

INFORME DE BÚSQUEDA DE PATENTES				
N° de solicitud: 16006294				
CRITERIOS PARA LA BÚSQUEDA (Anexar pantallazo o reporte en PDF, junto con los boléanos utilizados*. Para el caso de secuencias, anexar alineamientos)				
Palabras clave utilizadas		Ligand modification+ ab initio+ affinity maturation+ in silico+ computational methods+ computational desing+ ligand desing + CPC o CIP		
CLASIFICACIONES UTILIZADAS PARA LA BÚSQUEDA		CIP: G06F 19/00, G06F 19/16.		
		CPC (Opcional):		
DOCUMENTOS CONSIDERADOS RELEVANTES (documentos patentes, literatura no patente, etc...)				
Informes/Base de datos	N° de solicitud/ Autor**	Fecha de Publicación/Presentación (DD/MM/AAAA)	Reiv. afectadas (Con indicación, si procede, de las partes relevantes o números de secuencias)	Categorías especiales de los documentos citados***
SIPI (Obligatoria)	No se encontraron documentos relevantes			
ISA/IPEA (****)	US5331573	19/07/1994		A
	Rohs (2005)	09/12/2005		
	Nisius (2012)	01/06/2012		
	Neuvirth (2004)	16/04/2004		
USPTO	US2008319677	25/12/2008	1 – 19 y 22 - 33	Y
Patbase	WO9408050	26/04/1994		A
	EP1683871	15/02/2006		
	US2004241731	01/12/2004		
	US20050038232	17/02/2005		
	US20020177170	28/11/2002		
	US20010000807	03/05/2001		
	US6230102	08/05/2001		
	US2006142548	29/06/2006		
	US20070043509	22/02/2007		
Google académico	Morin (2011)	04/2011		A
	Morin (2011)	08/2011	1 – 19 y 22 - 33	Y
	Kuroda (2012)	02/06/2012		A
*** Categorías especiales de documentos citados:				
“A” documento que define el estado general de la técnica no considerado como particularmente relevante. “E” solicitud de patente o patente anterior pero publicada en la fecha de presentación internacional o en fecha posterior. “P” documento publicado antes de la fecha de presentación internacional pero con posterioridad a la fecha de prioridad reivindicada.		“X” documento particularmente relevante; la invención reivindicada no puede considerarse nueva o que implique una actividad inventiva por referencia al documento aisladamente considerado. “Y” documento particularmente relevante; la invención reivindicada no puede considerarse que implique una actividad inventiva cuando el documento se asocia a otro u otros documentos de la misma naturaleza, cuya combinación resulta evidente para un experto en la materia.		
**** Indicar entre paréntesis la Autoridad que realizó la búsqueda o el informe preliminar Ejs: EPO, JP, INAPI.				

Literatura no patente **Se incluye entre otros, toda la referencia de la literatura no patente.	Molecular flexibility in ab initio drug docking to DNA: binding-site and binding-mode transitions in all-atom Monte Carlo simulations Author: Rohs R Publication data:Nucleic Acids Research, 20051209 Information Retrieval Ltd Source info:Vol: 33, Nr: 22, Page(s): 7048 - 7057
--	---

	Structure-based computational analysis of protein binding sites for function and druggability prediction Authors:Britta Nisius, Sha Fan, Gohlke Holger Publication data:Journal of Biotechnology, 20120601 Elsevier Source info:Vol: 159, Nr: 3, Page(s): 123 - 134
	ProMate: A Structure Based Prediction Program to Identify the Location of Protein-Protein Binding Sites Authors:Neuvirth H, Raz R, Schreiber G Publication data:Journal of Molecular Bio, 20040416 Academic Press, United Kingdom Source info:Vol: 338, Nr: 1, Page(s): 181 - 199
	Computational design of protein-ligand interfaces: potential in Therapeutic development, Andrew Morin, Jens Meiler, and Laura S. Mizoue, Trends Biotechnol. 2011 April; 29(4): 159–166. doi:10.1016/j.tibtech.2011.01.002
	"The computational design of protein-ligand interfaces", (2011), Morin A. Tesis Doctoral en Fisicoquímica Biológica, Escuela de Grado de la Universidad de Vanderbilt, Nashville, Tennessee, USA, Págs. 1-183.
	Computer-aided antibody design, Daisuke Kuroda, Hiroki Shirai, Matthew P.Jacobson and Haruki Nakamura1Protein Engineering, Design & Selection vol. 25 no. 10 pp. 507–521, 2012. Published online June 2, 2012 doi:10.1093/protein/gzs024

Fecha del reporte de búsqueda:	19/09/2017
--------------------------------	------------



Username: SIC3@patbase.com
Subaccount: Paula Moreno

Menu - Search - History - Session - Folder - Order Help - Logoff			
#	Search query	Results	Options
20	[SP]: 1. a method for designing a ligand ab initio that will bind to a binding site of a macromolecular target, or of identifying a modification to a ligand for improving the affinity of the ligand to a binding site of a macromolecular target, comprising: a) identifying a target list of atoms forming the surface of the target binding siteb) identifying each atom, hereinafter referred to as a theta atom, in the target list, as a particular theta atom typec) extracting from a structural da... show full search	0	
19	STAC=(THERAPEUTIC LIGAND)	15	View Browse Hits Optimise more...
18	STAC=("OBTAINING AN IMPROVED THERAPEUTIC LIGAND") and AP=(WO2014198951)	0	
17	AP=(WO2014198951)	0	
16	STAC=(WO2014198951)	0	
15	STAC=(14 and 3)	0	
14	STAC=(2 and 12)	46	View Browse Hits Optimise more...
13	STAC=(12 and 7)	0	
12	STAC=(ligand design)	50	View Browse Hits Optimise more...
11	STAC=("binding surface modification")	1	View Browse Hits Optimise more...
10	STAC=(9 and 3)	0	
9	STAC=(2 and 6)	126	View Browse Hits Optimise more...
8	STAC=(6 and 7)	6	View Browse Hits Optimise more...
7	STAC=(in silico)	805	View Browse Hits Optimise more...
6	STAC=(affinity maturation)	131	View Browse Hits Optimise more...
5	STAC=(1 and 3)	0	
4	STAC=(2 and 1)	14	View Browse Hits Optimise more...
3	STAC=(ab initio)	241	View Browse Hits Optimise more...
2	STAC=(method*)	more than 1,000,000	View Browse Hits Optimise more...
1	STAC=(ligand modification)	16	View Browse Hits Optimise more...

Information Shortcuts

Command Reference

- Bibliographic data
- Textual data
- Update commands
- Operators
- Navigation / shortcuts

Search tools

- Patent number formats
- PatBase Thesaurus
- Classification finder

News and Enhancements

Request online training

Video tutorials