

REIVINDICACIONES

1. Una proteína agonista de los receptores de TRAIL CARACTERIZADA PORQUE comprende un polipéptido que tiene una secuencia de aminoácidos como la que se detalla en SEQ ID N° 19.
2. Una proteína agonista de los receptores de TRAIL CARACTERIZADA PORQUE comprende un dímero de dos polipéptidos que tienen una secuencia de aminoácidos como la que se detalla en SEQ ID N° 19.
3. La proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 2, CARACTERIZADA PORQUE los dos polipéptidos están unidos a través de enlaces covalentes, más precisamente a través de enlaces disulfuro que se forman entre los residuos de cisteína 513, 519 y 522 de cada una de las cadenas.
4. La proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 1, CARACTERIZADA PORQUE uno o más de los residuos de asparragina en las posiciones 168 y 337 del polipéptido se encuentran N-glucosilados.
5. La proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 1, CARACTERIZADA PORQUE los dos residuos de asparragina en las posiciones 168 y 337 del polipéptido se encuentran N-glucosilados.
6. La proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 1, CARACTERIZADA PORQUE el polipéptido comprende una modificación posterior a la traducción, en donde la modificación posterior a la traducción comprende la modificación del residuo de glutamina por un residuo de piroglutamato en el extremo N.

- 7.** Una composición farmacéutica CARACTERIZADA PORQUE comprende una proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 1 y uno o más vehículos, diluyentes, excipientes y/o coadyuvantes farmacéuticamente aceptables.
- 8.** Una molécula de ácido nucleico CARACTERIZADA PORQUE codifica una proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 1, en donde la molécula de ácido nucleico comprende los ácidos nucleicos 79-2298 de la SEQ ID NO: 16.
- 9.** Un vector de expresión CARACTERIZADO PORQUE comprende una molécula de ácido nucleico de acuerdo con la reivindicación 8.
- 10.** Una célula recombinante aislada CARACTERIZADA PORQUE comprende una molécula de ácido nucleico de acuerdo con la reivindicación 8.
- 11.** La célula recombinante aislada de acuerdo con la reivindicación 10, CARACTERIZADA PORQUE es una célula eucariota.
- 12.** La célula recombinante aislada de acuerdo con la reivindicación 10, CARACTERIZADA PORQUE es una célula de mamífero.
- 13.** La célula recombinante aislada de acuerdo con la reivindicación 10, CARACTERIZADA PORQUE es una célula de ovario de hámster chino (CHO).
- 14.** La proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 3, CARACTERIZADA PORQUE uno o más de los residuos de asparragina en las posiciones 168 y 337 de los polipéptidos se encuentran N-glucosilados.

15. La proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 14, CARACTERIZADA PORQUE los dos residuos de asparragina en las posiciones 168 y 337 de los polipéptidos se encuentran N-glucosilados.

16. La proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 14, CARACTERIZADA PORQUE uno o más de los polipéptidos comprende una modificación posterior a la traducción, en donde la modificación posterior a la traducción comprende la modificación del residuo de glutamina por un residuo de piroglutamato en el extremo N.

17. Una composición farmacéutica CARACTERIZADA PORQUE comprende una proteína agonista de los receptores de TRAIL de acuerdo con la reivindicación 3 y uno o más vehículos, diluyentes, excipientes y/o coadyuvantes farmacéuticamente aceptables.