

FIGURA 10B

Alineaciones de Secuencia de Región Variable de Cadena Pesada (continuación)

SEQ ID NO.	NOMBRE DEL CLON	CDR3
39	1K3VH6-7	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
40	1K3VH6-8_0816	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
41	1K3VH3-8	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
42	2K4VH3-8	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
43	1K3VH3-4	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
44	1K3VH3-3_0816	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
45	2K4VH2-8	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
46	2K4VH1-1	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
47	2K4VH1-4	RYTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCARG----GIAWFAYWGQGTLLTVSA 117
48	1C9_VH404-8_1024	RHTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCASGYF-----YFAYWGQGTLLTVSA 116
49	1C9_VH405-12_1024	RHTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCASGYF-----YFAYWGQGTLLTVSA 116
50	1C9_VH411-1_1024	RHTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCASGYF-----YFAYWGQGTLLTVSA 116
51	1C9_VH406-4_1024	RHTQKFKGKATLTADKSSSTAYMQLSSLASEDSAVYYCASGYF-----YFAYWGQGTLLTVSA 116
52	1L20VH2-3_0903	RYTQKFKGKATLTADKSSSTANMQLSSLASEDSAVYYCAKGD---GNFWFAYWGQGTLLTVSA 118
53	1L20VH2-1_0907	RYTQKFKGKATLTADKSSSTANMQLSSLASEDSAVYYCAKGD---GNFWFAYWGQGTLLTVSA 118
54	1L20VH2-3_0910	RYTQKFKGKATLTADKSSSTANMQLSGLASEDSAVYYCAKGD---GNFWFAYWGQGTLLTVSA 118
55	1J20VH1-7_0910	RYTQKFKGKATLTADKSSSTANMQLSSLASEDSAVYYCAKGD---GNFWFAYWGQGTLLTVSA 118
56	1J20VH1-1-6_0829	RYTQKFKGKATLTADKSSSTANMQLSSLASEDSAVYYCAKGD---GNFWFAYWGQGTLLTVSA 118
57	1L5VH003-5-8_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
58	1L5VH003-6-3_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
59	1L5VH001-7-6_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
60	1L5VH001-6-5_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
61	1L5VH001-6-11_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
62	1L5VH003-6-2_0910	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
63	1L5VH001-6-12_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
64	1L5VH003-3-4_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
65	1L5VH003-3-8_0907	RLNQKFKDKATLTVDKSSSTAYMQLSSPTSEDSAVYYCACRY---DRSYFDYWGQGTLLTVSS 118
66	CTC2_VH	RFNEKFKGKATLSVDTSTTAYMHLFSLTSDSAVYYCVRS-----GDFWGQGTLLTVSS 113
67	CTD2_VH	RFNEKFKGKATLSVDTSTTAYMHLFSLTSDSAVYYCVRS-----GDFWGQGTLLTVSS 113
68	CTA5_VH	YYADSVKDRFTISRDDSQSMYLYLQMFNLKTEDTAMYYCVRD-----GWWWGQGTLLTVSS 115
69	CTB11_VH	YYADSVKDRFTISRDDSQSMYLYLQMFNLKTEDTAMYYCVRD-----GWWWGQGTLLTVSS 115
70	1N23VH3-5	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
71	1N23VH3-7	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
72	1N23VH2-1	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
73	1K23VH2-1_0910	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
74	1K23VH1-4_0907	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
75	1K23VH1-10_0907	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
76	1N23VH1-5	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
77	1K23VH8-4_0907	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
78	1K23VH8-5_0907	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
79	1K23VH8-9_0907	YYNPSLKSRISITRDTSKNQYYLQLNSVTTEDTATYYCARYNSLLRLGAMDYWGQGTLLTVSS 120
80	1E9_VH1E3	YYVDSVKGRFTISRDNKNSLYLQMNLSRAEDTAVYYCARGGNS-----YFGWGQGTLLTVSS 116
81	1E9_VH1D5	YYVDSVKGRFTISRDNKNSLYLQMNLSRAEDTAVYYCARGGNS-----FRDWGQGTLLTVSS 116
82	1A12_VH	YYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNLSRAEDTAVYYCAKDRED----GMDVWGQGTLLTVSA 117