

Reivindicaciones

1. Una molécula de unión la cual es al menos biespecífica que comprende un primer y un segundo dominio de unión, en donde
 - (a) el primer dominio de unión es capaz de unirse al clúster de epítopes 3 de BCMA (CQLRCSSNTPPLTCQRYC); y
 - (b) el segundo dominio de unión es capaz de unirse al complejo CD3 receptor de células T; yen donde el clúster de epítopes 3 de BCMA corresponde a los residuos aminoácidos 24 a 41 de la secuencia tal como se muestra en la SEQ ID NO: 1002, en donde el primer dominio de unión comprende una región VH que comprende CDR-H1, CDR-H2 y CDR-H3 y una región VL que comprende CDR-L1, CDR-L2 y CDR-L3 seleccionados a partir del grupo que consiste en:
 - (1) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 161, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 162, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 163, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 164, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 165 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 166;
 - (2) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 171, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 172, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 173, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 174, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 175 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 176;
 - (3) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 181, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 182, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 183, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 184, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 185 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 186;
 - (4) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 191, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 192, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 193, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 194, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 195 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 196;
 - (5) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 201, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 202, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 203, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 204, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 205 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 206;
 - (6) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 211, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 212, CDR-H3 como se describe en SEQ ID

NO: 213, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO:214 , CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 215 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 216;

- (7) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 221, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 222, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 223, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 224, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 225 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 226;
- (8) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 621, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 622, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 623, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 624, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 625 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 626;
- (9) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 631, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 632, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 633, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 634, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 635 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 636;
- (10) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 641, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 642, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 643, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 644, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 645 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 646;
- (11) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 651, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 652, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 653, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 654, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 655 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 656;
- (12) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 661, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 662, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 663, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 664, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 665 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 666;
- (13) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 671, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 672, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 673, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 674, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 675 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 676;
- (14) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 681, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 682, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 683, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 684, CDR-L2 como

se describe en SEQ ID NO: 685 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 686;

(15) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 691, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 692, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 693, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 694, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 695 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 696;

(16) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 701, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 702, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 703, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 704, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 705 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 706;

(17) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 711, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 712, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 713, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 714, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 715 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 716;

(18) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 721, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 722, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 723, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 724, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 725 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 726;

(19) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 731, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 732, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 733, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 734, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 735 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 736;

(20) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 741, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 742, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 743, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 744, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 745 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 746;

(21) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 751, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 752, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 753, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 754, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 755 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 756;

(22) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 761, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 762, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 763, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 764, CDR-L2 como

se describe en SEQ ID NO: 765 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 766;

(23) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 771, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 772, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 773, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 774, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 775 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 776;

(24) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 781, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 782, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 783, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 784, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 785 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 786;

(25) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 791, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 792, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 793, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 794, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 795 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 796;

(26) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 801, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 802, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 803, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 804, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 805 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 806;

(27) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 811, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 812, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 813, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 814, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 815 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 816;

(28) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 821, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 822, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 823, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 824, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 825 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 826;

(29) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 831, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 832, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 833, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 834, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 835 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 836;

(30) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 961, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 962, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 963, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 964, CDR-L2 como

se describe en SEQ ID NO: 965 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 966;

(31) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 971, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 972, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 973, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 974, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 975 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 976;

(32) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 981, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 982, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 983, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 984, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 985 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 986; y

(33) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 991, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 992, CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 993, CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 994, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 995 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 996;

y en donde el segundo dominio de unión comprende una región VL que comprende CDR-L1 , CDR-L2 y CDR-L3 y/o una región VH que comprende CDR-H 1, CDR-H2 y CDR-H3 seleccionados de:

(a) CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 27 de WO 2008/119567, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 28 de WO 2008/119567 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 29 de WO 2008/119567;

(b) CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 117 de WO 2008/119567, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 118 de WO 2008/119567 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 119 de WO 2008/119567;

(c) CDR-L1 como se describe en SEQ ID NO: 153 de WO 2008/119567, CDR-L2 como se describe en SEQ ID NO: 154 de WO 2008/119567 y CDR-L3 como se describe en SEQ ID NO: 155 de WO 2008/119567;

(d) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 12 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 13 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 14 de WO 2008/119567;

(e) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 30 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 31 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 32 de WO 2008/119567;

(f) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 48 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 49 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 50 de WO 2008/119567;

(g) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 66 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 67 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 68 de WO 2008/119567;

(h) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 84 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 85 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 86 de WO 2008/119567;

(i) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 102 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 103 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 104 de WO 2008/119567;

(j) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 120 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 121 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 122 de WO 2008/119567;

(k) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 138 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 139 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 140 de WO 2008/119567;

(l) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 156 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 157 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 158 de WO 2008/119567; y

(m) CDR-H1 como se describe en SEQ ID NO: 174 de WO 2008/119567, CDR-H2 como se describe en SEQ ID NO: 175 de WO 2008/119567 y CDR-H3 como se describe en SEQ ID NO: 176 de WO 2008/119567.

2. La molécula de unión de acuerdo con la reivindicación 1, en donde el primer dominio de unión es capaz de unirse al clúster de epítopes 3 de BCMA de macaco (CQLRCSSTPPLTCQRYC).
3. La molécula de unión de acuerdo con la reivindicación 1 o 2, en donde el segundo dominio de unión es capaz de unirse a CD3 épsilon.

4. La molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones precedentes, en donde el segundo dominio de unión es capaz de unirse a CD3 humano y a CD3 de macaco.
5. La molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones precedentes, en donde el primer y/o el segundo dominio de unión son derivados de un anticuerpo.
6. La molécula de unión de acuerdo con la reivindicación 5, la cual está seleccionada a partir del grupo que consiste de (scFv)₂, (mAb de dominio único)₂, scFv-mAb de dominio único, diacuerpos y oligómeros de los mismos.
7. La molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones precedentes, en donde el primer dominio de unión comprende una región VH seleccionada a partir del grupo que consiste de regiones VH tal como se describen en SEQ ID NO: 167, SEQ ID NO: 177, SEQ ID NO: 187, SEQ ID NO: 197, SEQ ID NO: 207, SEQ ID NO: 217, SEQ ID NO: 227, SEQ ID NO: 627, SEQ ID NO: 637, SEQ ID NO: 647, SEQ ID NO: 657, SEQ ID NO: 667, SEQ ID NO: 677, SEQ ID NO: 687, SEQ ID NO: 697, SEQ ID NO: 707, SEQ ID NO: 717, SEQ ID NO: 727, SEQ ID NO: 737, SEQ ID NO: 747, SEQ ID NO: 757, SEQ ID NO: 767, SEQ ID NO: 777, SEQ ID NO: 787, SEQ ID NO: 797, SEQ ID NO: 807, SEQ ID NO: 817, SEQ ID NO: 827, SEQ ID NO: 837, SEQ ID NO: 967, SEQ ID NO: 977, SEQ ID NO: 987, y SEQ ID NO: 997.
8. La molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones precedentes, en donde el primer dominio de unión comprende una región VL seleccionada a partir del grupo que consiste de regiones VL tal como se describen en SEQ ID NO: 168, SEQ ID NO: 178, SEQ ID NO: 188, SEQ ID NO: 198, SEQ ID NO: 208, SEQ ID NO: 218, SEQ ID NO: 228, SEQ ID NO: 628, SEQ ID NO: 638, SEQ ID NO: 648, SEQ ID NO: 658, SEQ ID NO: 668, SEQ ID NO: 678, SEQ ID NO: 688, SEQ ID NO: 698, SEQ ID NO: 708, SEQ ID NO: 718, SEQ ID NO: 728, SEQ ID NO: 738, SEQ ID NO: 748, SEQ ID NO: 758, SEQ ID NO: 768, SEQ ID NO: 778, SEQ ID NO: 788, SEQ ID NO: 798, SEQ ID NO: 808, SEQ ID NO: 818, SEQ ID NO: 828, SEQ ID NO: 838, SEQ ID NO: 968, SEQ ID NO: 978, SEQ ID NO: 988, y SEQ ID NO: 998.
9. La molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones precedentes, en donde el primer dominio de unión comprende una región VH y una región VL seleccionada a partir del grupo que consiste en:
 - (1) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 167, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 168;

- (2) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 177, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 178;
- (3) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 187, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 188;
- (4) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 197, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 198;
- (5) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 207, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 208;
- (6) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 217, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 218;
- (7) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 227, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 228;
- (8) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 627, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 628;
- (9) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 637, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 638;
- (10) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 647, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 648;
- (11) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 657, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 658;
- (12) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 667, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 668;
- (13) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 677, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 678;
- (14) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 687, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 688;
- (15) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 697, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 698;
- (16) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 707, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 708;
- (17) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 717, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 718;
- (18) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 727, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 728;
- (19) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 737, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 738;
- (20) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 747, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 748;
- (21) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 757, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 758;

- (22) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 767, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 768;
 - (23) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 777, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 778;
 - (24) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 787, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 788;
 - (25) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 797, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 798;
 - (26) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 807, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 808;
 - (27) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 817, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 818;
 - (28) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 827, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 828;
 - (29) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 837, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 838;
 - (30) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 967, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 968;
 - (31) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 977, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 978;
 - (32) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 987, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 988; y
 - (33) una región VH como se describe en SEQ ID NO: 997, y una región VL como se describe en SEQ ID NO: 998.
-
- 10. La molécula de unión de acuerdo con la reivindicación 9, en donde el primer dominio de unión comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada a partir del grupo que consiste en SEQ ID NO: 169, SEQ ID NO: 179, SEQ ID NO: 189, SEQ ID NO: 199, SEQ ID NO: 209, SEQ ID NO: 219, SEQ ID NO: 229, SEQ ID NO: 629, SEQ ID NO: 639, SEQ ID NO: 649, SEQ ID NO: 659, SEQ ID NO: 669, SEQ ID NO: 679, SEQ ID NO: 689, SEQ ID NO: 699, SEQ ID NO: 709, SEQ ID NO: 719, SEQ ID NO: 729, SEQ ID NO: 739, SEQ ID NO: 749, SEQ ID NO: 759, SEQ ID NO: 769, SEQ ID NO: 779, SEQ ID NO: 789, SEQ ID NO: 799, SEQ ID NO: 809, SEQ ID NO: 819, SEQ ID NO: 829, SEQ ID NO: 839, SEQ ID NO: 969, SEQ ID NO: 979, SEQ ID NO: 989, y SEQ ID NO: 999.
 - 11. La molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones 1-6 que tiene la secuencia de aminoácidos que se describe en la SEQ ID NO: 980.
 - 12. Una secuencia de ácido nucleico que codifica una molécula de unión tal como se define en una cualquiera de las reivindicaciones 1 a 11.

13. Un vector que comprende una secuencia de ácido nucleico tal como se define en la reivindicación 12.
14. Una célula hospedadora incapaz de conducir a un organismo completo, transformada o transfectada con la secuencia de ácido nucleico tal como se define en la reivindicación 12 o con el vector tal como se define en la reivindicación 13, en donde la célula hospedadora es una célula hospedadora procariota o eucariota tal como una célula de levadura, de hongo, de insecto o de mamífero.
15. Un procedimiento para la producción de una molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones 1 a 11, comprendiendo dicho proceso cultivar una célula hospedadora tal como se define en la reivindicación 14 bajo condiciones que permitan la expresión de la molécula de unión tal como se define en una cualquiera de las reivindicaciones 1 a 11 y recuperar la molécula de unión producida a partir del cultivo.
16. Una composición farmacéutica que comprende una molécula de unión de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones 1 a 11, o producida de acuerdo con el procedimiento de la reivindicación 15, y un vehículo farmacéuticamente aceptable.