

Secuencias completas de aminoácidos de variantes de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N

Variantes de cadena pesada con injerto

pI teórico de gVH1 / PM: 6,80 / 48822.90

EVKVVESGGGLVQPGGSMKLSQVVSQGTFSNYWVNWVRQAPGKGLEWVAQIRLKSDNYATHYEESVKGRFTISR
DSKSSVYLQMNRLRAEDSGIYYCTNWEDYWGQTTVTVSSASTKGPSVFPLAPCSRSTSESTAALGCLVKDYFPE
PVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVTVPSSSLGKTKYTCNVDHKPSNTKVDKRVESKYGPCPPCP
APEFLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSDQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSV
LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKGLPSSIEKTIKAKGQPREPQVYTLPPSQEEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVE
WESNGQPENNYKTTTPVLDSDGSFFLYSRLTVDKSRWQEGNVFSCSVMEALHNHYTQKSLSLSLGK
(SEQ ID NO:13)

FIG. 2A

Secuencias completas de aminoácidos de variantes de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N

Variantes de cadena pesada con injerto

pI teórico de gVH2 / PM: 6,80 / 48791.87

EVKVVESGGGLVQPGGSLKLSQVVSQGTFSNYWVNWVRQAPGKGLEWVAQIRLKSDNYATHYEESVKGRFTISR
DSKSSVYLQMNRLRAEDTGIYYCTNWEDYWGQTTVTVSSASTKGPSVFPLAPCSRSTSESTAALGCLVKDYFPE
PVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVTVPSSSLGKTKYTCNVDHKPSNTKVDKRVESKYGPCPPCP
APEFLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSDQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSV
LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKGLPSSIEKTIKAKGQPREPQVYTLPPSQEEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVE
WESNGQPENNYKTTTPVLDSDGSFFLYSRLTVDKSRWQEGNVFSCSVMEALHNHYTQKSLSLSLGK
(SEQ ID NO:14)

FIG. 2B

Secuencias completas de aminoácidos de variantes de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N

Variantes de cadena pesada con injerto

pI teórico de gVH3 / PM: 6,51 / 48832.88

EVQVVESGGGLVQPGGSLKLSQVVSQGTFSNYWVNWVRQAPGKGLEWVAQIRLKSDNYATHYEESVKGRFTISR
DSKNSVYLQMNRLRAEDTAIYYCTNWEDYWGQTTVTVSSASTKGPSVFPLAPCSRSTSESTAALGCLVKDYFPE
PVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVTVPSSSLGKTKYTCNVDHKPSNTKVDKRVESKYGPCPPCP
APEFLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSDQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSV
LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKGLPSSIEKTIKAKGQPREPQVYTLPPSQEEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVE
WESNGQPENNYKTTTPVLDSDGSFFLYSRLTVDKSRWQEGNVFSCSVMEALHNHYTQKSLSLSLGK
(SEQ ID NO:15)

FIG. 2C

Secuencias completas de aminoácidos de variantes de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N

Variantes de cadena pesada con injerto

pI teórico de gVH4 / PM: 6,51 / 48860.93

EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSQVVSQGTFSNYWVNWVRQAPGKGLEWVAQIRLKSDNYATHYEESVKGRFTISR
DSKNSLYLQMNRLRAEDTAIYYCTNWEDYWGQTTVTVSSASTKGPSVFPLAPCSRSTSESTAALGCLVKDYFPE
PVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVTVPSSSLGKTKYTCNVDHKPSNTKVDKRVESKYGPCPPCP
APEFLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSDQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSV
LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKGLPSSIEKTIKAKGQPREPQVYTLPPSQEEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVE
WESNGQPENNYKTTTPVLDSDGSFFLYSRLTVDKSRWQEGNVFSCSVMEALHNHYTQKSLSLSLGK
(SEQ ID NO:16)

FIG. 2D

Secuencias completas de aminoácidos de variante de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N**Variantes de cadena liviana con injerto****pI teórico de gVL1 / PM: 6,08 / 24100.81**

DIVLTQSPDSLAVSLGERATISCRASQSVSTSRYSYIHWHYQQKPGQPPKLLIKYASNLESGVPSRFSGSGSGTDF
 TLNIHPLEEDFATYYCHHSWEIPLTFGQGKLEIKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKV
 QWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSLSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC
 (SEQ ID NO:17)

FIG. 2E**Secuencias completas de aminoácidos de variantes de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N****Variantes de cadena liviana con injerto****pI teórico de gVL2 / PM: 6,33 / 24068.81**

DIVLTQSPDSLAVSLGERATISCRASQSVSTSRYSYIHWHYQQKPGQPPKLLIKYASNLESGVPSRFSGSGSGTDF
 TLNIHPLEPEDFATYYCHHSWEIPLTFGQGKLEIKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKV
 QWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSLSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC
 (SEQ ID NO:18)

FIG. 2F**Secuencias completas de aminoácidos de variantes de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N****Variantes de cadena liviana con injerto****pI teórico de gVL3 / PM: 6,57 / 23994.72**

DIVLTQSPDSLAVSLGERATISCRASQSVSTSRYSYIHWHYQQKPGQPPKLLIKYASNLESGVPSRFSGSGSGTDF
 TLTISSLQPEDFATYYCHHSWEIPLTFGQGKLEIKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKV
 QWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSLSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC
 (SEQ ID NO:19)

FIG. 2G**Secuencias completas de aminoácidos de variantes de cadena pesada y de cadena liviana de C₂N****Variantes de cadena liviana con injerto****pI teórico de gVL4 / PM: 6,57 / 24012.76**

DIVMTQSPDSLAVSLGERATISCRASQSVSTSRYSYIHWHYQQKPGQPPKLLIKYASNLESGVPSRFSGSGSGTDF
 TLTISSLQPEDFATYYCHHSWEIPLTFGQGKLEIKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKV
 QWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDYSLSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC
 (SEQ ID NO:20)

FIG. 2H