315                 320

Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
                325                 330
```

<210> 3092
<211> 330
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3092

```
Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys
1               5                   10                  15

Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr
            20                  25                  30
```

```
Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser
        35                  40                  45

Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser
    50                  55                  60

Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr
65                  70                  75                  80

Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys
                85                  90                  95

Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys
            100                 105                 110

Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro
        115                 120                 125

Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys
    130                 135                 140

Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp
145                 150                 155                 160

Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu
                165                 170                 175

Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu
            180                 185                 190

His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn
        195                 200                 205

Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly
    210                 215                 220

Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu
225                 230                 235                 240

Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr
                245                 250                 255

Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn
            260                 265                 270

Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe
        275                 280                 285

Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn
    290                 295                 300
```

```
Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr
305                 310                 315                 320


Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
                325                 330


<210> 3093
<211> 330
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3093
Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys
1               5                   10                  15


Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr
            20                  25                  30


Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser
        35                  40                  45


Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser
    50                  55                  60

Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr
65                  70                  75                  80


Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys
                85                  90                  95


Arg Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys
            100                 105                 110


Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro
        115                 120                 125


Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys
    130                 135                 140


Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp
145                 150                 155                 160


Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu
                165                 170                 175


Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu
            180                 185                 190


His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn
        195                 200                 205


Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly
```

```
    210                 215                 220

Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu
225                 230                 235                 240

Met Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr
                245                 250                 255

Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn
            260                 265                 270

Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe
        275                 280                 285

Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn
    290                 295                 300

Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr
305                 310                 315                 320

Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
                325                 330
```

<210> 3094
<211> 330
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3094

```
Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys
1               5                   10                  15

Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr
            20                  25                  30

Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser
        35                  40                  45

Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser
    50                  55                  60

Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr
65                  70                  75                  80

Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys
                85                  90                  95

Arg Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys
            100                 105                 110

Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro
```

```
        115                 120                 125

Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys
    130                 135                 140

Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp
145                 150                 155                 160

Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu
                165                 170                 175

Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu
            180                 185                 190

His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn
        195                 200                 205

Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly
    210                 215                 220

Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu
225                 230                 235                 240

Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr
                245                 250                 255

Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn
            260                 265                 270

Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe
        275                 280                 285

Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn
    290                 295                 300

Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr
305                 310                 315                 320

Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
                325                 330


<210> 3095
<211> 106
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3095
Gly Gln Pro Lys Ala Asn Pro Thr Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser
1               5                   10                  15

Glu Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp
            20                  25                  30
```

Phe Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Gly Ser Pro
35 40 45

Val Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Lys Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn
50 55 60

Lys Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys
65 70 75 80

Ser His Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val
85 90 95

Glu Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser
100 105

<210> 3096
<211> 106
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<220>
<223> Amida de terminal C

<400> 3096
Gly Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser
1 5 10 15

Glu Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp
20 25 30

Phe Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro
35 40 45

Val Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn
50 55 60

Lys Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys
65 70 75 80

Ser His Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val
85 90 95

Glu Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser
100 105

<210> 3097
<211> 106
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3097
Gly Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser
1 5 10 15

```
Glu Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp
            20                  25                  30

Phe Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro
        35                  40                  45

Val Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn
    50                  55                  60

Lys Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys
65                  70                  75                  80

Ser His Lys Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val
                85                  90                  95

Glu Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser
            100                 105
```

<210> 3098
<211> 106
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3098

```
Gly Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser
1               5                   10                  15

Glu Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Val Ser Asp
            20                  25                  30

Phe Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Gly Ser Pro
        35                  40                  45

Val Lys Val Gly Val Glu Thr Thr Lys Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn
    50                  55                  60

Lys Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys
65                  70                  75                  80

Ser His Arg Ser Tyr Ser Cys Arg Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val
                85                  90                  95

Glu Lys Thr Val Ala Pro Ala Glu Cys Ser
            100                 105
```