

LISTADO DE SECUENCIAS

<110> Solicitante: CCAM THERAPEUTICS LTD.

<120> ANTICUERPOS HUMANIZADOS CONTRA LA MOLÉCULA DE ADHESIÓN CELULAR RELACIONADA AL ANTÍGENO CARCINOEMBRIÓNICO 1 (CEACAM1)

<130> Número de referencia: CCAM010 PCT

<160> Número de secuencias: 59

<170> Software: PatentIn versión 3.5

<210> SEQ ID NO: 1

<211> Longitud: 10

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 1

Gly	Tyr	Ala	Phe	Thr	Asn	Asn	Leu	Ile	Glu
1				5					10

<210> SEQ ID NO: 2

<211> Longitud: 17

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 2

Val	Ile	Asn	Pro	Gly	Ser	Gly	Asp	Thr	Asn	Tyr	Asn	Glu	Lys	Phe	Lys
1				5					10					15	

Gly

<210> SEQ ID NO: 3

<211> Longitud: 11

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: secuencia sintética

<400> Secuencia: 3

Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 4
 <211> Longitud: 11
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético
 <400> Secuencia: 4

Arg Thr Ser Gln Asp Ile Gly Asn Tyr Leu Asn
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 5
 <211> Longitud: 7
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético
 <400> Secuencia: 5

Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser
 1 5

<210> SEQ ID NO: 6
 <211> Longitud: 9
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético
 <400> Secuencia: 6

Gln Gln Gly Lys Ser Leu Pro Arg Thr
 1 5

<210> SEQ ID NO: 7
 <211> Longitud: 25
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético
 <400> Secuencia: 7

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser
 20 25

<210> SEQ ID NO: 8
 <211> Longitud: 14
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 8

Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met Gly
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 9
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 9

Arg Val Thr Met Thr Arg Asp Thr Ser Ile Ser Thr Ala Tyr Met Glu
 1 5 10 15

Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg
 20 25 30

<210> SEQ ID NO: 10
 <211> Longitud: 11
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 10

Trp Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 11
 <211> Longitud: 23
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 11

Asp	Ile	Gln	Met	Thr	Gln	Ser	Pro	Ser	Ser	Leu	Ser	Ala	Ser	Val	Gly
1				5					10					15	

Asp	Arg	Val	Thr	Ile	Thr	Cys
			20			

<210> SEQ ID NO: 12
 <211> Longitud: 15
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 12

Trp	Tyr	Gln	Gln	Lys	Pro	Gly	Lys	Ala	Pro	Lys	Leu	Leu	Ile	Tyr
1				5					10					15

<210> SEQ ID NO: 13
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 13

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Phe	Thr
1				5					10					15	

Phe	Thr	Ile	Ser	Ser	Leu	Gln	Pro	Glu	Asp	Ile	Ala	Thr	Tyr	Tyr	Cys
			20					25					30		

<210> SEQ ID NO: 14
 <211> Longitud: 10
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 14

Phe	Gly	Gly	Gly	Thr	Lys	Val	Glu	Ile	Lys
1				5					10

<210> SEQ ID NO: 15
 <211> Longitud: 25
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 15

Gln	Val	Gln	Leu	Val	Gln	Ser	Gly	Ala	Glu	Leu	Lys	Lys	Pro	Gly	Ala
1				5					10					15	

Ser	Val	Lys	Val	Ser	Cys	Lys	Ala	Ser
			20					25

<210> SEQ ID NO: 16
 <211> Longitud: 14
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 16

Trp	Val	Lys	Gln	Ala	Pro	Gly	Gln	Gly	Leu	Glu	Trp	Ile	Gly
1				5					10				

<210> SEQ ID NO: 17
 <211> Longitud: 14
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 17

Trp	Val	Arg	Gln	Ala	Pro	Gly	Gln	Gly	Leu	Glu	Trp	Ile	Gly
1				5					10				

<210> SEQ ID NO: 18
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 18

Arg	Ala	Thr	Leu	Thr	Ala	Asp	Lys	Ser	Ile	Asn	Thr	Ala	Tyr	Met	Glu
1				5					10					15	

Leu	Ser	Ser	Leu	Thr	Ser	Asp	Asp	Ser	Ala	Val	Tyr	Phe	Cys	Ala	Arg
			20					25					30		

<210> SEQ ID NO: 19
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 19

Arg	Ala	Thr	Leu	Thr	Ala	Asp	Lys	Ser	Ile	Asn	Thr	Ala	Tyr	Met	Glu
1				5					10					15	

Leu	Ser	Arg	Leu	Arg	Ser	Asp	Asp	Thr	Ala	Val	Tyr	Phe	Cys	Ala	Arg
			20					25					30		

<210> SEQ ID NO: 20
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 20

Arg	Ala	Thr	Leu	Thr	Ala	Asp	Lys	Ser	Ile	Asn	Thr	Ala	Tyr	Met	Glu
1				5					10					15	

Leu	Ser	Arg	Leu	Arg	Ser	Asp	Asp	Thr	Ala	Val	Tyr	Tyr	Cys	Ala	Arg
			20					25					30		

<210> SEQ ID NO: 21

<211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 21

Arg Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ile Ser Thr Ala Tyr Met Glu
 1 5 10 15

Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg
 20 25 30

<210> SEQ ID NO: 22
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 22

Arg Val Thr Met Thr Ala Asp Lys Ser Ile Ser Thr Ala Tyr Met Glu
 1 5 10 15

Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg
 20 25 30

<210> SEQ ID NO: 23
 <211> Longitud: 11
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 23

Trp Gly Gln Gly Thr Ser Val Thr Val Ser Ser
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 24
 <211> Longitud: 15
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 24

Trp	Tyr	Gln	Gln	Lys	Pro	Gly	Lys	Ala	Val	Lys	Leu	Leu	Ile	Tyr
1				5					10					15

<210> SEQ ID NO: 25

<211> Longitud: 32

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 25

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Tyr	Thr
1				5					10					15	

Leu	Thr	Ile	Ser	Ser	Leu	Gln	Gln	Glu	Asp	Ile	Ala	Thr	Tyr	Phe	Cys
			20					25					30		

<210> SEQ ID NO: 26

<211> Longitud: 32

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 26

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Tyr	Thr
1				5					10					15	

Leu	Thr	Ile	Ser	Ser	Leu	Gln	Pro	Glu	Asp	Ile	Ala	Thr	Tyr	Phe	Cys
			20					25					30		

<210> SEQ ID NO: 27

<211> Longitud: 32

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 27

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Tyr	Thr
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

```

1              5              10              15
Phe Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys
      20              25              30

<210> SEQ ID NO: 28
<211> Longitud: 120
<212> Tipo: PRT
<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 28

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Leu Lys Lys Pro Gly Ala
1              5              10              15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
      20              25              30

Leu Ile Glu Trp Val Lys Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile
      35              40              45

Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
      50              55              60

Lys Gly Arg Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ile Asn Thr Ala Tyr
      65              70              75              80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Thr Ser Asp Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys
      85              90              95

Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
      100              105              110

Gly Thr Ser Val Thr Val Ser Ser
      115              120

```

```
<210> SEQ ID NO: 29
<211> Longitud: 120
<212> Tipo: PRT
<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
```

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 29

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
20 25 30

Leu Ile Glu Trp Val Lys Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
50 55 60

Lys Gly Arg Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ile Asn Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Phe Cys
85 90 95

Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
100 105 110

Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> SEQ ID NO: 30

<211> Longitud: 120

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 30

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
20 25 30

Leu Ile Glu Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile

35 40 45
 Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
 50 55 60
 Lys Gly Arg Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ile Asn Thr Ala Tyr
 65 70 75 80
 Met Glu Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95
 Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
 100 105 110
 Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> SEQ ID NO: 31
 <211> Longitud: 120
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético
 <400> Secuencia: 31

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15
 Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
 20 25 30
 Leu Ile Glu Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile
 35 40 45
 Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
 50 55 60
 Lys Gly Arg Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ile Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80
 Met Glu Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
 100 105 110

Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> SEQ ID NO: 32
 <211> Longitud: 120
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 32

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
 20 25 30

Leu Ile Glu Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile
 35 40 45

Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
 50 55 60

Lys Gly Arg Val Thr Met Thr Ala Asp Lys Ser Ile Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
 100 105 110

Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> SEQ ID NO: 33
 <211> Longitud: 107
 <212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 33

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Thr Ser Gln Asp Ile Gly Asn Tyr
20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Val Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Gln
65 70 75 80

Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Gly Lys Ser Leu Pro Arg
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

<210> SEQ ID NO: 34

<211> Longitud: 107

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 34

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Thr Ser Gln Asp Ile Gly Asn Tyr
20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Val Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80

Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Gly Lys Ser Leu Pro Arg
 85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105

<210> SEQ ID NO: 35

<211> Longitud: 107

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 35

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Thr Ser Gln Asp Ile Gly Asn Tyr
 20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Val Lys Leu Leu Ile
 35 40 45

Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Thr Phe Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80

Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Gly Lys Ser Leu Pro Arg
 85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105

<210> SEQ ID NO: 36
 <211> Longitud: 25
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 36

Gln	Val	Gln	Leu	Gln	Gln	Ser	Gly	Ala	Glu	Leu	Val	Arg	Pro	Gly	Thr
1			5						10					15	
Ser	Val	Lys	Val	Ser	Cys	Lys	Ala	Ser							
			20				25								

<210> SEQ ID NO: 37
 <211> Longitud: 14
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 37

Trp	Val	Lys	Gln	Arg	Pro	Gly	Gln	Gly	Leu	Glu	Trp	Ile	Gly
1			5						10				

<210> SEQ ID NO: 38
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

 <400> Secuencia: 38

Lys	Ala	Thr	Leu	Thr	Ala	Asp	Lys	Ser	Ser	Asn	Thr	Ala	Tyr	Met	Gln
1			5						10					15	
Leu	Ser	Ser	Leu	Thr	Ser	Asp	Asp	Ser	Ala	Val	Tyr	Phe	Cys	Ala	Arg
			20					25					30		

<210> SEQ ID NO: 39
 <211> Longitud: 11
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 39

Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Ser	Val	Thr	Val	Ser	Ser
1				5					10	

<210> SEQ ID NO: 40
 <211> Longitud: 23
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 40

Asp	Ile	Gln	Met	Thr	Gln	Thr	Thr	Ser	Ser	Leu	Ser	Ala	Ser	Leu	Gly
1				5					10					15	

Asp	Arg	Val	Thr	Ile	Ser	Cys
						20

<210> SEQ ID NO: 41
 <211> Longitud: 15
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 41

Trp	Tyr	Gln	Gln	Lys	Pro	Asp	Gly	Thr	Val	Lys	Leu	Leu	Ile	Tyr
1				5					10					15

<210> SEQ ID NO: 42
 <211> Longitud: 32
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 42

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Tyr	Ser
1				5					10					15	

Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Gln Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys
 20 25 30

<210> SEQ ID NO: 43
 <211> Longitud: 10
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético
 <400> Secuencia: 43

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 44
 <211> Longitud: 360
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: Secuencia de polinucleótido sintético

<400> Secuencia: 44
 caggtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgag ctgaagaaac ctggcgccctc tgtgaaggtg 60
 tcctgcaagg cctccggcta cgccttcacc aacaacctga tcgagtgggt caaacaggcc 120
 ccaggccagg gcctggaatg gatcggcgtg atcaaccccg gctccggcga caccaactac 180
 aacgagaagt tcaagggccg ggccaccctg accgccgaca agtccatcaa caccgcctac 240
 atggagctgt cctccctgac ctccgacgac tccgccgtgt acttctgcgc cagaggcgac 300
 tactacggcg gcttcgccgt ggattactgg ggccagggca cctccgtgac cgtgtcctca 360

<210> SEQ ID NO: 45
 <211> Longitud: 360
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: Secuencia Artificial
 <220> Característica:
 <223> Otra Información: polinucleótido sintético

<400> Secuencia: 45
 caggtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgag gtgaagaaac ctggcgccctc tgtgaaggtg 60
 tcctgcaagg cctccggcta cgccttcacc aacaacctga tcgagtgggt caaacaggcc 120
 ccaggccagg gcctggaatg gatcggcgtg atcaaccccg gctccggcga caccaactac 180

aacgagaagt tcaagggccg ggccaccctg accgccgaca agtccatcaa caccgcctac 240
 atggagctgt ccagactgag gtccgacgac accgccgtgt acttctgcgc cagaggcgac 300
 tactacggcg gcttcgccgt ggattactgg ggccagggca ccaccgtgac cgtgtcctca 360

<210> SEQ ID NO: 46
 <211> Longitud: 360
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 46
 caggtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgag gtgaagaaac ctggcgccctc tgtgaaggtg 60
 tcctgcaagg cctccggcta cgccttcacc aacaacctga tcgagtgggt cagacaggcc 120
 ccaggccagg gcctggaatg gatcggcgtg atcaaccccc gctccggcga caccaactac 180
 aacgagaagt tcaagggccg ggccaccctg accgccgaca agtccatcaa caccgcctac 240
 atggagctgt ccagactgag gtccgacgac accgccgtgt actactgcgc cagaggcgac 300
 tactacggcg gcttcgccgt ggattactgg ggccagggca ccaccgtgac cgtgtcctca 360

<210> SEQ ID NO: 47
 <211> Longitud: 360
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 47
 caggtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgag gtgaagaaac ctggcgccctc tgtgaaggtg 60
 tcctgcaagg cctccggcta cgccttcacc aacaacctga tcgagtgggt cagacaggcc 120
 ccaggccagg gcctggaatg gatcggcgtg atcaaccccc gctccggcga caccaactac 180
 aacgagaagt tcaagggccg ggccaccctg accgccgaca agtccatcag caccgcctac 240
 atggagctgt ccagactgag gtccgacgac accgccgtgt actactgcgc cagaggcgac 300
 tactacggcg gcttcgccgt ggattactgg ggccagggca ccaccgtgac cgtgtcctca 360

<210> SEQ ID NO: 48
 <211> Longitud: 360
 <212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 48

caggtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgag gtgaagaaac ctggcgccctc tgtgaaggtg	60
tcctgcaagg cctccggcta cgccttcacc aacaacctga tcgagtgggt cagacaggcc	120
ccaggccagg gcctggaatg gatcggcgtg atcaaccccg gctccggcga caccaactac	180
aacgagaagt tcaagggccg ggtgaccatg accgccgaca agtccatcag caccgcctac	240
atggagctgt ccagactgag gtccgacgac accgccgtgt actactgcgc cagaggcgac	300
tactacggcg gcttcgccgt ggattactgg ggccagggca ccaccgtgac cgtgtcctca	360

<210> SEQ ID NO: 49

<211> Longitud: 321

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 49

gacatccaga tgacccagag cccttcagc ctgtccgcct ccgtgggcca cagagtgacc	60
atcacctgcc ggacctcca ggacatcggc aactacctga actggtatca gcagaaaccc	120
ggcaaggccg tgaagctgct gatctactac acctcccggc tgcaactccg cgtgccctcc	180
agattctccg gctctggctc cggcaccgac tacacctga ccatcagcag cctgcagcag	240
gaagatatcg ctacctactt ctgtcagcag ggcaagtctc tgcctcggac ctttggcgga	300
ggcaccaagg tggaatcaa a	321

<210> SEQ ID NO: 50

<211> Longitud: 321

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 50

gacatccaga tgacccagag cccttcagc ctgtccgcct ccgtgggcca cagagtgacc	60
atcacctgcc ggacctcca ggacatcggc aactacctga actggtatca gcagaaaccc	120
ggcaaggccg tgaagctgct gatctactac acctcccggc tgcaactccg cgtgccctcc	180

agattctccg gctctggctc cggcaccgac tacaccctga ccatcagcag cctgcagcct 240
 gaagatatcg ctacctactt ctgtcagcag ggcaagtctc tgcctcggac ctttggcgga 300
 ggcaccaagg tggaaatcaa a 321

<210> SEQ ID NO: 51
 <211> Longitud: 321
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 51
 gacatccaga tgaccagag cccttcagc ctgtccgcct ccgtgggcga cagagtgacc 60
 atcacctgcc ggacctcca ggacatcggc aactacctga actggtatca gcagaaaccc 120
 ggcaaggccg tgaagctgct gatctactac acctccggc tgcactccgg cgtgccctcc 180
 agattctccg gctctggctc cggcaccgac tacaccttca ccatcagcag cctgcagcct 240
 gaagatatcg ctacctactt ctgtcagcag ggcaagtctc tgcctcggac ctttggcgga 300
 ggcaccaagg tggaaatcaa a 321

<210> SEQ ID NO: 52
 <211> Longitud: 214
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 52

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Thr Ser Gln Asp Ile Gly Asn Tyr
 20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Val Lys Leu Leu Ile
 35 40 45

Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Gly Lys Ser Leu Pro Arg
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
100 105 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
115 120 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
130 135 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145 150 155 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
165 170 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

<210> SEQ ID NO: 53

<211> Longitud: 447

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 53

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
 20 25 30

Leu Ile Glu Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile
 35 40 45

Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
 50 55 60

Lys Gly Arg Val Thr Met Thr Ala Asp Lys Ser Ile Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
 100 105 110

Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
 115 120 125

Phe Pro Leu Ala Pro Cys Ser Arg Ser Thr Ser Glu Ser Thr Ala Ala
 130 135 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
 145 150 155 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
 165 170 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
 180 185 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Lys Thr Tyr Thr Cys Asn Val Asp His Lys
 195 200 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Arg Val Glu Ser Lys Tyr Gly Pro
 210 215 220

Pro Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Phe Leu Gly Gly Pro Ser Val
 225 230 235 240

Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr
245 250 255

Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser Gln Glu Asp Pro Glu
260 265 270

Val	Gln	Phe	Asn	Trp	Tyr	Val	Asp	Gly	Val	Glu	Val	His	Asn	Ala	Lys
		275					280					285			

Thr	Lys	Pro	Arg	Glu	Glu	Gln	Phe	Asn	Ser	Thr	Tyr	Arg	Val	Val	Ser
	290					295					300				

Val	Leu	Thr	Val	Leu	His	Gln	Asp	Trp	Leu	Asn	Gly	Lys	Glu	Tyr	Lys
305					310					315					320

Cys Lys Val Ser Asn Lys Gly Leu Pro Ser Ser Ile Glu Lys Thr Ile
325 330 335

Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro
340 345 350

Pro	Ser	Gln	Glu	Glu	Met	Thr	Lys	Asn	Gln	Val	Ser	Leu	Thr	Cys	Leu
		355					360					365			

Val	Lys	Gly	Phe	Tyr	Pro	Ser	Asp	Ile	Ala	Val	Glu	Trp	Glu	Ser	Asn
	370					375					380				

Gly	Gln	Pro	Glu	Asn	Asn	Tyr	Lys	Thr	Thr	Pro	Pro	Val	Leu	Asp	Ser
385					390					395					400

Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Arg Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg
405 410 415

Trp Gln Glu Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu
420 425 430

His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Leu Gly Lys
435 440 445

```
<210> SEQ ID NO: 54
<211> Longitud: 1353
```

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 54

```

caggtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgag gtgaagaaac ctggcgccctc tgtgaaggtg      60
tcctgcaagg cctccggcta cgccttcacc aacaacctga tcgagtgggt cagacaggcc      120
ccaggccagg gcctggaatg gatcggcgctg atcaaccccg gctccggcga caccaactac      180
aacgagaagt tcaagggccg ggtgaccatg accgccgaca agtccatcag caccgcctac      240
atggagctgt ccagactgag gtccgacgac accgccgtgt actactgcmc cagaggcgac      300
tactacggcg gcttcgccgt ggattactgg ggccagggca ccaccgtgac cgtgtcctca      360
gcctccacca agggcccatac ggtcttcccc ctggcaccct cctccaagag cacctctggg      420
ggcacagcgg ccctgggctg cctgggtcaag gactacttcc ccgaaccggg gacgggtgtcg      480
tggaactcag gcgccctgac cagcggcgctg cacaccttcc cggctgtcct acagtctctca      540
ggactctact ccctcagcag cgtgggtgacc gtgccctcca gcagcttggg caccagacc      600
tacatctgca acgtgaatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagag agttgagccc      660
aaatcttgtg aaaaaactca cacatgccca ccgtgccag cactgaact cctgggggga      720
ccgtcagtct tcctcttccc cccaaaaccc aaggacaccc tcatgatctc ccggaccct      780
gaggtcacat gcgtgggtgt ggacgtgagc cacgaagacc ctgaggtcaa gttcaactgg      840
tacgtggacg gcgtggaggt gcataatgcc aagacaaagc cgcgggagga gcagtacaac      900
agcacgtacc gtgtgggtcag cgtcctcacc gtctgcacc aggactggct gaatggcaag      960
gagtacaagt gcaaggtctc caacaaagcc ctcccagccc ccatcgagaa aaccatctcc     1020
aaagccaaag ggcagccccg agaaccacag gtgtacaccc tgcccccatc ccgggaagag     1080
atgaccaaga accaggtcag cctgacctgc ctgggtcaaag gcttctatcc cagcgacatc     1140
gccgtggagt gggagagcaa tgggcagccg gagaacaact acaagaccac gcctcccgtg     1200
ctggactccg acggctcctt cttcctctat agcaagctca ccgtggacaa gagcaggtgg     1260
cagcagggga acgtcttctc atgctccgtg atgcatgagg ctctgcacaa ccactacacg     1320
cagaagagcc tctccctgtc tccgggtaaa tga                                     1353

```

<210> SEQ ID NO: 55

<211> Longitud: 1344

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: polinucléotido sintético

<400> Secuencia: 55

caggtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgag gtgaagaaac ctggcgccctc tgtgaaggtg	60
tcctgcaagg cctccggcta cgccttcacc aacaacctga tcgagtgggt cagacaggcc	120
ccaggccagg gcctggaatg gatcggcgtg atcaaccccg gctccggcga caccaactac	180
aacgagaagt tcaagggccg ggtgaccatg accgccgaca agtccatcag caccgcctac	240
atggagctgt ccagactgag gtccgacgac accgccgtgt actactgcg cagaggcgac	300
tactacggcg gcttcgccgt ggattactgg ggccagggca ccaccgtgac cgtgtcctca	360
gcttccacca agggcccac cgtcttcccc ctggcgccct gctccaggag cacctccgag	420
agcacagccg ccctgggctg cctgggtcaag gactacttcc ccgaaccggt gacggtgtcg	480
tggaactcag gcgccctgac cagcggcgtg cacaccttcc cggtgtcct acagtctca	540
ggactctact ccctcagcag cgtgggtgacc gtgccctcca gcagcttggg cacgaagacc	600
tacacctgca atgtagatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagag agttgagtcc	660
aaatatggtc ccccatgccc accatgcccga gcacctgagt tcctgggggg accatcagtc	720
ttctgttcc ccccaaaacc caaggacact ctcatgatct cccggacccc tgaggtcacg	780
tgcgtggtgg tggacgtgag ccaggaagac cccgaggtcc agttcaactg gtacgtggat	840
ggcgtggagg tgcataatgc caagacaaag ccgcgggagg agcagttcaa cagcacgtac	900
cgtgtggtca gcgtcctcac cgtcctgcac caggactggc tgaacggcaa ggagtacaag	960
tgcaaggtct ccaacaaagg cctcccgctc tccatcgaga aaaccatctc caaagccaaa	1020
gggcagcccc gagagccaca ggtgtacacc ctgcccccat cccaggagga gatgaccaag	1080
aaccaggtca gcctgacctg cctgggtcaaa ggcttctacc ccagcgacat cgccgtggag	1140
tgggagagca atgggcagcc ggagaacaac tacaagacca cgcctcccgt gctggactcc	1200
gacggctcct tcttctctca cagcaggcta accgtggaca agagcaggtg gcaggagggg	1260
aatgtcttct catgctccgt gatgcatgag gctctgcaca accactacac acagaagagc	1320
ctctccctgt ctctgggtaa atga	1344

<210> SEQ ID NO: 56
 <211> Longitud: 645
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: polinucléotido sintético

 <400> Secuencia: 56

Gly Ala Cys Ala Thr Cys Cys Ala Gly Ala Thr Gly Ala Cys Cys Cys
 1 5 10 15

Ala Gly Ala Gly Cys Cys Cys Thr Thr Cys Cys Ala Gly Cys Cys Thr
 20 25 30

Gly Thr Cys Cys Gly Cys Cys Thr Cys Cys Gly Thr Gly Gly Gly Cys
 35 40 45

Gly Ala Cys Ala Gly Ala Gly Thr Gly Ala Cys Cys Ala Thr Cys Ala
 50 55 60

Cys Cys Thr Gly Cys Cys Gly Gly Ala Cys Cys Thr Cys Cys Cys Ala
 65 70 75 80

Gly Gly Ala Cys Ala Thr Cys Gly Gly Cys Ala Ala Cys Thr Ala Cys
 85 90 95

Cys Thr Gly Ala Ala Cys Thr Gly Gly Thr Ala Thr Cys Ala Gly Cys
 100 105 110

Ala Gly Ala Ala Ala Cys Cys Cys Gly Gly Cys Ala Ala Gly Gly Cys
 115 120 125

Cys Gly Thr Gly Ala Ala Gly Cys Thr Gly Cys Thr Gly Ala Thr Cys
 130 135 140

Thr Ala Cys Thr Ala Cys Ala Cys Cys Thr Cys Cys Cys Gly Gly Cys
 145 150 155 160

Thr Gly Cys Ala Cys Thr Cys Cys Gly Gly Cys Gly Thr Gly Cys Cys
 165 170 175

Cys Thr Cys Cys Ala Gly Ala Thr Thr Cys Thr Cys Cys Gly Gly Cys

		180					185						190				
Thr	Cys	Thr	Gly	Gly	Cys	Thr	Cys	Cys	Gly	Gly	Cys	Ala	Cys	Cys	Gly		
		195					200					205					
Ala	Cys	Thr	Ala	Cys	Ala	Cys	Cys	Cys	Thr	Gly	Ala	Cys	Cys	Ala	Thr		
	210					215					220						
Cys	Ala	Gly	Cys	Ala	Gly	Cys	Cys	Thr	Gly	Cys	Ala	Gly	Cys	Cys	Thr		
225					230					235					240		
Gly	Ala	Ala	Gly	Ala	Thr	Ala	Thr	Cys	Gly	Cys	Thr	Ala	Cys	Cys	Thr		
				245					250						255		
Ala	Cys	Thr	Thr	Cys	Thr	Gly	Thr	Cys	Ala	Gly	Cys	Ala	Gly	Gly	Gly		
			260					265						270			
Cys	Ala	Ala	Gly	Thr	Cys	Thr	Cys	Thr	Gly	Cys	Cys	Thr	Cys	Gly	Gly		
	275						280					285					
Ala	Cys	Cys	Thr	Thr	Thr	Gly	Gly	Cys	Gly	Gly	Ala	Gly	Gly	Cys	Ala		
	290					295					300						
Cys	Cys	Ala	Ala	Gly	Gly	Thr	Gly	Gly	Ala	Ala	Ala	Thr	Cys	Ala	Ala		
305					310				315						320		
Ala	Cys	Gly	Ala	Ala	Cys	Thr	Gly	Thr	Gly	Gly	Cys	Thr	Gly	Cys	Ala		
				325					330						335		
Cys	Cys	Ala	Thr	Cys	Thr	Gly	Thr	Cys	Thr	Thr	Cys	Ala	Thr	Cys	Thr		
			340					345					350				
Thr	Cys	Cys	Cys	Gly	Cys	Cys	Ala	Thr	Cys	Thr	Gly	Ala	Thr	Gly	Ala		
		355					360					365					
Gly	Cys	Ala	Gly	Thr	Thr	Gly	Ala	Ala	Ala	Thr	Cys	Thr	Gly	Gly	Ala		
	370					375					380						
Ala	Cys	Thr	Gly	Cys	Cys	Thr	Cys	Thr	Gly	Thr	Thr	Gly	Thr	Gly	Thr		
385					390					395					400		

Gly Cys Cys Thr Gly Cys Thr Gly Ala Ala Thr Ala Ala Cys Thr Thr
 405 410 415

Cys Thr Ala Thr Cys Cys Cys Ala Gly Ala Gly Ala Gly Gly Cys Cys
 420 425 430

Ala Ala Ala Gly Thr Ala Cys Ala Gly Thr Gly Gly Ala Ala Gly Gly
 435 440 445

Thr Gly Gly Ala Thr Ala Ala Cys Gly Cys Cys Cys Thr Cys Cys Ala
 450 455 460

Ala Thr Cys Gly Gly Gly Thr Ala Ala Cys Thr Cys Cys Cys Ala Gly
 465 470 475 480

Gly Ala Gly Ala Gly Thr Gly Thr Cys Ala Cys Ala Gly Ala Gly Cys
 485 490 495

Ala Gly Gly Ala Cys Ala Gly Cys Ala Ala Gly Gly Ala Cys Ala Gly
 500 505 510

Cys Ala Cys Cys Thr Ala Cys Ala Gly Cys Cys Thr Cys Ala Gly Cys
 515 520 525

Ala Gly Cys Ala Cys Cys Cys Thr Gly Ala Cys Gly Cys Thr Gly Ala
 530 535 540

Gly Cys Ala Ala Ala Gly Cys Ala Gly Ala Cys Thr Ala Cys Gly Ala
 545 550 555 560

Gly Ala Ala Ala Cys Ala Cys Ala Ala Ala Gly Thr Cys Thr Ala Cys
 565 570 575

Gly Cys Cys Thr Gly Cys Gly Ala Ala Gly Thr Cys Ala Cys Cys Cys
 580 585 590

Ala Thr Cys Ala Gly Gly Gly Cys Cys Thr Gly Ala Gly Cys Thr Cys
 595 600 605

Gly Cys Cys Cys Gly Thr Cys Ala Cys Ala Ala Ala Gly Ala Gly Cys
 610 615 620

Thr Thr Cys Ala Ala Cys Ala Gly Gly Gly Gly Ala Gly Ala Gly Thr
 625 630 635 640

Gly Thr Thr Ala Gly
 645

<210> SEQ ID NO: 57
 <211> Longitud: 120
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 57

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
 20 25 30

Leu Ile Glu Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
 35 40 45

Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
 50 55 60

Lys Gly Arg Val Thr Met Thr Arg Asp Thr Ser Ile Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
 100 105 110

Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> SEQ ID NO: 58
 <211> Longitud: 107
 <212> Tipo: PRT
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 58

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Thr Ser Gln Asp Ile Gly Asn Tyr
20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Phe Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Gly Lys Ser Leu Pro Arg
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

<210> SEQ ID NO: 59

<211> Longitud: 450

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: péptido sintético

<400> Secuencia: 59

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Thr Asn Asn
20 25 30

Leu Ile Glu Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Val Ile Asn Pro Gly Ser Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe
 50 55 60

Lys Gly Arg Val Thr Met Thr Ala Asp Lys Ser Ile Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Arg Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Asp Tyr Tyr Gly Gly Phe Ala Val Asp Tyr Trp Gly Gln
 100 105 110

Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
 115 120 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
 130 135 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
 145 150 155 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
 165 170 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
 180 185 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
 195 200 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Arg Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
 210 215 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
 225 230 235 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
 245 250 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
 260 265 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
 275 280 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
 290 295 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
 305 310 315 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
 325 330 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
 340 345 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
 355 360 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
 370 375 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
 385 390 395 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
 405 410 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
 420 425 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
 435 440 445

Gly Lys
 450