

Organización Applicante

Dirección :

Ciudad :

Estado :

País :

Codigo Posta :

Número de telefono :

Número de Fax :

Correo Electronico :

<110> Nombre de Organización : University of South Florida

Proyecto Applicante

<120> Title : COMPOSICIONES DE REELINA PARA EL TRATAMIENTO DE TRASTORNOS
NEUROLÓGICOS

<130> Referencia Archivo Aplicación : 1372.1144

<140> Número aplicación actual :

<141> Fecha aplicación actual : ____-__-__

Aplicaciones anteriores

<150> Número Aplicación anterior : 63/370,519

<151> Fecha de radicación anterior : 2016-08-03

Aplicaciones anteriores

<150> Número Aplicación anterior: 62/486,729

<151> Fecha de radicación anterior: 2017-04-18

Aplicaciones anteriores

<150> Número Aplicación anterior: PCT/US2017/045307

<151> Fecha de radicación anterior: 2017-08-03

Sequencia

<213> NombreOrganismo : Homo sapiens

<400> PreSequenceString :

cacgcgtggg ctcggcgggg gcccgctccc aggcccgctc ccgagcccgt tccgctcccg

tccgccttct	tctcgccttc	tctccgcgtg	gctcctccgt	cccggcgtct	ccaaaactga	120
atgagcgcgc	ggcgcgtagg	gcgscggcgg	cggcggcggc	ggcgggcgcg	gcggcatgga	180
gcgcagtggc	tgggcccggc	agactttcct	cctagcgcgt	ttgctggggg	cgacgcctgag	240
ggcgcgcgcg	gcggctggct	attacccccg	cttttcgccc	ttctttttcc	tgtgcaccca	300
ccacggggag	ctggaagggg	atggggagca	gggcgaggtg	ctcatttccc	tgcatattgc	360
gggcaacccc	acctactacg	ttccggggaca	agaataccat	gtgacaattt	caacaagcac	420
cttttttgac	ggcttgctgg	tgacaggact	atacacatct	acaagtgttc	aggcatcaca	480
gagcatttga	ggttccagtg	ctttcggatt	tgggatcatg	tctgaccacc	agtttggtaa	540
ccagtttatg	tgcagtgtgg	tagcctctca	cgtgagtcac	ctgcccacaa	ccaacctcag	600
tttcatctgg	attgctccac	ctgcgggcac	aggctgtgtg	aatttcatgg	ctacagcaac	660
acaccggggc	caggttatatt	tcaaagatgc	tttagcccag	cagttgtgtg	aacaaggagc	720
tccaacagat	gtcactgtgc	accacatct	agctgaaata	catagtgaca	gcattatcct	780
gagagatgac	tttgactcct	accaccaact	gcaattaaat	ccaaatatat	gggttgaatg	840
taacaactgt	gagactggag	aacagtgtgg	cgcgattatg	catggcaatg	ccgtcacctt	900
ctgtgaacca	tatggcccac	gagaactgat	taccacaggc	cttaatacaa	caacagcttc	960
tgtcctccaa	ttttccattg	ggtcaggttc	atgtcgcttt	agttattcag	accccagcat	1020
catcgtgtta	tatgccaaga	ataactctgc	ggactggatt	cagctagaga	aaattagagc	1080
cccttccaat	gtcagcacia	tcattccatat	cctctacctt	cctgaggacg	ccaaagggga	1140
gaatgtccaa	tttcagtggg	agcaggaaaa	tcttcgtgta	gggtgaagtgt	atgaagcctg	1200
ctgggcctta	gataacatct	tgatcatcaa	ttcagctcac	agacaagtcg	ttttagaaga	1260
tagtctcgac	ccagtggaca	caggcaactg	gcttttcttc	ccaggagcta	cagttaagca	1320
tagctgtcag	tcagatggga	actccattta	tttccatgga	aatgaaggca	gcgagttcaa	1380
ttttgccacc	accagggatg	tagatctttc	cacagaagat	attcaagagc	aatggtcaga	1440
agaatttgag	agccagccta	caggatggga	tgtcttggga	gctgtcattg	gtacagaatg	1500
tggaaacgata	gaatcagggt	tatcaatggg	cttcctcaaa	gatggagaga	ggaaattatg	1560
cactccatcc	atggacacta	ccggttatgg	gaacctgagg	ttttactttg	tgatgggagg	1620
aatttgtgac	cctggaaatt	ctcatgaaaa	tgacataatc	ctgtatgcaa	aaattgaagg	1680
aagaaaagag	catataaacac	tggataccct	ttcctatttc	tcataataagg	ttccgtcttt	1740
ggtttctgtg	gtcatcaatc	ctgaacttca	gactcctgct	accaaatttt	gtctcaggca	1800
aaagaaccat	caaggacata	ataggaatgt	ctgggctgta	gactttttcc	atgtcttgcc	1860
tgttctccct	tctacaatgt	ctcacatgat	acagttttcc	atcaatctgg	gatgtggaac	1920
gcacagcct	ggtaacagtg	tcagcttgga	attttctacc	aacctgggc	gctcctggtc	1980
cctccttcac	actgaatgct	tacctgagat	ctgtgctgga	ccccacctcc	cccacagcac	2040
tgtctactcc	tctgaaaact	acagtgggtg	gaaccgaata	acaattcccc	ttcctaacgc	2100
agcactaacc	cggaacacca	ggattcgctg	gagacaaaca	ggaccaatcc	ttggaaacat	2160
gtgggcaatt	gataatgttt	atattggccc	gtcatgtctc	aaattctgtt	ctggcagagg	2220
acagtgcact	agacatgggt	gcaagtgtga	ccctggattt	tctggcccag	cttgtgagat	2280
ggcatcccag	acattcccaa	tgtttatttc	tgaagctttt	ggcagttcca	ggctctcctc	2340
ttaccataac	ttttactcta	tccgtgggtg	tgaagtcagc	tttggttgtg	gtgtcttggc	2400
cagtggtaag	gccctgggtt	tcaacaaaga	agggcggcgt	cagctaatta	catctttcct	2460

tgacagctca	caatccaggt	ttctccagtt	cacactgaga	ctggggagca	aatctgttct	2520
gagcacgtgc	agagcccctg	atcagcctgg	tgaaggagtt	ttgctgcatt	attcttatga	2580
taatgggata	acttggaac	tcctggagca	ttattcatat	ctcagctatc	atgagcccag	2640
aataatctcc	gtagaactac	caggtgatgc	aaagcagttt	ggaattcagt	tcagatggtg	2700
gcaaccgtat	cattcttccc	agagagaaga	tgtatgggct	attgatgaga	ttatcatgac	2760
atctgtgctt	ttcaacagca	ttagtcttga	ctttaccaat	cttgtggagg	tcactcagtc	2820
tctgggattc	taccttgga	atgttcagcc	atactgtggc	cacgactgga	ccctttgttt	2880
tacaggagat	tctaaacttg	cctcaagtat	gcgctatgtg	gaaacacaat	caatgcagat	2940
aggagcatcc	tatatgattc	agttcagttt	ggtgatggga	tgtggccaga	aatacacccc	3000
acacatggac	aaccagggtga	agctggagta	ctcaaccaac	cacggcctta	cctggcacct	3060
cgtccaagaa	gaatgccttc	caagtatgcc	aagttgtcag	gaatttacat	cagcaagtat	3120
ttaccatgcc	agtgagttta	cacagtggag	gagagtcata	gtgcttcttc	cccagaaaac	3180
ttggtccagt	gctaccogtt	tcgctggag	ccagagctat	tacacagctc	aagacgagtg	3240
ggctttggac	agcattttaca	ttgggcagca	gtgccccaac	atgtgcagtg	ggcatggctc	3300
atgcgatcat	ggcatatgca	ggtgtgacca	ggggtaccaa	ggcactgaat	gccaccacaga	3360
agctgccctt	ccgtccacaa	ttatgtcaga	ttttgagaac	cagaatggct	gggagtctga	3420
ctggcaagaa	gttattgggg	gagaaattgt	aaaaccagaa	caaggggtgtg	gtgtcatctc	3480
ttctggatca	tctctgtact	tcagcaaggc	tgggaaaaga	cagctgggtga	gttgggacct	3540
ggatacttct	tgggtggact	ttgtccagtt	ctacatccag	ataggcggag	agagtgtctc	3600
atgcaacaag	cctgacagca	gagaggaggg	cgctctcctt	cagtacagca	acaatggggg	3660
catccagtgg	cacctgctag	cagagatgta	cttttcagac	ttcagcaaac	ccagatttgt	3720
ctatctggag	cttccagctg	ctgccaagac	cccttgcacc	aggttccgct	ggtggcagcc	3780
cgtgttctca	ggggaggact	atgaccagtg	ggcagtcgat	gacatcatca	ttctgtccga	3840
gaagcagaag	cagatcatcc	cagttatcaa	tccaacttta	cctcagaact	tttatgagaa	3900
gccagctttt	gattacccta	tgaatcagat	gagtgtgtgg	ttgatgttgg	ctaataaagg	3960
aatgggtaaa	aatgaaacct	tctgtgctgc	cacaccatca	gcaatgatat	ttggaaaatc	4020
agatggagat	cgatttgcag	taactcgaga	tttgaccctg	aaacctggat	atgtgctaca	4080
gttcaagcta	aacataggtt	gtgccaatca	attcagcagt	actgctccag	ttcttcttca	4140
gtactctcat	gatgctggta	tgtcctgggt	tctggtgaaa	gaaggctgtt	acccggcttc	4200
tgcaggcaaa	ggatgcgaag	gaaactccag	agaactaagt	gagcccacca	tgtatcacac	4260
aggggacttt	gaagaatgga	caagaatcac	cattgttatt	ccaaggcttc	ttgcatccag	4320
caagaccaga	ttccgatgga	tccaggagag	cagctcacag	aaaaacgtgc	ctccatttgg	4380
tttagatgga	gtgtacatat	ccgagccttg	tcccagttac	tgcagtggcc	atggggactg	4440
catttcagga	gtgtgtttct	gtgacctggg	atatactgct	gcacaaggaa	cctgtgtgtc	4500
aaatgtcccc	aatcacaatg	agatgttcga	taggtttgag	gggaagctca	gccctctgtg	4560
gtacaagata	acaggtgccc	aggttggaac	tggctgtgga	acacttaacg	atggcaaatc	4620
tctctacttc	aatggccctg	ggaaaaggga	agcccggacg	gtccctctgg	acaccaggaa	4680
tatcagactt	gttcaatttt	atatacaaat	tgggaagcaa	acttcaggca	ttacctgcat	4740
caaaccaaga	actagaaatg	aagggttat	tgttcagtat	tcaaatagaca	atgggatact	4800
ctggcatttg	cttcgagagt	tggacttcat	gtccttctctg	gaaccacaga	tcatttccat	4860

tgacctgcca	caggacgcga	agacacctgc	aacggcattt	cgatgggtggc	aaccgcaaca	4920
tgggaagcat	tcagcccagt	gggcttttga	tgatgttctt	ataggaatga	atgacagctc	4980
tcaaactgga	tttcaagaca	aatttgatgg	ctctatagat	ttgcaagcca	actggtatcg	5040
aatccaagga	ggtcaagttg	atattgactg	tctctctatg	gatactgctc	tgatattcac	5100
tgaaaacata	ggaaaacctc	gttatgctga	gacctgggat	tttcatgtgt	cagcatctac	5160
ctttttgcag	tttgaaatga	gcatgggctg	tagcaagccc	ttcagcaact	cccacagtgt	5220
acagctccag	tattctctga	acaatggcaa	ggactggcat	cttgtcaccg	aagagtgtgt	5280
tcctccaacc	attggctgtc	tgcattacac	ggaaagttca	atttacacct	cggaaagatt	5340
ccagaattgg	aagcggatca	ctgtctacct	tccactctcc	accattttctc	ccaggacccg	5400
gttcagatgg	attcaggcca	actacactgt	gggggctgat	tcctgggcca	ttgataatgt	5460
tgtactggcc	tcaggggtgc	cttggatgtg	ctcaggacga	gggattttgtg	atgctggacg	5520
ctgtgtgtgt	gaccggggct	ttggtggacc	ctattgtgtt	cctgttggtc	ctctgccctc	5580
gattcttaaa	gacgatttca	atgggaattt	acatcctgac	ctttggcctg	aagtgtatgg	5640
tgcagagagg	gggaatctga	atggtgaaac	catcaaatct	ggaacatctc	taattttttaa	5700
aggggaagga	ctaaggatgc	ttattttcaag	agatctagat	tgtacaaata	caatgtatgt	5760
ccagttttca	cttagattta	tagcaaaaag	tacccagag	agatctcact	ctattctgtt	5820
acaattctcc	atcagtggag	gaatcacttg	gcacctgatg	gatgaatttt	actttcctca	5880
aacaacgaat	atacttttca	tcaatgttcc	cttgccatac	actgccc aaa	ccaatgctac	5940
aagattcaga	ctctggcaac	cttataataa	cggtaagaaa	gaagaaatct	ggattgttga	6000
tgacttcatt	atcgatggaa	ataatgtaaa	caacctgtg	atgctcttgg	atacatttga	6060
ttttgggccc	agagaagaca	attggttttt	ctatcctggg	ggtaacatcg	gtcttttattg	6120
tccatattct	tcaaaggggg	cacctgaaga	agattcagct	atgggtgtttg	tttcaaataga	6180
agttggtgag	cattccatta	ccacctgtga	cctaaatgtg	aatgagaaca	ccatcataca	6240
atltgagatc	aacgttggct	gttcgactga	tagctcatcc	gcggatccag	tgagactgga	6300
atlttcaagg	gacttcgggg	cgacctggca	ccttctgctg	cccctctgct	accacagcag	6360
cagccacgtc	agctctttat	gctccaccga	gcaccacccc	agcagcacct	actacgcagg	6420
aaccatgcag	ggctggagga	gggaggtcgt	gcactttggg	aagctgcacc	tttgtggatc	6480
tgtccgtttc	agatgggtacc	agggatttta	ccctgccggc	tctcagccag	tgacatgggc	6540
cattgataat	gtctacatcg	gtccccagtg	tgaggagatg	tgtaatggac	aggggagctg	6600
tatcaatgga	accaaagtga	tatgtgaccc	tggctactca	ggtccaacct	gtaaaataag	6660
cacaaaaaat	cctgattttc	tcaaagatga	tttcgaagg	cagctagaat	ctgatagatt	6720
cttattaatg	agtggtggga	aaccatctcg	aaagtgtgga	atccttttcta	gtggaaacaa	6780
cctctttttc	aatgaagatg	gcttgccgat	gttgatgaca	cgagacctgg	atlttatcaca	6840
tgctagatlt	gtgcagttct	tcatgagact	gggatgtgg	aaaggcgttc	ctgaccccag	6900
gagtcaaccc	gtgctcctac	agtattctct	caacgggtggc	ctctcgtgga	gtcttcttca	6960
ggagttcctt	ttcagcaatt	ccagcaatgt	gggcagggtac	attgccctgg	agataccctt	7020
gaaagcccg	tctggttcta	ctgcgcctcg	ctgggtggcaa	ccgtctgaga	atgggcactt	7080
ctacagcccc	tgggttatcg	atcagattct	tattggagga	aataatttctg	gtaatacgg	7140
cttgggaag	gatttcacaa	cccttgatag	taggaaatgg	ctgcttcacc	caggaggcac	7200
caagatgccc	gtgtgtggct	ctactgggtga	tgccttggtc	ttcattgaaa	aggccagcac	7260

cogttacgtg	gtcagcacag	acgttgccgt	gaatgaggat	tccttcctac	agatagactt	7320
cgctgcctcc	tgctcagtca	cagactcttg	ttatgcgatt	gaattggaat	actcagtaga	7380
tcttggttg	tcatggcacc	cattggtaag	ggactgtctg	cctaccaatg	tggaatgcag	7440
tcgctatcat	ctgcaacgga	tcctgggtgtc	agacactttc	aacaagtgga	ctagaatcac	7500
tctgcctctc	cctccttata	ccagggtccca	agccactcgt	ttccgttggc	atcaaccagc	7560
tccttttgac	aagcagcaga	catgggcaat	agataatgtc	tatatcgggg	atggctgcat	7620
agacatgtgc	agtggccatg	ggagatgcat	ccaggggaaac	tgcgctctgtg	atgaacagtg	7680
gggtggcctg	tactgtgatg	accccgagac	ctctcttcca	acccaactca	aagacaactt	7740
caatcgagct	ccatccagtc	agaactggct	gactgtgaac	ggaggggaaat	tgagtacagt	7800
gtgtggagcc	gtggcgctcg	gaatggctct	ccatttcagt	gggggttgta	gtcgattatt	7860
agtcactgtg	gatctaaacc	tcactaatgc	tgagttcatc	caattttact	tcatgtatgg	7920
gtgcctgatt	acaccaaaca	accgtaacca	aggtgttctc	ttggaatatt	ctgtcaatgg	7980
aggcattacc	tggaacctgc	tcatggagat	tttctatgac	cagtacagta	agcccggtt	8040
tgtgaatata	cttctccctc	ctgatgctaa	agagattgcc	actcgcttcc	gctggtggca	8100
gccaagacat	gacggcctgg	atcagaacga	ctgggccatt	gacaatgtcc	tcatctcagg	8160
ctctgctgac	caaaggaccg	ttatgctgga	caccttcagc	agcgccccag	taccccgaca	8220
cgagcgctcc	cctgcagatg	ccggccctgt	cgggaggatc	gcctttgaca	tgtttatgga	8280
agacaaaact	tcagtgaatg	agcactggct	attccatgat	gattgtacag	tagaaagatt	8340
ctgtgactcc	cctgatggtg	tgatgctctg	tggcagtcac	gatggacggg	aggtgtatgc	8400
agtgacccat	gacctgactc	ccactgaagg	ctggattatg	caattcaaga	tctcagttgg	8460
atgtaagggtg	tctgaaaaaa	ttgccagaaa	tcaaatccat	gtgcagtatt	ctactgactt	8520
cgggtgtgagt	tggaattatc	tgggtccctca	gtgcttgctc	gctgacccaa	aatgctctgg	8580
aagtgtttct	cagccatctg	tattcttttc	aactaaaggg	tggaaaagga	tcacctaccc	8640
acttcttgaa	agcttagtgg	gaaatccggt	aaggtttagg	ttctatcaga	agtactcaga	8700
catgcagtgg	gcaatcgata	atttctacct	gggccctgga	tgcttggaaca	actgcagggg	8760
ccatggagat	tgcttaaggg	aacagtgcac	ctgtgatccg	ggataactcag	ggccaaactg	8820
ctacttgacc	cacactctga	agactttcct	gaaggaaacgc	tttgacagtg	aagaaatcaa	8880
acctgactta	tggatgtcct	tagaagggtg	aagtacttgc	actgagtgtg	gaattcttgc	8940
cgaggacact	gcactctatt	ttgggggatc	cactgtgaga	caagcggtta	cacaagattt	9000
ggatcttoga	ggtgcaaagt	tcctgcaata	ctggggggcg	atcggtagtg	agaacaacat	9060
gacctcttgc	catcgtccca	tctgccggaa	ggaaggcgtg	ctgttggact	actctaccga	9120
tggaggaatt	acctggactt	tgctccatga	gatggattac	cagaaataca	tttctgttag	9180
acacgactac	atacttcttc	ctgaagatgc	cctcaccaac	acaactcgac	ttcgctgggtg	9240
gcagcctttt	gtgatcagca	atggaattgt	ggtctctggg	gtggagcgtg	ctcagtgggc	9300
actggacaac	attttgattg	gtggagcaga	aatcaatccc	agccaattgg	tggacacttt	9360
tgatgatgaa	ggcacttccc	atgaagaaaa	ctggagtttt	taccctaata	ctgtaaggac	9420
agcaggattt	tgtggcaatc	catcctttca	cctctatttg	ccaaataaaa	agaaggacaa	9480
gactcacaat	gctctctcct	cccgagaact	cattatacag	ccaggataca	tgatgcagtt	9540
taaaattgtg	gtgggttggtg	aagccacttc	ttgtgggtgac	cttcattccg	taatgctgga	9600
atacactaag	gatgcaagat	cggattcctg	gcagctcgta	cagaccagct	gccttccttc	9660

ctcttctaac	agcattgggt	gctccccctt	ccagttccat	gaagccacca	tctacaactc	9720
tgtcaacagc	tcaagctgga	aaagaatcac	catccagctg	cctgaccatg	tctcctctag	9780
tgcaacacag	ttccgctgga	tccagaaggg	agaagaaact	gagaagcaaa	gctgggcaat	9840
tgaccacgtg	tacattggag	aggcttgccc	caagctctgc	agcggggcacg	gatactgcac	9900
gaccggtgcc	atctgcatct	gcgacgagag	cttccaaggt	gatgactgct	ctgttttcag	9960
tcacgacctt	cccagttata	ttaaagataa	ttttgagtcc	gcaagagtca	ccgaggcaaa	10020
ctgggagagc	attcaaggtg	gagtcataag	aagtggctgt	gggcagctgg	ccccctacgc	10080
ccatggagac	tcaactgtact	ttaatggctg	tcagatcagg	caagcagcta	ccaagcctct	10140
ggatctcact	cgagcaagca	aaatcatgtt	tgttttgcaa	attgggagca	tgtcgcagac	10200
ggacagctgc	aacagtgacc	tgagtggccc	ccacgctgtg	gacaaggcgg	tgctgctgca	10260
atacagcgtc	aacaacggga	tcacctggca	tgtcatcgcc	cagcaccagc	caaaggactt	10320
cacacaagct	cagagagtgt	cttacaatgt	ccccctggag	gcacggatga	aaggagtctt	10380
actgcgctgg	tggcaaccac	gccacaatgg	aacaggctcat	gatcaatggg	ctttggacca	10440
tgtggagggtc	gtcctagtaa	gcaactcgca	acaaaattac	atgatgaatt	tttcacgaca	10500
acatgggctc	agacatttct	acaacagaag	acgaagggtca	cttaggcgat	acccatgaag	10560
aatcaaaaag	tttatttttt	ttcttccaac	atgtgatgtg	ttgctctcca	ttcttttaaa	10620
tctcgcacta	catctgatat	caggaaatat	ctgtgaagga	cttggtgatt	acctgaaagc	10680
ccttctcaag	accgagtgtg	caccactttc	ccacactgtg	aactaatgac	aagtgactta	10740
tttgctcata	agtaaagtgc	ttcatgttga	tgtgtccgtg	aaagtgtgga	tctgttgttaa	10800
tatcagttac	agtggcagta	ttgacaataa	gaaacagttt	aacagaaaaa	tgaaatttaa	10860
gcacaaaaaa	tttaagagat	tttatgttta	aaatggcatt	tagcacagta	tttaacattc	10920
ttggtcacaa	agctatttaa	gtggactgta	tttcagctat	gtctcatgtt	ttatatgatt	10980
aaattatcat	tgtttgtcct	ttatgtattc	tcttctacaa	tacaacacat	tgaaactgta	11040
tttacttggt	atgttgtaat	attttgctgc	tgaatttggg	gctacttata	ttctgcagaa	11100
aattaattga	aatacctatt	caagaagata	gttgtaaaga	tattgtatct	cctttaatat	11160
actccttaaa	aatgtatgtt	ggtttagcgt	tgttttgtgg	ataagaaaaa	tgcttgaccc	11220
tgaaatattt	tctactttta	attgtggatg	aagaccctat	ctcccacaaa	taagttccca	11280
tttccttgct	taaagatctt	tttttaagtg	ttctgtggct	gatttactaa	cagtaactgc	11340
cattttttgt	ctgtgataac	agagtgattt	gtaaaacagt	ggttgttttt	tcattgtggt	11400
ttcttcgtgg	attgtttttt	ctgcgggtca	tattcatacc	ttctgatgaa	gttggtacaac	11460
accagcaaca	ttataatggc	cctgtagctc	tgaatgctat	ttgtgtaact	gaaaggttgc	11520
actctagggg	gaaccaagct	ataaaagccc	atgcttaaat	aaaaattatg	tccaaaagcc	11580

<212> Tipo : DNA

<211> Longitud : 11580

NombreSecuencia : Full length Reelin

DescripciónSecuencia :

Secuencia

<213> NombreOrganismo : Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

```

ttcagcagta ctgctccagt tcttcttcag tactctcatg atgctggtat gtccctggttt      60
ctggtgaaag aaggctgtta cccggcttct gcaggcaaag gatgcgaagg aaactccaga      120
gaactaagtg agcccaccat gtatcacaca ggggactttg aagaatggac aagaatcacc      180
attgttattc caaggtctct tgcattccagc aagaccagat tccgatggat ccaggagagc      240
agctcacaga aaaacgtgcc tccatttggt ttagatggag tgtacatatc cgagccttgt      300
cccagttact gcagtggcca tggggactgc atttcaggag tgtgtttctg tgacctggga      360
tatactgctg cacaaggaac ctgtgtgtca aatgtcccca atcacaatga gatgttcgat      420
aggtttgagg ggaagctcag ccctctgtgg tacaagataa cagggtgcca ggttggaact      480
ggctgtggaa cacttaacga tggcaaactc ctctacttca atggccctgg gaaaaggga      540
gcccggacgg tccctctgga caccaggaat atcagacttg ttcaatttta tatacaaatt      600
ggaagcaaaa cttcaggcat tacctgcata aaaccaagaa ctagaaatga agggcttatt      660
gttcagtatt caaatgacaa tgggatactc tggcatttgc ttcgagagtt ggacttcatg      720
tccttctctg                                     729

```

<212> Tipo : DNA

<211> Longitud : 729

NombreSecuencia : Reelin Repeat 3

DescripciónSecuencia :

Secuencia

<213> NombreOrganismo : Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

```

cccttcagca actccacag tgtacagctc cagtattctc tgaacaatgg caaggactgg      60
catcttgtca ccgaagagtg tgttctcca accattgggt gtctgcatta cacggaaagt      120
tcaatttaca cctcggaaag attccagaat tgggaagcga tcaactgtcta ccttccactc      180
tccaccattt ctcccaggac ccggttcaga tggattcagg ccaactacac tgtgggggct      240
gattcctggg cgattgataa tgttgactg gcctcagggg gcccttggat gtgctcagga      300
cgagggattt gtgatgctgg acgctgtgtg tgtgaccggg gctttggtgg accctattgt      360
gttctctgtg ttctctgcc ctcgattctt aaagacgatt tcaatgggaa ttacatcct      420
gacctttggc ctgaagtgtg tgggtgcagag agggggaatc tgaatggtga aaccatcaaa      480
tctggaacat ctctaatttt taaaggggaa ggactaagga tgcttatttc aagagatcta      540
gattgtacaa atacaatgta tgtccagttt tcacttagat ttatagcaaa aagtacccca      600
gagagatctc actctattct gttacaattc tccatcagtg gaggaatcac ttggcacctg      660
atggatgaat ttactttcc tcaaacaacg                                     690

```

<212> Tipo : DNA

<211> Longitud : 690

NombreSecuencia: Reelin Repeat 4

DescripciónSecuencia:

Sequencia

<213> NombreOrganismo : Sequencia artificial

<400> PreSequenceString :

gatagctcat ccgcggatcc agtgagactg gaattttcaa gggacttcgg ggcgacctgg	60
caccttctgc tgcccctctg ctaccacagc agcagccacg tcagctcttt atgctccacc	120
gagcaccacc ccagcagcac ctactacgca ggaacatgc agggctggag gagggaggtc	180
gtgcactttg ggaagctgca cctttgtgga tctgtccgtt tcagatggta ccagggattt	240
taccctgccg gctctcagcc agtgacatgg gccattgata atgtctacat cggccccag	300
tgtgaggaga tgtgtaatgg acaggggagc tgtatcaatg gaaccaaag tatatgtgac	360
cctggctact caggtccaac ctgtaaaata agcaccaaaa atcctgattt tctcaaagat	420
gatttcgaag gtcagctaga atctgataga ttcttattaa tgagtgggtg gaaacatct	480
cgaaagtgtg gaatcctttc tagtggaac aacctctttt tcaatgaaga tggcttgccg	540
atgttgatga cacgagacct ggatttatca catgctagat ttgtgcagtt cttcatgaga	600
ctgggatgtg gtaaaggcgt tcttgacccc aggagtcaac ccgtgctcct acagtattct	660
ctcaacggtg gcctctcgtg gagtcttctt caggagttcc ttttcagcaa ttccagc	717

<212> Tipo : DNA

<211> Longitud: 717

NombreSequencia: Reelin Repeat 5

DescripciónSequencia:

Sequencia

<213> NombreOrganismo: Sequencia artificial

<400> PreSequenceString :

gtcacagact cttgttatgc gattgaattg gaatactcag tagatcttgg attgtcatgg	60
cacccattgg taagggactg tctgcctacc aatgtggaat gcagtcgcta tcatctgcaa	120
cggatcctgg tgtcagacac tttcaacaag tggactagaa tcaactctgcc tctccctcct	180
tataccagggt cccaagccac tcgtttccgt tggcatcaac cagctccttt tgacaagcag	240
cagacatggg caatagataa tgtctatata ggggatggct gcatagacat gtgcagtggc	300
catgggagat gcatccaggg aaactgcgtc tgtgatgaac agtgggggtgg cctgtactgt	360
gatgaccccg agacctctct tccaacccaa ctcaaagaca acttcaatcg agctccatcc	420
agtcagaact ggctgactgt gaacggaggg aaattgagta cagtgtgtgg agccgtggcg	480
togggaatgg ctctccattt cagtgggggt tgtagtcgat tattagtcac tgtggatcta	540
aacctacta atgctgagtt catccaattt tacttcatgt atgggtgcct gattacacca	600
aacaaccgta accaagggtg tctcttgga tattctgtca atggaggcat tacctggaac	660
ctgctcatgg agattttcta tgaccagtac agt	693

<212> Tipo: DNA

<211> Longitud: 693

NombreSecuencia: Reelin Repeat 6

DescripciónSecuencia:

Secuencia

<213> NombreOrganismo: Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

gaaccacaga tcattttccat tgacctgccca caggacgcga agacacctgc aacggcattt	60
cgatggtggc aaccgcaaca tgggaagcat tcagcccagt gggctttgga tgatgttctt	120
ataggaatga atgacagctc tcaaactgga tttcaagaca aatttgatgg ctctatagat	180
ttgcaagcca actggtatcg aatccaagga ggtcaagttg atattgactg tctctctatg	240
gatactgctc tgatattcac tgaaaacata ggaaaacctc gttatgctga gacctgggat	300
tttcatgtgt cagcatctac ctttttgcag tttgaaatga gcatgggctg tagcaag	357

<212> Tipo: DNA

<211> Longitud: 357

NombreSecuencia: Reelin Repeat Loop Region 3-4

DescripciónSecuencia:

Secuencia

<213> NombreOrganismo: Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

aatatacttt tcatcaatgt tcccttgcca tacactgccc aaaccaatgc tacaagattc	60
agactctggc aaccttataa taacggtaag aaagaagaaa tctggattgt tgatgacttc	120
attatcgatg gaaataatgt aaacaaccct gtgatgctct tggatacatt tgattttggg	180
cccagagaag acaattgggt tttctatcct ggtggtaaca tcggtcttta ttgtccatat	240
tcttcaaagg gggcacctga agaagattca gctatggtgt ttgtttcaaa tgaagttggt	300
gagcattcca ttaccaccg tgacctaaat gtgaatgaga acaccatcat acaatttgag	360
atcaacgttg gctgttcgac t	381

<212> Tipo: DNA

<211> Longitud: 381

NombreSecuencia: Reelin Repeat Loop Region 4-5

DescripciónSecuencia:

Secuencia

<213> NombreOrganismo: Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

```

aatgtgggca ggtacattgc cctggagata cccttgaaag cccgttctgg ttctactcgc      60
cttcgctggg ggcaaccgtc tgagaatggg cacttctaca gcccctgggt tatcgatcag      120
attcttattg gaggaatat ttctggtaat acggtcttgg aagatgattt cacaaccctt      180
gatagtagga aatggctgct tcacccagga ggcaccaaga tgcccggtgtg tggctctact      240
ggtgatgcc tggtcttcat tgaaaaggcc agcaccggtt acgtggtcag cacagacggt      300
gccgtgaatg aggattcctt cctacagata gacttcgctg cctcctgctc a              351

```

<212> Tipo: DNA

<211> Longitud: 351

NombreSecuencia: Reelin Repeat Loop Region 5-6

DescripciónSecuencia:

Secuencia

<213> NombreOrganismo : Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

```

aagcttccac catggagcgc agtggctggg cccggcagac tttcctccta gcgctgttgc      60
tggggggcgac gctgagggcg cgcgcgttca gcagtactgc tccagttctt cttcagtact      120
ctcatgatgc tggatatgtc tggtttctgg tgaaagaagg ctgttaccgg gcttctgcag      180
gcaaaggatg cgaaggaaac tccagagaac taagtgaacc caccatgtat cacacagggg      240
actttgaaga atggacaaga atcaccattg ttattccaag gtctcttgca tccagcaaga      300
ccagattccg atggatccag gagagcagct cacagaaaaa cgtgcctcca tttggtttag      360
atggagtgtg catatccgag ccttgtccca gttactgcag tggccatggg gactgcattt      420
caggagtgtg tttctgtgac ctgggatata ctgctgcaca aggaacctgt gtgtcaaagt      480
tccccaatca caatgagatg ttcgataggt ttgaggggaa gctcagccct ctgtggtaca      540
agataacagg tgcccagggt ggaactggct gtggaacact taacgatggc aaatctctct      600
acttcaatgg ccctgggaaa agggaagccc ggacgggtccc tctggacacc aggaatatca      660
gacttggttca attttatata caaattggaa gcaaaacttc aggcattacc tgcataaac      720
caagaactag aaatgaaggg cttattgttc agtattcaaa tgacaatggg atactctggc      780
at ttgcttgc agagttggac ttcattgtct tcctggaacc acagatcatt tccattgacc      840
tgccacagga cgcgaagaca cctgcaacgg catttcgatg gtggcaaccg caacatggga      900
agcattcagc ccagtgggct ttggatgatg ttcttatagg aatgaatgac agctctcaaa      960
ctggatttca agacaaat ttgatgctcta taacccttga tagtaggaaa tggctgcttc      1020
accagggagg caccaagatg cccgtgtgtg gctctactgg tgatgccctg gtcttcattg      1080
aaaaggccag caccggttac gtggtcagca cagacgttgc cgtgaatgag gattccttcc      1140
tacagataga cttcgctgcc tcctgctcag tcacagactc ttgttatgcg attgaattgg      1200
aatactcagt agatcttgga ttgtcatggc acccattggg aagggactgt ctgcctacca      1260
atgtggaatg cagtgcgtat catctgcaac ggatcctggg gtcagacact ttcaacaagt      1320
ggactagaat cactctgcct ctccctcctt ataccaggtc ccaagccact cgtttccggt      1380
ggcatcaacc agctcctttt gacaagcagc agacatgggc aatagataat gtctatatcg      1440

```

```

gggatggctg catagacatg tgcagtggcc atgggagatg catccaggga aactgcgtct 1500
gtgatgaaca gtggggtggc ctgtactgtg atgaccccgga gacctctctt ccaacccaac 1560
tcaaagacaa cttcaatcga gctccatcca gtcagaactg gctgactgtg aacggagggga 1620
aattgagtac agtgtgtgga gccgtggcgt cgggaatggc tctccatttc agtggggggtt 1680
gtagtcgatt attagtcact gtggatctaa acctcactaa tgctgagttc atccaatttt 1740
acttcatgta tgggtgcctg attacaccaa acaaccgtaa ccaaggtggt ctcttggaat 1800
attctgtcaa tggaggcatt acctggaacc tgctcatgga gattttctat gaccagtaca 1860
gtgattacaa ggatgacgac gataagtgac tcgag 1895

```

<212> Tipo: DNA

<211> Longitud: 1895

NombreSecuencia: Reelin Fragment R3 and R6

DescripciónSecuencia:

Secuencia

<213> NombreOrganismo : Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

```

MERSGWARQT FLLALLLGAT LRARAFSSTA PVLLQYSHDA GMSWFLVKEG CYPASAGKGC 60
EGNSRELSEP TMYHTGDFEE WTRITIVIPR SLASSKTRFR WIQESSSQKN VPPFGLDGVY 120
ISEPCPSYCS GHGDCISGVC FCDLGYTAAQ GTCVSNVPNH NEMFDRFEGK LSPLWYKITG 180
AQVGTGCGTL NDGKSLYFNG PGKREARTVP LDTRNIRLVQ FYIQIGSKTS GITCIKPRTR 240
NEGLIVQYSN DNGILWHLLR ELDFMSFLEP QIISIDLPOD AKTPATAFRW WQPQHGKHS 300
QWALDDVLIG MNDSSQTGFQ DKFDGSITLD SRKWLHPGG TKMPVCGSTG DALVFIEKAS 360
TRYVVSTDVA VNEDSFLQID FAASCSVTDS CYAIELEYSV DLGLSWHPLV RDCLPTNVEC 420
SRYHLQRILV SDTFNKWTRI TLPLPPYTRS QATRFWRHQP APFDKQQTWA IDNVYIGDGC 480
IDMCSGHGRC IQGNVCDEQ WGGLYCDDPE TSLPTQLKDN FNRPSSQNW LTVNGGKLST 540
VCGAVASGMA LHFSGGCSRL LVTVDLNLN AEFIQFYFMY GCLITPNNRN QGVLLLEYSVN 600
GGITWNLLME IFYDQYS 617

```

<212> Tipo: PRT

<211> Longitud: 617

NombreSecuencia: Reelin Protein Fragment R3 and R6

DescripciónSecuencia:

Secuencia

<213> NombreOrganismo : Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

```

aagcttccac catggagcgc agtggctggg cccggcagac tttcctccta gcgctgttgc 60
tgggggagcgc gctgagggcg cgcgcgttca gcagtactgc tccagttctt cttcagtact 120
ctcatgatgc tggatatgtcc tggtttcttg tgaaagaagg ctgttaccgc gcttctgcag 180

```

```

gcaaaggatg cgaaggaaac tccagagaac taagtgagcc caccatgtat cacacagggg      240
actttgaaga atggacaaga atcaccattg ttattccaag gtctcttgca tccagcaaga      300
ccagattccg atggatccag gagagcagct cacagaaaaa cgtgcctcca tttggtttag      360
atggagtgtg catatccgag ccttgtccca gttactgcag tggccatggg gactgcattt      420
caggagtgtg tttctgtgac ctgggatata ctgctgcaca aggaacctgt gtgtcaaatg      480
tccccaatca caatgagatg ttcgataggt ttgaggggaa gctcagccct ctgtggtaca      540
agataacagg tgcccagggt ggaactggct gtggaacact taacgatggc aaatctctct      600
acttcaatgg ccctgggaaa agggaagccc ggacgggtccc tctggacacc aggaatatca      660
gacttgttca attttatata caaattggaa gcaaaaacttc aggcattacc tgcatacaac      720
caagaactag aaatgaaggg cttattgttc agtattcaaa tgacaatggg atactctggc      780
atttgcttcg agagttggac ttcattgtct tcttgggaacc acagatcatt tccattgacc      840
tgccacagga cgcgaagaca cctgcaacgg catttcgatg gtggcaaccg caacatggga      900
agcattcagc ccagtgggct ttggatgatg ttcttatagg aatgaatgac agctctcaaa      960
ctggatttca agacaaattt gatggctcta tagatgacaa ttgggtttttc tatcctgggtg    1020
gtaacatcgg tctttattgt ccatattctt caaagggggc acctgaagaa gattcagcta    1080
tggtgtttgt ttcaaataaa gttgggtgagc attccattac caccctgac ctaaatagtga    1140
atgagaacac catcatacaa tttgagatca acgttggctg ttcgactgat agctcatccg    1200
cggatccagt gagactggaa ttttcaaggg acttcggggc gacctggcac cttctgctgc    1260
ccctctgcta ccacagcagc agccacgtca gctctttatg ctccaccgag caccacccca    1320
gcagcaccta ctacgcagga accatgcagg gctggaggag ggaggctcgtg cactttggga    1380
agctgcacct ttgtggatct gtccgtttca gatggtacca gggattttac cctgccggct    1440
ctcagccagt gacatggggc attgataatg tctacatcgg tccccagtgt gaggagatgt    1500
gtaatggaca ggggagctgt atcaatggaa ccaaatgtat atgtgaccct ggctactcag    1560
gtccaacctg taaaataagc accaaaaatc ctgattttct caaagatgat ttcgaaggtc    1620
agctagaatc tgatagattc ttattaatga gtgggtggaa accatctcga aagtgtggaa    1680
tcctttctag tggaacaac ctctttttca atgaagatgg cttgcgcatg ttgatgacac    1740
gagacctgga tttatcacat gctagatttg tgcagttctt catgagactg ggatgtggta    1800
aaggcgttcc tgaccccagg agtcaaccgg tgctcctaca gtattctctc aacggtggcc    1860
tctcgtggag tcttcttcag gagttccttt tcagcaattc cagcgattac aaggatgacg    1920
acgataagtg actcgag                                     1937

```

<212> Tipo: DNA

<211> Longitud: 1937

NombreSecuencia: Reelin Fragment R3 and R5

DescripciónSecuencia:

Secuencia

<213> NombreOrganismo : Secuencia artificial

<400> PreSequenceString :

MERSGWARQT FLLALLLGAT LRARAFSSTA PVLLQYSHDA GMSWFLVKEG CYPASAGKGC 60

EGNSRELSEP	TMYHTGDFEE	WTRITIVIPR	SLASSKTRFR	WIQESSSQKN	VPPFGLDGVY	120
ISEPCPSYCS	GHGDCISGVC	FCDLGYTAAQ	GTCVSNVPNH	NEMFDRFEGK	LSPLWYKITG	180
AQVGTGCGTL	NDGKSLYFNG	PGKREARTVP	LDTRNIRLVQ	FYIQIGSKTS	GITCIKPRT	240
NEGLIVQYSN	DNGILWHLLR	ELDFMSFLEP	QIISIDLPQD	AKTPATAFRW	WQPQHGKHS	300
QWALDDVLIG	MNDSSQTGFQ	DKFDGSIDN	WFFYPGGNIG	LYCPYSSKGA	PEEDSAMVFF	360
SNEVGEHSIT	TRDLNVNENT	IIQFEINVGC	STDSSSADPV	RLEFSRDFGA	TWHLLLPLCY	420
HSSSHVSSLC	STEHHPSSTY	YAGTMQGWRR	EVVHFGKLHL	CGSVRFRWYQ	GFYPAGSQPV	480
TWAIDNVYIG	PQCEEMCNGQ	GSCINGTKCI	CDPGYSGPTC	KISTKNPDFL	KDDFEGQLES	540
DRFLMSGGK	PSRKCGILSS	GNNLFFNEDG	LRMLMTRDL	LSHARFVQFF	MRLGCGKGVP	600
DPRSQPVLLQ	YSLNGGLSWS	LLQEFLFSNS	S			631

<212> Tipo: PRT

<211> Longitud: 631

NombreSecuencia: Reelin Protein Fragment R3 and R5

DescripciónSecuencia: