

LISTADO DE SECUENCIAS

<110> Solicitante: UNIQUIRE IP B.V.

<120> Título de la invención: Supresión del gen de la huntingtina inducida por la ARNI

<130> Número de referencia: P32194PC00

<160> Números de secuencias: 51

<170> Software: PatentIn versión 3.5

<210> SEQ ID NO: 1

<211> Longitud: 21

<212> Tipo: ARN

<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 1

cuucgagucc cucaaguuccu u 21

<210> SEQ ID NO: 2

<211> Longitud: 614

<212> Tipo: ARN

<213> Organismo: Homo Sapiens

<400> Secuencia: 2

uugcugugug aggcagaacc ugcgggggca ggggcgggcu gguucccugg ccagccauug 60

gcagaguccg caggcuaggg cugucaauca ugcuggccgg cguggccccg ccuccgccgg 120

cgcgccccg ccuccgccgg cgcacgucug ggacgcaagg cgccgugggg gcugccggga 180

cgguccaag auggacggcc gcucagguuc ugcuuuuacc ugcggcccag agccccauuc 240

auugccccg ugcugagcgg cgccgcgagu cgccccgagg ccuccgggga cugccgugcc 300

gggcgggaga ccgccauggc gaccuggaa aagcugauga aggccuucga gucccucaag 360

uccuuccagc agcagcagca gcagcagcag cagcagcagc agcagcagca gcagcagcag 420

cagcagcagc aacagccgcc accgccgccg ccgccgccgc cgccuccuca gcuuccucag 480

ccgccgccgc aggcacagcc gcugcugccu cagccgcagc cgccccgcc gccgccccg 540

ccgccacccg gcccggcugu ggcugaggag ccgcugcacc gaccgugagu uugggccccg 600

ugcagcuccc uguc 614

<210> SEQ ID NO: 3

<211> Longitud: 19

<212> Tipo: ARN

<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: primera secuencia que focaliza huntingtina (guía)

<400> Secuencia: 3

aaggacuuga gggacucga 19

<210> SEQ ID NO: 4

<211> Longitud: 20

<212> Tipo: ARN

<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: primera secuencia que focaliza huntingtina (guía)

<400> Secuencia: 4
aaggacuuga gggacucgaa 20

<210> SEQ ID NO: 5
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ARN
<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
<223> Otra Información: primera secuencia que focaliza huntingtina (guía)

<400> Secuencia: 5
aaggacuuga gggacucgaa g 21

<210> SEQ ID NO: 6
<211> Longitud: 22
<212> Tipo: ARN
<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
<223> Otra Información: primera secuencia que focaliza huntingtina (guía)

<400> Secuencia: 6
aaggacuuga gggacucgaa gg 22

<210> SEQ ID NO: 7
<211> Longitud: 23
<212> Tipo: ARN
<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
<223> Otra Información: primera secuencia que focaliza huntingtina (guía)

<400> Secuencia: 7
aaggacuuga gggacucgaa ggc 23

<210> SEQ ID NO: 8
<211> Longitud: 19
<212> Tipo: ARN
<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
<223> Otra Información: segunda secuencia (pasajero)

<400> Secuencia: 8
ucgaguccu caaguccuu 19

<210> SEQ ID NO: 9
<211> Longitud: 20
<212> Tipo: ARN
<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
<223> Otra Información: segunda secuencia (pasajero)

<400> Secuencia: 9
uucgagucc ucaaguccuu 20

<210> SEQ ID NO: 10
<211> Longitud: 21

<212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: segunda secuencia (pasajero)

 <400> Secuencia: 10
 cuucgagucc cucaaguccu u 21

 <210> SEQ ID NO: 11
 <211> Longitud: 22
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: segunda secuencia (pasajero)

 <400> Secuencia: 11
 ccuucgaguc ccucaagucc uu 22

 <210> SEQ ID NO: 12
 <211> Longitud: 23
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: segunda secuencia (pasajero)

 <400> Secuencia: 12
 gccuucgagu cccucaaguc cuu 23

 <210> SEQ ID NO: 13
 <211> Longitud: 19
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: segunda secuencia (pasajero)

 <400> Secuencia: 13
 cuucgagucu caaguccuu 19

 <210> SEQ ID NO: 14
 <211> Longitud: 19
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: segunda secuencia (pasajero)

 <400> Secuencia: 14
 acgagucccu caaguccuc 19

 <210> SEQ ID NO: 15
 <211> Longitud: 72
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: andamio pre-miR451a

 <400> Secuencia: 15
 cuugggaug gcaaggaagg acuugaggga cucgaagacg agucccucaa guccucucuu 60

gcuaauaccca ga 72

<210> SEQ ID NO: 16
 <211> Longitud: 69
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: andamio pre-miR155

<400> Secuencia: 16
 ugcugaagga cuugagggac ucgaagguuu uggccacuga cugaccuucg agucucaagu 60
 ccuucagga 69

<210> SEQ ID NO: 17
 <211> Longitud: 1989
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: pVD-CMV-miH12-155

<400> Secuencia: 17
 gttgacattg attattgact agttattaat agtaatcaat tacgggggtca ttagttcata 60
 gcccatatat ggagttccgc gttacataac ttacggtaaa tggcccgctt ggctgaccgc 120
 ccaacgaccc ccgcccattg acgtcaataa tgacgtatgt tcccatagta acgccaatag 180
 ggactttcca ttgacgtcaa tgggtggagt atttacggta aactgcccac ttggcagtac 240
 atcaagtgtg tcatatgcca agtacgcccc ctattgacgt caatgacggt aaatggcccg 300
 cctggcatta tgcccagtac atgaccttat gggactttcc tacttggcag tacatctacg 360
 tattagtcat cgctattacc atggtgatgc ggttttggca gtacatcaat gggcgtggat 420
 agcggtttga ctacgggga tttccaagtc tccaccccat tgacgtcaat gggagtttgt 480
 tttggcacca aaatcaacgg gactttccaa aatgtcgtaa caactccgcc ccattgacgc 540
 aaatgggcgg taggcgtgta cgggtggagg tctatataag cagagctctc tggctaacta 600
 gagaacccac tgcttactgg cttatcgaaa ttaatacgac tcatatagg gaggcccaag 660
 ctggctagtt aagctatcaa caagtttcta caaaaaagca ggcttataaa ccatgggtgag 720
 caagggcgag gagctgttca ccgggggtgt gccatcctg gtcgagctgg acggcgacgt 780
 aaacggccac aagttcagcg tgtccggcga gggcgagggc gatgccacct acggcaagct 840
 gaccctgaag ttcatctgca ccaccggcaa gctgcccgtg ccctggccca ccctcgtgac 900
 caccttcacc tacggcgtgc agtgcttcgc ccgtacccc gaccacatga agcagcacga 960
 cttcttcaag tccgccatgc ccgaaggcta cgtccaggag cgcaccatct tcttcaagga 1020
 cgacggcaac tacaagaccc gcgccgaggt gaagttcgag ggcgacaccc tgggtgaaccg 1080
 catcgagctg aagggcatcg acttcaagga ggacggcaac atcctggggc acaagctgga 1140
 gtacaactac aacagccaca aggtctatat caccgccgac aagcagaaga acggcatcaa 1200
 ggtgaacttc aagaccgcc acaacatcga ggacggcagc gtgcagctcg ccgaccacta 1260

ccagcagaac	acccccatcg	gcgacggccc	cgtgctgctg	cccgacaacc	actacctgag	1320
caccagtc	gccctgagca	aagaccccaa	cgagaagcgc	gatcacatgg	tcctgctgga	1380
gttcgtgacc	gccgccggga	tcactctcgg	catggacgag	ctgtacaagt	aagctaagca	1440
cttcgtggcc	gtcgatcggt	taaagggagg	tagtgagtcg	accagtggat	cctggaggct	1500
tgctgaaggc	tgtatgctga	aggacttgag	ggactcgaag	gttttgcca	ctgactgacc	1560
ttcgagtctc	aagtccttca	ggacacaagg	cctgttacta	gcactcacat	ggaacaaatg	1620
gccagatct	ggccgcactc	gagatatcta	gaccagctt	tcttgtaaa	agtgggtgat	1680
ctagagggcc	cgcggttcgc	tgatggggga	ggctaactga	aacacggaag	gagacaatac	1740
cggaaggaac	ccgcgctatg	acggcaataa	aaagacagaa	taaaacgcac	gggtgttggg	1800
tcgtttgttc	ataaacgcgg	ggttcggtcc	cagggctggc	actctgtcga	tacccaccg	1860
tgacccatt	ggggccaata	cgccgcgtt	tcttctttt	ccccaccca	cccccaagt	1920
tcgggtgaag	gccaggggt	cgagccaac	gtcggggcgg	caggccctgc	catagcatcc	1980
cctatagtg						1989

<210> SEQ ID NO: 18

<211> Longitud: 2444

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: pVD-CAG-miH12-451

<400> Secuencia: 18

cagtcacgac	gttgtaaaac	gacggccagt	gaattcgccc	ttaattcggt	accctagtta	60
ttaatagtaa	tcaattacgg	ggtcattagt	tcatagccca	tatatggagt	tccgcgttac	120
ataacttacg	gtaaattggc	cgcttggtg	accgccaac	gaccccgcc	cattgacgtc	180
aataatgacg	tatgttccca	tagtaacgcc	aatagggact	ttccattgac	gtcaatgggt	240
ggactattta	cggtaaactg	cccacttggc	agtacatcaa	gtgtatcata	tgccaagtac	300
gccccctatt	gacgtcaatg	acggtaaatg	gcccgcctgg	cattatgccc	agtacatgac	360
cttatgggac	tttctactt	ggcagtacat	ctacgtatta	gtcatcgcta	ttaccatggt	420
cgaggtgagc	cccacgttct	gcttcaactc	ccccatctcc	ccccctccc	cacccccaat	480
tttgtattta	tttatttttt	aattattttg	tgcagcgatg	ggggcggggg	gggggggggg	540
gcgcgcgcca	ggcggggcgg	ggcggggcga	ggggcggggc	ggggcgaggc	ggagaggtgc	600
ggcggcgagc	aatcagagcg	gcgcgctccg	aaagtttcct	tttatggcga	ggcggcgggc	660
gcggcgggcc	tataaaaagc	gaagcgcgcg	gcgggcggga	gtcgtgcga	cgctgccttc	720
gccccgtgcc	cgctccgcc	gccgcctcgc	gccgcccgcc	ccggctctga	ctgaccgcgt	780
tactcccaca	agtgagcggg	cgggacggcc	cttctcctcc	gggctgtaat	tagcgcttgg	840
tttaatgacg	gcttgtttct	tttctgtggc	tgcgtgaaag	ccttgagggg	ctccgggagg	900
gccctttgtg	cgggggggag	cggctcgggg	ggtgcgtgcg	tgtgtgtgtg	cgtggggagc	960

```

gccgcgtgcg gccgcgctg cccggcggct gtgagcgtg cgggcgcggc gcggggcttt 1020
gtgcgctccg cagtgtgcg gaggggagcg cggccggggg cggtgccccg cggtgcgggg 1080
ggggctgcga ggggaacaaa ggctgcgtg ggggtgtgtg cgtggggggg tgagcagggg 1140
gtgtggggcg gccggtcggg ctgtaacccc cccctgcacc cccctccccg agttgctgag 1200
cacggccccg cttcgggtgc ggggctccgt acggggcgtg gcgcggggct cgcggtgccg 1260
ggcggggggg gccggcaggt ggggggtgccg ggccggggcg ggccgcctcg ggccggggag 1320
ggctcggggg aggggcgcgg cggcccccg agcgcggcg gctgtcgagg cgcggcgcg 1380
cgcagccatt gccttttatg gtaatcgtg gagagggcg agggacttcc tttgtcccaa 1440
atctgtgcgg agccgaaatc tgggagggcg gccgcaccc cctctagcgg gcgcggggcg 1500
aagcgggtgc gcgcggcgag gaaggaaatg ggccggggag gccttcgtg gtcgccgcgc 1560
cgccgtcccc ttctccctct ccagcctcgg ggctgtccg ggggggacgg ctgccttcgg 1620
gggggacggg gcagggcggg gttcggcttc tggcgtgtga ccggcggtc tagagcctct 1680
gctaaccatg ttcatgcctt cttctttttc ctacagctcc tgggcaacgt gctggttatt 1740
gtgctgtctc atcattttgg caaagaatta agggcgaatt cgagctcgg acctcgcgaa 1800
tgcattctaga tatcggcgct atgcttcctg tgccccagc ggggccctgg ctgggatttc 1860
atcatatact gtaagtttgc gatgagacac tacagtatag atgatgtact agtccgggca 1920
ccccagctc tggagcctga caaggaggac aggagagatg ctgcaagccc aagaagctct 1980
ctgctcagcc tgtcacaacc tactgactgc cagggcactt gggaatggca aggaaggact 2040
tgagggactc gaagacgagt ccctcaagtc ctctcttgct ataccagaa aacgtgccag 2100
gaagagaact caggaccctg aagcagacta ctggaaggga gactccagct caaacaaggc 2160
aggggtgggg gcgtgggatt gggggtaggg gaggggaatag atacattttc tctttcctgt 2220
tgtaaagaaa taaagataag ccaggcacag tggtcacgc ctgtaatccc accactttca 2280
gaggccaagg cgctggatcc agatctcgag cggccgcccg tggcatccct gtgaccctc 2340
cccagtgcct ctctggccc tgggaagttgc cactccagtg cccaccagcc ttgtccta 2400
aaaattaagt tgcattcaaga tcgacgggccc cgtcgactgc agag 2444

```

<210> SEQ ID NO: 19

<211> Longitud: 1224

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: pVD-PGK-miH12-451

<400> Secuencia: 19

```

gttgtaaaac gacggccagt gaattctacc gggtagggga ggcgcttttc ccaaggcagt 60
ctggagcatg cgcttttagca gccccgctgg gcacttggcg ctacacaagt ggcctctggc 120
ctcgcacaca ttccacatcc accggtaggc gccaaacggc tccgttcttt ggtggcccct 180
tcgcgccacc ttctactcct cccctagtca ggaagttccc cccgccccg cagctcgct 240

```

```

cgtgcaggac gtgacaaatg gaagtagcac gtctcactag tctcgtgcag atggacagca      300
ccgctgagca atggaagcgg gtaggccttt ggggcagcgg ccaatagcag ctttgctcct      360
tcgcttttctg ggctcagagg ctgggaaggg gtgggtccgg gggcgggctc aggggcgggc      420
tcaggggcgg ggcgggcgcc cgaaggtcct ccggaggccc ggcattctgc acgcttcaaa      480
agcgcacgtc tgccgcgctg ttctcctctt cctcatctcc gggcctttcg acccggatcc      540
cccgggctgc aggaattcga gctcggtagc tcgcgaatgc atctagatat cggcgctatg      600
cttctgtgac cccagtgagg gccctggctg ggatttcata atatactgta agtttgcatg      660
gagacactac agtatagatg atgtactagt ccgggcaccc ccagctctgg agcctgacaa      720
ggaggacagg agagatgctg caagcccaag aagctctctg ctcagcctgt cacaacctac      780
tgactgccag ggcacttggg aatggcaagg aaggacttga gggactcgaa gacgagtccc      840
tcaagtcttc tcttgctata ccagaaaaac gtgccaggaa gagaactcag gaccctgaag      900
cagactactg gaagggagac tccagctcaa acaaggcagg ggtgggggcg tgggattggg      960
ggtaggggag ggaatagata ctttttctct ttctgttgtt aaagaaataa agataagcca     1020
ggcacagtgg ctacgcctg taatcccacc actttcagag gccaaaggcg tggatccaga     1080
tctcgagcgg ccgcccgtgg catccctgtg acccctcccc agtgcctctc ctggccctgg     1140
aagttgccac tccagtgcc accagccttg tcctaataaa attaagttgc atcaagatcg     1200
acgggcccgt cgactgcaga ggcc                                           1224

```

<210> SEQ ID NO: 20
 <211> Longitud: 272
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: andamio pri-miH12-155

```

<400> Secuencia: 20
gcuaagcacu ucguggccgu cgaucguuua aagggaggua gugagucgac caguggaucc      60
uggaggcuug cugaaggcug uaugcugaag gacuugaggg acucgaaggu uuuggccacu     120
gacugaccuu cgagucucua guccuucagg acacaaggcc uguuacuagc acucacaugg     180
aacaaauggc ccagaucugg ccgcacucga gauaucuaga ccagcuuuc uuguacaaag     240
ugguugaucu agagggcccg cgguucgcug au                                   272

```

<210> SEQ ID NO: 21
 <211> Longitud: 605
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
 <223> Otra Información: andamio pri-miH12-451

```

<400> Secuencia: 21
gcuccugggc aacgugcugg uuauugugcu gucucaucau uuuggcaaag aaauaagggc      60
gaauucgagc ucgguaccuc gcgaaugcau cuagauaucg gcgcuaugcu uccugugccc     120

```

```

ccaguggggc ccuggcuggg auuucaucu auacuguaag uuugcgaug gacacuacag 180
uauagaugau guacuagucc gggcaccccc agcucuggag ccugacaagg aggacaggag 240
agaugcugca agcccaagaa gcucucugcu cagccuguca caaccuacug acugccaggg 300
cacuugggaa uggcaaggaa ggacuugagg gacucgaaga cgagucccuc aagucccuc 360
uugcuauacc cagaaaacgu gccaggaaga gaacucagga ccugaagca gacuacugga 420
agggagacuc cagcucaaac aaggcagggg ugggggcgug ggauuggggg uaggggaggg 480
aaauagauaca uuuucucuuu ccuguuguaa agaaauaaag auaagccagg cacaguggcu 540
cacgccugua aucccaccac uuucagaggc caaggcgug gauccagauc ucgagcggcc 600
gcccg 605

```

```

<210> SEQ ID NO: 22
<211> Longitud: 819
<212> Tipo: ARN
<213> Organismo: secuencia artificial

<220> Característica:
<223> Otra Información: andamio pri-miH12-451

```

```

<400> Secuencia: 22
agucucgugc agauggacag caccgcugag caauggaagc gguagggccu ugggggcagc 60
ggccaauagc agcuuugcuc cuucgcuuuc ugggcucaga ggcugggaag gggugggucc 120
gggggcgggc ucaggggagg gcucaggggc ggggcgggcg cccgaagguc cuccggaggc 180
ccggcauucu gcacgcuuca aaagcgacg ucugccgagc uguucuccuc uuccucaucu 240
ccgggcccuu cgacccggau ccccgggcu gcaggaauc gagcucggua ccucgcgaau 300
gcaucuagau aucggcgua ugcuccugu gccccagug gggcccugc ugggauuua 360
ucauauacug uaaguuugc augagacacu acaguauaga ugauguacua guccgggcac 420
ccccagcucu ggagccugac aaggaggaca ggagagaugc ugcaagcca agaagcucuc 480
ugcucagccu gucacaaccu acugacugc agggcacuug ggauggcaa ggaaggacuu 540
gagggacucg aagacgaguc ccucaagucc ucucuugcua uaccagaaa acgugccagg 600
aagagaacuc aggaccuga agcagacuac uggaaggag acuccagcuc aaacaaggca 660
gggguggggg cgugggauug gggguagggg agggauuaga uacauuuucu cuuuccuguu 720
guaaagaaau aaagauaagc caggcacagu ggcucacgcc uguaaucca ccacuucag 780
aggccaaggc gcuggauca gaucugagc ggccgccc 819

```

```

<210> SEQ ID NO: 23
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

```

```

<400> Secuencia: 23
tccaagatgg acggccgctc a 21

```

```

<210> SEQ ID NO: 24

```

```

<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 24
ccaagatgga cggccgctca g 21

<210> SEQ ID NO: 25
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 25
agatggacgg ccgctcaggt t 21

<210> SEQ ID NO: 26
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 26
atggacggcc gctcaggttc t 21

<210> SEQ ID NO: 27
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 27
gacggccgct caggttctgc t 21

<210> SEQ ID NO: 28
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 28
cggccgctca gggtctgctt t 21

<210> SEQ ID NO: 29
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 29
gtgctgagcg gcgccgcgag t 21

<210> SEQ ID NO: 30
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 30
cgccgcgagt cggcccagg c 21

<210> SEQ ID NO: 31
<211> Longitud: 21
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 31

```

accgccatgg cgaccctgga a 21

<210> SEQ ID NO: 32
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 32
 ccgccatggc gaccctggaa a 21

<210> SEQ ID NO: 33
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 33
 gaaggccttc gagtccctca a 21

<210> SEQ ID NO: 34
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 34
 cttcgagtcc ctcaagtcct t 21

<210> SEQ ID NO: 35
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 35
 ccgccgccgc ctctcagct t 21

<210> SEQ ID NO: 36
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 36
 gccgcctcct cagcttctc a 21

<210> SEQ ID NO: 37
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 37
 tcagccgccg ccgcaggcac a 21

<210> SEQ ID NO: 38
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

<400> Secuencia: 38
 gccgcaggca cagccgctgc t 21

<210> SEQ ID NO: 39
 <211> Longitud: 21

<212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

 <400> Secuencia: 39
 ggcacagccg ctgctgcctc a 21

<210> SEQ ID NO: 40
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

 <400> Secuencia: 40
 gccgctgctg cctcagccgc a 21

<210> SEQ ID NO: 41
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

 <400> Secuencia: 41
 cggcccggct gtggctgagg a 21

<210> SEQ ID NO: 42
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

 <400> Secuencia: 42
 ctgtggctga ggagccgctg c 21

<210> SEQ ID NO: 43
 <211> Longitud: 21
 <212> Tipo: ADN
 <213> Organismo: homo sapiens

 <400> Secuencia: 43
 tgtggctgag gagccgctgc a 21

<210> SEQ ID NO: 44
 <211> Longitud: 69
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: secuencia de andamio miH12_155 figura 2A

 <400> Secuencia: 44
 ugcugaagga cuugagggac ucgaagguu uggccacuga cugaccuucg agucucaagu 60

 ccuucagga 69

<210> SEQ ID NO: 45
 <211> Longitud: 72
 <212> Tipo: ARN
 <213> Organismo: secuencia artificial

 <220> Característica:
 <223> Otra Información: secuencia de andamio miH12_451a figura 2A

 <400> Secuencia: 45
 cuugggaug gcaaggaagg acuugagga cucgaagacg aguccucaaa guccucucu 60

gcuaauaccca ga	72
<210> SEQ ID NO: 46	
<211> Longitud: 21	
<212> Tipo: ARN	
<213> Organismo: Homo sapiens	
<400> Secuencia: 46	
ggccucgagu cccucaaguc c	21
<210> SEQ ID NO: 47	
<211> Longitud: 21	
<212> Tipo: ARN	
<213> Organismo: homo sapiens	
<400> Secuencia: 47	
ggccuucgag uccucaagu c	21
<210> SEQ ID NO: 48	
<211> Longitud: 21	
<212> Tipo: ARN	
<213> Organismo: homo sapiens	
<400> Secuencia: 48	
aggccuucga guccucaag u	21
<210> SEQ ID NO: 49	
<211> Longitud: 21	
<212> Tipo: ARN	
<213> Organismo: homo sapiens	
<400> Secuencia: 49	
augaaggccu ucgaguccu c	21
<210> SEQ ID NO: 50	
<211> Longitud: 19	
<212> Tipo: ARN	
<213> Organismo: homo sapiens	
<400> Secuencia: 50	
gccuucgagu cccucaagu	19
<210> SEQ ID NO: 51	
<211> Longitud: 18	
<212> Tipo: ARN	
<213> Organismo: homo sapiens	
<400> Secuencia: 51	
ccuucgaguc ccucaagu	18