

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS
LISTA DE SECUENCIAS

<110> UCB BIOPHARMA SPRL
<120> MOLÉCULAS DE ANTICUERPO QUE SE UNEN A CD22
<130> PF0063
<160> 274
<170> PatentIn versión 3.5
<210> 1
<211> 11
<212> PRT
<213> Secuencia artificial
<220>
<223> CDRH1 de fórmula (I)

<220>
<221> característica_misc
<222> (2)..(2)
<223> Xaa es F, I o L

<220>
<221> característica_misc
<222> (3)..(3)
<223> Xaa es S o D

<220>
<221> característica_misc
<222> (6)..(6)
<223> Xaa es S, N o G

<220>
<221> característica_misc
<222> (7)..(7)
<223> Xaa es S, Y, L o G

<220>
<221> característica_misc
<222> (8)..(8)
<223> Xaa es Y o está ausente

<220>
<221> característica_misc

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es W, Y o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (10)..(10)

<223> Xaa es M o I

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa es C o S

<400> 1

Gly	Xaa	Xaa	Phe	Ser	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
1			5						10	

<210> 2

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH2 de fórmula (II)

<220>

<221> característica_misc

<222> (1)..(1)

<223> Xaa es C o S

<220>

<221> característica_misc

<222> (3)..(3)

<223> Xaa es Y, D, V o N

<220>

<221> característica_misc

<222> (4)..(4)

<223> Xaa es T, P, I, G, S o A

<220>

<221> característica_misc

<222> (5)..(5)

<223> Xaa es G, S, o A

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es S, I o T

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, N o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es G, D, S, A o T

<220>

<221> característica_misc

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es D, T, S, N, V o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa es Y, D o A

<220>

<221> característica_misc

<222> (14)..(14)

<223> Xaa es T o S

<400> 2

Xaa	Ile	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Thr	Xaa	Tyr	Ala	Xaa	Trp	Ala
1			5					10					15	

Lys Gly

<210> 3

<211> 16

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDHR3 de fórmula (III)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (1)..(1)
 <223> Xaa es A o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa está ausente o es G o Y

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (3)..(3)
 <223> Xaa está ausente o es P o G

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (4)..(4)
 <223> Xaa está ausente o es Y, S, D o E

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (5)..(5)
 <223> Xaa es V, G, Y o W

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es G, Y, S o V

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (7)..(7)
 <223> Xaa es Y, S, G o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (8)..(8)
 <223> Xaa es G, A, S o T

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es Y, G o D

<220>
 <221> característica_misc

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<222> (10)..(10)

<223> Xaa es D, I, Y, W o H

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa es L, G, S, Y o K

<220>

<221> característica_misc

<222> (12)..(12)

<223> Xaa es V, Q, C, S, G, T o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (13)..(13)

<223> Xaa es Y, A o R

<220>

<221> característica_misc

<222> (14)..(14)

<223> Xaa es L o F

<220>

<221> característica_misc

<222> (15)..(15)

<223> Xaa es N, Y o D

<400> 3

Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Leu

1

5

10

15

<210> 4

<211> 13

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL1 tiene la fórmula (IV)

<220>

<221> característica_misc

<222> (2)..(2)

<223> Xaa es A o S

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<221> característica_misc

<222> (4)..(4)

<223> Xaa es Q o E

<220>

<221> característica_misc

<222> (5)..(5)

<223> Xaa es S, N o T

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es I o V

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, Y o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es T, S, G o N

<220>

<221> característica_misc

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es A, G, N, Y, T o R

<220>

<221> característica_misc

<222> (10)..(10)

<223> Xaa está ausente o es N o K

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa está ausente o es E o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (13)..(13)

<223> Xaa es A o S

<400> 4

Gln Xaa Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Leu Xaa

1 5 10

<210> 5
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> CDRL2 tiene la fórmula (V)

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (1)..(1)
 <223> Xaa es G, Y, L, A o S

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa es A, S o T

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (4)..(4)
 <223> Xaa es T, R o K

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es A o S

<400> 5

Xaa Xaa Ser Xaa Leu Xaa Ser
 1 5

<210> 6
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> CDRL3 tiene la fórmula (VI)

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<221> característica_misc
<222> (6)..(6)
<223> Xaa es D o E

<220>
<221> característica_misc
<222> (7)..(7)
<223> Xaa es S, A o T

<220>
<221> característica_misc
<222> (9)..(9)
<223> Xaa es D o E

<220>
<221> característica_misc
<222> (10)..(10)
<223> Xaa es G, A o S

<400> 6

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Xaa	Xaa	Asp	Xaa	Xaa	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 7
<211> 15
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRL3 tiene la fórmula (VII)

<220>
<221> característica_misc
<222> (2)..(2)
<223> Xaa es S, I o G

<220>
<221> característica_misc
<222> (3)..(3)
<223> Xaa es Y, H o G

<220>
<221> característica_misc
<222> (4)..(4)
<223> Xaa es Y, D o F

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (5)..(5)
 <223> Xaa es G, S o Y

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es T, A o S

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (8)..(8)
 <223> Xaa es S, G, V o D

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es G, S, L o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (10)..(10)
 <223> Xaa es G, R, S o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (11)..(11)
 <223> Xaa es S, D o V

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (12)..(12)
 <223> Xaa es W, Y o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa es A, T, G o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (14)..(14)
 <223> Xaa es N o está ausente

<220>
 <221> característica_misc

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<222> (15)..(15)

<223> Xaa es A o está ausente

<400> 7

Gln	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Ser	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
1				5					10					15

<210> 8

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH1 de fórmula (Ia)

<220>

<221> característica_misc

<222> (2)..(2)

<223> Xaa es F, I o L

<220>

<221> característica_misc

<222> (3)..(3)

<223> Xaa es S o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es S, N o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, Y, L o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es Y o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (10)..(10)

<223> Xaa es M o I

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa es C o S

<400> 8

Gly	Xaa	Xaa	Phe	Ser	Xaa	Xaa	Xaa	Tyr	Xaa	Xaa
1				5					10	

<210> 9

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH1 de fórmula (Ib)

<220>

<221> característica_misc

<222> (2)..(2)

<223> Xaa es F, I o L

<220>

<221> característica_misc

<222> (3)..(3)

<223> Xaa es S o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es S, N o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, Y, L o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es Y o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (10)..(10)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Xaa es M o I

<400> 9

Gly	Xaa	Xaa	Phe	Ser	Xaa	Xaa	Xaa	Tyr	Xaa	Ser
1				5					10	

<210> 10

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH2 de fórmula (IIa)

<220>

<221> característica_misc

<222> (1)..(1)

<223> Xaa es C o S

<220>

<221> característica_misc

<222> (3)..(3)

<223> Xaa es Y, D, V o N

<220>

<221> característica_misc

<222> (4)..(4)

<223> Xaa es T, P, I, G, S o A

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es S, I o T

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, N o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es G, D, S, A o T

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es D, T, S, N, V o G

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (11)..(11)
 <223> Xaa es Y, D o A

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (14)..(14)
 <223> Xaa es T o S

<400> 10

Xaa	Ile	Xaa	Xaa	Gly	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Thr	Xaa	Tyr	Ala	Xaa	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 11
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH2 de fórmula (IIb)

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (1)..(1)
 <223> Xaa es C o S

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (3)..(3)
 <223> Xaa es Y, D, V o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (4)..(4)
 <223> Xaa es T, P, I, G, S o A

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<221> característica_misc

<222> (5)..(5)

<223> Xaa es G, S, o A

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es S, I o T

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, N o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es G, D, S, A o T

<220>

<221> característica_misc

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es D, T, S, N, V o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa es Y, D o A

<400> 11

Xaa	Ile	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Thr	Xaa	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1			5						10					15	

Lys Gly

<210> 12

<211> 16

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDHR3 de fórmula (IIIa)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (1)..(1)
 <223> Xaa es A o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa está ausente o es G o Y

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (3)..(3)
 <223> Xaa está ausente o es P o G

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (4)..(4)
 <223> Xaa está ausente o es Y, S, D o E

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (5)..(5)
 <223> Xaa es V, G, Y o W

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es G, Y, S o V

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (7)..(7)
 <223> Xaa es Y, S, G o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (8)..(8)
 <223> Xaa es G, A, S o T

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es Y, G o D

<220>
 <221> característica_misc

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<222> (10)..(10)

<223> Xaa es D, I, Y, W o H

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa es L, G, S, Y o K

<220>

<221> característica_misc

<222> (12)..(12)

<223> Xaa es V, Q, C, S, G, T o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (13)..(13)

<223> Xaa es Y, A o R

<220>

<221> característica_misc

<222> (14)..(14)

<223> Xaa es L o F

<400> 12

Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Asp	Leu
1				5						10				15	

<210> 13

<211> 13

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> fórmula (IVa)

<220>

<221> característica_misc

<222> (4)..(4)

<223> Xaa es Q o E

<220>

<221> característica_misc

<222> (5)..(5)

<223> Xaa es S, N o T

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es I o V

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, Y o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es T, S, G o N

<220>

<221> característica_misc

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es A, G, N, Y, T o R

<220>

<221> característica_misc

<222> (10)..(10)

<223> Xaa está ausente o es N o K

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa está ausente o es E o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (13)..(13)

<223> Xaa es A o S

<400> 13

Gln Ala Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Leu Xaa

1

5

10

<210> 14

<211> 13

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> fórmula (IVb)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

```

<220>
<221> característica_misc
<222> (5)..(5)
<223> Xaa es S, N o T

<220>
<221> característica_misc
<222> (6)..(6)
<223> Xaa es I o V

<220>
<221> característica_misc
<222> (7)..(7)
<223> Xaa es S, Y o G

<220>
<221> característica_misc
<222> (8)..(8)
<223> Xaa es T, S, G o N

<220>
<221> característica_misc
<222> (9)..(9)
<223> Xaa es A, G, N, Y, T o R

<220>
<221> característica_misc
<222> (10)..(10)
<223> Xaa está ausente o es N o K

<220>
<221> característica_misc
<222> (11)..(11)
<223> Xaa está ausente o es E o D

<220>
<221> característica_misc
<222> (13)..(13)
<223> Xaa es A o S

<400> 14

```

```

Gln Ala Ser Gln Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Leu Xaa
1          5          10

```

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 15
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> fórmula (IVc)

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es I o V

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (7)..(7)
 <223> Xaa es S, Y o G

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (8)..(8)
 <223> Xaa es T, S, G o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es A, G, N, Y, T o R

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (10)..(10)
 <223> Xaa está ausente o es N o K

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (11)..(11)
 <223> Xaa está ausente o es E o D

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa es A o S

<400> 15

Gln Ala Ser Gln Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Leu Xaa
 1 5 10

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 16
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> fórmula (IVd)

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es I o V

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (7)..(7)
 <223> Xaa es S, Y o G

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (8)..(8)
 <223> Xaa es T, S, G o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es A, G, N, Y, T o R

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (10)..(10)
 <223> Xaa está ausente o es E o D

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (12)..(12)
 <223> Xaa es A o S

<400> 16

Gln Ala Ser Gln Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Leu Xaa
 1 5 10

<210> 17

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> fórmula (IVe)

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es I o V

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (7)..(7)
 <223> Xaa es S, Y o G

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (8)..(8)
 <223> Xaa es T, S, G o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es A, G, N, Y, T o R

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (11)..(11)
 <223> Xaa es A o S

<400> 17

Gln Ala Ser Gln Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Leu Xaa
 1 5 10

<210> 18
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> fórmula (IVf)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es I o V

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa es S, Y o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es T, S, G o N

<220>

<221> característica_misc

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es A, G, N, Y, T o R

<400> 18

Gln Ala Ser Gln Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Leu Ala

1

5

10

<210> 19

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> fórmula (Va)

<220>

<221> característica_misc

<222> (1)..(1)

<223> Xaa es G, Y, L, A o S

<220>

<221> característica_misc

<222> (4)..(4)

<223> Xaa es T, R o K

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Xaa es A o S

<400> 19

Xaa Ala Ser Xaa Leu Xaa Ser
1 5

<210> 20

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> fórmula (Vc)

<220>

<221> característica_misc

<222> (1)..(1)

<223> Xaa es G, Y, L, A o S

<220>

<221> característica_misc

<222> (4)..(4)

<223> Xaa es T, R o K

<400> 20

Xaa Ala Ser Xaa Leu Ala Ser
1 5

<210> 21

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> fórmula V

<220>

<221> característica_misc

<222> (1)..(1)

<223> Xaa es G, Y, L, A o S

<400> 21

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Xaa Ala Ser Thr Leu Ala Ser
1 5

<210> 22
<211> 12
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> fórmula (VIa)

<220>
<221> característica_misc
<222> (6)..(6)
<223> Xaa es D o E

<220>
<221> característica_misc
<222> (7)..(7)
<223> Xaa es S, A o T

<220>
<221> característica_misc
<222> (9)..(9)
<223> Xaa es D o E

<220>
<221> característica_misc
<222> (10)..(10)
<223> Xaa es G, A o S

<400> 22

Ala Gly Tyr Lys Ser Xaa Xaa Asp Xaa Xaa Thr Thr
1 5 10

<210> 23
<211> 12
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> fórmula (VIb)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (7)..(7)
 <223> Xaa es S, A o T

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (10)..(10)
 <223> Xaa es G, A o S

<400> 23

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Xaa	Asp	Asp	Xaa	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 24
 <211> 15
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> fórmula (VIIa)

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa es S, I o G

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (4)..(4)
 <223> Xaa es Y, D o F

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (5)..(5)
 <223> Xaa es G, S o Y

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa es T, A o S

<220>
 <221> característica_misc

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<222> (8)..(8)
 <223> Xaa es S, G, V o D

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es G, S, L o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (10)..(10)
 <223> Xaa es G, R, S o N

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (11)..(11)
 <223> Xaa es S, D o V

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (12)..(12)
 <223> Xaa es W, Y o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa es A, T, G o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (14)..(14)
 <223> Xaa es N o está ausente

<220>
 <221> característica_misc
 <222> (15)..(15)
 <223> Xaa es A o está ausente

<400> 24

Gln	Xaa	Tyr	Xaa	Xaa	Xaa	Ser	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
1			5					10					15	

<210> 25
 <211> 15
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>

<223> fórmula (VIIb)

<220>

<221> característica_misc

<222> (2)..(2)

<223> Xaa es S, I o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (5)..(5)

<223> Xaa es G, S o Y

<220>

<221> característica_misc

<222> (6)..(6)

<223> Xaa es T, A o S

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es S, G, V o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es G, S, L o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (10)..(10)

<223> Xaa es G, R, S o N

<220>

<221> característica_misc

<222> (11)..(11)

<223> Xaa es S, D o V

<220>

<221> característica_misc

<222> (12)..(12)

<223> Xaa es W, Y o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (13)..(13)

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Xaa es A, T, G o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (14)..(14)

<223> Xaa es N o está ausente

<220>

<221> característica_misc

<222> (15)..(15)

<223> Xaa es A o está ausente

<400> 25

Gln	Xaa	Tyr	Tyr	Xaa	Xaa	Ser	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
1				5				10					15	

<210> 26

<211> 15

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> fórmula (VIIc)

<220>

<221> característica_misc

<222> (2)..(2)

<223> Xaa es S, I o G

<220>

<221> característica_misc

<222> (5)..(5)

<223> Xaa es G, S o Y

<220>

<221> característica_misc

<222> (8)..(8)

<223> Xaa es S, G, V o D

<220>

<221> característica_misc

<222> (9)..(9)

<223> Xaa es G, S, L o está ausente

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<221> característica_misc
<222> (10)..(10)
<223> Xaa es G, R, S o N

<220>
<221> característica_misc
<222> (11)..(11)
<223> Xaa es S, D o V

<220>
<221> característica_misc
<222> (12)..(12)
<223> Xaa es W, Y o está ausente

<220>
<221> característica_misc
<222> (13)..(13)
<223> Xaa es A, T, G o está ausente

<220>
<221> característica_misc
<222> (14)..(14)
<223> Xaa es N o está ausente

<220>
<221> característica_misc
<222> (15)..(15)
<223> Xaa es A o está ausente

<400> 26

Gln	Xaa	Tyr	Tyr	Xaa	Ser	Ser	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa
1				5				10						15

<210> 27
<211> 14
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> fórmula (VIId)

<220>
<221> característica_misc
<222> (2)..(2)
<223> Xaa es S, I o G

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

```

<220>
<221> característica_misc
<222> (5)..(5)
<223> Xaa es G, S o Y

<220>
<221> característica_misc
<222> (8)..(8)
<223> Xaa es S, G, V o D

<220>
<221> característica_misc
<222> (9)..(9)
<223> Xaa es G, S, L o está ausente

<220>
<221> característica_misc
<222> (10)..(10)
<223> Xaa es G, R, S o N

<220>
<221> característica_misc
<222> (11)..(11)
<223> Xaa es S, D o V

<220>
<221> característica_misc
<222> (12)..(12)
<223> Xaa es W, Y o está ausente

<220>
<221> característica_misc
<222> (13)..(13)
<223> Xaa es A, T, G o está ausente

<220>
<221> característica_misc
<222> (14)..(14)
<223> Xaa es A o está ausente

<400> 27

```

```

Gln Xaa Tyr Tyr Xaa Ser Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
1           5                      10

```

```

<210> 28

```

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> fórmula (VIIe)

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa es S, I o G

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (5)..(5)
 <223> Xaa es G, S o Y

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (8)..(8)
 <223> Xaa es S, G, V o D

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (9)..(9)
 <223> Xaa es G, S, L o está ausente

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (10)..(10)
 <223> Xaa es G, R, S o N

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (11)..(11)
 <223> Xaa es S, D o V

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (12)..(12)
 <223> Xaa es W, Y o está ausente

 <220>
 <221> característica_misc
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa es A, T, G o está ausente

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 28

Gln Xaa Tyr Tyr Xaa Ser Ser Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa Xaa
1 5 10

<210> 29

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH1 de Ab 4120

<400> 29

Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser Tyr Tyr Met Cys
1 5 10

<210> 30

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante de CDRH1

<400> 30

Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser Tyr Tyr Met Ser
1 5 10

<210> 31

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH1 de Ab 4126

<400> 31

Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr Tyr Tyr Met Cys
1 5 10

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 32

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante de CDRH1 de Ab 4126

<400> 32

Gly	Ile	Asp	Phe	Ser	Ser	Tyr	Tyr	Tyr	Met	Ser
1				5					10	

<210> 33

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH1 de Ab 4127

<400> 33

Gly	Phe	Ser	Phe	Ser	Asn	Leu	Tyr	Tyr	Met	Cys
1				5					10	

<210> 34

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante de CDRH1 de Ab 4127

<400> 34

Gly	Phe	Ser	Phe	Ser	Asn	Leu	Tyr	Tyr	Met	Ser
1				5					10	

<210> 35

<211> 10

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> CDRH1 de Ab 4128

<400> 35

Gly	Leu	Asp	Phe	Ser	Ser	Tyr	Trp	Ile	Cys
1				5					10

<210> 36

<211> 10

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante de CDRH1 de Ab 4128

<400> 36

Gly	Leu	Asp	Phe	Ser	Ser	Tyr	Trp	Ile	Ser
1				5					10

<210> 37

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH1 de Ab 4130

<400> 37

Gly	Phe	Asp	Phe	Ser	Gly	Gly	Tyr	Asp	Ile	Ser
1				5						10

<210> 38

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH1 de Ab 4132

<400> 38

Gly	Phe	Ser	Phe	Ser	Ser	Ser	Tyr	Trp	Ile	Cys
1				5						10

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 39
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante de CDRH1 de Ab 4132

<400> 39

Gly	Phe	Ser	Phe	Ser	Ser	Ser	Tyr	Trp	Ile	Ser
1				5					10	

<210> 40
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH2 de Ab 4120

<400> 40

Cys	Ile	Tyr	Thr	Gly	Ser	Ser	Gly	Asp	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 41
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante de CDRH2 de Ab 4120

<400> 41

Ser	Ile	Tyr	Thr	Gly	Ser	Ser	Gly	Asp	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Lys Gly

<210> 42
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH2 de Ab 4126

<400> 42

Cys	Ile	Asp	Pro	Ala	Ser	Ser	Gly	Thr	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Thr	Trp	Ala
1				5				10						15	

Lys Gly

<210> 43
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante de CDRH2 de Ab 4126

<400> 43

Ser	Ile	Asp	Pro	Ala	Ser	Ser	Gly	Thr	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Thr	Trp	Ala
1				5				10						15	

Lys Gly

<210> 44
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH2 de Ab 4127

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 44

Cys	Ile	Asp	Ile	Ser	Ser	Ser	Gly	Ser	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 45

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante de CDRH2 de Ab 4127

<400> 45

Ser	Ile	Asp	Ile	Ser	Ser	Ser	Gly	Ser	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 46

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH2 de Ab 4128

<400> 46

Cys	Ile	Val	Thr	Gly	Ser	Ser	Asp	Asn	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 47

<211> 18

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante de CDRH2 de Ab 4128

<400> 47

Ser	Ile	Val	Thr	Gly	Ser	Ser	Asp	Asn	Thr	Tyr	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 48

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH2 de Ab 4130

<400> 48

Cys	Ile	Tyr	Gly	Gly	Ile	Asn	Ser	Val	Thr	Asp	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 49

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 1 de CDRH2 de Ab 4130

<400> 49

Cys	Ile	Tyr	Gly	Gly	Ile	Asn	Ala	Val	Thr	Asp	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Lys Gly

<210> 50
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Variante 2 de CDRH2 de Ab 4130

 <400> 50

Cys	Ile	Tyr	Gly	Gly	Ile	Asn	Thr	Val	Thr	Asp	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 51
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Variante 3 de CDRH2 de Ab 4130

 <400> 51

Ser	Ile	Tyr	Gly	Gly	Ile	Asn	Ser	Val	Thr	Asp	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala
1				5					10					15	

Lys Gly

<210> 52
 <211> 18
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Variante 4 de CDRH2 de Ab 4130

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 52

Ser Ile Tyr Gly Gly Ile Asn Ala Val Thr Asp Tyr Ala Ser Trp Ala
1 5 10 15

Lys Gly

<210> 53

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 5 de CDRH2 de Ab 4130

<400> 53

Ser Ile Tyr Gly Gly Ile Asn Thr Val Thr Asp Tyr Ala Ser Trp Ala
1 5 10 15

Lys Gly

<210> 54

<211> 17

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH2 de Ab 4132

<400> 54

Cys Ile Asn Ser Gly Thr Gly Gly Thr Ala Tyr Ala Ser Trp Ala Lys
1 5 10 15

Gly

<210> 55

<211> 17

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 1 de CDRH2 de Ab 4132

<400> 55

Cys	Ile	Asn	Ala	Gly	Thr	Gly	Gly	Thr	Ala	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala	Lys
1				5					10					15	

Gly

<210> 56

<211> 17

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 2 de CDRH2 de Ab 4132

<400> 56

Cys	Ile	Asn	Thr	Gly	Thr	Gly	Gly	Thr	Ala	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala	Lys
1				5					10					15	

Gly

<210> 57

<211> 17

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 3 de CDRH2 de Ab 4132

<400> 57

Ser	Ile	Asn	Ser	Gly	Thr	Gly	Gly	Thr	Ala	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala	Lys
1				5					10					15	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly

<210> 58
 <211> 17
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Variante 4 de CDRH2 de Ab 4132

 <400> 58

Ser	Ile	Asn	Ala	Gly	Thr	Gly	Gly	Thr	Ala	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala	Lys
1				5					10					15	

Gly

<210> 59
 <211> 17
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Variante 5 de CDRH2 de Ab 4132

 <400> 59

Ser	Ile	Asn	Thr	Gly	Thr	Gly	Gly	Thr	Ala	Tyr	Ala	Ser	Trp	Ala	Lys
1				5					10					15	

Gly

<210> 60
 <211> 15
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> CDRH3 de Ab 4120

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 60

Gly	Pro	Tyr	Val	Gly	Tyr	Gly	Tyr	Asp	Leu	Gln	Tyr	Leu	Tyr	Leu
1				5					10					15

<210> 61

<211> 16

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH3 de Ab 4126

<400> 61

Ala	Tyr	Gly	Ser	Gly	Gly	Ser	Gly	Tyr	Ile	Gly	Cys	Tyr	Phe	Asp	Leu
1				5					10						15

<210> 62

<211> 16

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante de CDRH3 de Ab 4126

<400> 62

Ala	Tyr	Gly	Ser	Gly	Gly	Ser	Gly	Tyr	Ile	Gly	Ser	Tyr	Phe	Asp	Leu
1				5					10						15

<210> 63

<211> 13

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH3 de Ab 4127

<400> 63

Asp	Tyr	Tyr	Ser	Ser	Asp	Trp	Gly	Val	Arg	Phe	Asn	Leu
1				5					10			

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 64
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH3 de Ab 4128

<400> 64

Gly	Gly	Gly	Ala	Gly	Tyr	Ser	Gly	Ala	Phe	Asp	Leu
1				5					10		

<210> 65
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH3 de Ab 4130

<400> 65

Asp	Val	Ser	Asn	Ser	Asp	His	Tyr	Thr	Arg	Leu	Asp	Leu
1				5					10			

<210> 66
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante 1 de CDRH3 de Ab 4130

<400> 66

Asp	Val	Ser	Asn	Ala	Asp	His	Tyr	Thr	Arg	Leu	Asp	Leu
1				5					10			

<210> 67
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Variante 2 de CDRH3 de Ab 4130

<400> 67

Asp	Val	Ser	Asn	Thr	Asp	His	Tyr	Thr	Arg	Leu	Asp	Leu
1				5					10			

<210> 68

<211> 13

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRH3 de Ab 4132

<400> 68

Glu	Trp	Val	Ser	Gly	Tyr	Tyr	Lys	Asp	Ala	Phe	Asp	Leu
1				5					10			

<210> 69

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL1 de Ab 4120

<400> 69

Gln	Ala	Ser	Gln	Ser	Ile	Ser	Thr	Ala	Leu	Ala
1				5					10	

<210> 70

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL1 de Ab 4126

<400> 70

Gln	Ala	Ser	Gln	Asn	Ile	Gly	Ser	Gly	Leu	Ala
1				5					10	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 71
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL1 de Ab 4127

<400> 71

Gln Ala Ser Gln Ser Val Tyr Gly Asn Asn Glu Leu Ser
 1 5 10

<210> 72
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL1 de Ab 4128

<400> 72

Gln Ala Ser Glu Ser Ile Ser Asn Tyr Leu Ser
 1 5 10

<210> 73
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL1 de Ab 4130

<400> 73

Gln Ser Ser Gln Ser Val Tyr Asn Thr Lys Asp Leu Ala
 1 5 10

<210> 74
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> CDRL1 de Ab 4132

<400> 74

Gln Ala Ser Glu Thr Ile Ser Ser Arg Leu Ala
1 5 10

<210> 75

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL2 de Ab 4120

<400> 75

Gly Ala Ser Thr Leu Ala Ser
1 5

<210> 76

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL2 de Ab 4126

<400> 76

Tyr Ala Ser Thr Leu Ala Ser
1 5

<210> 77

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL2 de Ab 4127

<400> 77

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Ala Ser Arg Leu Ala Ser
1 5

<210> 78
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRL2 de Ab 4128

<400> 78

Ala Ser Ser Lys Leu Ser Ser
1 5

<210> 79
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRL2 de Ab 4130

<400> 79

Gly Thr Ser Thr Leu Ala Ser
1 5

<210> 80
<211> 7
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRL2 de Ab 4132

<400> 80

Ser Ala Ser Thr Leu Ala Ser
1 5

<210> 81
<211> 13

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL3 de Ab 4120

<400> 81

Gln	Ser	Tyr	Tyr	Gly	Thr	Ser	Ser	Gly	Gly	Ser	Trp	Ala
1				5					10			

<210> 82

<211> 14

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL3 de Ab 4126

<400> 82

Gln	Ser	His	Asp	Tyr	Ser	Ser	Val	Arg	Ser	Tyr	Gly	Asn	Ala
1				5					10				

<210> 83

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL3 de Ab 4127

<400> 83

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ser	Asp	Asp	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 84

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 1 de CDRL3 de Ab 4127

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 84

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Glu	Ser	Asp	Asp	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 85

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 2 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 85

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ala	Asp	Asp	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 86

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 3 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 86

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Thr	Asp	Asp	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 87

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 4 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 87

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ser	Asp	Glu	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 88

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 5 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 88

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ser	Asp	Asp	Ala	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 89

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 6 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 89

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ser	Asp	Asp	Ser	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 90

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 7 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 90

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Glu	Ser	Asp	Glu	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 91

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Variante 8 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 91

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Glu	Ser	Asp	Asp	Ala	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 92

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 9 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 92

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Glu	Ser	Asp	Asp	Ser	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 93

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 10 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 93

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ala	Asp	Glu	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 94

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 11 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 94

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ala	Asp	Asp	Ala	Thr	Thr
1				5					10		

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 95
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante 12 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 95

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Ala	Asp	Asp	Ser	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 96
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante 13 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 96

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Thr	Asp	Glu	Gly	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 97
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante 14 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 97

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Thr	Asp	Asp	Ala	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 98
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Variante 15 de CDRL3 de Ab 4127

<400> 98

Ala	Gly	Tyr	Lys	Ser	Asp	Thr	Asp	Asp	Ser	Thr	Thr
1				5					10		

<210> 99

<211> 13

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL3 de Ab 4128

<400> 99

Gln	Ile	Tyr	Tyr	Ser	Ala	Ser	Gly	Ser	Arg	Asp	Trp	Thr
1				5					10			

<210> 100

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL3 de Ab 4130

<400> 100

Gln	Gly	Gly	Phe	Ser	Ser	Ser	Asp	Leu	Asn	Val
1				5					10	

<210> 101

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> CDRL3 de Ab 4132

<400> 101

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gln Gly Tyr Tyr Tyr Ser Ser Gly Ser Asp Tyr Gly
1 5 10

<210> 102
<211> 111
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VL de conejo de Ab 4120

<400> 102

Ala Phe Glu Leu Ser Gln Thr Pro Ala Ser Val Glu Ala Ala Val Gly
1 5 10 15

Gly Thr Val Thr Ile Lys Cys Gln Ala Ser Gln Ser Ile Ser Thr Ala
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Arg Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Gly Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Ser Ser Arg Phe Lys Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Asp Leu Glu Cys
65 70 75 80

Ala Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Tyr Gly Thr Ser Ser
85 90 95

Gly Gly Ser Trp Ala Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Val Val Lys
100 105 110

<210> 103
<211> 333
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Región VL de conejo de Ab 4120

<400> 103

gcattcgaat tgagccagac tccagcctcc gtggaggcag ctgtgggagg cacagtcacc	60
atcaagtgcc aggccagtca gagcattagc actgcattag cctggtatca gcagaaacca	120
gggcagcgtc ccaagctcct gatctatggg gcatccactc tggcatctgg ggtctcatcg	180
cggttcaaag gcagtggatc tgggacagag ttcactctca ccatcagcga cctggagtgt	240
gccgatgctg ccacttacta ctgtcaaagc tattatggta cgagtagtgg tggttcttgg	300
gctttcggcg gagggaccaa ggtggtcgtc aaa	333

<210> 104

<211> 124

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VH de conejo de Ab 4120

<400> 104

Gln Ser Leu Glu Glu Ser Gly Gly Asp Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser	
1 5 10 15	

Leu Thr Leu Thr Cys Thr Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser Tyr	
20 25 30	

Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Ser Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile	
35 40 45	

Ala Cys Ile Tyr Thr Gly Ser Ser Gly Asp Thr Tyr Tyr Ala Ser Trp	
50 55 60	

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Thr Ser Ser Thr Thr Val Ser	
65 70 75 80	

Leu Gln Met Thr Ser Leu Thr Ala Ala Asp Thr Ala Thr Tyr Phe Cys	
85 90 95	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Arg Gly Pro Tyr Val Gly Tyr Gly Tyr Asp Leu Gln Tyr Leu Tyr
 100 105 110

Leu Trp Gly Pro Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> 105
 <211> 372
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VH de conejo de Ab 4120

<400> 105
 cagtcattgg aggagtccgg gggagacctg gtcaagcctg gggcatccct gacactcacc 60
 tgcacagcct ctggattctc cttcagtagt agctactaca tgtgctgggt ccgccagtct 120
 ccagggaagg ggctggagtg gatcgcatgc atttatactg gtagtagtgg tgacacttac 180
 tacgcgagct gggcgaaagg ccgattcacc atctccaaaa cctcgtcgac cacggtgtct 240
 ctgcaaatga ccagtctgac agccgcggac acggccactt atttctgtgc gagagggcct 300
 tatgttggtt atggttatga tcttcaatac ttgtacttgt ggggcccggg gaccctcgtc 360
 accgtctcga gt 372

<210> 106
 <211> 111
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Armazón IGKV1D-13 de región V de 4120 gL1

<400> 106

Ala Phe Glu Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Gln Ser Ile Ser Thr Ala
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Gly Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Tyr Gly Thr Ser Ser
85 90 95

Gly Gly Ser Trp Ala Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105 110

<210> 107

<211> 126

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-33 de región V de 4120 gH1

<400> 107

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Ala Cys Ile Tyr Thr Gly Ser Ser Gly Asp Thr Tyr Tyr Ala Ser
50 55 60

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Thr
65 70 75 80

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Gly Pro Tyr Val Gly Tyr Gly Tyr Asp Leu Gln Tyr
100 105 110

Leu Tyr Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 108

<211> 126

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-33 de región V de 4120 gH2

<400> 108

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Tyr Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Ala Ser Ile Tyr Thr Gly Ser Ser Gly Asp Thr Tyr Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Thr
65 70 75 80

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Gly Pro Tyr Val Gly Tyr Gly Tyr Asp Leu Gln Tyr
100 105 110

Leu Tyr Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 109

<211> 126

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-38-2 de región V de 4120 gH4

<400> 109

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Ala Cys Ile Tyr Thr Gly Ser Ser Gly Asp Thr Tyr Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Gly Pro Tyr Val Gly Tyr Gly Tyr Asp Leu Gln Tyr
100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Tyr Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120 125

<210> 110

<211> 126

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-38-2 de región V de 4120 gH5

<400> 110

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
 1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
 20 25 30

Tyr Tyr Met Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
 35 40 45

Ile Ala Ser Ile Tyr Thr Gly Ser Ser Gly Asp Thr Tyr Tyr Ala Ser
 50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
 65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
 85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Gly Pro Tyr Val Gly Tyr Gly Tyr Asp Leu Gln Tyr
 100 105 110

Leu Tyr Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120 125

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 111
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VL de conejo de Ab 4126

<400> 111

Asp Ile Val Met Thr Gln Thr Pro Ala Ser Val Glu Ala Ala Val Gly
 1 5 10 15

Gly Thr Val Thr Ile Lys Cys Gln Ala Ser Gln Asn Ile Gly Ser Gly
 20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45

Tyr Tyr Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Lys Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Asp Leu Glu Cys
 65 70 75 80

Ala Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Ser His Asp Tyr Ser Ser Val
 85 90 95

Arg Ser Tyr Gly Asn Ala Phe Gly Gly Gly Thr Glu Val Val Val Lys
 100 105 110

<210> 112
 <211> 336
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VL de conejo de Ab 4126

<400> 112

gacattgtga tgaccagac tccagcctcc gtggaggcag ctgtgggagg cacagtcacc 60

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

atcaagtgcc aggccagtca gaacattggt agtgggttag cctggtatca gcagaaacca 120
 gggcagcctc ccaagctcct gatctattat gcatccactc tggcatctgg ggtcccatca 180
 aggttcaaag gcagtggatc tgggacacag ttcactctca ccatcagcga cctggagtgt 240
 gccgacgctg ccacttacta ctgtcaaagt catgattata gtagtgttcg gagttacggt 300
 aatgctttcg gcggagggac cgaggtggtg gtcaaa 336

<210> 113
 <211> 126
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VH de conejo de Ab 4126

<400> 113

Gln Gln His Leu Glu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Lys Pro Gly Gly
 1 5 10 15

Thr Leu Thr Leu Thr Cys Lys Ala Ser Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr
 20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
 35 40 45

Val Ala Cys Ile Asp Pro Ala Ser Ser Gly Thr Thr Tyr Tyr Ala Thr
 50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Thr Ser Ser Thr Thr Val
 65 70 75 80

Thr Leu Gln Met Thr Ser Leu Thr Ala Ala Asp Thr Ala Thr Tyr Phe
 85 90 95

Cys Ala Arg Ala Tyr Gly Ser Gly Gly Ser Gly Tyr Ile Gly Cys Tyr
 100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Phe Asp Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120 125

<210> 114
 <211> 378
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VH de conejo de Ab 4126

<400> 114
 cagcagcacc tggaggagtc cgggggaggc ctggtcaagc ctggaggaac cctgacactc 60
 acctgcaaag cctctggaat cgacttcagt agctactact acatgtgctg ggtccgccag 120
 gctccaggga aggggctgga gtgggtcgcg tgcatctgac ctgctagtag tgggtactact 180
 tactacgcga cctgggcgaa aggccgattc accatctcca aaacctcgtc gaccacggtg 240
 actctgcaaa tgaccagtct gacagccgcg gacacggcca cctatttctg tgcgagggca 300
 tatggtagtg ggggtagtgg ttatataggg tgctactttg acttgtgggg ccaaggcacc 360
 ctcgtcaccg tctcgagt 378

<210> 115
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Armazón IGKV1-5 de región V de 4126 gL3

<400> 115

Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Gln Asn Ile Gly Ser Gly
 20 25 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Tyr Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Ser His Asp Tyr Ser Ser Val
85 90 95

Arg Ser Tyr Gly Asn Ala Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105 110

<210> 116

<211> 127

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-7 de región V de 4126 gH12

<400> 116

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Val Ala Cys Ile Asp Pro Ala Ser Ser Gly Thr Thr Tyr Tyr Ala Thr
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ala Lys Thr Ser
65 70 75 80

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Ala Tyr Gly Ser Gly Gly Ser Gly Tyr Ile Gly Cys
100 105 110

Tyr Phe Asp Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 117
<211> 127
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Armazón IGHV3-7 de región V de 4126 gH3

<400> 117

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Val Ala Cys Ile Asp Pro Ala Ser Ser Gly Thr Thr Tyr Tyr Ala Thr
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ala Lys Thr Ser
65 70 75 80

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Tyr Cys Ala Arg Ala Tyr Gly Ser Gly Gly Ser Gly Tyr Ile Gly Ser
 100 105 110

Tyr Phe Asp Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120 125

<210> 118

<211> 127

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-7 de región V de 4126 gH4

<400> 118

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr
 20 25 30

Tyr Tyr Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
 35 40 45

Val Ala Ser Ile Asp Pro Ala Ser Ser Gly Thr Thr Tyr Tyr Ala Thr
 50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ala Lys Thr Ser
 65 70 75 80

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr
 85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Ala Tyr Gly Ser Gly Gly Ser Gly Tyr Ile Gly Ser
 100 105 110

Tyr Phe Asp Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120 125

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 119
 <211> 127
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Armazón IGHV4-4 de región V de 4126 gH13

<400> 119

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gly
 1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr
 20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
 35 40 45

Val Ala Cys Ile Asp Pro Ala Ser Ser Gly Thr Thr Tyr Tyr Ala Thr
 50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
 65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
 85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Ala Tyr Gly Ser Gly Gly Ser Gly Tyr Ile Gly Cys
 100 105 110

Tyr Phe Asp Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120 125

<210> 120
 <211> 127
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Armazón IGHV4-4 de región V de 4126 gH6

<400> 120

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gly
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Val Ala Cys Ile Asp Pro Ala Ser Ser Gly Thr Thr Tyr Tyr Ala Thr
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Ala Tyr Gly Ser Gly Gly Ser Gly Tyr Ile Gly Ser
100 105 110

Tyr Phe Asp Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 121

<211> 127

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-4 de región V de 4126 gH7

<400> 121

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gly
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Ile Asp Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Tyr Tyr Met Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Val Ala Ser Ile Asp Pro Ala Ser Ser Gly Thr Thr Tyr Tyr Ala Thr
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Ala Tyr Gly Ser Gly Gly Ser Gly Tyr Ile Gly Ser
100 105 110

Tyr Phe Asp Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 122

<211> 112

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VL de conejo de Ab 4127

<400> 122

Ala Ile Val Met Thr Gln Thr Pro Ser Ser Lys Ser Val Pro Met Gly
1 5 10 15

Gly Thr Val Thr Ile Asn Cys Gln Ala Ser Gln Ser Val Tyr Gly Asn
20 25 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Asn Glu Leu Ser Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro Pro Lys Leu
35 40 45

Leu Ile Tyr Leu Ala Ser Arg Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Gly Val
65 70 75 80

Gln Cys Asp Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Ala Gly Tyr Lys Ser Asp
85 90 95

Ser Asp Asp Gly Thr Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Val Val Glu
100 105 110

<210> 123
<211> 336
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VL de conejo de Ab 4127

<400> 123

Gly Cys Cys Ala Thr Cys Gly Thr Gly Ala Thr Gly Ala Cys Cys Cys
1 5 10 15

Ala Gly Ala Cys Thr Cys Cys Ala Thr Cys Thr Thr Cys Cys Ala Ala
20 25 30

Gly Thr Cys Thr Gly Thr Cys Cys Cys Thr Ala Thr Gly Gly Gly Ala
35 40 45

Gly Gly Cys Ala Cys Ala Gly Thr Cys Ala Cys Cys Ala Thr Cys Ala
50 55 60

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Cys Thr Gly Cys Cys Ala Gly Gly Cys Cys Ala Gly Thr Cys Ala
65 70 75 80

Gly Ala Gly Thr Gly Thr Thr Thr Ala Thr Gly Gly Thr Ala Ala Thr
85 90 95

Ala Ala Cys Gly Ala Ala Thr Thr Ala Thr Cys Cys Thr Gly Gly Thr
100 105 110

Ala Thr Cys Ala Gly Cys Ala Gly Ala Ala Ala Cys Cys Ala Gly Gly
115 120 125

Gly Cys Ala Gly Cys Cys Thr Cys Cys Cys Ala Ala Gly Cys Thr Cys
130 135 140

Cys Thr Gly Ala Thr Cys Thr Ala Thr Thr Thr Gly Gly Cys Ala Thr
145 150 155 160

Cys Cys Ala Gly Gly Cys Thr Gly Gly Cys Ala Thr Cys Gly Gly Gly
165 170 175

Gly Gly Thr Cys Cys Cys Ala Thr Cys Gly Cys Gly Gly Thr Thr Thr
180 185 190

Ala Gly Cys Gly Gly Cys Ala Gly Thr Gly Gly Ala Thr Cys Thr Gly
195 200 205

Gly Gly Ala Cys Ala Cys Ala Gly Thr Thr Cys Ala Cys Thr Cys Thr
210 215 220

Cys Ala Cys Cys Ala Thr Cys Ala Gly Cys Gly Gly Cys Gly Thr Gly
225 230 235 240

Cys Ala Gly Thr Gly Thr Gly Ala Cys Gly Ala Thr Gly Cys Thr Gly
245 250 255

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Cys Cys Ala Cys Thr Thr Ala Cys Thr Ala Cys Thr Gly Thr Gly Cys
260 265 270

Ala Gly Gly Cys Thr Ala Thr Ala Ala Ala Ala Gly Thr Gly Ala Thr
275 280 285

Ala Gly Thr Gly Ala Thr Gly Ala Thr Gly Gly Cys Ala Cys Thr Ala
290 295 300

Cys Thr Thr Thr Cys Gly Gly Cys Gly Gly Ala Gly Gly Gly Ala Cys
305 310 315 320

Cys Ala Ala Gly Gly Thr Gly Gly Thr Gly Gly Thr Cys Gly Ala Ala
325 330 335

<210> 124

<211> 122

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VH de conejo de Ab 4127

<400> 124

Gln Gln Leu Glu Glu Ser Gly Gly Asp Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser
1 5 10 15

Leu Thr Leu Thr Cys Thr Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Asn Leu Tyr
20 25 30

Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Leu Ile
35 40 45

Gly Cys Ile Asp Ile Ser Ser Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Thr Ser Ser Thr Thr Val Thr
65 70 75 80

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Gln Met Thr Ser Leu Thr Ala Ala Asp Thr Ala Thr Tyr Phe Cys
85 90 95

Ala Arg Asp Tyr Tyr Ser Ser Asp Trp Gly Val Arg Phe Asn Leu Trp
100 105 110

Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 125

<211> 366

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VH de conejo de Ab 4127

<400> 125

Cys Ala Gly Cys Ala Gly Cys Thr Gly Gly Ala Gly Gly Ala Gly Thr
1 5 10 15

Cys Cys Gly Gly Gly Gly Gly Ala Gly Ala Cys Cys Thr Gly Gly Thr
20 25 30

Cys Ala Ala Gly Cys Cys Thr Gly Gly Gly Gly Cys Ala Thr Cys Cys
35 40 45

Cys Thr Gly Ala Cys Ala Cys Thr Cys Ala Cys Cys Thr Gly Cys Ala
50 55 60

Cys Ala Gly Cys Cys Thr Cys Thr Gly Gly Ala Thr Thr Cys Thr Cys
65 70 75 80

Cys Thr Thr Cys Ala Gly Thr Ala Ala Thr Cys Thr Cys Thr Ala Thr
85 90 95

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Thr Ala Cys Ala Thr Gly Thr Gly Thr Thr Gly Gly Gly Thr Cys Cys
 100 105 110

Gly Cys Cys Ala Gly Gly Cys Thr Cys Cys Ala Gly Gly Gly Ala Ala
 115 120 125

Gly Gly Gly Gly Cys Thr Gly Gly Ala Gly Thr Thr Gly Ala Thr Cys
 130 135 140

Gly Gly Ala Thr Gly Cys Ala Thr Thr Gly Ala Thr Ala Thr Thr Ala
 145 150 155 160

Gly Cys Ala Gly Thr Ala Gly Thr Gly Gly Thr Ala Gly Cys Ala Cys
 165 170 175

Thr Thr Ala Cys Thr Ala Cys Gly Cys Gly Ala Gly Cys Thr Gly Gly
 180 185 190

Gly Cys Gly Ala Ala Ala Gly Gly Cys Cys Gly Ala Thr Thr Cys Ala
 195 200 205

Cys Cys Ala Thr Cys Thr Cys Cys Ala Ala Ala Ala Cys Cys Thr Cys
 210 215 220

Gly Thr Cys Gly Ala Cys Cys Ala Cys Gly Gly Thr Gly Ala Cys Thr
 225 230 235 240

Cys Thr Gly Cys Ala Gly Ala Thr Gly Ala Cys Cys Ala Gly Thr Cys
 245 250 255

Thr Gly Ala Cys Ala Gly Cys Cys Gly Cys Gly Gly Ala Cys Ala Cys
 260 265 270

Gly Gly Cys Cys Ala Cys Cys Thr Ala Thr Thr Thr Cys Thr Gly Thr
 275 280 285

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Cys Gly Ala Gly Ala Gly Ala Thr Thr Ala Cys Thr Ala Thr Thr
290 295 300

Cys Thr Ala Gly Thr Gly Ala Cys Thr Gly Gly Gly Gly Thr Gly Thr
305 310 315 320

Thr Ala Gly Ala Thr Thr Thr Ala Ala Cys Thr Thr Gly Thr Gly Gly
325 330 335

Gly Gly Cys Cys Ala Gly Gly Gly Cys Ala Cys Cys Cys Thr Cys Gly
340 345 350

Thr Cys Ala Cys Cys Gly Thr Cys Thr Cys Gly Ala Gly Thr
355 360 365

<210> 126
<211> 112
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Armazón IGKV1-5 de región V de 4127 gL3

<400> 126

Ala Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Gln Ser Val Tyr Gly Asn
20 25 30

Asn Glu Leu Ser Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu
35 40 45

Leu Ile Tyr Leu Ala Ser Arg Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu
65 70 75 80

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gln Pro Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Ala Gly Tyr Lys Ser Asp
85 90 95

Ser Asp Asp Gly Thr Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105 110

<210> 127

<211> 124

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-9 de región V de 4127 gH3

<400> 127

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Asn Leu
20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Leu
35 40 45

Ile Gly Cys Ile Asp Ile Ser Ser Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ala Lys Thr Ser
65 70 75 80

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Leu Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Tyr Tyr Ser Ser Asp Trp Gly Val Arg Phe Asn
100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 128
<211> 124
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Armazón IGHV3-9 de región V de 4127 gH4

<400> 128

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Asn Leu
20 25 30

Tyr Tyr Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Leu
35 40 45

Ile Gly Ser Ile Asp Ile Ser Ser Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ala Lys Thr Ser
65 70 75 80

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Leu Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Tyr Tyr Ser Ser Asp Trp Gly Val Arg Phe Asn
100 105 110

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 129
<211> 124

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-38-2 de región V de 4127 gH6

<400> 129

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Asn Leu
20 25 30

Tyr Tyr Met Cys Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Leu
35 40 45

Ile Gly Cys Ile Asp Ile Ser Ser Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Tyr Tyr Ser Ser Asp Trp Gly Val Arg Phe Asn
100 105 110

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 130

<211> 124

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-38-2 de región V de 4127 gH7

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 130

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Asn Leu
20 25 30

Tyr Tyr Met Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Leu
35 40 45

Ile Gly Ser Ile Asp Ile Ser Ser Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Tyr Tyr Ser Ser Asp Trp Gly Val Arg Phe Asn
100 105 110

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 131

<211> 111

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VL de conejo de Ab 4128

<400> 131

Asp Ile Val Met Thr Gln Thr Pro Ala Ser Val Glu Ala Ala Val Gly
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Thr Val Thr Ile Lys Cys Gln Ala Ser Glu Ser Ile Ser Asn Tyr
20 25 30

Leu Ser Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ala Ser Ser Lys Leu Ser Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Lys Gly
50 55 60

Asp Arg Ser Gly Thr Glu Tyr Thr Leu Thr Ile Ser Asp Leu Glu Cys
65 70 75 80

Ala Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Ile Tyr Tyr Ser Ala Ser Gly
85 90 95

Ser Arg Asp Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Val Val Glu
100 105 110

<210> 132

<211> 333

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VL de conejo de Ab 4128

<400> 132

gacattgtga tgaccagac tccagcctcc gtggaggcag ctgtgggagg cacagtcacc 60

atcaagtgcc aggccagtga aagcattagc aactacttat cctggtttca gcagaaacca 120

gggcagcctc ccaagctcct gatctatgct tcatcctaac tgtcatctgg ggtcccatcg 180

cggttcaaag gcgatagatc tgggacagag tacactctca ccatcagcga cctggagtgt 240

gccgatgctg ccacttacta ctgtcaaadc tattattcgg ctagtggcag tcgtgattgg 300

actttcggcg gagggaccaa ggtggctcgtc gaa 333

<210> 133

<211> 120

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VH de conejo de Ab 4128

<400> 133

Gln Ser Leu Glu Glu Ser Gly Gly Asp Leu Val Gln Pro Glu Gly Ser
1 5 10 15

Leu Thr Leu Thr Cys Lys Gly Ser Gly Leu Asp Phe Ser Ser Tyr Trp
20 25 30

Ile Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Ala
35 40 45

Cys Ile Val Thr Gly Ser Ser Asp Asn Thr Tyr Tyr Ala Ser Trp Ala
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Thr Ser Ser Thr Thr Val Thr Leu
65 70 75 80

Gln Met Thr Ser Leu Thr Ala Ala Asp Thr Ala Thr Tyr Phe Cys Ala
85 90 95

Arg Gly Gly Gly Ala Gly Tyr Ser Gly Ala Phe Asp Leu Trp Gly Gln
100 105 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 134

<211> 360

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VH de conejo de Ab 4128

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 134
cagtcgttgg aggagtccgg gggagacctg gtccagcctg agggatccct gacactcacc 60
tgcaaaggct ccgggttaga cttcagtagc tactggatat gctgggtccg ccaggctcca 120
gggaaggggc tggagtggat cgcattgcatt gttactggta gtagtgataa cacttactac 180
gcgagctggg cgaaaggccg attcaccatc tccaaaacct cgtcgaccac ggtgactctg 240
caaatgacca gtctgacagc cgcgacacg gccacctatt tctgtgcgag aggtggtggt 300
gctggttata gtggtgcctt tgacttgtgg ggccaaggga ccctcgtcac cgtctcgagt 360

<210> 135
<211> 111
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Armazón IGKV1-5 de región V de 4128 gL1

<400> 135

Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Glu Ser Ile Ser Asn Tyr
20 25 30

Leu Ser Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ala Ser Ser Lys Leu Ser Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Lys Gly
50 55 60

Asp Arg Ser Gly Thr Glu Tyr Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Ile Tyr Tyr Ser Ala Ser Gly
85 90 95

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ser Arg Asp Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105 110

<210> 136
 <211> 122
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Armazón IGHV3-33 de región V de 4128 gH1

<400> 136

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Lys Gly Ser Gly Leu Asp Phe Ser Ser Tyr
 20 25 30

Trp Ile Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
 35 40 45

Ala Cys Ile Val Thr Gly Ser Ser Asp Asn Thr Tyr Tyr Ala Ser Trp
 50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Thr Val
 65 70 75 80

Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
 85 90 95

Cys Ala Arg Gly Gly Gly Ala Gly Tyr Ser Gly Ala Phe Asp Leu Trp
 100 105 110

Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> 137
 <211> 122

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-33 de región V de 4128 gH2

<400> 137

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Lys Gly Ser Gly Leu Asp Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Trp Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Ala Ser Ile Val Thr Gly Ser Ser Asp Asn Thr Tyr Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Thr Val
65 70 75 80

Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Gly Gly Gly Ala Gly Tyr Ser Gly Ala Phe Asp Leu Trp
100 105 110

Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 138

<211> 122

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-59 de región V de 4128 gH4

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 138

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Lys Gly Ser Gly Leu Asp Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Trp Ile Cys Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Ala Cys Ile Val Thr Gly Ser Ser Asp Asn Thr Tyr Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln Val
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Gly Gly Gly Ala Gly Tyr Ser Gly Ala Phe Asp Leu Trp
100 105 110

Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 139

<211> 122

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-59 de región V de 4128 gH5

<400> 139

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Lys Gly Ser Gly Leu Asp Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Trp Ile Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Ala Ser Ile Val Thr Gly Ser Ser Asp Asn Thr Tyr Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln Val
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Gly Gly Gly Ala Gly Tyr Ser Gly Ala Phe Asp Leu Trp
100 105 110

Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 140

<211> 111

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VL de conejo de Ab 4130

<400> 140

Ala Ala Val Leu Thr Gln Thr Pro Ser Pro Val Ser Ala Ala Val Gly
1 5 10 15

Gly Thr Val Ser Ile Ser Cys Gln Ser Ser Gln Ser Val Tyr Asn Thr
20 25 30

Lys Asp Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro Pro Lys Leu
35 40 45

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Ile Tyr Gly Thr Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Ser Ser Arg Phe
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Asp Leu
65 70 75 80

Glu Cys Asp Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gly Gly Phe Ser Ser
85 90 95

Ser Asp Leu Asn Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Val Val Lys
100 105 110

<210> 141
<211> 333
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VL de conejo de Ab 4130

<400> 141
gccgccgtgc tgaccagac tccatctccc gtgtctgcag ctgtgggagg cacagtcagc 60
atcagttgcc agtccagtca gagggtttat aatacaaagg acttagcctg gtatcagcag 120
aaaccagggc agcctcccaa gctcctgatc tatggtacat ccactctggc atctggggtc 180
tcatacaggt tcagcggcag tggatctggg acagagttca ctctaccat cagcgacctg 240
gagtgtagc atgctgccac ttattactgt caaggcggtt ttagtagtag tgatttgaat 300
gttttcggcg gagggaccaa ggtggtggtc aaa 333

<210> 142
<211> 123
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VH de conejo de Ab 4130

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 142

Gln Gln Gln Leu Glu Glu Ser Gly Gly Asp Leu Val Arg Pro Glu Gly
1 5 10 15

Ser Leu Thr Leu Thr Cys Thr Ala Ser Gly Phe Asp Phe Ser Gly Gly
20 25 30

Tyr Asp Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Gly Cys Ile Tyr Gly Gly Ile Asn Ser Val Thr Asp Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Val Thr Ile Ser Lys Thr Ser Ser Thr Thr Val
65 70 75 80

Thr Leu Gln Met Thr Ser Leu Thr Ala Ala Asp Thr Ala Thr Tyr Phe
85 90 95

Cys Ala Arg Asp Val Ser Asn Ser Asp His Tyr Thr Arg Leu Asp Leu
100 105 110

Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 143

<211> 369

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VH de conejo de Ab 4130

<400> 143

cagcagcagc tggaggagtc cgggggagac ctgggtcaggc ctgagggatc cctgacactc 60

acctgcacag cctctggatt cgacttcagt ggcggctacg acatttcctg ggtccgccag 120

gctccaggga aggggctgga gtggatcgga tgcatttatg gtggtatcaa tagtgtcact 180

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

gactacgcga gctgggcgaa aggccgagtc accatctcca aaacctcgtc gaccacggtg 240
 actctgcaga tgaccagtct gacagccgcg gacacggcca cctatttctg tgcgagagat 300
 gttagtaata gcgatcatta tactcggttg gatctctggg gccaaaggcac cctgggtcacc 360
 gtctcgagt 369

<210> 144
 <211> 111
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Armazón IGKV1-9 de región V de 4130 gL3

<400> 144

Ala Ala Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser Phe Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ser Ser Gln Ser Val Tyr Asn Thr
 20 25 30

Lys Asp Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu
 35 40 45

Leu Ile Tyr Gly Thr Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu
 65 70 75 80

Gln Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gly Gly Phe Ser Ser
 85 90 95

Ser Asp Leu Asn Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 145

<211> 124

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-66 de región V de 4130 gH8

<400> 145

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Asp Phe Ser Gly Gly
20 25 30

Tyr Asp Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Gly Cys Ile Tyr Gly Gly Ile Asn Ser Val Thr Asp Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Val Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Thr
65 70 75 80

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Val Ser Asn Ser Asp His Tyr Thr Arg Leu Asp
100 105 110

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 146

<211> 124

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Armazón IGHV3-66 de región V de 4130 gH3

<400> 146

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Asp Phe Ser Gly Gly
20 25 30

Tyr Asp Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Gly Ser Ile Tyr Gly Gly Ile Asn Ser Val Thr Asp Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Val Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Thr
65 70 75 80

Val Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Val Ser Asn Ser Asp His Tyr Thr Arg Leu Asp
100 105 110

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 147

<211> 124

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-4 de región V de 4130 gH9

<400> 147

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gly
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Asp Phe Ser Gly Gly
20 25 30

Tyr Asp Ile Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Gly Cys Ile Tyr Gly Gly Ile Asn Ser Val Thr Asp Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Val Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Val Ser Asn Ser Asp His Tyr Thr Arg Leu Asp
100 105 110

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 148

<211> 124

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-4 de región V de 4130 gH5

<400> 148

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gly
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Asp Phe Ser Gly Gly
20 25 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Tyr Asp Ile Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ile Gly Ser Ile Tyr Gly Gly Ile Asn Ser Val Thr Asp Tyr Ala Ser
50 55 60

Trp Ala Lys Gly Arg Val Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Thr Gln
65 70 75 80

Val Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr
85 90 95

Tyr Cys Ala Arg Asp Val Ser Asn Ser Asp His Tyr Thr Arg Leu Asp
100 105 110

Leu Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 149

<211> 110

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VL de conejo de Ab 4132

<400> 149

Asp Ile Val Met Thr Gln Thr Pro Ala Ser Val Glu Ala Ala Val Gly
1 5 10 15

Gly Thr Val Thr Ile Lys Cys Gln Ala Ser Glu Thr Ile Ser Ser Arg
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Leu Gly Gln Pro Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ser Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Lys Gly
50 55 60

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Tyr Thr Leu Thr Ile Ser Gly Val Gln Cys
65 70 75 80

Ala Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gly Tyr Tyr Tyr Ser Ser Gly
85 90 95

Ser Asp Tyr Gly Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Val Val Lys
100 105 110

<210> 150
<211> 330
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VL de conejo de Ab 4132

<400> 150
gacattgtga tgaccagac tccagcctcc gtggaggcag ctgtgggagg cacagtcacc 60
atcaagtgcc aggccagtga gaccattagt agtagattag cctggtatca gcagaagcta 120
gggcagcctc ccaaactcct gatctattct gcatccactc tggcgtctgg ggtcccatcg 180
cggttcaaag gcagtggatc tgggacagag tacactctca ccatcagcgg cgtgcagtgt 240
gccgatgctg ccacttatta ctgtcaaggc tattattata gtagtggtag tgattatggt 300
ttcggcggag ggaccaaggt ggtcgtcaaa 330

<210> 151
<211> 121
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VH de conejo de Ab 4132

<400> 151

Gln Ser Leu Glu Glu Ser Gly Gly Asp Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Thr Leu Thr Cys Thr Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser Tyr
20 25 30

Trp Ile Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ser
35 40 45

Gly Cys Ile Asn Ser Gly Thr Gly Gly Thr Ala Tyr Ala Ser Trp Ala
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Asn Ser Ser Ser Thr Thr Val Thr Leu
65 70 75 80

Gln Met Thr Ser Leu Thr Ala Ala Asp Thr Ala Thr Tyr Phe Cys Ala
85 90 95

Arg Glu Trp Val Ser Gly Tyr Tyr Lys Asp Ala Phe Asp Leu Trp Gly
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 152
<211> 363
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VH de conejo de Ab 4132

<400> 152
cagtcgttgg aggagtccgg gggagacctg gtcaagcctg gggcatccct gacactcacc 60
tgcacagcct ctggattctc cttcagtagc agctactgga tatgctgggt ccgccaggct 120
ccagggaagg ggctggagtg gagcggatgc attaatagtgt gtactgggtg cactgcctac 180
gcgagctggg cgaaaggccg attcaccatc tccaattcct cgtcgaccac ggtgactctt 240
caaatgacca gtctgacagc cgcggacacg gccacctatt tctgtgagag agaattgggtt 300

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

agtgggttatt ataaagatgc ttttgatctc tggggccagg gcaccctggt caccgtctcg 360

agt 363

<210> 153

<211> 110

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGKV1-5 de región V de 4132 gL1

<400> 153

Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Glu Thr Ile Ser Ser Arg
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ser Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Tyr Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gly Tyr Tyr Tyr Ser Ser Gly
85 90 95

Ser Asp Tyr Gly Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105 110

<210> 154

<211> 123

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Armazón IGHV3-21 de región V de 4132 gH1

<400> 154

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Lys Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Trp Ile Cys Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ser Gly Cys Ile Asn Ser Gly Thr Gly Gly Thr Ala Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Asn Asp Ser Ala Lys Thr Ser Val
65 70 75 80

Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Trp Val Ser Gly Tyr Tyr Lys Asp Ala Phe Asp Leu
100 105 110

Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 155

<211> 123

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-21 de región V de 4132 gH2

<400> 155

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Lys Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Trp Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ser Gly Ser Ile Asn Ser Gly Thr Gly Gly Thr Ala Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Asn Asp Ser Ala Lys Thr Ser Val
65 70 75 80

Tyr Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Trp Val Ser Gly Tyr Tyr Lys Asp Ala Phe Asp Leu
100 105 110

Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 156

<211> 123

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-4 de región V de 4132 gH4

<400> 156

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gly
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
20 25 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Tyr Trp Ile Cys Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

Ser Gly Cys Ile Asn Ser Gly Thr Gly Gly Thr Ala Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Asn Asp Ser Ser Lys Thr Gln Val
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Trp Val Ser Gly Tyr Tyr Lys Asp Ala Phe Asp Leu
100 105 110

Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 157

<211> 123

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-4 de región V de 4132 gH5

<400> 157

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gly
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Ala Ala Ser Gly Phe Ser Phe Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Trp Ile Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp
35 40 45

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ser Gly Ser Ile Asn Ser Gly Thr Gly Gly Thr Ala Tyr Ala Ser Trp
50 55 60

Ala Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Asn Asp Ser Ser Lys Thr Gln Val
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Trp Val Ser Gly Tyr Tyr Lys Asp Ala Phe Asp Leu
100 105 110

Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 158
<211> 10
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRH1 de Ab 4447

<400> 158

Gly Phe Ser Leu Ser Asn Tyr Ala Val Ser
1 5 10

<210> 159
<211> 17
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRH2 de Ab 4447

<400> 159

Ile Ile Tyr Ile Glu Thr Gly Thr Thr Trp Tyr Ala Asn Trp Ala Lys
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly

<210> 160
 <211> 17
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH3 de Ab 4447

<400> 160

Glu	Pro	Tyr	Glu	Pro	Tyr	Asp	Asp	Ser	Asn	Ile	Tyr	Tyr	Gly	Met	Asp
1				5					10					15	

Pro

<210> 161
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL1 de Ab 4447

<400> 161

Gln	Ala	Ser	Gln	Ser	Val	Val	Ser	Gly	Asn	Tyr	Leu	Ala
1				5					10			

<210> 162
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL2 de Ab 4447

<400> 162

Ser	Ala	Ser	Thr	Leu	Ala	Ser
1				5		

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 163
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL3 de Ab 4447

<400> 163

Leu	Gly	Glu	Phe	Ser	Cys	Ser	Ser	His	Asp	Cys	Asn	Ala
1				5					10			

<210> 164
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante 1 de CDRL3 de Ab 4447

<400> 164

Leu	Gly	Glu	Phe	Ser	Ser	Ser	Ser	His	Asp	Ser	Asn	Ala
1				5					10			

<210> 165
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Variante 2 de CDRL3 de Ab 4447

<400> 165

Leu	Gly	Glu	Phe	Ser	Cys	Ser	Ser	His	Asp	Ser	Asn	Ala
1				5					10			

<210> 166
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Variante 3 de CDRL3 de Ab 4447

<400> 166

Leu Gly Glu Phe Ser Ser Ser Ser His Asp Cys Asn Ala
1 5 10

<210> 167

<211> 113

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VL de conejo de Ab 4447

<400> 167

Ala Gln Val Leu Thr Gln Thr Pro Ser Pro Val Ser Ala Pro Val Gly
1 5 10 15

Gly Thr Val Thr Ile Asn Cys Gln Ala Ser Gln Ser Val Val Ser Gly
20 25 30

Asn Tyr Leu Ala Trp Leu Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro Pro Lys Gln
35 40 45

Leu Ile His Ser Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Ser Ser Arg Phe
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Gly Val
65 70 75 80

Gln Cys Glu Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Leu Gly Glu Phe Ser Cys
85 90 95

Ser Ser His Asp Cys Asn Ala Phe Gly Gly Gly Thr Glu Val Val Val
100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Lys

<210> 168
 <211> 339
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VL de conejo de Ab 4447

<400> 168
 gcccaagtgc tgaccagac tccgtcccct gtgtctgcac ctgtgggagg cacagtcacc 60
 atcaattgcc aggccagtca gagtgttgtt agtggcaatt acctagcctg gcttcagcag 120
 aaaccagggc agcctcccaa gcaactgac cattctgcat ccactctggc atctggggtc 180
 tcatcgcggt tcagcggcag tggatctggg acacaattca ctctcaccat cagcggcgtg 240
 cagtgtgaag atgctgccac ttactactgt ctaggcgaat ttagttgtag tagtcatgat 300
 tgtaatgctt tcggcggagg gaccgaggtg gtggtcaaa 339

<210> 169
 <211> 123
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VH de conejo de Ab 4447

<400> 169

Gln Ser Leu Glu Glu Ser Gly Gly Arg Leu Val Thr Pro Gly Thr Pro
 1 5 10 15

Leu Thr Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Phe Ser Leu Ser Asn Tyr Ala
 20 25 30

Val Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Glu Gly Leu Glu Trp Ile Gly
 35 40 45

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ile Ile Tyr Ile Glu Thr Gly Thr Thr Trp Tyr Ala Asn Trp Ala Lys
50 55 60

Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Thr Ser Thr Thr Val Asp Leu Thr Ile
65 70 75 80

Thr Ser Pro Ser Thr Glu Asp Thr Ala Thr Tyr Phe Cys Ala Arg Glu
85 90 95

Pro Tyr Glu Pro Tyr Asp Asp Ser Asn Ile Tyr Tyr Gly Met Asp Pro
100 105 110

Trp Gly Pro Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 170

<211> 369

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Región VH de conejo de Ab 4447

<400> 170

cagtcgctgg aggagtccgg gggctgcctg gtcacgcctg ggacaccct gacactcacc 60

tgcaccgtct ctggattctc cctcagtaac tatgcagtaa gctgggtccg ccaggctcca 120

ggggagggac tggaatggat cgggatcatt tatattgaaa ctggtaccac atggtacgcg 180

aactgggcga aaggccgatt caccatctcc aaaacctcga ccacggtgga tctgacaatc 240

accagtccgt caaccgagga cacggccacc tatttctgtg ccagagaacc ttatgaacct 300

tatgatgata gtaatatatta ctacggcatg gaccctggg gccaggcac cctcgtcacc 360

gtctcgagt 369

<210> 171

<211> 113

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Armazón IGKV1D-13 de región V de 4447 gL1

<400> 171

Ala Gln Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Gln Ser Val Val Ser Gly
20 25 30

Asn Tyr Leu Ala Trp Leu Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Gln
35 40 45

Leu Ile His Ser Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu
65 70 75 80

Gln Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Leu Gly Glu Phe Ser Cys
85 90 95

Ser Ser His Asp Cys Asn Ala Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile
100 105 110

Lys

<210> 172

<211> 113

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGKV1D-13 de región V de 4447 gL2

<400> 172

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Gln Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Gln Ser Val Val Ser Gly
20 25 30

Asn Tyr Leu Ala Trp Leu Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Gln
35 40 45

Leu Ile His Ser Ala Ser Thr Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu
65 70 75 80

Gln Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Leu Gly Glu Phe Ser Ser
85 90 95

Ser Ser His Asp Ser Asn Ala Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile
100 105 110

Lys

<210> 173

<211> 126

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-48 de región V de 4447 gH1

<400> 173

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Val Ser Gly Phe Ser Leu Ser Asn Tyr
20 25 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Val Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Ile Ile Tyr Ile Glu Thr Gly Thr Thr Trp Tyr Ala Asn Trp Ala
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ala Lys Asn Ser Val Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Asp Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Glu Pro Tyr Glu Pro Tyr Asp Asp Ser Asn Ile Tyr Tyr Gly
100 105 110

Met Asp Pro Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 174

<211> 126

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV4-59 de región V de 4447 gH3

<400> 174

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Phe Ser Leu Ser Asn Tyr
20 25 30

Ala Val Ser Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Ile Ile Tyr Ile Glu Thr Gly Thr Thr Trp Tyr Ala Asn Trp Ala
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Lys Asp Ser Ser Lys Asn Gln Val Ser
65 70 75 80

Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Glu Pro Tyr Glu Pro Tyr Asp Asp Ser Asn Ile Tyr Tyr Gly
100 105 110

Met Asp Pro Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 175
<211> 10
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRH1 de Ab 4450

<400> 175

Gly Phe Ser Leu Asn Asn Tyr Val Met Val
1 5 10

<210> 176
<211> 16
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CDRH2 de Ab 4450

<400> 176

Ile Ile Tyr Val Ser Gly Asn Ala Tyr Tyr Ala Ser Trp Ala Lys Gly
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 177
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH3 de Ab 4450

<400> 177

Asp	Ala	Gly	His	Ser	Asp	Val	Asp	Val	Leu	Asp	Ile
1				5					10		

<210> 178
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL1 de Ab 4450

<400> 178

Gln	Ser	Ser	Gln	Ser	Ile	Tyr	Asn	Asn	Asn	Asp	Leu	Ala
1				5							10	

<210> 179
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL2 de Ab 4450

<400> 179

Glu	Ala	Ser	Lys	Leu	Ala	Ser
1				5		

<210> 180
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> CDRL3 de Ab 4450

<400> 180

Gln	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Asp	Gly	Ile	Ala
1				5					10	

<210> 181

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 1 de CDRL3 de Ab 4450

<400> 181

Gln	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Glu	Gly	Ile	Ala
1				5					10	

<210> 182

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 2 de CDRL3 de Ab 4450

<400> 182

Gln	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Asp	Ala	Ile	Ala
1				5					10	

<210> 183

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Variante 3 de CDRL3 de Ab 4450

<400> 183

Gln	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Asp	Ser	Ile	Ala
1				5					10	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 184
 <211> 111
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VL de conejo de Ab 4450

<400> 184

Ala Ile Asp Met Thr Gln Thr Pro Ser Pro Val Ser Ala Ala Val Gly
 1 5 10 15

Gly Thr Val Thr Ile Asn Cys Gln Ser Ser Gln Ser Ile Tyr Asn Asn
 20 25 30

Asn Asp Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro Pro Lys Leu
 35 40 45

Leu Ile Tyr Glu Ala Ser Lys Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe
 50 55 60

Lys Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Gly Val
 65 70 75 80

Gln Cys Asp Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gly Gly Gly Ser Gly
 85 90 95

Gly Asp Gly Ile Ala Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Val Val Glu
 100 105 110

<210> 185
 <211> 333
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VL de conejo de Ab 4450

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 185
gccattgata tgaccagac tccatcccc gtgtctgcag ctgtgggagg cacagtcacc 60
atcaattgcc agtccagtca gagtatttat aataataatg acttagcctg gtatcagcag 120
aaaccagggc agcctcccaa gctcctgatac tacgaagcat ccaaactggc atctgggggtc 180
ccatcgcggt tcaaaggcag tggatctggg acacagttca ctctcaccat cagtggcgtg 240
cagtgtgatg atgctgccac ttactactgt cagggcggtg gtagtggtgg tgatggcatt 300
gctttcggcg gagggaccaa ggtggctcgtc gaa 333

<210> 186
<211> 117
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Región VH de conejo de Ab 4450

<400> 186

Gln Ser Val Glu Glu Ser Gly Gly Arg Leu Val Thr Pro Gly Ala Pro
1 5 10 15

Leu Thr Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Phe Ser Leu Asn Asn Tyr Val
20 25 30

Met Val Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
35 40 45

Ile Ile Tyr Val Ser Gly Asn Ala Tyr Tyr Ala Ser Trp Ala Lys Gly
50 55 60

Arg Phe Thr Ile Ser Arg Thr Ser Thr Thr Val Asp Leu Lys Val Thr
65 70 75 80

Ser Leu Thr Thr Glu Asp Thr Ala Thr Tyr Phe Cys Ala Arg Asp Ala
85 90 95

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly His Ser Asp Val Asp Val Leu Asp Ile Trp Gly Pro Gly Thr Leu
 100 105 110

Val Thr Val Ser Ser
 115

<210> 187
 <211> 351
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Región VH de conejo de Ab 4450

<400> 187
 cagtcggtgg aggagtccgg gggtcgcctg gtcacgcctg gggcaccctt gacactcacc 60
 tgcacagtct ctggattctc cctcaataac tatgtaatgg tctgggtccg ccaggctcca 120
 gggaaggggc tggaatggat cggaatcatt tatgttagtg gtaatgcata ctacgcgagc 180
 tgggcaaaaag gccgattcac catctccaga acctcgacca cgggtggatct gaaagtgacc 240
 agtctgacaa ccgaggacac ggccacctat ttctgtgcca gagatgctgg tcatagtgat 300
 gtcgatgttt tggatatttg gggcccgggc accctcgtca ccgtctcgag t 351

<210> 188
 <211> 111
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Armazón IGKV1-6 de región V de 4450 gL1

<400> 188

Ala Ile Asp Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ser Ser Gln Ser Ile Tyr Asn Asn
 20 25 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Asn Asp Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu
35 40 45

Leu Ile Tyr Glu Ala Ser Lys Leu Ala Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu
65 70 75 80

Gln Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gly Gly Gly Ser Gly
85 90 95

Gly Asp Gly Ile Ala Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105 110

<210> 189

<211> 120

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Armazón IGHV3-66 de región V de 4450 gH1

<400> 189

Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Val Ser Gly Phe Ser Leu Asn Asn Tyr
20 25 30

Val Met Val Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Ile Ile Tyr Val Ser Gly Asn Ala Tyr Tyr Ala Ser Trp Ala Lys
50 55 60

Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Ser Ser Lys Asn Thr Val Tyr Leu
65 70 75 80

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
85 90 95

Arg Asp Ala Gly His Ser Asp Val Asp Val Leu Asp Ile Trp Gly Gln
100 105 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 190
<211> 120
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Armazón IGHV4-59 de región V de 4450 gH3

<400> 190

Glu Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Phe Ser Leu Asn Asn Tyr
20 25 30

Val Met Val Trp Val Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Ile Ile Tyr Val Ser Gly Asn Ala Tyr Tyr Ala Ser Trp Ala Lys
50 55 60

Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Ser Ser Lys Asn Gln Val Ser Leu
65 70 75 80

Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
85 90 95

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Arg Asp Ala Gly His Ser Asp Val Asp Val Leu Asp Ile Trp Gly Gln
 100 105 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> 191
 <211> 10
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH1 dAbH1

<400> 191

Gly Ile Asp Leu Ser Asn Tyr Ala Ile Asn
 1 5 10

<210> 192
 <211> 16
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH2 dAbH1

<400> 192

Ile Ile Trp Ala Ser Gly Thr Thr Phe Tyr Ala Thr Trp Ala Lys Gly
 1 5 10 15

<210> 193
 <211> 13
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRH3 dAbH1

<400> 193

Thr Val Pro Gly Tyr Ser Thr Ala Pro Tyr Phe Asp Leu
 1 5 10

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 194
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL1 dAbL1

<400> 194

Gln	Ser	Ser	Pro	Ser	Val	Trp	Ser	Asn	Phe	Leu	Ser
1				5					10		

<210> 195
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL2 dAbL1

<400> 195

Glu	Ala	Ser	Lys	Leu	Thr	Ser
1				5		

<210> 196
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CDRL3 dAbL1

<400> 196

Gly	Gly	Gly	Tyr	Ser	Ser	Ile	Ser	Asp	Thr	Thr
1				5					10	

<210> 197
 <211> 121
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Dominio variable de cadena pesada de anticuerpo anti-albúmina (no ds)

<400> 197

Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Val Ser Gly Ile Asp Leu Ser Asn Tyr
20 25 30

Ala Ile Asn Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Ile Ile Trp Ala Ser Gly Thr Thr Phe Tyr Ala Thr Trp Ala Lys
50 55 60

Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Val Tyr Leu
65 70 75 80

Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
85 90 95

Arg Thr Val Pro Gly Tyr Ser Thr Ala Pro Tyr Phe Asp Leu Trp Gly
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 198

<211> 121

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio variable de cadena pesada de anticuerpo anti-albúmina (ds)

<400> 198

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Val Ser Gly Ile Asp Leu Ser Asn Tyr
20 25 30

Ala Ile Asn Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Cys Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Ile Ile Trp Ala Ser Gly Thr Thr Phe Tyr Ala Thr Trp Ala Lys
50 55 60

Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Val Tyr Leu
65 70 75 80

Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
85 90 95

Arg Thr Val Pro Gly Tyr Ser Thr Ala Pro Tyr Phe Asp Leu Trp Gly
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 199

<211> 112

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio variable de cadena ligera de anticuerpo anti-albúmina (no ds)

<400> 199

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ser Ser Pro Ser Val Trp Ser Asn
20 25 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Phe Leu Ser Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Glu Ala Ser Lys Leu Thr Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser
50 55 60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gly Gly Gly Tyr Ser Ser Ile
85 90 95

Ser Asp Thr Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr
100 105 110

<210> 200

<211> 112

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio variable de cadena ligera de anticuerpo anti-albúmina (ds)

<400> 200

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ser Ser Pro Ser Val Trp Ser Asn
20 25 30

Phe Leu Ser Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Glu Ala Ser Lys Leu Thr Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser
50 55 60

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gly Gly Gly Tyr Ser Ser Ile
85 90 95

Ser Asp Thr Thr Phe Gly Cys Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr
100 105 110

<210> 201
<211> 847
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CD22 humano

<400> 201

Met His Leu Leu Gly Pro Trp Leu Leu Leu Val Leu Glu Tyr Leu
1 5 10 15

Ala Phe Ser Asp Ser Ser Lys Trp Val Phe Glu His Pro Glu Thr Leu
20 25 30

Tyr Ala Trp Glu Gly Ala Cys Val Trp Ile Pro Cys Thr Tyr Arg Ala
35 40 45

Leu Asp Gly Asp Leu Glu Ser Phe Ile Leu Phe His Asn Pro Glu Tyr
50 55 60

Asn Lys Asn Thr Ser Lys Phe Asp Gly Thr Arg Leu Tyr Glu Ser Thr
65 70 75 80

Lys Asp Gly Lys Val Pro Ser Glu Gln Lys Arg Val Gln Phe Leu Gly
85 90 95

Asp Lys Asn Lys Asn Cys Thr Leu Ser Ile His Pro Val His Leu Asn
100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Asp Ser Gly Gln Leu Gly Leu Arg Met Glu Ser Lys Thr Glu Lys Trp
115 120 125

Met Glu Arg Ile His Leu Asn Val Ser Glu Arg Pro Phe Pro Pro His
130 135 140

Ile Gln Leu Pro Pro Glu Ile Gln Glu Ser Gln Glu Val Thr Leu Thr
145 150 155 160

Cys Leu Leu Asn Phe Ser Cys Tyr Gly Tyr Pro Ile Gln Leu Gln Trp
165 170 175

Leu Leu Glu Gly Val Pro Met Arg Gln Ala Ala Val Thr Ser Thr Ser
180 185 190

Leu Thr Ile Lys Ser Val Phe Thr Arg Ser Glu Leu Lys Phe Ser Pro
195 200 205

Gln Trp Ser His His Gly Lys Ile Val Thr Cys Gln Leu Gln Asp Ala
210 215 220

Asp Gly Lys Phe Leu Ser Asn Asp Thr Val Gln Leu Asn Val Lys His
225 230 235 240

Thr Pro Lys Leu Glu Ile Lys Val Thr Pro Ser Asp Ala Ile Val Arg
245 250 255

Glu Gly Asp Ser Val Thr Met Thr Cys Glu Val Ser Ser Ser Asn Pro
260 265 270

Glu Tyr Thr Thr Val Ser Trp Leu Lys Asp Gly Thr Ser Leu Lys Lys
275 280 285

Gln Asn Thr Phe Thr Leu Asn Leu Arg Glu Val Thr Lys Asp Gln Ser
290 295 300

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Lys Tyr Cys Cys Gln Val Ser Asn Asp Val Gly Pro Gly Arg Ser
305 310 315 320

Glu Glu Val Phe Leu Gln Val Gln Tyr Ala Pro Glu Pro Ser Thr Val
325 330 335

Gln Ile Leu His Ser Pro Ala Val Glu Gly Ser Gln Val Glu Phe Leu
340 345 350

Cys Met Ser Leu Ala Asn Pro Leu Pro Thr Asn Tyr Thr Trp Tyr His
355 360 365

Asn Gly Lys Glu Met Gln Gly Arg Thr Glu Glu Lys Val His Ile Pro
370 375 380

Lys Ile Leu Pro Trp His Ala Gly Thr Tyr Ser Cys Val Ala Glu Asn
385 390 395 400

Ile Leu Gly Thr Gly Gln Arg Gly Pro Gly Ala Glu Leu Asp Val Gln
405 410 415

Tyr Pro Pro Lys Lys Val Thr Thr Val Ile Gln Asn Pro Met Pro Ile
420 425 430

Arg Glu Gly Asp Thr Val Thr Leu Ser Cys Asn Tyr Asn Ser Ser Asn
435 440 445

Pro Ser Val Thr Arg Tyr Glu Trp Lys Pro His Gly Ala Trp Glu Glu
450 455 460

Pro Ser Leu Gly Val Leu Lys Ile Gln Asn Val Gly Trp Asp Asn Thr
465 470 475 480

Thr Ile Ala Cys Ala Ala Cys Asn Ser Trp Cys Ser Trp Ala Ser Pro
485 490 495

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Val Ala Leu Asn Val Gln Tyr Ala Pro Arg Asp Val Arg Val Arg Lys
500 505 510

Ile Lys Pro Leu Ser Glu Ile His Ser Gly Asn Ser Val Ser Leu Gln
515 520 525

Cys Asp Phe Ser Ser Ser His Pro Lys Glu Val Gln Phe Phe Trp Glu
530 535 540

Lys Asn Gly Arg Leu Leu Gly Lys Glu Ser Gln Leu Asn Phe Asp Ser
545 550 555 560

Ile Ser Pro Glu Asp Ala Gly Ser Tyr Ser Cys Trp Val Asn Asn Ser
565 570 575

Ile Gly Gln Thr Ala Ser Lys Ala Trp Thr Leu Glu Val Leu Tyr Ala
580 585 590

Pro Arg Arg Leu Arg Val Ser Met Ser Pro Gly Asp Gln Val Met Glu
595 600 605

Gly Lys Ser Ala Thr Leu Thr Cys Glu Ser Asp Ala Asn Pro Pro Val
610 615 620

Ser His Tyr Thr Trp Phe Asp Trp Asn Asn Gln Ser Leu Pro Tyr His
625 630 635 640

Ser Gln Lys Leu Arg Leu Glu Pro Val Lys Val Gln His Ser Gly Ala
645 650 655

Tyr Trp Cys Gln Gly Thr Asn Ser Val Gly Lys Gly Arg Ser Pro Leu
660 665 670

Ser Thr Leu Thr Val Tyr Tyr Ser Pro Glu Thr Ile Gly Arg Arg Val
675 680 685

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Val Gly Leu Gly Ser Cys Leu Ala Ile Leu Ile Leu Ala Ile Cys
690 695 700

Gly Leu Lys Leu Gln Arg Arg Trp Lys Arg Thr Gln Ser Gln Gln Gly
705 710 715 720

Leu Gln Glu Asn Ser Ser Gly Gln Ser Phe Phe Val Arg Asn Lys Lys
725 730 735

Val Arg Arg Ala Pro Leu Ser Glu Gly Pro His Ser Leu Gly Cys Tyr
740 745 750

Asn Pro Met Met Glu Asp Gly Ile Ser Tyr Thr Thr Leu Arg Phe Pro
755 760 765

Glu Met Asn Ile Pro Arg Thr Gly Asp Ala Glu Ser Ser Glu Met Gln
770 775 780

Arg Pro Pro Pro Asp Cys Asp Asp Thr Val Thr Tyr Ser Ala Leu His
785 790 795 800

Lys Arg Gln Val Gly Asp Tyr Glu Asn Val Ile Pro Asp Phe Pro Glu
805 810 815

Asp Glu Gly Ile His Tyr Ser Glu Leu Ile Gln Phe Gly Val Gly Glu
820 825 830

Arg Pro Gln Ala Gln Glu Asn Val Asp Tyr Val Ile Leu Lys His
835 840 845

<210> 202

<211> 226

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> CD79a humano

<400> 202

Met Pro Gly Gly Pro Gly Val Leu Gln Ala Leu Pro Ala Thr Ile Phe
1 5 10 15

Leu Leu Phe Leu Leu Ser Ala Val Tyr Leu Gly Pro Gly Cys Gln Ala
20 25 30

Leu Trp Met His Lys Val Pro Ala Ser Leu Met Val Ser Leu Gly Glu
35 40 45

Asp Ala His Phe Gln Cys Pro His Asn Ser Ser Asn Asn Ala Asn Val
50 55 60

Thr Trp Trp Arg Val Leu His Gly Asn Tyr Thr Trp Pro Pro Glu Phe
65 70 75 80

Leu Gly Pro Gly Glu Asp Pro Asn Gly Thr Leu Ile Ile Gln Asn Val
85 90 95

Asn Lys Ser His Gly Gly Ile Tyr Val Cys Arg Val Gln Glu Gly Asn
100 105 110

Glu Ser Tyr Gln Gln Ser Cys Gly Thr Tyr Leu Arg Val Arg Gln Pro
115 120 125

Pro Pro Arg Pro Phe Leu Asp Met Gly Glu Gly Thr Lys Asn Arg Ile
130 135 140

Ile Thr Ala Glu Gly Ile Ile Leu Leu Phe Cys Ala Val Val Pro Gly
145 150 155 160

Thr Leu Leu Leu Phe Arg Lys Arg Trp Gln Asn Glu Lys Leu Gly Leu
165 170 175

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Asp Ala Gly Asp Glu Tyr Glu Asp Glu Asn Leu Tyr Glu Gly Leu Asn
180 185 190

Leu Asp Asp Cys Ser Met Tyr Glu Asp Ile Ser Arg Gly Leu Gln Gly
195 200 205

Thr Tyr Gln Asp Val Gly Ser Leu Asn Ile Gly Asp Val Gln Leu Glu
210 215 220

Lys Pro
225

<210> 203
<211> 229
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> CD79b humano

<400> 203

Met Ala Arg Leu Ala Leu Ser Pro Val Pro Ser His Trp Met Val Ala
1 5 10 15

Leu Leu Leu Leu Leu Ser Ala Glu Pro Val Pro Ala Ala Arg Ser Glu
20 25 30

Asp Arg Tyr Arg Asn Pro Lys Gly Ser Ala Cys Ser Arg Ile Trp Gln
35 40 45

Ser Pro Arg Phe Ile Ala Arg Lys Arg Gly Phe Thr Val Lys Met His
50 55 60

Cys Tyr Met Asn Ser Ala Ser Gly Asn Val Ser Trp Leu Trp Lys Gln
65 70 75 80

Glu Met Asp Glu Asn Pro Gln Gln Leu Lys Leu Glu Lys Gly Arg Met
85 90 95

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Glu Glu Ser Gln Asn Glu Ser Leu Ala Thr Leu Thr Ile Gln Gly Ile
100 105 110

Arg Phe Glu Asp Asn Gly Ile Tyr Phe Cys Gln Gln Lys Cys Asn Asn
115 120 125

Thr Ser Glu Val Tyr Gln Gly Cys Gly Thr Glu Leu Arg Val Met Gly
130 135 140

Phe Ser Thr Leu Ala Gln Leu Lys Gln Arg Asn Thr Leu Lys Asp Gly
145 150 155 160

Ile Ile Met Ile Gln Thr Leu Leu Ile Ile Leu Phe Ile Ile Val Pro
165 170 175

Ile Phe Leu Leu Leu Asp Lys Asp Asp Ser Lys Ala Gly Met Glu Glu
180 185 190

Asp His Thr Tyr Glu Gly Leu Asp Ile Asp Gln Thr Ala Thr Tyr Glu
195 200 205

Asp Ile Val Thr Leu Arg Thr Gly Glu Val Lys Trp Ser Val Gly Glu
210 215 220

His Pro Gly Gln Glu
225

<210> 204
<211> 44
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia GCN4(7P14P)

<400> 204

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Ser Gly Gly Gly Arg Met Lys Gln Leu Glu Pro Lys Val Glu Glu
1 5 10 15

Leu Leu Pro Lys Asn Tyr His Leu Glu Asn Glu Val Ala Arg Leu Lys
20 25 30

Lys Leu Val Gly Glu Arg His His His His His His
35 40

<210> 205

<211> 132

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia GCN4(7P14P)

<400> 205

Gly Cys Thr Ala Gly Cys Gly Gly Ala Gly Gly Cys Gly Gly Ala Ala
1 5 10 15

Gly Ala Ala Thr Gly Ala Ala Ala Cys Ala Ala Cys Thr Thr Gly Ala
20 25 30

Ala Cys Cys Cys Ala Ala Gly Gly Thr Thr Gly Ala Ala Gly Ala Ala
35 40 45

Thr Thr Gly Cys Thr Thr Cys Cys Gly Ala Ala Ala Ala Thr Thr
50 55 60

Ala Thr Cys Ala Cys Thr Thr Gly Gly Ala Ala Ala Ala Thr Gly Ala
65 70 75 80

Gly Gly Thr Thr Gly Cys Cys Ala Gly Ala Thr Thr Ala Ala Ala Gly
85 90 95

Ala Ala Ala Thr Thr Ala Gly Thr Thr Gly Gly Cys Gly Ala Ala Cys
100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Cys Cys Ala Thr Cys Ala Cys Cys Ala Thr Cys Ala Cys Cys Ala
 115 120 125

Thr Cys Ala Cys
 130

<210> 206
 <211> 262
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de ds scFv 52SR4

<400> 206

Asp Ala Val Val Thr Gln Glu Ser Ala Leu Thr Ser Ser Pro Gly Glu
 1 5 10 15

Thr Val Thr Leu Thr Cys Arg Ser Ser Thr Gly Ala Val Thr Thr Ser
 20 25 30

Asn Tyr Ala Ser Trp Val Gln Glu Lys Pro Asp His Leu Phe Thr Gly
 35 40 45

Leu Ile Gly Gly Thr Asn Asn Arg Ala Pro Gly Val Pro Ala Arg Phe
 50 55 60

Ser Gly Ser Leu Ile Gly Asp Lys Ala Ala Leu Thr Ile Thr Gly Ala
 65 70 75 80

Gln Thr Glu Asp Glu Ala Ile Tyr Phe Cys Val Leu Trp Tyr Ser Asp
 85 90 95

His Trp Val Phe Gly Cys Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly Gly Gly
 100 105 110

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly
115 120 125

Gly Ser Asp Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Pro Gly Leu Val Ala Pro
130 135 140

Ser Gln Ser Leu Ser Ile Thr Cys Thr Val Ser Gly Phe Leu Leu Thr
145 150 155 160

Asp Tyr Gly Val Asn Trp Val Arg Gln Ser Pro Gly Lys Cys Leu Glu
165 170 175

Trp Leu Gly Val Ile Trp Gly Asp Gly Ile Thr Asp Tyr Asn Ser Ala
180 185 190

Leu Lys Ser Arg Leu Ser Val Thr Lys Asp Asn Ser Lys Ser Gln Val
195 200 205

Phe Leu Lys Met Asn Ser Leu Gln Ser Gly Asp Ser Ala Arg Tyr Tyr
210 215 220

Cys Val Thr Gly Leu Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr Leu Thr
225 230 235 240

Val Ser Ser Ala Ala Ala His His His His His His Glu Gln Lys Leu
245 250 255

Ile Ser Glu Glu Asp Leu
260

<210> 207

<211> 792

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de ds scFv 52SR4

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 207

gatgcggtgg tgaccagga aagcgcgctg accagcagcc cgggcgaaac cgtgaccctg	60
acctgccgca gcagcaccgg cgcggtgacc accagcaact atgcgagctg ggtgcaggaa	120
aaaccggatc atctgtttac cggcctgatt ggcggcacca acaaccgcgc gccgggctg	180
ccggcgcgct ttagcggcag cctgattggc gataaagcgg cgctgaccat taccggcgcg	240
cagaccgaag atgaagcgtt ttatTTTTTgc gtgctgtggt atagcgacca ttgggtgttt	300
ggctgcggca ccaaactgac cgtgctgggt ggaggcgggt gctcaggcgg aggtggctca	360
ggcgggtggcg ggtctggcgg cggcggcagc gatgtgcagc tgcagcagag cggcccgggc	420
ctgggtggcgc cgagccagag cctgagcatt acctgcaccg tgagcggctt tctcctgacc	480
gattatggcg tgaactgggt gcgccagagc ccgggcaaat gcctggaatg gctgggctg	540
atttggggcg atggcattac cgattataac agcgcgctga aaagccgcct gagcgtgacc	600
aaagataaca gcaaaagcca ggtgtttctg aaaatgaaca gcctgcagag cggcgatagc	660
gcgcgctatt attgcgtgac cggcctgttt gattattggg gccagggcac caccctgacc	720
gtgagcagcg cggccgccca tcaccatcac catcacgaac agaaactgat tagcgaagaa	780
gatctgtaat ag	792

<210> 208

<211> 8

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 208

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Ala	Ala
1				5			

<210> 209

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 209

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys	Pro	Ala
1				5					10	

<210> 210

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 210

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys	Pro	Ala	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys
1				5					10					15	

Pro Ala

<210> 211

<211> 25

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 211

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys	Pro	Ala	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys
1				5					10					15	

Pro	Ala	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys	Pro	Ala
			20					25

<210> 212

<211> 30

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 212

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys	Pro	Ala	Gly	Lys	Pro	Thr	Leu
1				5				10						15	

Tyr	Asn	Ser	Leu	Val	Met	Ser	Asp	Thr	Ala	Gly	Thr	Cys	Tyr
			20					25					30

<210> 213

<211> 31

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 213

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Pro	Pro	Cys	Pro	Ala	Gly	Lys	Pro	Thr	His
1				5				10						15	

Val	Asn	Val	Ser	Val	Val	Met	Ala	Glu	Val	Asp	Gly	Thr	Cys	Tyr
			20					25					30	

<210> 214

<211> 15

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 214

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Cys	Val	Glu	Cys	Pro	Pro	Cys	Pro	Ala
1				5				10						15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 215

<211> 26

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 215

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Pro	Arg	Cys	Pro	Glu	Pro	Lys	Ser	Cys	Asp
1				5				10						15	

Thr	Pro	Pro	Pro	Cys	Pro	Arg	Cys	Pro	Ala
			20					25	

<210> 216

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia enlazadora de bisagra

<400> 216

Asp	Lys	Thr	His	Thr	Cys	Pro	Ser	Cys	Pro	Ala
1				5					10	

<210> 217

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 217

Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser	Glu
1				5		

<210> 218

<211> 6

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 218

Asp Lys Thr His Thr Ser
1 5

<210> 219

<211> 6

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 219

Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5

<210> 220

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 220

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10

<210> 221

<211> 16

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 221

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

<210> 222

<211> 21

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 222

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

Gly Gly Gly Gly Ser
20

<210> 223

<211> 26

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 223

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
20 25

<210> 224

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 224

Ala Ala Ala Gly Ser Gly Gly Ala Ser Ala Ser
1 5 10

<210> 225

<211> 16

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<400> 225

Ala Ala Ala Gly Ser Gly Xaa Gly Gly Gly Ser Gly Ala Ser Ala Ser
1 5 10 15

<210> 226

<211> 21

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<220>

<221> característica_misc

<222> (12)..(12)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<400> 226

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Ala Ala Gly Ser Gly Xaa Gly Gly Gly Ser Xaa Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

Gly Ala Ser Ala Ser
20

<210> 227
<211> 26
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<220>
<221> característica_misc
<222> (7)..(7)
<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<220>
<221> característica_misc
<222> (12)..(12)
<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<220>
<221> característica_misc
<222> (17)..(17)
<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<400> 227

Ala Ala Ala Gly Ser Gly Xaa Gly Gly Gly Ser Xaa Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

Xaa Gly Gly Gly Ser Gly Ala Ser Ala Ser
20 25

<210> 228
<211> 31
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<220>

<221> característica_misc

<222> (12)..(12)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<220>

<221> característica_misc

<222> (17)..(17)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<220>

<221> característica_misc

<222> (22)..(22)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

<400> 228

Ala	Ala	Ala	Gly	Ser	Gly	Xaa	Gly	Gly	Gly	Ser	Xaa	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5				10					15		

Xaa	Gly	Gly	Gly	Ser	Xaa	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Ala	Ser	Ala	Ser
			20					25					30	

<210> 229

<211> 13

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<220>

<221> característica_misc

<222> (7)..(7)

<223> Xaa puede ser cualquier aminoácido de origen natural

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<400> 229

Ala Ala Ala Gly Ser Gly Xaa Ser Gly Ala Ser Ala Ser
1 5 10

<210> 230

<211> 28

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 230

Pro Gly Gly Asn Arg Gly Thr Thr Thr Thr Arg Arg Pro Ala Thr Thr
1 5 10 15

Thr Gly Ser Ser Pro Gly Pro Thr Gln Ser His Tyr
20 25

<210> 231

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 231

Ala Thr Thr Thr Gly Ser Ser Pro Gly Pro Thr
1 5 10

<210> 232

<211> 6

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 232

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Ala Thr Thr Thr Gly Ser
1 5

<210> 233
<211> 21
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 233

Glu Pro Ser Gly Pro Ile Ser Thr Ile Asn Ser Pro Pro Ser Lys Glu
1 5 10 15

Ser His Lys Ser Pro
20

<210> 234
<211> 15
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 234

Gly Thr Val Ala Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp
1 5 10 15

<210> 235
<211> 15
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 235

Gly Gly Gly Gly Ile Ala Pro Ser Met Val Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 236
 <211> 15
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 236

Gly	Gly	Gly	Gly	Lys	Val	Glu	Gly	Ala	Gly	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5					10					15

<210> 237
 <211> 15
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 237

Gly	Gly	Gly	Gly	Ser	Met	Lys	Ser	His	Asp	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5					10					15

<210> 238
 <211> 15
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 238

Gly	Gly	Gly	Gly	Asn	Leu	Ile	Thr	Ile	Val	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5					10					15

<210> 239
 <211> 15
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 239

Gly	Gly	Gly	Gly	Val	Val	Pro	Ser	Leu	Pro	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5					10					15

<210> 240

<211> 12

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 240

Gly	Gly	Glu	Lys	Ser	Ile	Pro	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5					10		

<210> 241

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 241

Arg	Pro	Leu	Ser	Tyr	Arg	Pro	Pro	Phe	Pro	Phe	Gly	Phe	Pro	Ser	Val
1				5					10					15	

Arg Pro

<210> 242

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 242

Tyr	Pro	Arg	Ser	Ile	Tyr	Ile	Arg	Arg	Arg	His	Pro	Ser	Pro	Ser	Leu
1				5				10						15	

Thr Thr

<210> 243

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 243

Thr	Pro	Ser	His	Leu	Ser	His	Ile	Leu	Pro	Ser	Phe	Gly	Leu	Pro	Thr
1				5				10						15	

Phe Asn

<210> 244

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 244

Arg	Pro	Val	Ser	Pro	Phe	Thr	Phe	Pro	Arg	Leu	Ser	Asn	Ser	Trp	Leu
1				5				10						15	

Pro Ala

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 245

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 245

Ser	Pro	Ala	Ala	His	Phe	Pro	Arg	Ser	Ile	Pro	Arg	Pro	Gly	Pro	Ile
1				5					10					15	

Arg Thr

<210> 246

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 246

Ala	Pro	Gly	Pro	Ser	Ala	Pro	Ser	His	Arg	Ser	Leu	Pro	Ser	Arg	Ala
1				5					10					15	

Phe Gly

<210> 247

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 247

Pro	Arg	Asn	Ser	Ile	His	Phe	Leu	His	Pro	Leu	Leu	Val	Ala	Pro	Leu
1				5					10					15	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Ala

<210> 248

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 248

Met	Pro	Ser	Leu	Ser	Gly	Val	Leu	Gln	Val	Arg	Tyr	Leu	Ser	Pro	Pro
1				5					10					15	

Asp Leu

<210> 249

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 249

Ser	Pro	Gln	Tyr	Pro	Ser	Pro	Leu	Thr	Leu	Thr	Leu	Pro	Pro	His	Pro
1				5					10					15	

Ser Leu

<210> 250

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 250

Asn	Pro	Ser	Leu	Asn	Pro	Pro	Ser	Tyr	Leu	His	Arg	Ala	Pro	Ser	Arg
1				5					10					15	

Ile Ser

<210> 251

<211> 17

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 251

Leu	Pro	Trp	Arg	Thr	Ser	Leu	Leu	Pro	Ser	Leu	Pro	Leu	Arg	Arg	Arg
1				5					10					15	

Pro

<210> 252

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 252

Pro	Pro	Leu	Phe	Ala	Lys	Gly	Pro	Val	Gly	Leu	Leu	Ser	Arg	Ser	Phe
1				5					10					15	

Pro Pro

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 253

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 253

Val	Pro	Pro	Ala	Pro	Val	Val	Ser	Leu	Arg	Ser	Ala	His	Ala	Arg	Pro
1				5					10					15	

Pro Tyr

<210> 254

<211> 17

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 254

Leu	Arg	Pro	Thr	Pro	Pro	Arg	Val	Arg	Ser	Tyr	Thr	Cys	Cys	Pro	Thr
1				5					10					15	

Pro

<210> 255

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 255

Pro	Asn	Val	Ala	His	Val	Leu	Pro	Leu	Leu	Thr	Val	Pro	Trp	Asp	Asn
1				5					10					15	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Leu Arg

<210> 256

<211> 18

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 256

Cys	Asn	Pro	Leu	Leu	Pro	Leu	Cys	Ala	Arg	Ser	Pro	Ala	Val	Arg	Thr
1				5					10					15	

Phe Pro

<210> 257

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 257

Asp	Leu	Cys	Leu	Arg	Asp	Trp	Gly	Cys	Leu	Trp
1				5					10	

<210> 258

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 258

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Asp Ile Cys Leu Pro Arg Trp Gly Cys Leu Trp
1 5 10

<210> 259
<211> 15
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 259

Met Glu Asp Ile Cys Leu Pro Arg Trp Gly Cys Leu Trp Gly Asp
1 5 10 15

<210> 260
<211> 20
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 260

Gln Arg Leu Met Glu Asp Ile Cys Leu Pro Arg Trp Gly Cys Leu Trp
1 5 10 15

Glu Asp Asp Glu
20

<210> 261
<211> 20
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 261

Gln Gly Leu Ile Gly Asp Ile Cys Leu Pro Arg Trp Gly Cys Leu Trp
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Gly Arg Ser Val
20

<210> 262
<211> 21
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 262

Gln	Gly	Leu	Ile	Gly	Asp	Ile	Cys	Leu	Pro	Arg	Trp	Gly	Cys	Leu	Trp
1				5					10					15	

Gly Arg Ser Val Lys
20

<210> 263
<211> 15
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 263

Glu	Asp	Ile	Cys	Leu	Pro	Arg	Trp	Gly	Cys	Leu	Trp	Glu	Asp	Asp
1				5					10					15

<210> 264
<211> 18
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 264

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Arg Leu Met Glu Asp Ile Cys Leu Pro Arg Trp Gly Cys Leu Trp Glu
1 5 10 15

Asp Asp

<210> 265
<211> 16
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 265

Met Glu Asp Ile Cys Leu Pro Arg Trp Gly Cys Leu Trp Glu Asp Asp
1 5 10 15

<210> 266
<211> 15
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 266

Met Glu Asp Ile Cys Leu Pro Arg Trp Gly Cys Leu Trp Glu Asp
1 5 10 15

<210> 267
<211> 18
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 267

Arg Leu Met Glu Asp Ile Cys Leu Ala Arg Trp Gly Cys Leu Trp Glu
1 5 10 15

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

Asp Asp

<210> 268

<211> 20

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 268

Glu	Val	Arg	Ser	Phe	Cys	Thr	Arg	Trp	Pro	Ala	Glu	Lys	Ser	Cys	Lys
1				5				10						15	

Pro	Leu	Arg	Gly
			20

<210> 269

<211> 20

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 269

Arg	Ala	Pro	Glu	Ser	Phe	Val	Cys	Tyr	Trp	Glu	Thr	Ile	Cys	Phe	Glu
1				5				10						15	

Arg	Ser	Glu	Gln
			20

<210> 270

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<223> Secuencia de enlazador flexible

<400> 270

Glu	Met	Cys	Tyr	Phe	Pro	Gly	Ile	Cys	Trp	Met
1				5					10	

<210> 271

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> enlazador

<400> 271

Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5					10	

<210> 272

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> enlazador

<400> 272

Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Thr	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser
1				5					10	

<210> 273

<211> 11

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia peptídica

<400> 273

Gly	Ala	Pro	Ala	Pro	Ala	Ala	Pro	Ala	Pro	Ala
1				5					10	

COLO-22392-841-27-1 SECUENCIAS

<210> 274
<211> 4
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Secuencia peptídica

<400> 274

Pro Pro Pro Pro
1