

FIGURA 9B

Alineaciones de Secuencia de Región Variable de Cadena Ligera (Continuación)

SEQ ID NO.	NOMBRE DEL CLON	CDR3	
3	1N23VL5-5	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEIK- 112
4	1N23VL5-8_0816	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEIK- 112
5	1N23VL1-8	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEDW- 112
6	1N23VL1-2_0820	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEDW- 112
7	1N23VL1-4_0820	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEIK- 112
8	1K23VL2-5	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEIK- 112
9	1N23VL1-2	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEIK- 112
10	1K23VL2-6	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEIK- 112
11	1K23VL2-8_0822	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKLEIK- 112
12	1K23VL2-3_0829	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKINRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSAHVP-WTFGGG</u> TKKTGS- 112
13	2K4VL1-3_0820	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDLGVIYFC	<u>SQSTHVP-PTFGGG</u> TKLEIK- 112
14	2K4VL1-4	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDLGVIYFC	<u>FQGS</u> SHV--LTFGGGTKLEIK- 111
15	2K4VL1-1	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDLGVIYFC	<u>FQGS</u> SHV--LTFGGGTKLEIK- 111
16	2K4VL1-6_0820	SGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDLGVIYFC	<u>FQGS</u> SHV--LTFGGGTKLEIK- 111
17	1C9VL2-4	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
18	1C9VL2-6	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
19	1C9VL2-3_0816	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
20	2K4VL2-5_0816	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
21	2K4VL2-4	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
22	2K4VL2-6_0816	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
23	1J20VL5-2_0907	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
24	1J20VL5-6_0907	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
25	1J20VL4-3_0907	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
26	1L20VL5-0912_0917	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
27	1K3VL2-5	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
28	1K3VL2-3	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
29	1K3VL2-4	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
30	2K4VL2-5	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQHLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
31	1L5VL2-4	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVAEDVGVIYFC	<u>CLQOLEYP-FTFGGG</u> TKLEIK- 112
32	1L5VL3-1	SGVPDRFSGSGSGTAFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>CLQOLEYP-FTFGGG</u> TKLEIK- 112
33	CTC6_VL	SGVPDRFSGSGSGTDFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQGLEYP-LTFGAG</u> TKLGLK- 112
34	CTD6_VL	SGVPDRFSGSGSGTDFTLRISRVEAEDVGVIYFC	<u>MQGLEYP-LTFGAG</u> TKLEIK- 112
35	CTA4_VL	DGVPSRFSGSGSGQDYSLTINSLEFEDMGIYFC	<u>CLQYDDFP-LTFGAG</u> TKVELK- 107
36	CTB4_VL	DGVPSRFSGSGSGQDYSLTINSLELEDMGIYFC	<u>CLQYDDFP-LTFGAG</u> TKVELK- 107
37	1E9_VL	SGIPDRFSGSKSGTSATLGITGLQTGDEADYYC	<u>CSYTSSSSVVF</u> GGGTKVTVLG 110
38	1A12_VL	SGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQAMDEADYYC	<u>QAWDSRT-VVIGR</u> GTKLTVLG 108