

INFORME DE BÚSQUEDA DE PATENTES PARA EL No de Radicación: 14-117672						
CRITERIOS PARA LA BÚSQUEDA (anexar pantallazo o reporte en PDF, junto con los boleanos utilizados)						
Palabras clave utilizadas		“enterovirus vaccines” “enterovirus VP proteins”				
CLASIFICACIONES INTERNACIONALES UTILIZADAS PARA LA BÚSQUEDA		A61K39/13, A61K39/135, A61K39/125				
BASES DE DATOS CONSULTADAS.						
Google patents		The lens		Espacenet		USPTO
Science Direct		PubMed				
INFORMES DE EXÁMENES REALIZADOS EN OTRAS OFICINAS (documentos patentes, literatura no patente etc...)						
Oficina	Fecha del examen o de reporte de búsqueda de documentos	Anterioridades encontradas para el examen o reportados en el examen de búsqueda(relacionarlos todos)	Reiv. afectadas	RELEVANCIA (requisito que afecta)	FUERON TENIDOS EN CUENTA PARA EL EXAMEN EN LA OFICINA COLOMBIANA	
					SI	NO
EUROPEA	06/Mayo/2014	CHUNG YAO-CHI ET AL: “Immunization with virus like particules iof enterovirus 71 elicts a potent immune respondes and protects mice against lethal challenge” VACCINE. Vol 26, No. 15 2008, Pages 1855-1862, XP 22534445, ISSN: 0264-410X	1-29	Novedad	X	
		CHUNG YAO-CHI ET AL: “enterovirus 71 virus like particle vaccine improved production conditions for enhanced yield” VACCINE. Vol 28, No. 43, 2010, Pages 6951-6957, XP 027392042, ISSN: 0264-410X	17-29 y 51-55	Novedad y Nivel inventivo	X	
		MATRAHIM N A ET AL:” DNA vaccine construct in the presence of EV71 IRES elicited higher neutralizing antibody titre”. INTERNATIONAL JOURNAL OF INFECTIOUS DISEASE; KUALA LUMPUR, MALAYSIA; JUNE 19-22, 2008 ISSN: 1201-9712	17-29 y 51-55	Novedad y Nivel inventivo		X
		US 4508708 A	1-4 y 6-11	Novedad		X
USPTO	No se ha realizado	NA	NA	NA	NA	NA
DOCUMENTOS ADICIONALES ENCONTRADOS POR EL EXAMINADOR DE ACUERDO A LOS CRITERIOS DE BÚSQUEDA.						
BÚSQUEDA DE SECUENCIAS						
Número de depósito / patente y N° de secuencia % de identidad						
SEQ ID NO	NCBI	The Lens	EMBL-EBI	DDJB	Genome Quest	

(de la solicitud)					
1	GI:13621323/vector pLXRN	SEQ ID NO: 3 / WO 2004 0162554			
	100%	100%			
1	GI:1899169/ vector pIRES1neo	SEQ ID NO: 6 / WO 2002/074935			
	100%	100%			
1	GI:1899166 / vector pIRES1hyg				
	100%				

CRITERIOS DE BÚSQUEDA / UNIDAD DE INVENCIÓN (Pantallazos)

EL siguiente alineamiento evidencia que la SEQ ID NO: 1 de la solicitud es idéntica a la secuencia reportada en GenBank para el vector pLXRN.

Cloning vector pLXRN, complete sequence
Sequence ID: [gb|AF113968.2|AF113968](#) Length: 6094 Number of Matches: 1

Range 1: 1666 to 2251 [GenBank](#) [Graphics](#) ▼ Next Match ▲ Previous Match

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand
1083 bits(586)	0.0	586/586(100%)	0/586(0%)	Plus/Plus
Query 1	GCCCCCTCTCCCTCCCCCCCCCTAACGTTACTGGCCGAAGCCGCTTGGAAATAAGGCCGGT	60		
Sbjct 1666	GCCCCCTCTCCCTCCCCCCCCCTAACGTTACTGGCCGAAGCCGCTTGGAAATAAGGCCGGT	1725		
Query 61	GTGTGTTTGTCTATATGTGATTTTCCACCATATTGCCGTCTTTTGGCAATGTGAGGGCCC	120		
Sbjct 1726	GTGTGTTTGTCTATATGTGATTTTCCACCATATTGCCGTCTTTTGGCAATGTGAGGGCCC	1785		
Query 121	GGAAACCTGGCCCTGTCTTCTTGACGAGCATTCTAGGGGTCTTCCCCCTCTCGCCAAAG	180		
Sbjct 1786	GGAAACCTGGCCCTGTCTTCTTGACGAGCATTCTAGGGGTCTTCCCCCTCTCGCCAAAG	1845		
Query 181	GAATGCAAGGTCGTGGAATGTCGTGAAGGAAGCAGTTCTCTGGAAGCTTCTTGAAGAC	240		
Sbjct 1846	GAATGCAAGGTCGTGGAATGTCGTGAAGGAAGCAGTTCTCTGGAAGCTTCTTGAAGAC	1905		
Query 241	AAACAACGTCTGTAGCGACCCCTTTGCAGGCAGCGGAACCCCACTGGCGACAGGTGCC	300		
Sbjct 1906	AAACAACGTCTGTAGCGACCCCTTTGCAGGCAGCGGAACCCCACTGGCGACAGGTGCC	1965		
Query 301	TCTGCGGCCAAAAGCCACGTGTATAAGATACACCTGCAAAGGCGGCACAACCCAGTGCC	360		
Sbjct 1966	TCTGCGGCCAAAAGCCACGTGTATAAGATACACCTGCAAAGGCGGCACAACCCAGTGCC	2025		
Query 361	ACGTTGTGAGTTGGATAGTTGTGGAAAGAGTCAAATGGCTCTCCTCAAGCGTAGTCAACA	420		
Sbjct 2026	ACGTTGTGAGTTGGATAGTTGTGGAAAGAGTCAAATGGCTCTCCTCAAGCGTAGTCAACA	2085		
Query 421	AGGGGCTGAAGGATGCCAGAGGTACCCATTGTATGGGAATCTGATCTGGGGCCTCGG	480		
Sbjct 2086	AGGGGCTGAAGGATGCCAGAGGTACCCATTGTATGGGAATCTGATCTGGGGCCTCGG	2145		
Query 481	TGCACATGCTTTACATGTGTTTAGTCGAGGTTAAAAAGCTCTAGGCCCCCGAACACG	540		
Sbjct 2146	TGCACATGCTTTACATGTGTTTAGTCGAGGTTAAAAAGCTCTAGGCCCCCGAACACG	2205		
Query 541	GGGACGTGGTTTTCTTTGAAAAACACGATGATAAGCTTGCCACAA	586		
Sbjct 2206	GGGACGTGGTTTTCTTTGAAAAACACGATGATAAGCTTGCCACAA	2251		

The Lens

Alineamiento de la SEQ ID NO:1 de la solicitud (QUERY) con la SEQ ID NO: 3 de la solicitud WO 2004 0162554

ALIGNMENT 1

SCORE1083.26 bits (586)

IDENTITIES586 / 586 (100%)

POSITIVES586 / 586 (100%)

```
Query   1  GCCCCCTCTCC  CTCCTCCCCC  CCTAACGTGA  CTGGCCGAAG  CCGCTTGGAA  50
      |||
Hit   2082 GCCCCCTCTCC  CTCCTCCCCC  CCTAACGTGA  CTGGCCGAAG  CCGCTTGGAA  2131

Query  51  TAAGGCCGGT  GTGTGTTTGT  CTATATGTGA  TTTTCCACCA  TATTGCCGTC  100
      |||
Hit   2132 TAAGGCCGGT  GTGTGTTTGT  CTATATGTGA  TTTTCCACCA  TATTGCCGTC  2181

Query 101  TTTTGGAAT  GTGAGGGCCC  GGAAACCTGG  CCCTGTCTTC  TTGACGAGCA  150
      |||
Hit   2182 TTTTGGAAT  GTGAGGGCCC  GGAAACCTGG  CCCTGTCTTC  TTGACGAGCA  2231

Query 151  TTCCTAGGGG  TCTTTCCCCT  CTCGCCAAAG  GAATGCAAGG  TCTGTTGAAT  200
      |||
Hit   2232 TTCCTAGGGG  TCTTTCCCCT  CTCGCCAAAG  GAATGCAAGG  TCTGTTGAAT  2281

Query 201  GTCGTGAAGG  AAGCAGTTCC  TCTGGAAGCT  TCTTGAAGAC  AAACAACGTC  250
      |||
Hit   2282 GTCGTGAAGG  AAGCAGTTCC  TCTGGAAGCT  TCTTGAAGAC  AAACAACGTC  2331

Query 251  TGTAGCGACC  CTTTGCAGGC  AGCGGAACCC  CCCACCTGGC  GACAGGTGCC  300
      |||
Hit   2332 TGTAGCGACC  CTTTGCAGGC  AGCGGAACCC  CCCACCTGGC  GACAGGTGCC  2381

Query 301  TCTGCGGCCA  AAAGCCACGT  GTATAAGATA  CACCTGCAAA  GGCGGCACAA  350
      |||
Hit   2382 TCTGCGGCCA  AAAGCCACGT  GTATAAGATA  CACCTGCAAA  GGCGGCACAA  2431

Query 351  CCCCAGTGCC  ACGTTGTGAG  TTGGATAGTT  GTGGAAAGAG  TCAAATGGCT  400
      |||
Hit   2432 CCCCAGTGCC  ACGTTGTGAG  TTGGATAGTT  GTGGAAAGAG  TCAAATGGCT  2481

Query 401  CTCCTCAAGC  GTAGTCAACA  AGGGGCTGAA  GGATGCCCAG  AAGGTACCCC  450
      |||
Hit   2482 CTCCTCAAGC  GTAGTCAACA  AGGGGCTGAA  GGATGCCCAG  AAGGTACCCC  2531

Query 451  ATTGTATGGG  AATCTGATCT  GGGGCCTCGG  TGCACATGCT  TTACATGTGT  500
      |||
Hit   2532 ATTGTATGGG  AATCTGATCT  GGGGCCTCGG  TGCACATGCT  TTACATGTGT  2581

Query 501  TTAGTCGAGG  TAAAAAAGC  TCTAGGCCCC  CCGAACCACG  GGGACGTGGT  550
      |||
Hit   2582 TTAGTCGAGG  TAAAAAAGC  TCTAGGCCCC  CCGAACCACG  GGGACGTGGT  2631

Query 551  TTTCTTTGA  AAAACACGAT  GATAAGCTTG  CCACAA
      |||
Hit   2632 TTTCTTTGA  AAAACACGAT  GATAAGCTTG  CCACAA
```

El documento WO 2004 062554 habla de métodos para incrementar la supervivencia de neuronas y especialmente neuronas que expresan tirosina hidrolasa y neuronas dopaminérgicas.

Alineamiento de la SEQ ID NO: 1 de la solicitud (QUERY) con la SEQ ID NO: 6 de la solicitud WO 2002/074935

Query	1	GCCCCTCTCC	CTCCCCCCCC	CCTAACGTTA	CTGGCCGAAG	CCGCTTGGAA	50
Hit	2166	GCCCCTCTCC	CTCCCCCCCC	CCTAACGTTA	CTGGCCGAAG	CCGCTTGGAA	2215
Query	51	TAAGGCCGGT	GTGTGTTTGT	CTATATGTGA	TTTTCCACCA	TATTGCCGTC	100
Hit	2216	TAAGGCCGGT	GTGTGTTTGT	CTATATGTGA	TTTTCCACCA	TATTGCCGTC	2265
Query	101	TTTTGGCAAT	GTGAGGGCCC	GGAAACCTGG	CCCTGTCTTC	TTGACGAGCA	150
Hit	2266	TTTTGGCAAT	GTGAGGGCCC	GGAAACCTGG	CCCTGTCTTC	TTGACGAGCA	2315
Query	151	TTCCTAGGGG	TCTTTCCCT	CTCGCCAAAG	GAATGCAAGG	TCTGTTGAAT	200
Hit	2316	TTCCTAGGGG	TCTTTCCCT	CTCGCCAAAG	GAATGCAAGG	TCTGTTGAAT	2365
Query	201	GTCGTGAAGG	AAGCAGTTCC	TCTGGAAGCT	TCTTGAAGAC	AAACAACGTC	250
Hit	2366	GTCGTGAAGG	AAGCAGTTCC	TCTGGAAGCT	TCTTGAAGAC	AAACAACGTC	2415
Query	251	TGTAGCGACC	CTTTGCAGGC	AGCGGAACCC	CCCACCTGGC	GACAGGTGCC	300
Hit	2416	TGTAGCGACC	CTTTGCAGGC	AGCGGAACCC	CCCACCTGGC	GACAGGTGCC	2465
Query	301	TCTGCGGCCA	AAAGCCACGT	GTATAAGATA	CACCTGCAAA	GGCGGCACAA	350
Hit	2466	TCTGCGGCCA	AAAGCCACGT	GTATAAGATA	CACCTGCAAA	GGCGGCACAA	2515
Query	351	CCCCAGTGCC	ACGTTGTGAG	TTGGATAGTT	GTGGAAAGAG	TCAAATGGCT	400
Hit	2516	CCCCAGTGCC	ACGTTGTGAG	TTGGATAGTT	GTGGAAAGAG	TCAAATGGCT	2565
Query	401	CTCCTCAAGC	GTAGTCAACA	AGGGGCTGAA	GGATGCCCAG	AAGGTACCCC	450
Hit	2566	CTCCTCAAGC	GTAGTCAACA	AGGGGCTGAA	GGATGCCCAG	AAGGTACCCC	2615
Query	451	ATTGTATGGG	AATCTGATCT	GGGGCCTCGG	TGCACATGCT	TTACATGTGT	500
Hit	2616	ATTGTATGGG	AATCTGATCT	GGGGCCTCGG	TGCACATGCT	TTACATGTGT	2665
Query	501	TTAGTCGAGG	TTAAAAAAGC	TCTAGGCCCC	CCGAACCACG	GGGACGTGGT	550
Hit	2666	TTAGTCGAGG	TTAAAAAAGC	TCTAGGCCCC	CCGAACCACG	GGGACGTGGT	2715
Query	551	TTTCCTTTGA	AAAACACGAT	GATAAGCTTG	CCACAA		586
Hit	2716	TTTCCTTTGA	AAAACACGAT	GATAAGCTTG	CCACAA		2751

El codumento WO2002/074935 hace referencia al uso de la telomerasa reversa transcriptasa para crear animales *knockout* homocigotos.