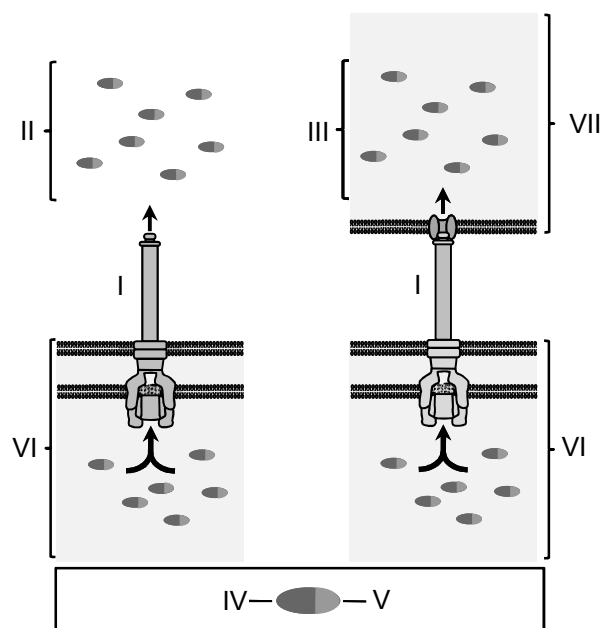
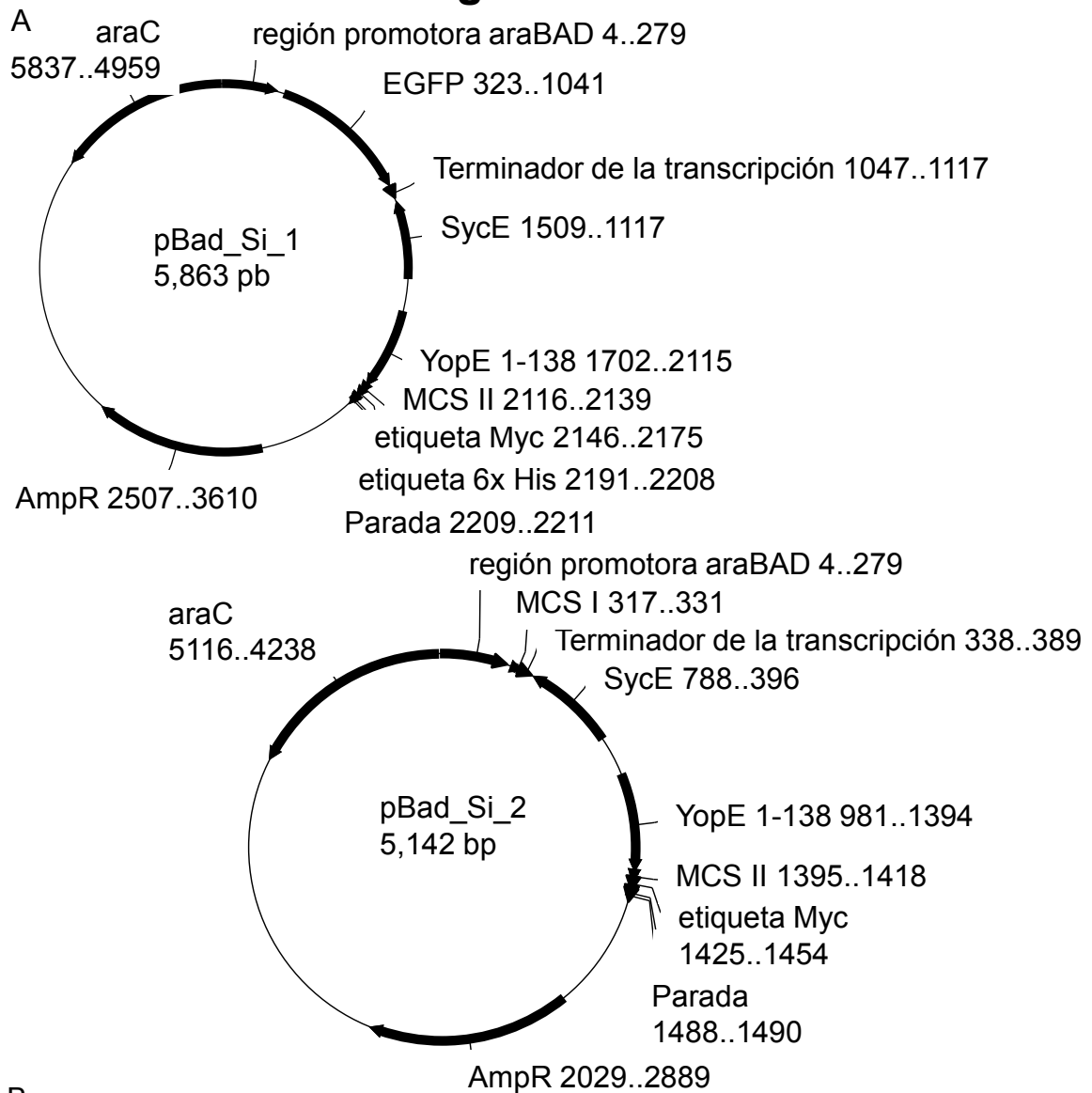


1 de 52
Figura 1

A



2 de 52
Figura 2



B

YopE1-138 XhoI XbaI BstBI

GTTCGCCACG CTCGAGTCTA GATTCGAA

HindIII Epítipo *myc*

AAGCTTGGGC CCGAACAAAACTCATCTCA

GAAGAGGATCTGAATAGCGC CGTCGACCAT

etiqueta 6x His ★★★

CATCATCATC ATCATTGAGT TTAAACGGTC

TCCAGCTTGG CTGTTTTGG C

3A de 52

Figura 3A

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
Δ HOPEMT	Y. enterocolitica	MRS40 pIML421 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135]					Nal	Iriarte y Cornelis, 1998
Δ HOPEMT asd yopB	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T	MRS40 pIML421 [yopB Δ 89-217, yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135]					Nal Kan	
Δ HOPEMT asd	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T	MRS40 asd Δ 292-610 pIML421 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135]					Nal	Kudryashev y otros, 2013
Δ HOPEMT asd inv	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T	MRS40 asd Δ 292-610 invA Δ 352-2225::aphA-3 pIML421 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135]				445/446, 447/448, 449/450	Nal Kan	
Δ HOPEMT asd inv yadA	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ invA Δ yadA	MRS40 asd Δ 292-610 invA Δ 587-836 (cointegración del vector) yadA Δ 89-354::aphA3 pIML421 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135]				352/353, 354/355, 356/357	Nal Kan Tet	

3B de 52

Figura 3B

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
Δ HOPEMT asd pBad_Si1	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ asd	EGFP (inducible por Arabinosa), fragmento SycE-YopE1-138-MycHis		pBad-MycHisA (Invitrogen)	pBad_Si_1	285/286 (EGFP), 287/288 (sycE-YopE1-138)	Nal Amp	
Δ HOPEMT asd pBad_Si2	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ asd	Fragmento SycE-YopE1-138-MycHis	YopE1-138-MycHis	pBad-MycHisA (Invitrogen)	pBad_Si_2	287/288 (sycE-YopE1-138)	Nal Amp	
Δ HOPEMT asd pSi_85	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ asd		YopE1-138-Bid	pBad_Si_2	pSi_85	387/391	Nal Amp	
Δ HOPEMT asd pSi_87	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ asd		YopE1-138-t-Bid	pBad_Si_2	pSi_87	389/391	Nal Amp	

3C de 52

Figura 3C

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencia	Referencia
ΔHOPEMT asd pSi_120	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T Δasd		YopE1-138-ET1	pBad_Si_2	pSi_120	436/437	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_121	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T Δasd		YopE1-138-z-BIM	pbad_Si_1	pSi_121	438/439	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_132	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T Δasd		YopE1-138-proteasa de TEV S219V	pBad_Si_2	pSi_132	463/464	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_158	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T Δasd		YopE1-138 - 2xsitio de TEV -EGFP	pBad_Si_2	pSi_158	511/476	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_151	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T Δasd		YopE1-138-Ink4C	pBad_Si_2	pSi_151	494/495	Nal Amp	

3D de 52

Figura 3D

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
ΔHOPEMT asd pSi_156	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-2x sitio de TEV - ET1	pBad_Si_2	pSi_156	504/505	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_159	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-2xsitio de TEV - EGFP - NLS	pBad_Si_2	pSi_159	511/513	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_160	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-2xsitio de TEV - NLS - EGFP	pBad_Si_2	pSi_160	512/476	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_161	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-2x sitio de TEV - INK4C	pBad_Si_2	pSi_161	508/509	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_164	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-2x sitio de TEV - Flag - INK4C	pBad_Si_2	pSi_164	515/509	Nal Amp	

3E de 52

Figura 3E

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencia	Referencia
ΔHOPEMT asd pSi_318	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-parte BH3 de tBid optimizada en codones de Y. enterocolitica	pBad_Si_2	pSi_318	677/678	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_322	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-parte BH3 de Bax optimizada en codones de Y. enterocolitica	pBad_Si_2	pSi_322	682/683	Nal Amp	
S. enterica SL1344 ΔaroA	S. enterica subsp. enterica serovar Typhimurium SL1344 ΔaroA							Hoiseth y Stocker, 1981
ΔHOPEMT asd pSi_315	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica	pBad_Si_2	pSi_315	constructo sintético	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_236	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-Ubiquitina	pBad_Si_2	pSi_236	585/586	Nal Amp	
ΔHOPEMT asd pSi_237_II	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T Δasd		YopE1-138-Ubiquitina- Flag-INK4C-MycHis	pSi_236	pSi_237_II	588/509	Nal Amp	

3F de 52

Figura 3F

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_357	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE1-138-BH3 de tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica	pBad_Si_2	pSi_357	733/735	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_358	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE1-138-BH3 de Bax murina optimizada en codones de Y. enterocolitica	pBad_Si_2	pSi_358	736/738	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_371	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE1-138-(BH3 de tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica),	pSi_357	pSi_371	733/734	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_373	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE1-138-BH3 de tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica- BH3 de Bax murina optimizada en codones de Y. enterocolitica	pSi_358	pSi_373	733/734	Nal Amp	

3G de 52

Figura 3G

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_353	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE1-138-BH3 de tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica extendida (por 4 Aa)	pBad_Si_2	pSi_353	725/726	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_354	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE1-138-enlazador de 10 Aa-BH3 de tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica	pBad_Si_2	pSi_354	727/728	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_374	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE1-138-BH3 de Bax murina optimizada en codones de Y. enterocolitica-BH3 de tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica	pSi_357	pSi_374	736/737	Nal Amp	

3H de 52

Figura 3H

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_453	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ - dos dominios CARD de RIG-1 humana optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-245)	pBad_Si_2	pSi_453	constructo sintético	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_454	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ - dos dominios CARD de RIG-1 humana optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-246)	pBad_Si_2	pSi_454	constructo sintético	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_452	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E, M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ - GCN4 de S. cerevisiae optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 249-278) - WspR de P. aeruginosa optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 172-347)	pBad_Si_2	pSi_452	constructo sintético	Nal Amp	

3l de 52

Figura 3l

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_428	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ - IRF3 S397D murino optimizado en codones de Y. enterocolitica	pBad_Si_2	pSi_428	constructo sintético	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_482	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ - DncV de V. Cholerae optimizada en codones de Y. enterocolitica (M3toL413)	pBad_Si_2	pSi_482	constructo sintético	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_483	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ - similar a DisA de B. cereus optimizada en codones de Y. enterocolitica (PDB: 2FB5; Aa. 76-205)	pBad_Si_2	pSi_483	constructo sintético	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_484	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M, T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ - cGAS de anémona (N. vectensis) optimizada en codones de Y. enterocolitica (Ensembl: A7SFB5.1)	pBad_Si_2	pSi_484	constructo sintético	Nal Amp	

3J de 52

Figura 3J

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido o resultado	Cebadores Si. Nr.:	resistencias	Referencia
Δ HOPEMT asd pYV-asd	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ asd	MRS40 pIML421 [yopH Δ 1–352, yopO Δ 65–558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135, pYV-asd]	/	pKNG101	pSi_417 (Mutador)	PCR1: 869/870; PCR2: 871/872; PCR3: 873/874; overlapping PCR 869/874	Nal	
Δ HOPEMT asd pBad-asd	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ asd	MRS40 pIML421 [yopH Δ 1–352, yopO Δ 65–558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135]	YopE1-138-MycHis	pBad_Si_2	pSi_397	600/601	Nal	
Δ HOPEMT <i>virF-horquillal</i>	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T	MRS40 [yopH Δ 1–352, yopO Δ 65–558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 <i>virF</i> Δ -111 – -57]	/	pKNG101	pSI_441 (Mutador)	constructo sintético	Nal	
Δ HOPEMT <i>virF-horquillal</i> pSi_371	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ <i>virF-horquillal</i>	MRS40 [yopH Δ 1–352, yopO Δ 65–558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 <i>virF</i> Δ -111 – -57]	YopE1-138-(tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica BH3) ₂	pBad_Si_2	pSi_371	733/734	Nal Amp	

3K de 52

Figura 3K

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
Δ HOPEMT pYV-YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ murine BH3 de tBID	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T	MRS40 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 yopE::BH3 de tBID]	YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ BH3 de tBID	pKNG101	pSI_408 (Mutador)	constructo sintético	Nal	
Δ HOPEMT pYV-YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ murine (BH3 de tBID) ₂	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T	MRS40 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 yopE:: (BH3 de tBID) ₂]	YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ (BH3 de tBID) ₂	pKNG101	pSI_437 (Mutador)	constructo sintético	Nal	
Δ HOPEMT pYV- <i>virF-horquillal</i> - YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ murine (BH3 de tBID) ₂	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T, yopE:: (BH3 de tBID) ₂	MRS40 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 yopE:: (BH3 de tBID) ₂ virF Δ -111 - -57]	YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ (BH3 de tBID) ₂	pKNG101	pSI_441 (Mutador)	constructo sintético	Nal	
Δ HOPEMT asd pYV-asd-YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ murine (BH3 de tBID) ₂	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T Δ asd pYV-asd	MRS40 pIML421 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135, yopE:: (BH3 de tBID) ₂ pYV-asd]	YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ (BH3 de tBID) ₂	pKNG101	pSI_437 (Mutador)	constructo sintético	Nal	

3L de 52

Figura 3L

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
ΔHOPEMT pYV-YopE ₁₋₁₃₈ - dominios CARD de RIG-1 murino	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T	MRS40 [yopHΔ1-352, yopOΔ65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 yopE::dominios CARD de RIG-1	YopE ₁₋₁₃₈ dominio s CARD de RIG-1	pKNG101	pSI_456 (Mutador)	constructo sintético	Nal	
ΔHOPEMT pYV-pAra-virF	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T	MRS40 [yopHΔ1-352, yopOΔ65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 pAra::virF]	/	pKNG101	pSI_439 (Mutador)	constructo sintético	Nal	
ΔHOPEMT pYV-pAra-virF pSi_371	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T, pYV-pAra-virF	MRS40 [yopHΔ1-352, yopOΔ65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 pAra::virF]	YopE ₁₋₁₃₈ (BH3 de tBid murina optimizada en codones de Y. enterocolitica) ₂	pBad_Si_2	pSi_371	733/734	Nal Amp	

3M de 52

Figura 3M

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
Δ HOPEMT pYV- <i>virF-horquilla</i> -YopE ₁₋₁₃₈ -dominios CARD de RIG-1 murino	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T yopE::dominios CARD de RIG-1 murino	MRS40 [yopH Δ 1-352, yopO Δ 65-558, yopP23, yopE21, yopM23, yopT135 virF Δ -111 – -57 yopE::dominios CARD de RIG-1	YopE ₁₋₁₃₈ -dominios CARD de RIG-1	pKNG101	pSI_441 (Mutador)	constructo sintético	Nal	
Δ HOPEMT O: Δ HOPEMT asd pSi_521	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T (Δ asd)		YopE ₁₋₁₃₈ -dos dominios CARD de RIG-1 murina optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-229)	pBad_Si_2	pSi_521	1021/1022	Nal Amp	

3N de 52

Figura 3N

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencias	Referencia
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_522	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ dos dominios CARD de RIG-1 murina optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-218)	pBad_Si_2	pSi_522	1021/1023	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_517	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ dos dominios CARD de MDA5 murina optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-294)	pBad_Si_2	pSi_517	constructo sintético	Nal Amp	

30 de 52

Figura 30

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencia	Referencia
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_524	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ * dos dominios CARD de MDA5 murina optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-231)	pBad_Si_2	pSi_524	1025/1026	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_515	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ * cGAS humana optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 161-522)	pBad_Si_2	pSi_515	constructo sintético	Nal Amp	

3P de 52

Figura 3P

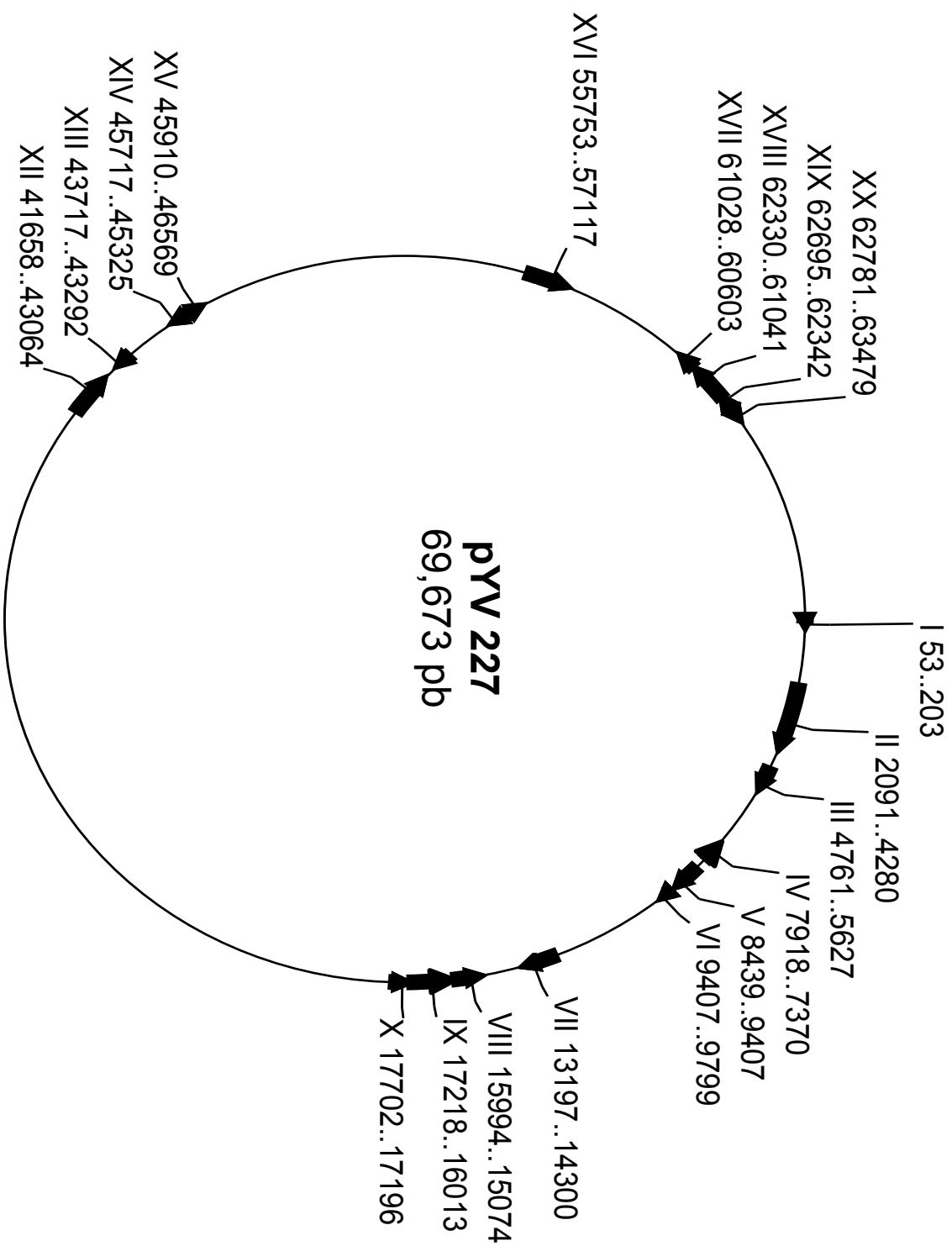
Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencia	Referencia
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_539	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ CARD de MAVS humana optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-100)	pBad_Si_2	pSi_539	constructo sintético	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_503	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ cGAS de anémona (N. vectensis) optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 60-422) (Ensembl: A7SFB5.1)	pBad_Si_2	pSi_484	1010/1012	Nal Amp	
ΔHOPEMT O: ΔHOPEMT asd pSi_518	Y. enterocolitica ΔyopH,O,P,E,M,T (Δasd)		YopE ₁₋₁₃₈ ⁻ CdaA de Listeria monocytogenes optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 101-273)	pBad_Si_2	pSi_518	constructo sintético	Nal Amp	

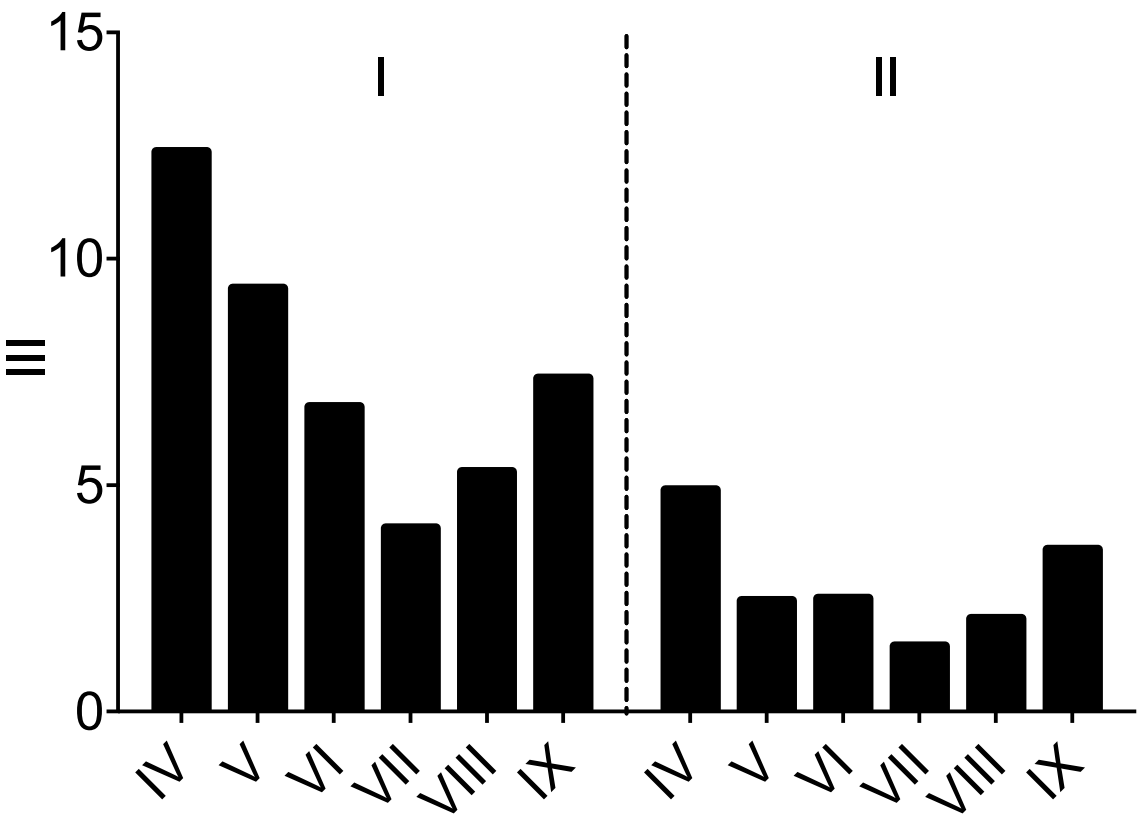
3Q de 52

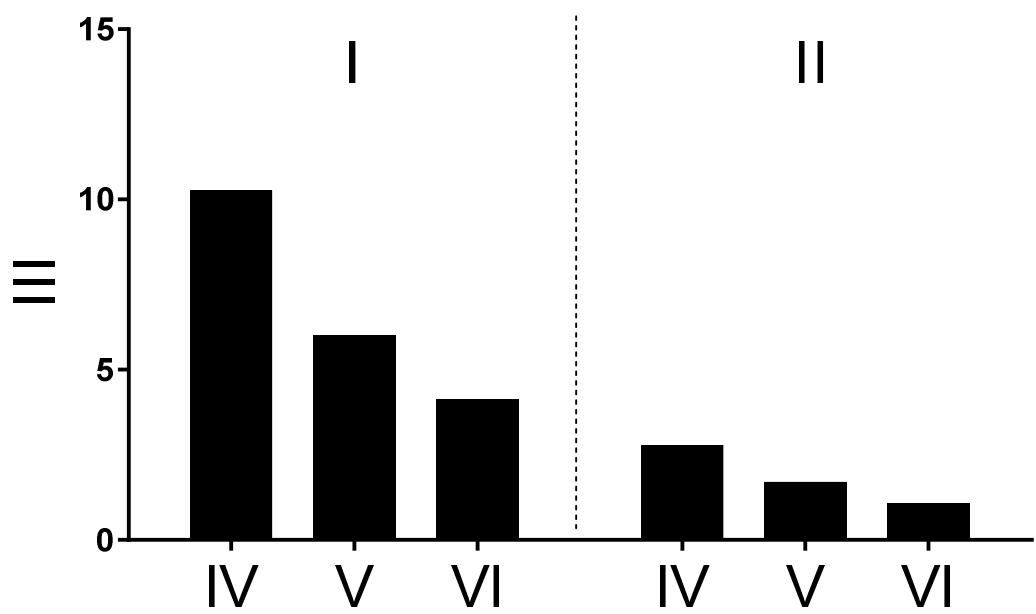
Figura 3Q

Nombre de la cepa	Cepa de fondo	Características relevantes del inserto	Proteína a ser suministrada por T3SS	Cadena principal del plásmido	Nombre del plásmido resultante	Cebadores Si_Nr.:	resistencia	Referencia
Δ HOPEMT-yopB pSi_539	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T,B	Deleción de <i>yopB</i>	YopE ₁₋₁₃₈ CARD de MAVS humana optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-100)	pBad_Si_2	pSi_539	constructo sintético	Nal Amp	
Δ HOPEMT-yopB pSi_454	Y. enterocolitica Δ yopH,O,P,E,M,T,B	Deleción de <i>yopB</i>	YopE ₁₋₁₃₈ dos dominios CARD de RIG-1 murina optimizada en codones de Y. enterocolitica (Aa. 1-246)	pBad_Si_2	pSi_454	constructo sintético	Nal Amp	

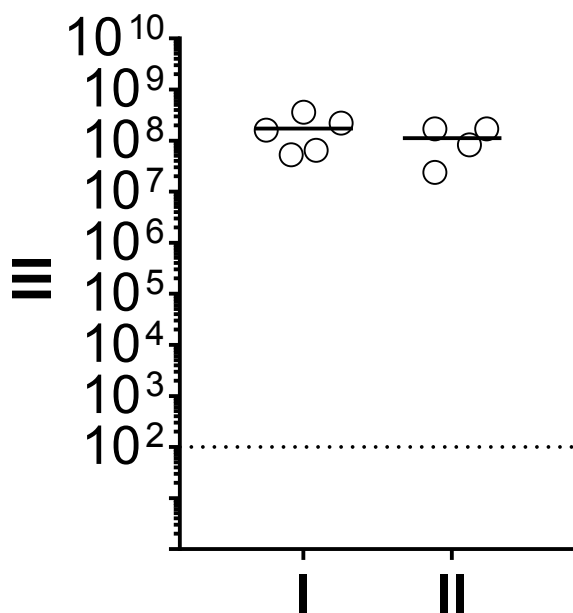
4 de 52
Figura 4



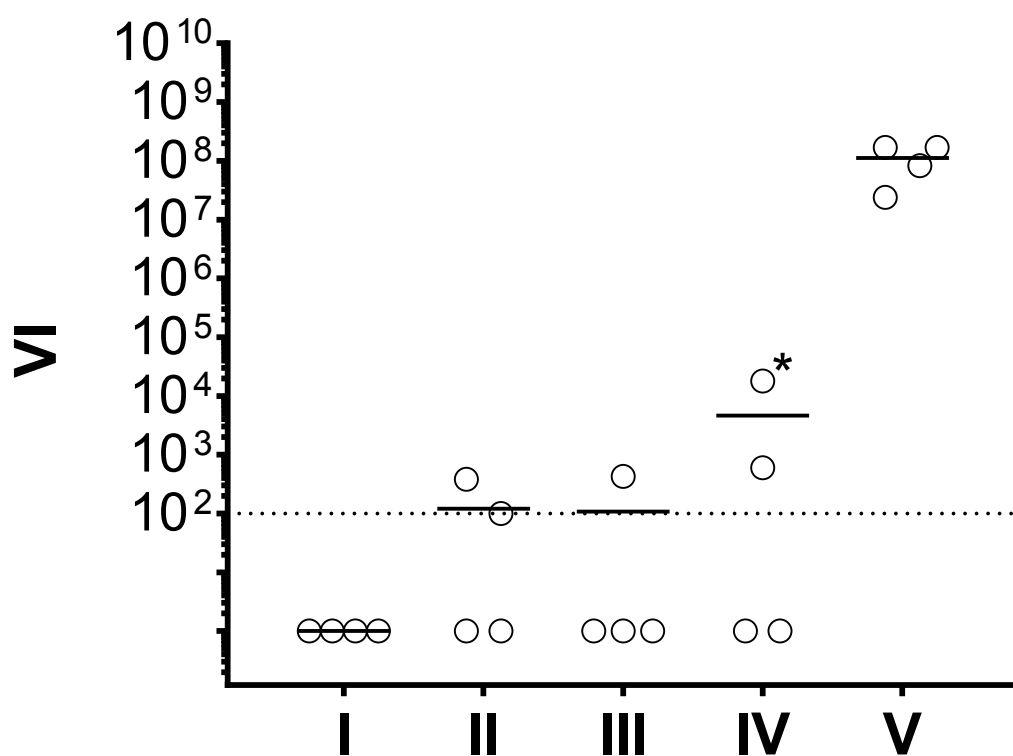




7 de 52
Figura 7



8 de 52
Figura 8



9 de 52
Figura 9

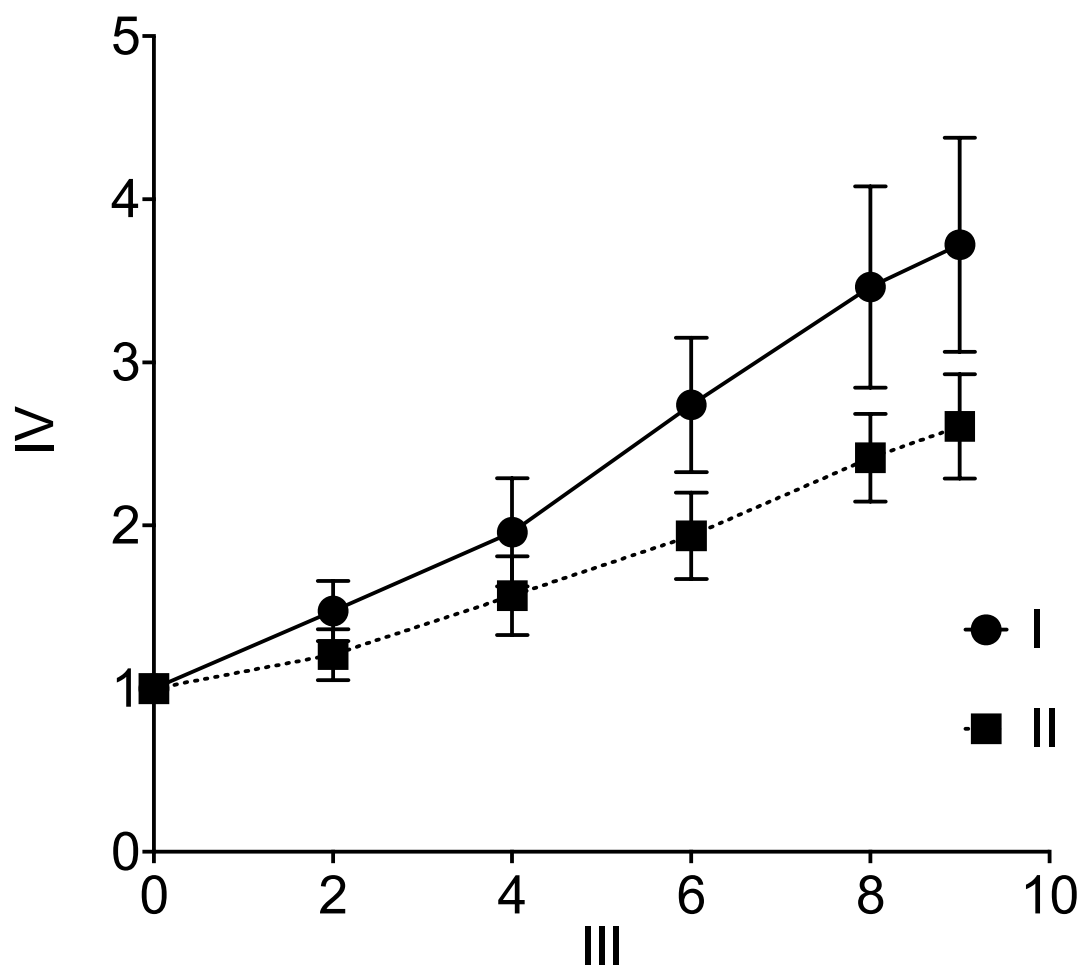


Figura 10

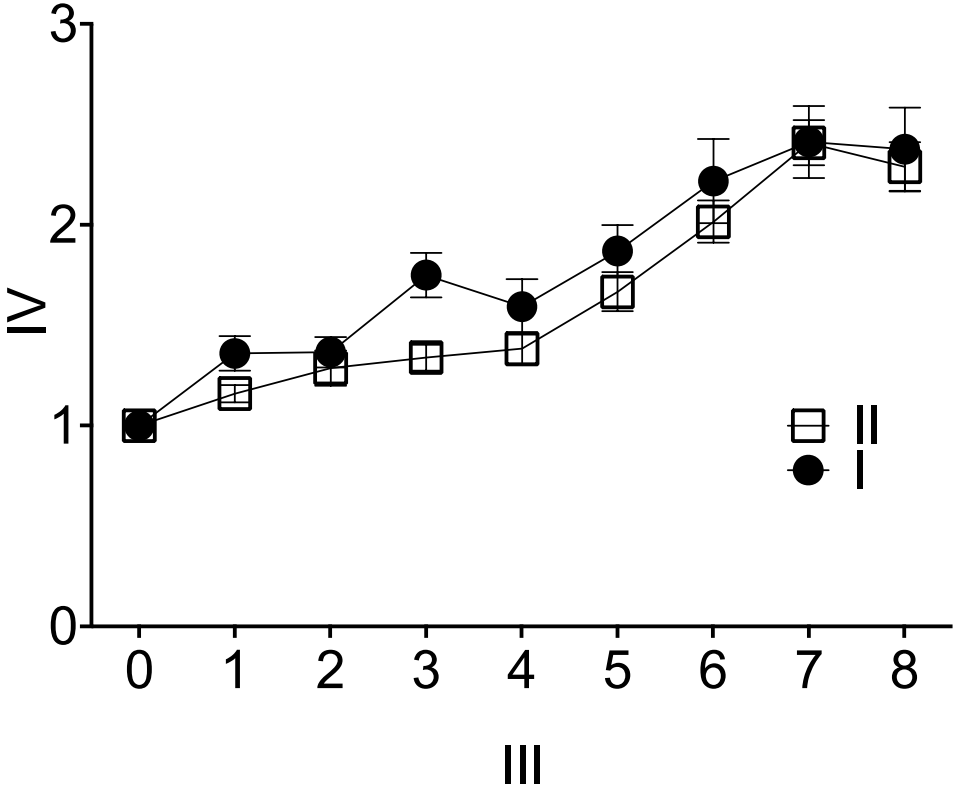
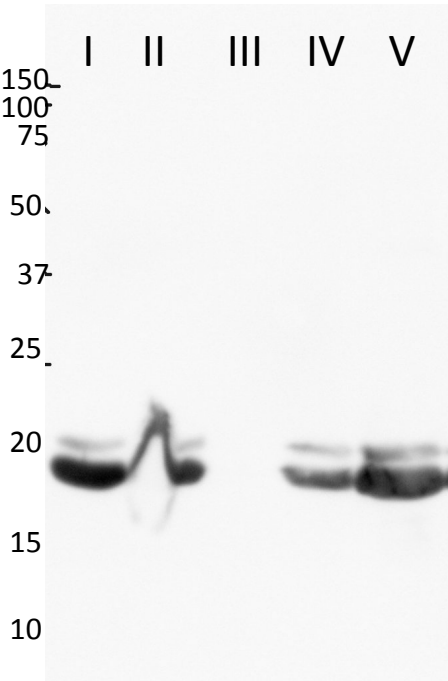
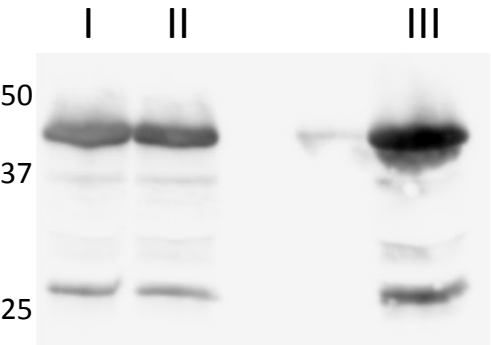


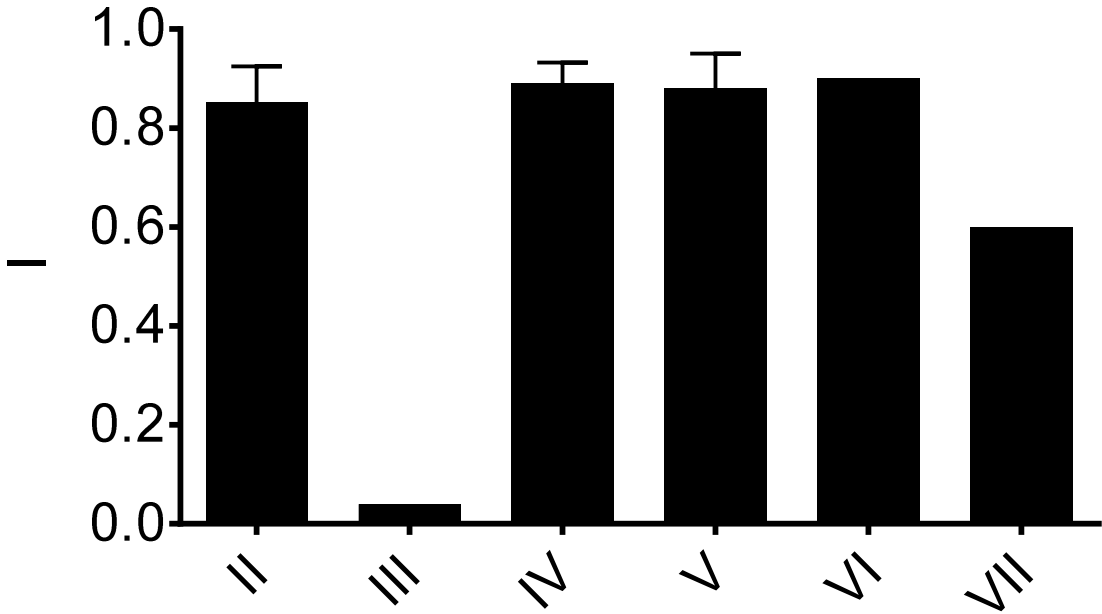
Figura 11

A



B





13 de 52
Figura 13

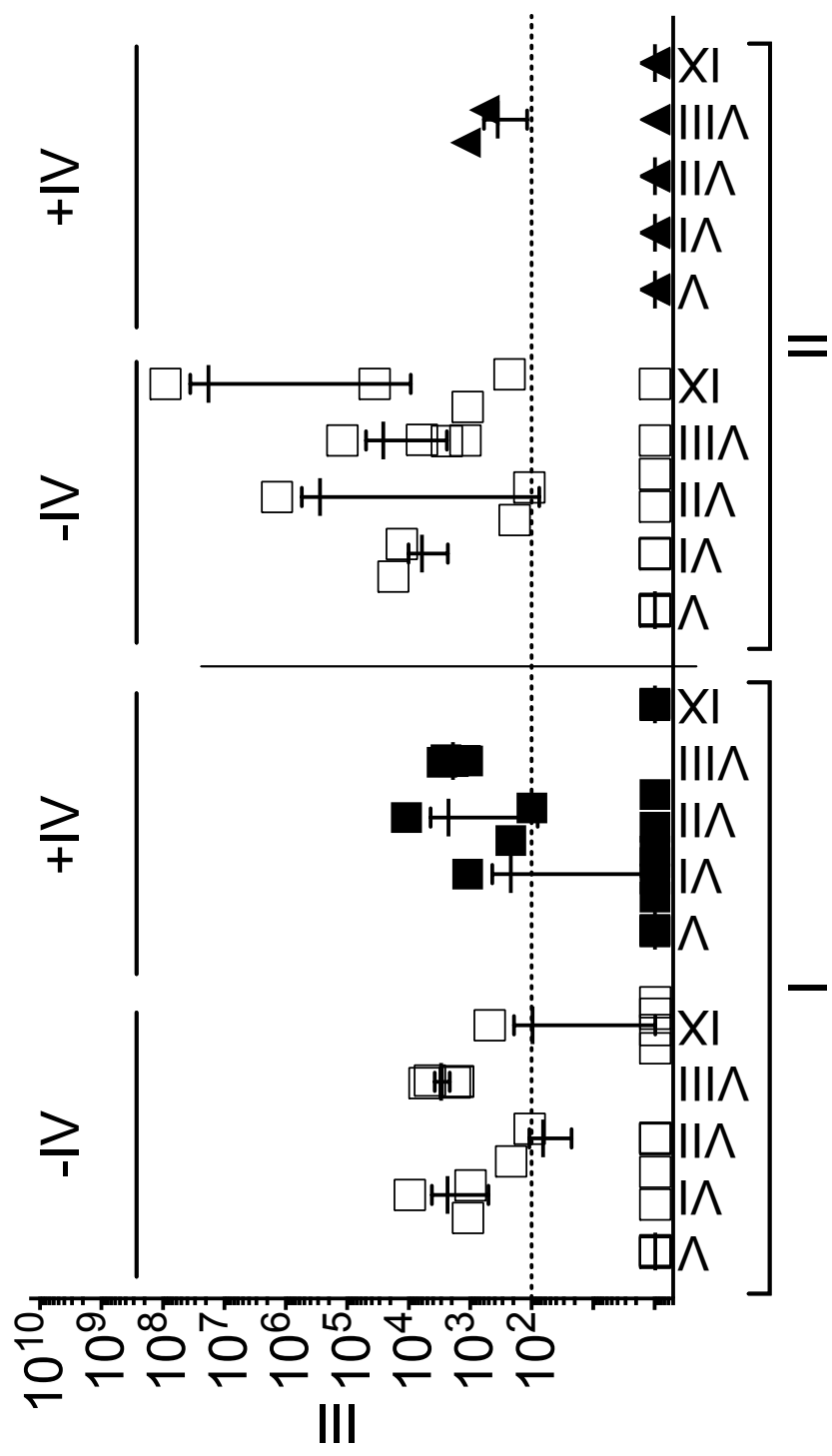


Figura 14

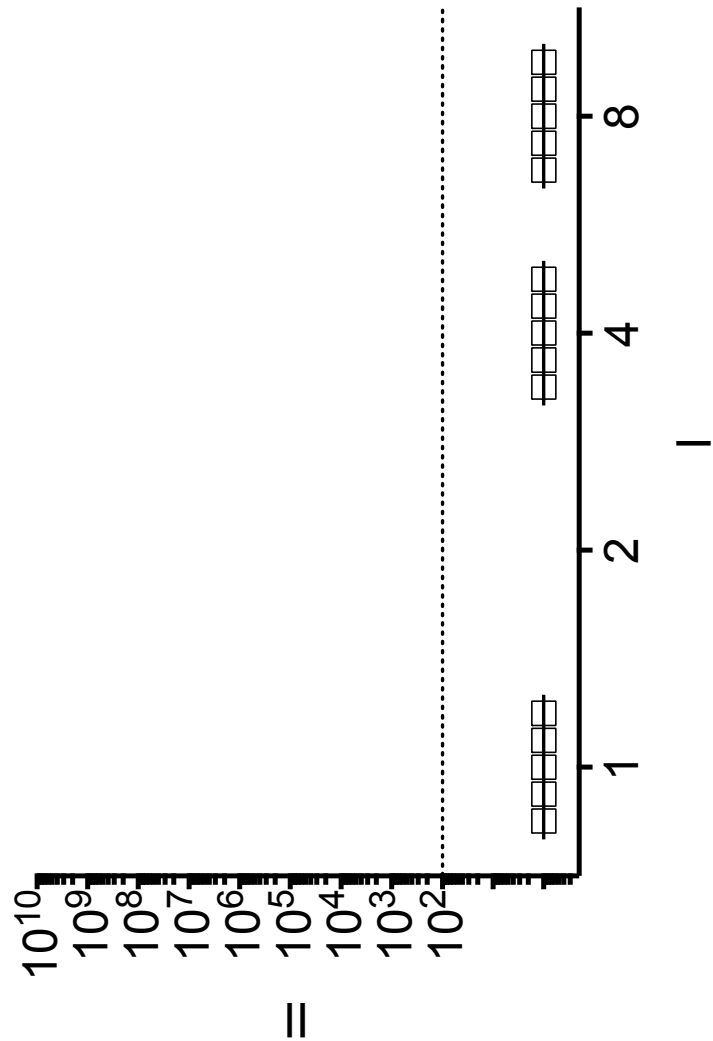


Figura 15

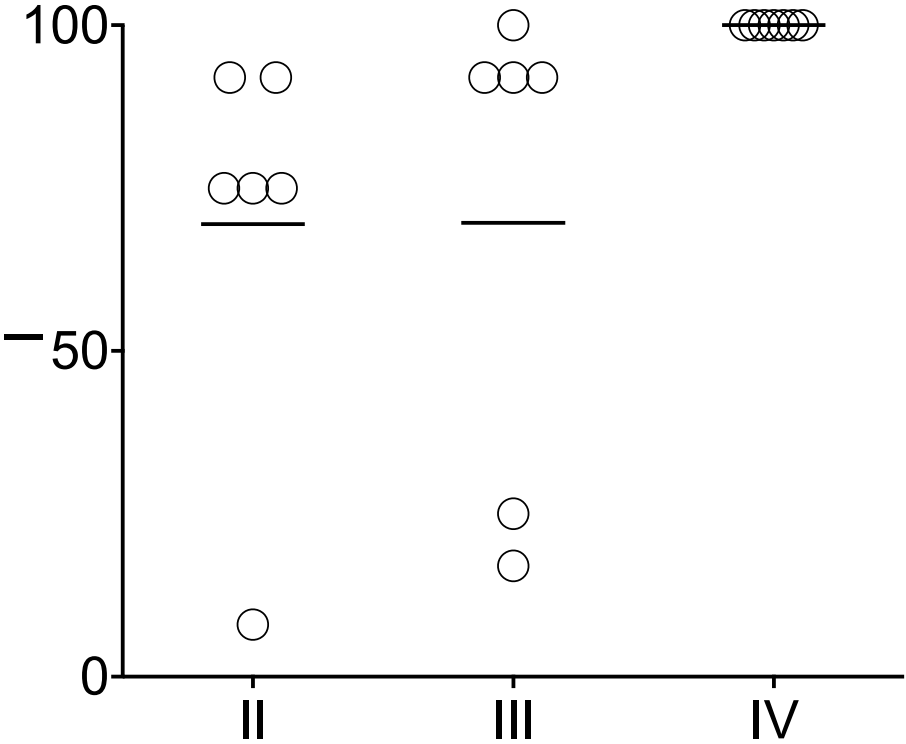


Figura 16

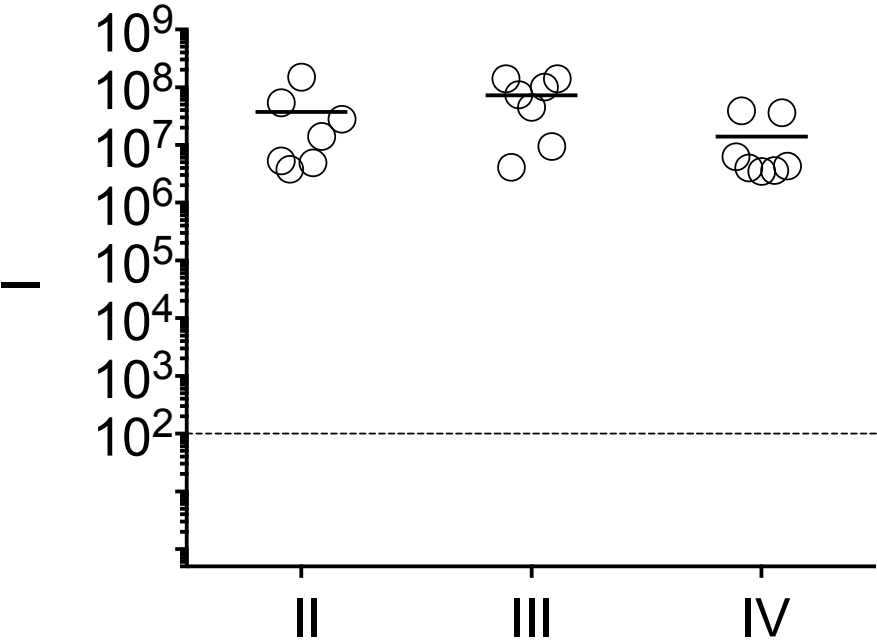


Figura 17

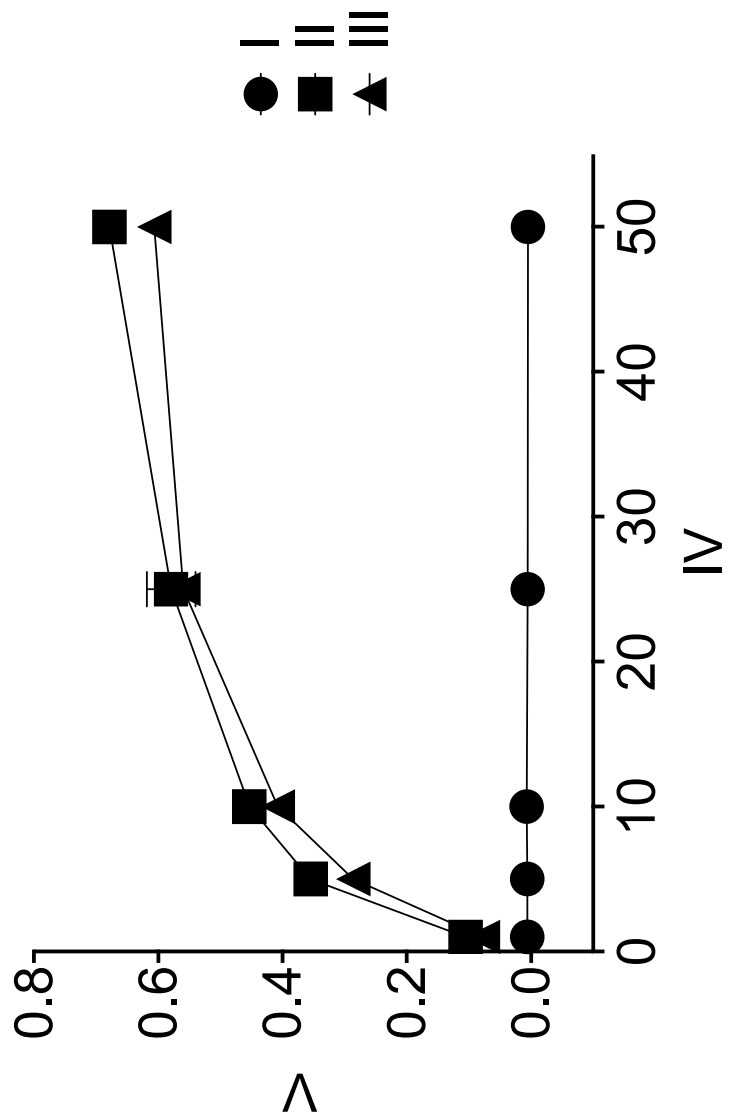
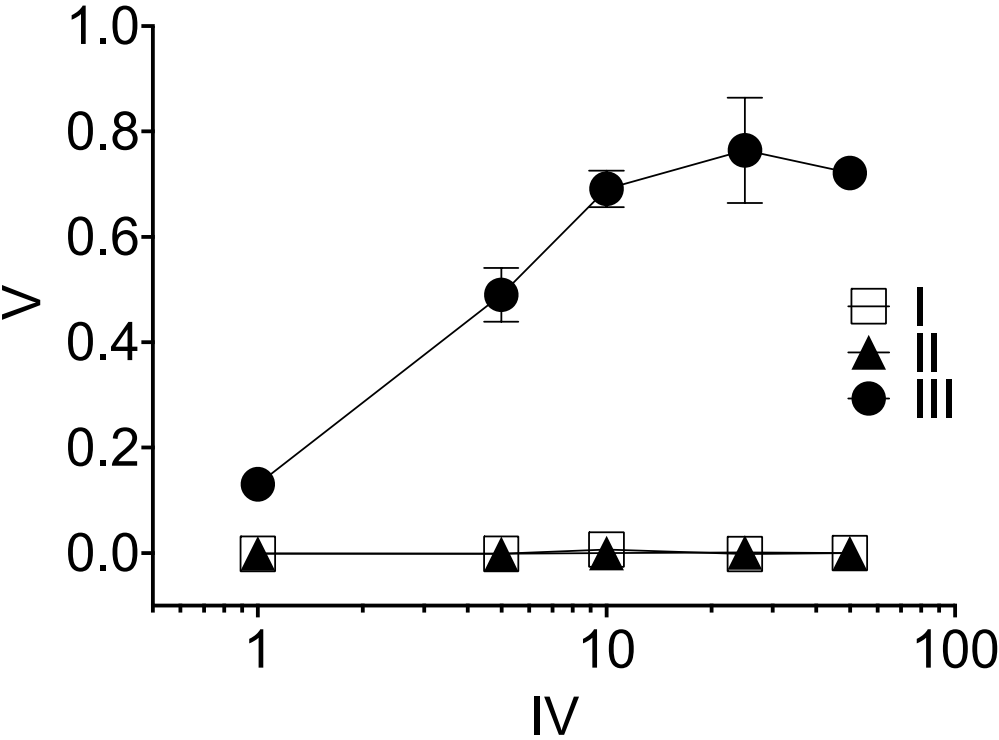
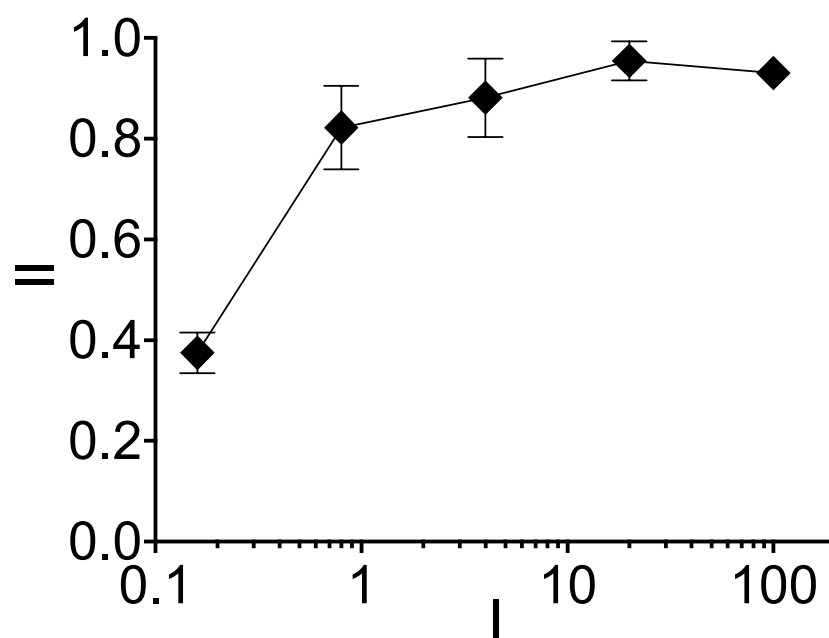


Figura 18



19 de 52
Figura 19



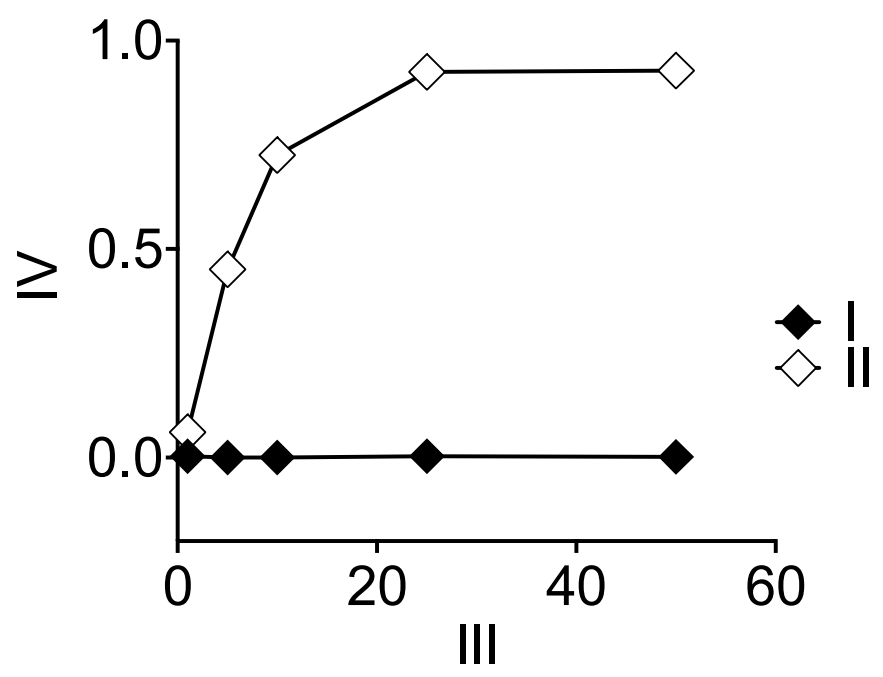
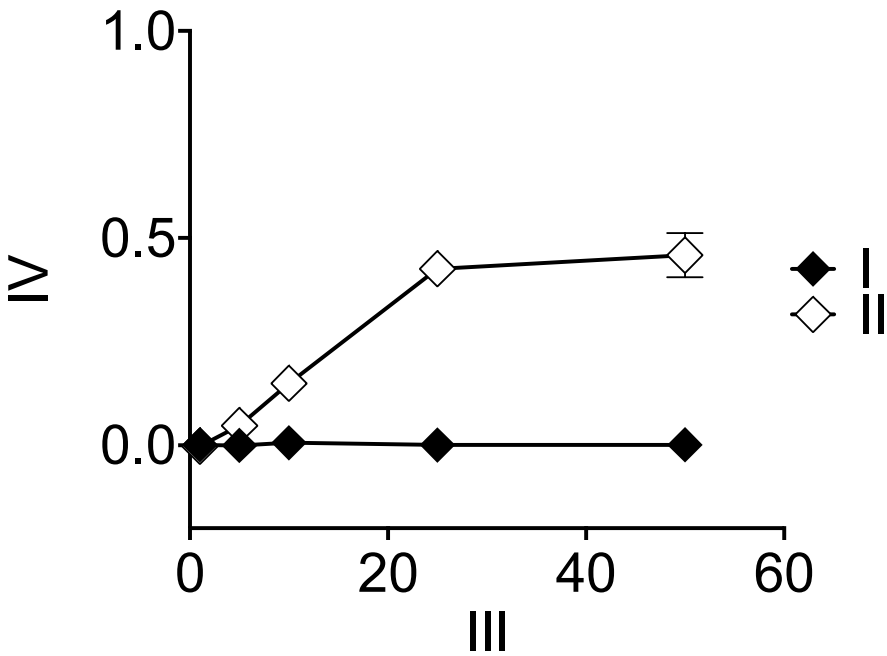
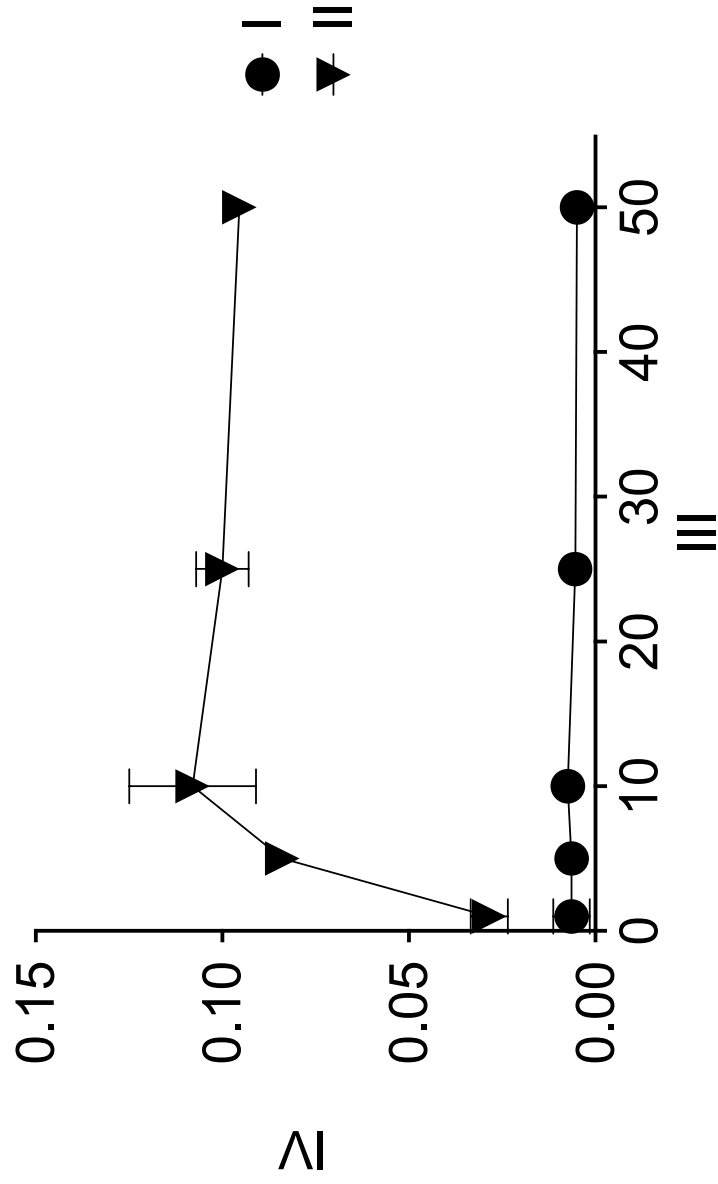
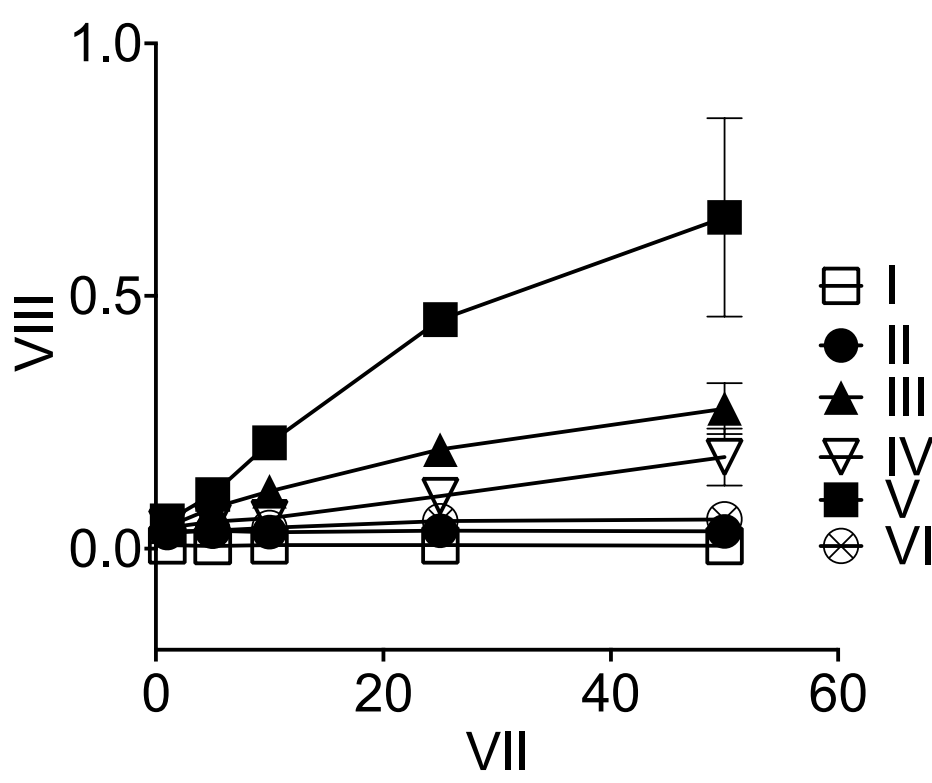


Figura 21



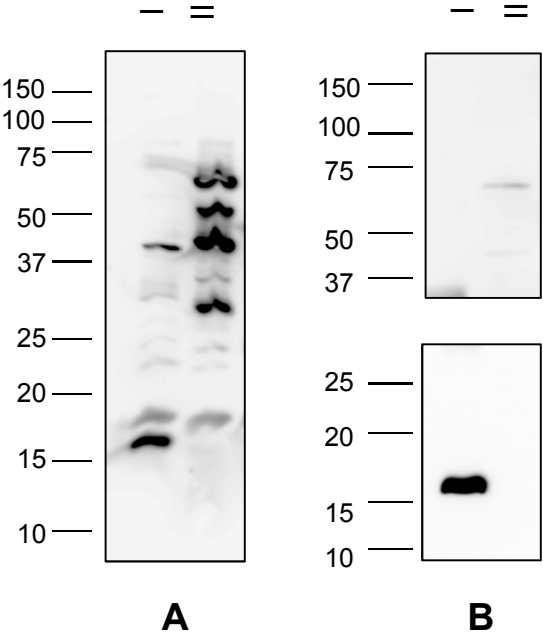


23 de 52
Figura 23



24 de 52

Figura 24



25 de 52
Figura 25

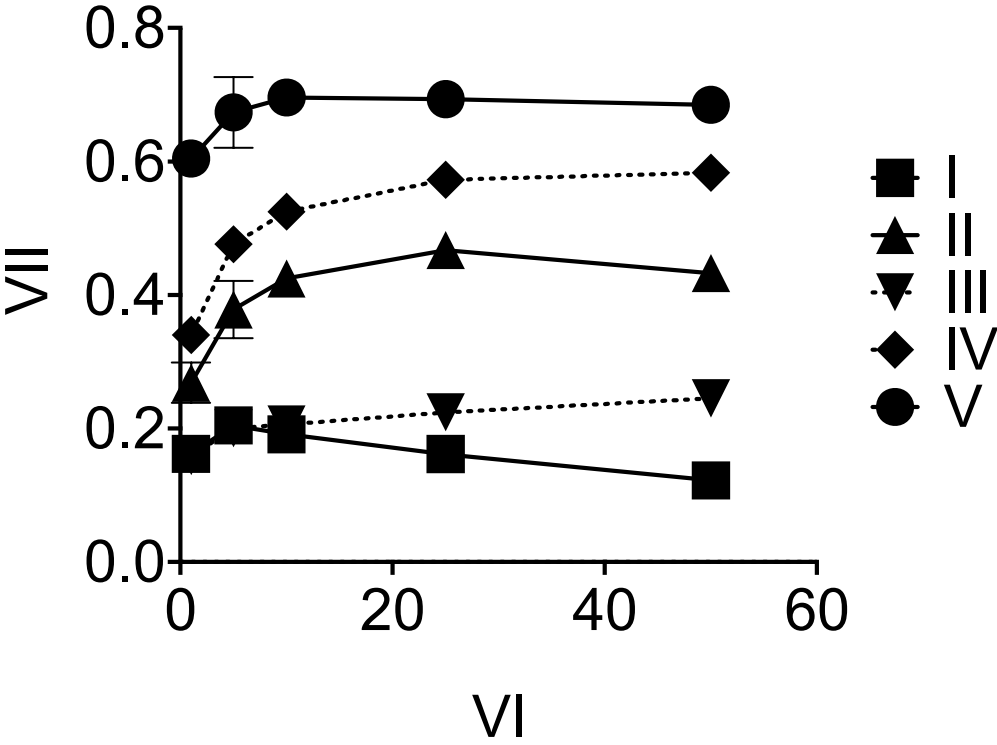
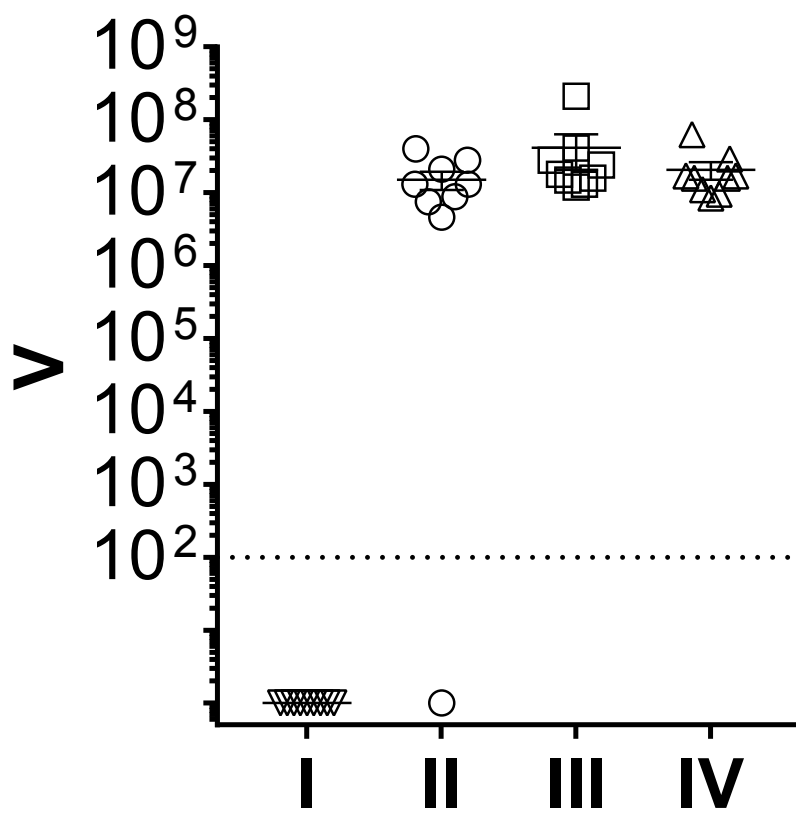
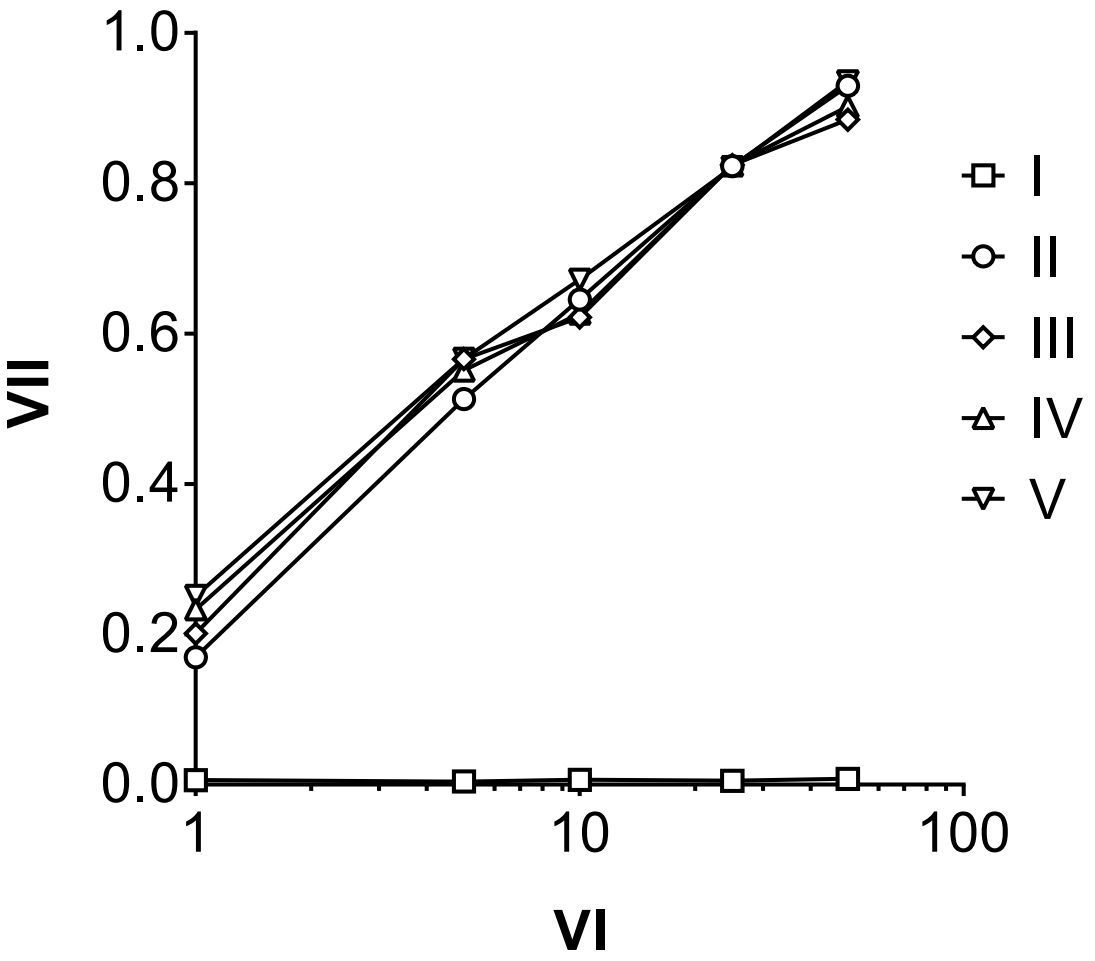


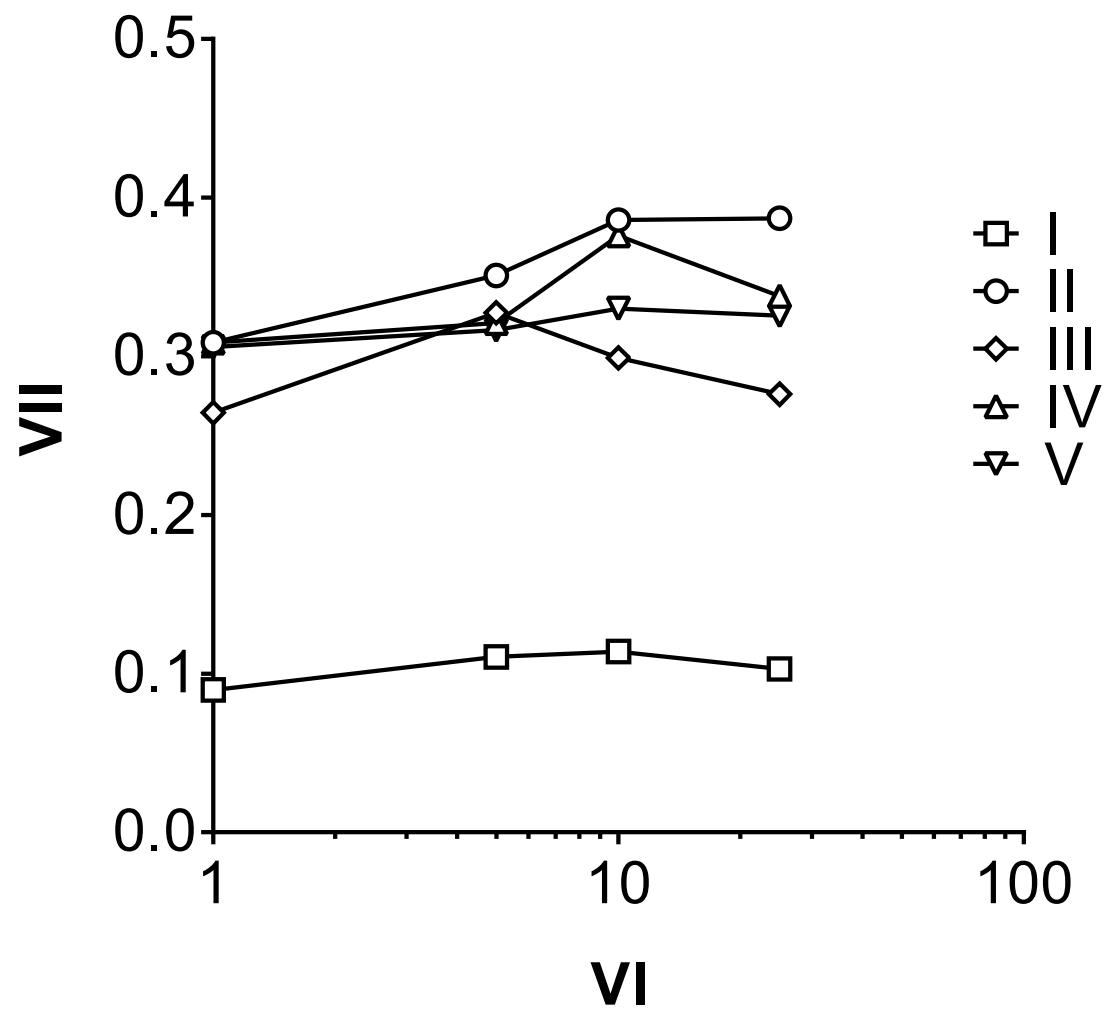
Figura 26



27 de 52
Figura 27



28 de 52
Figura 28



29 de 52
Figura 29

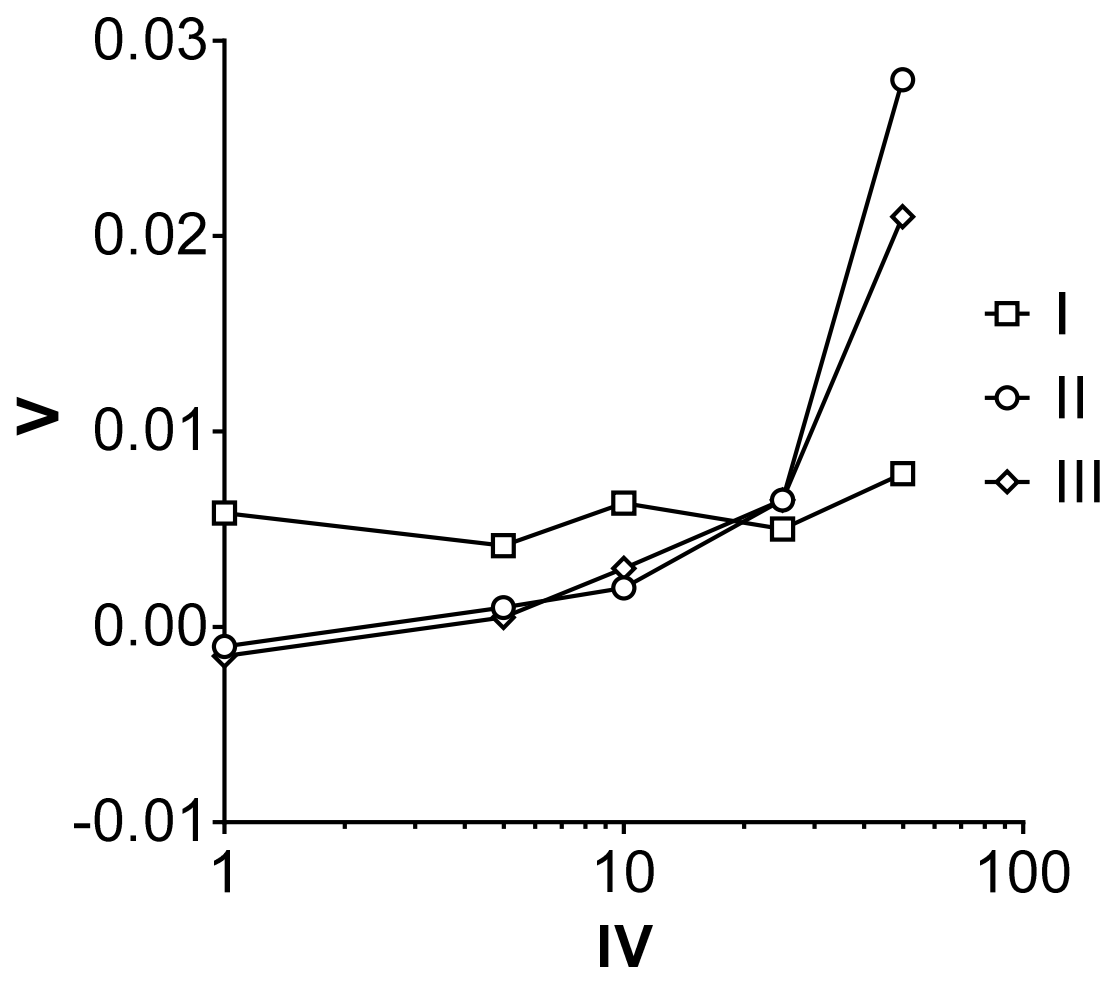


Figura 30

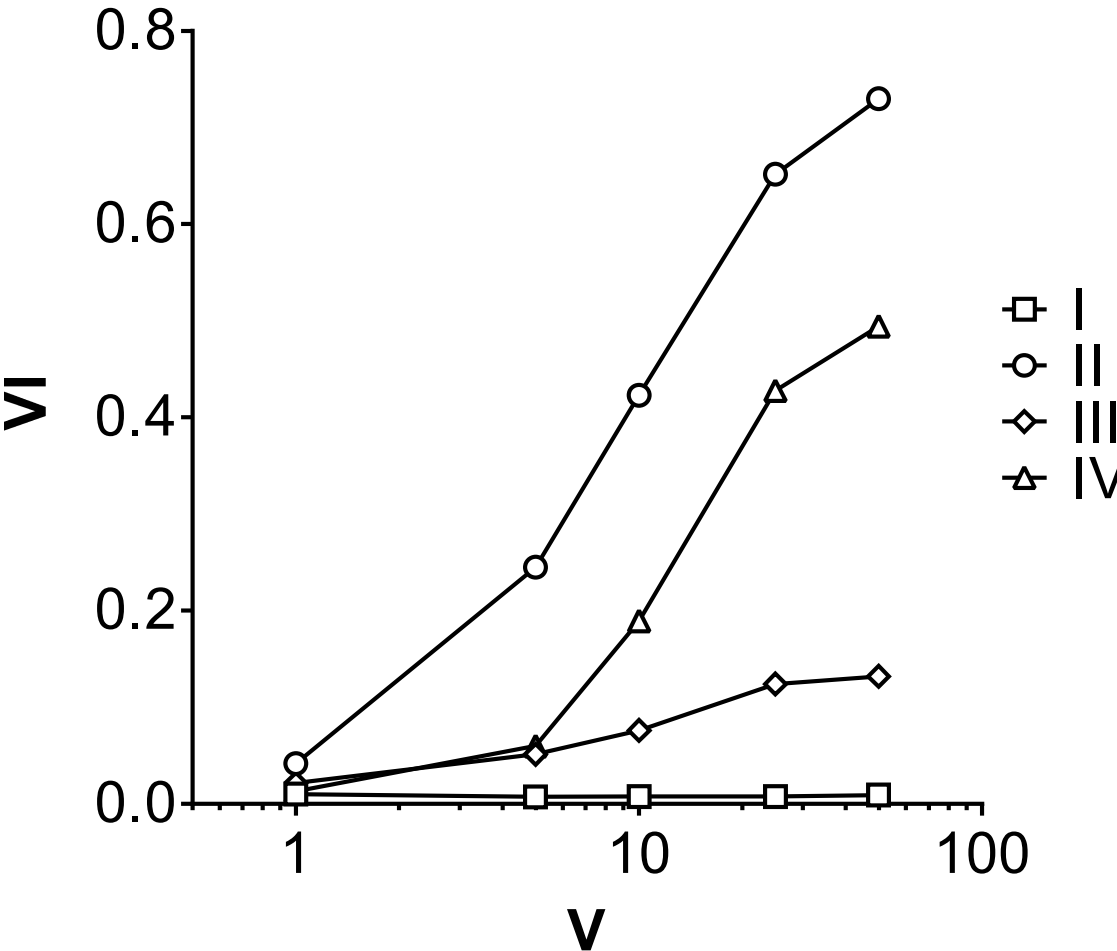


Figura 31

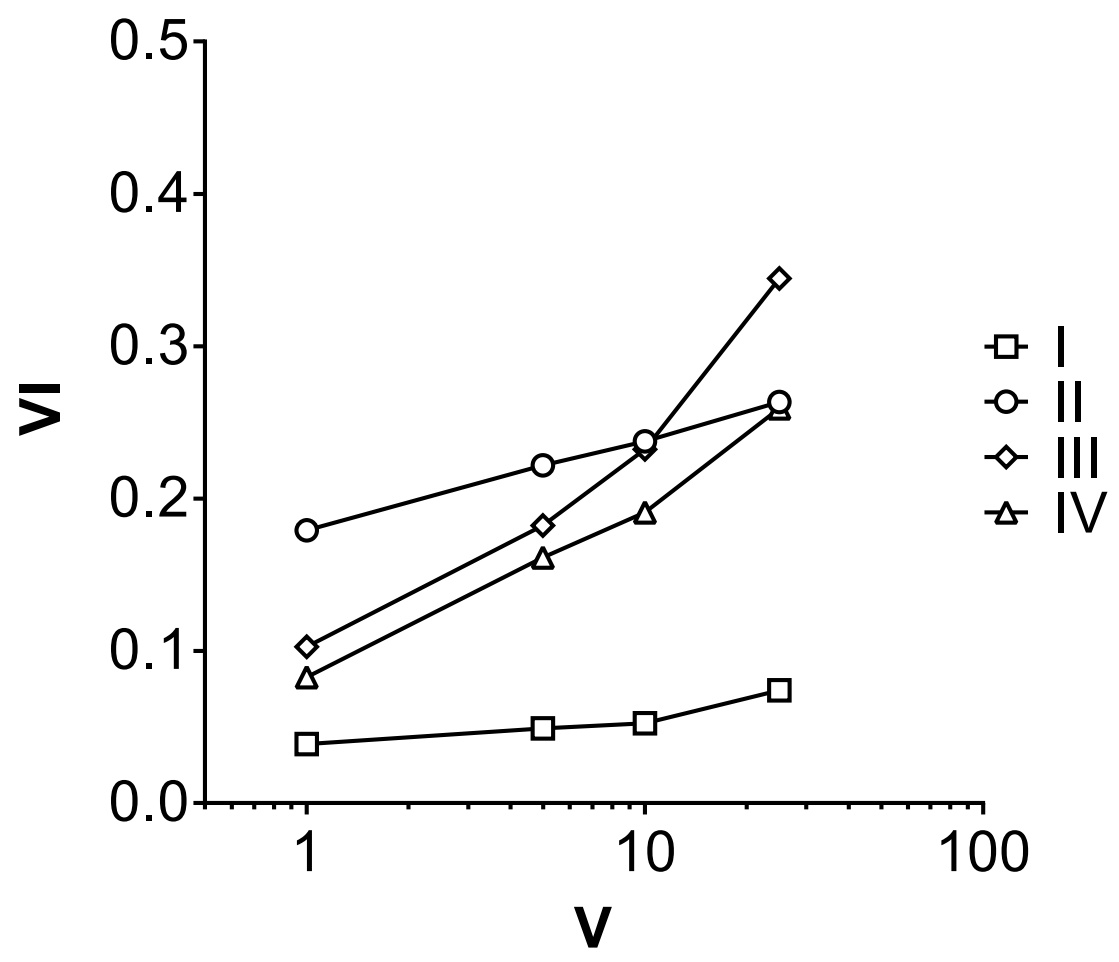


Figura 32

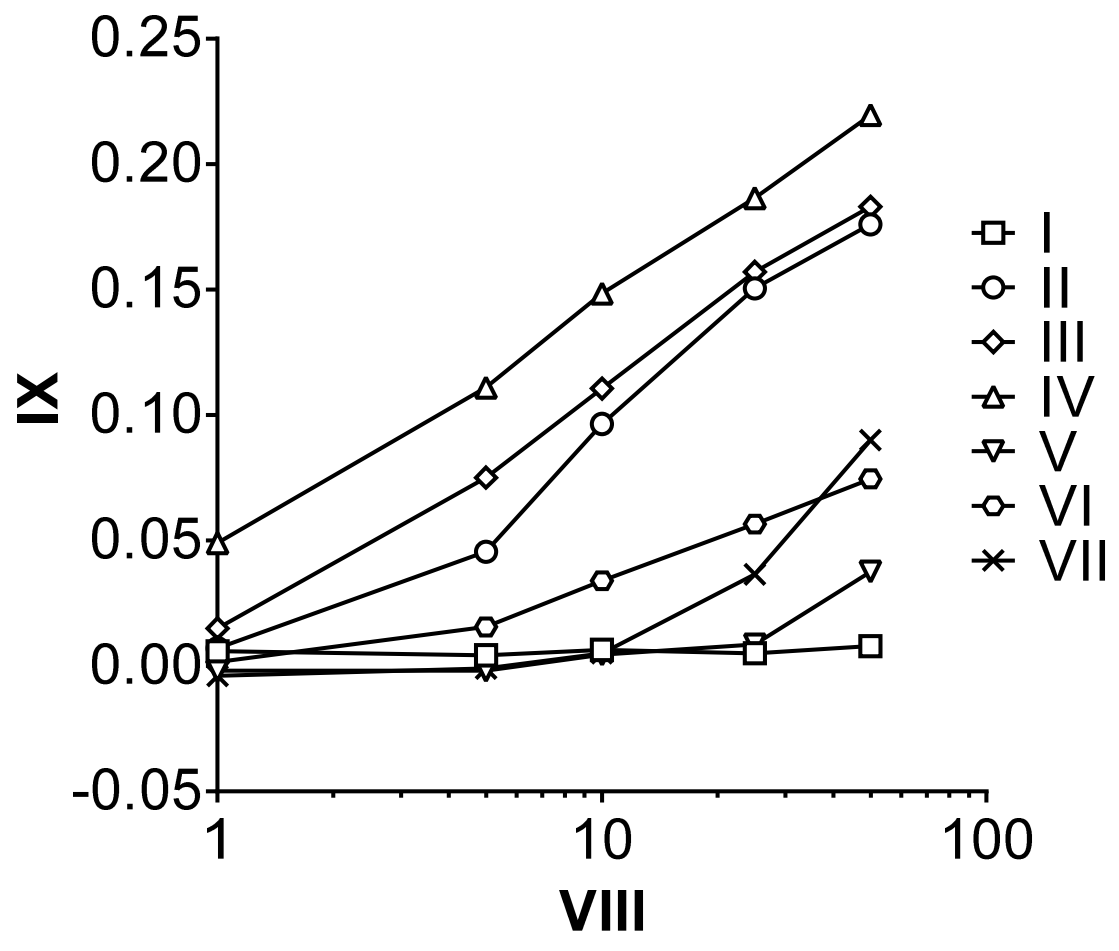


Figura 33

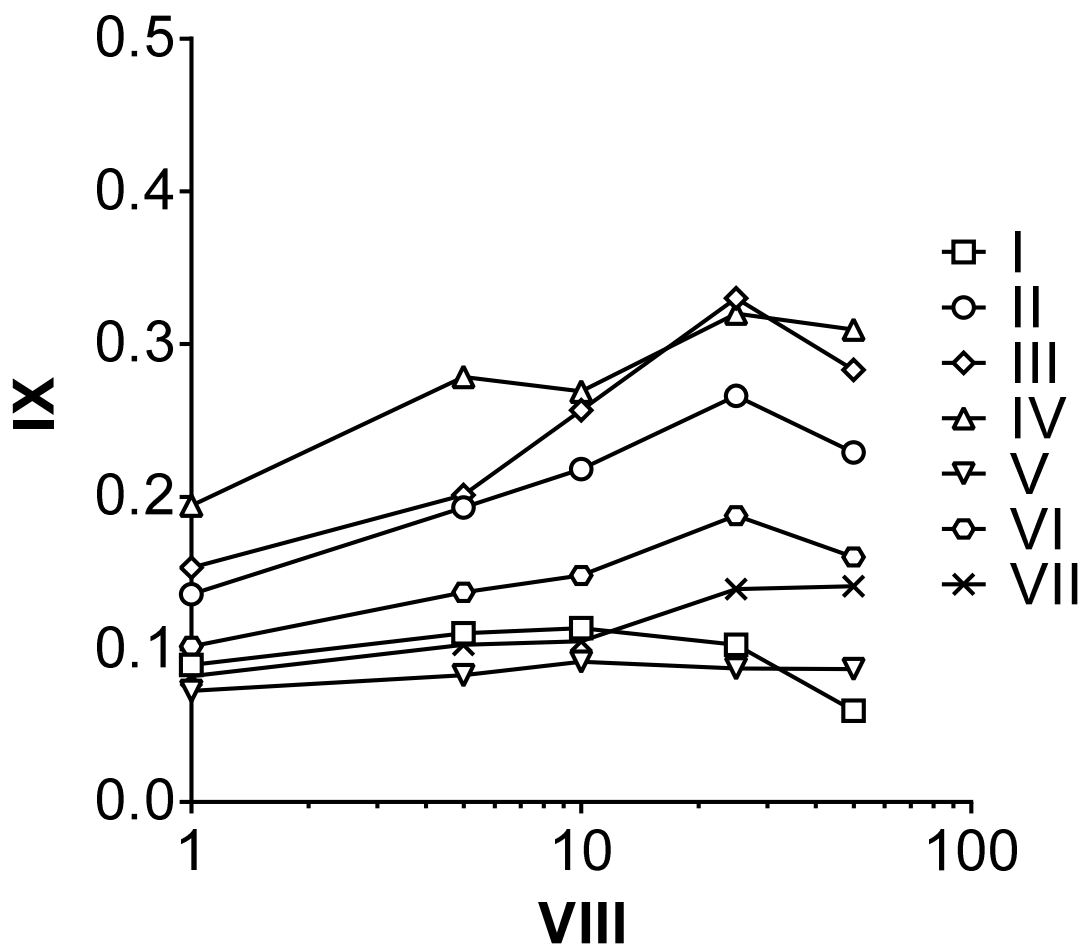


Figura 34

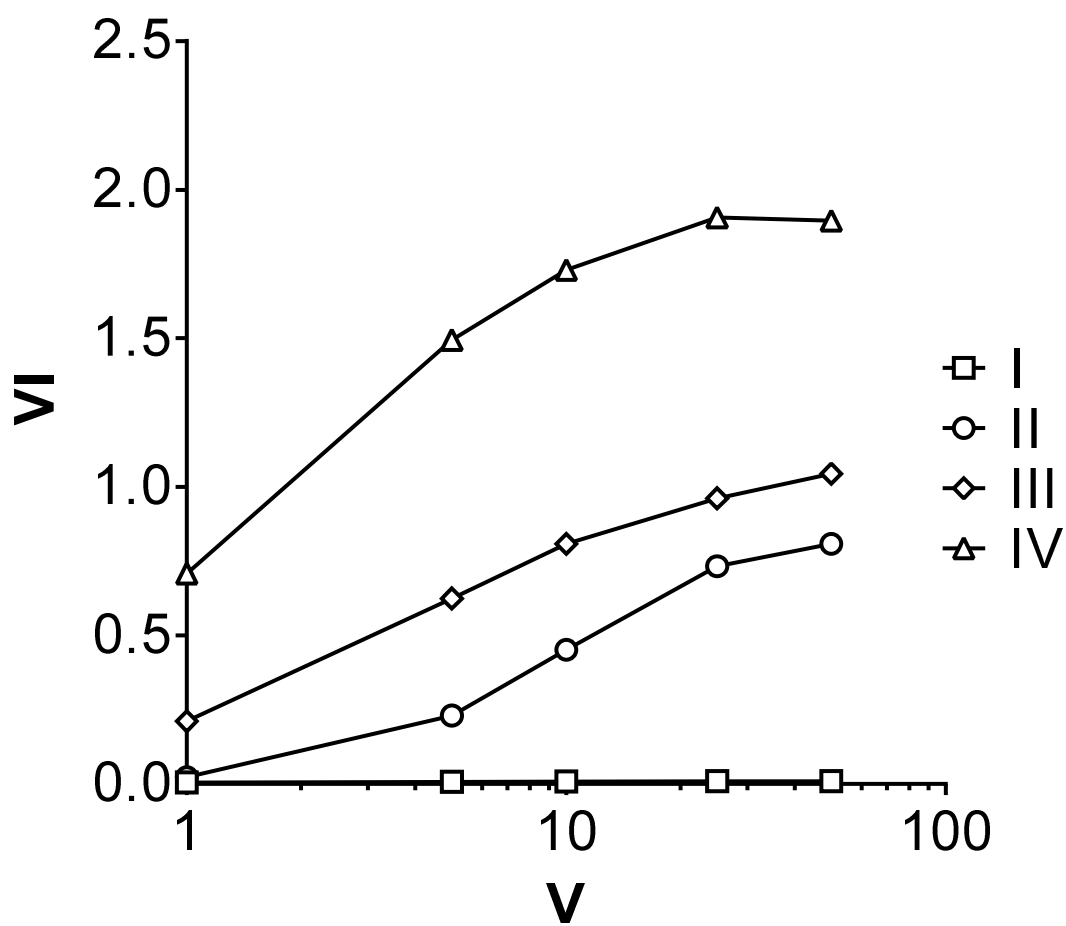
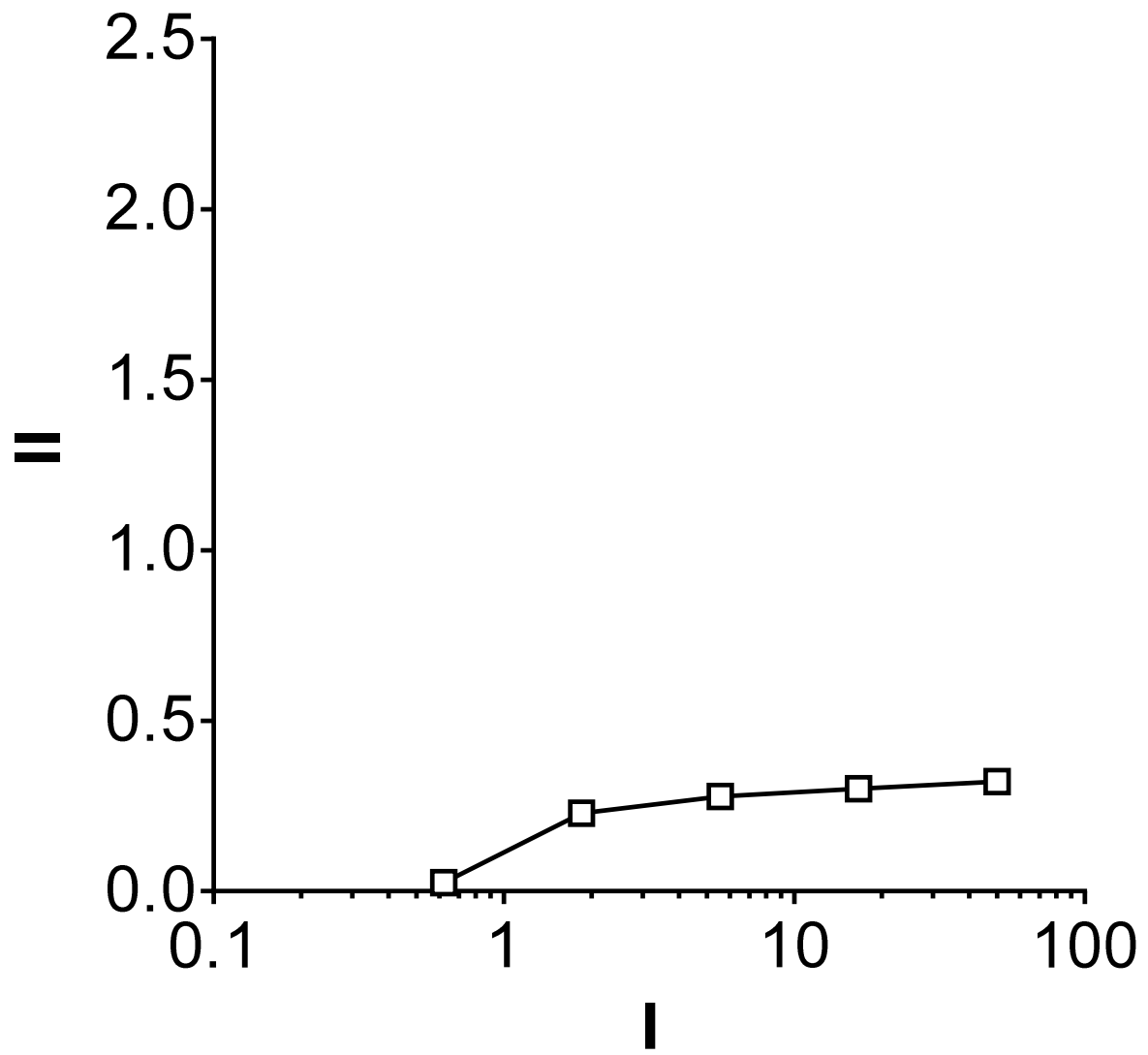


Figura 35



36 de 52
Figura 36

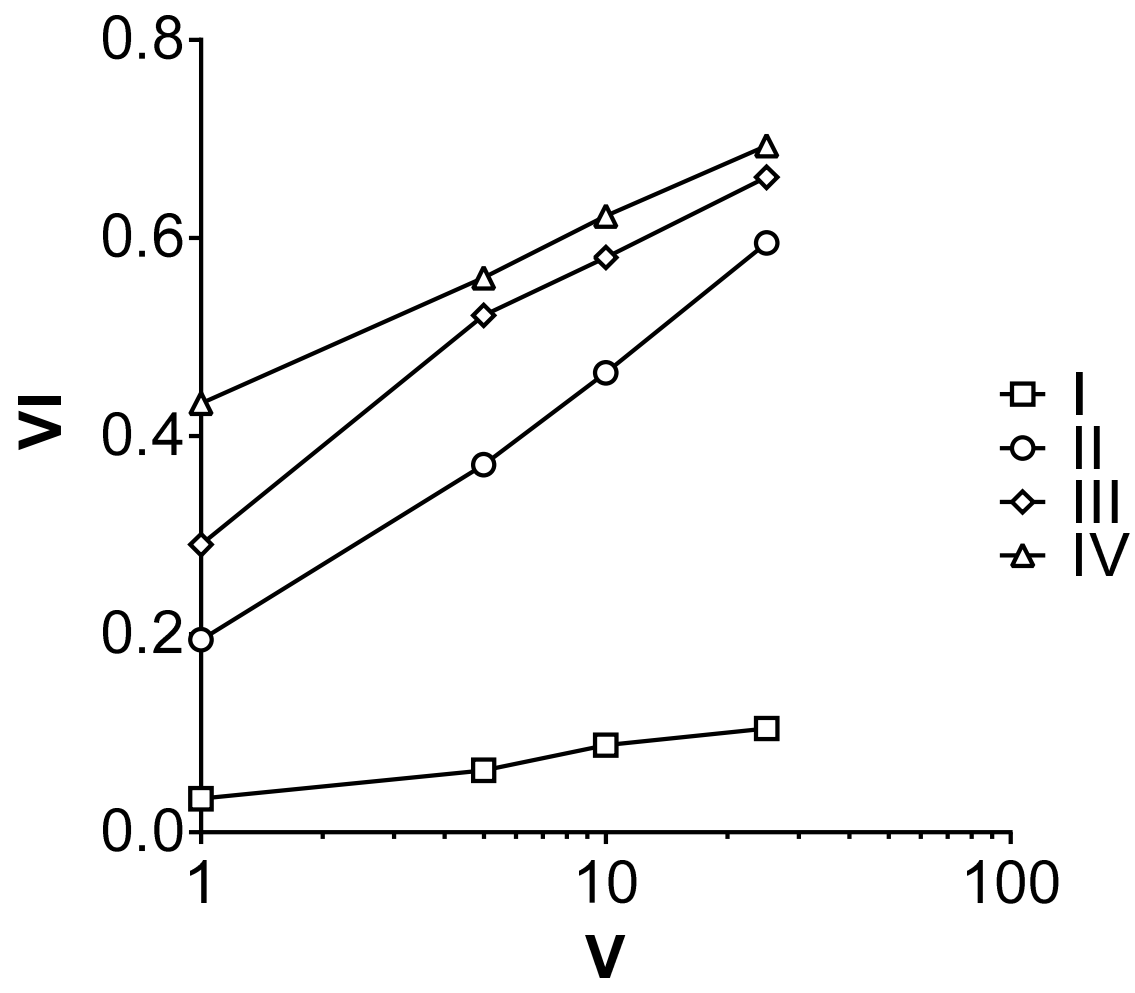
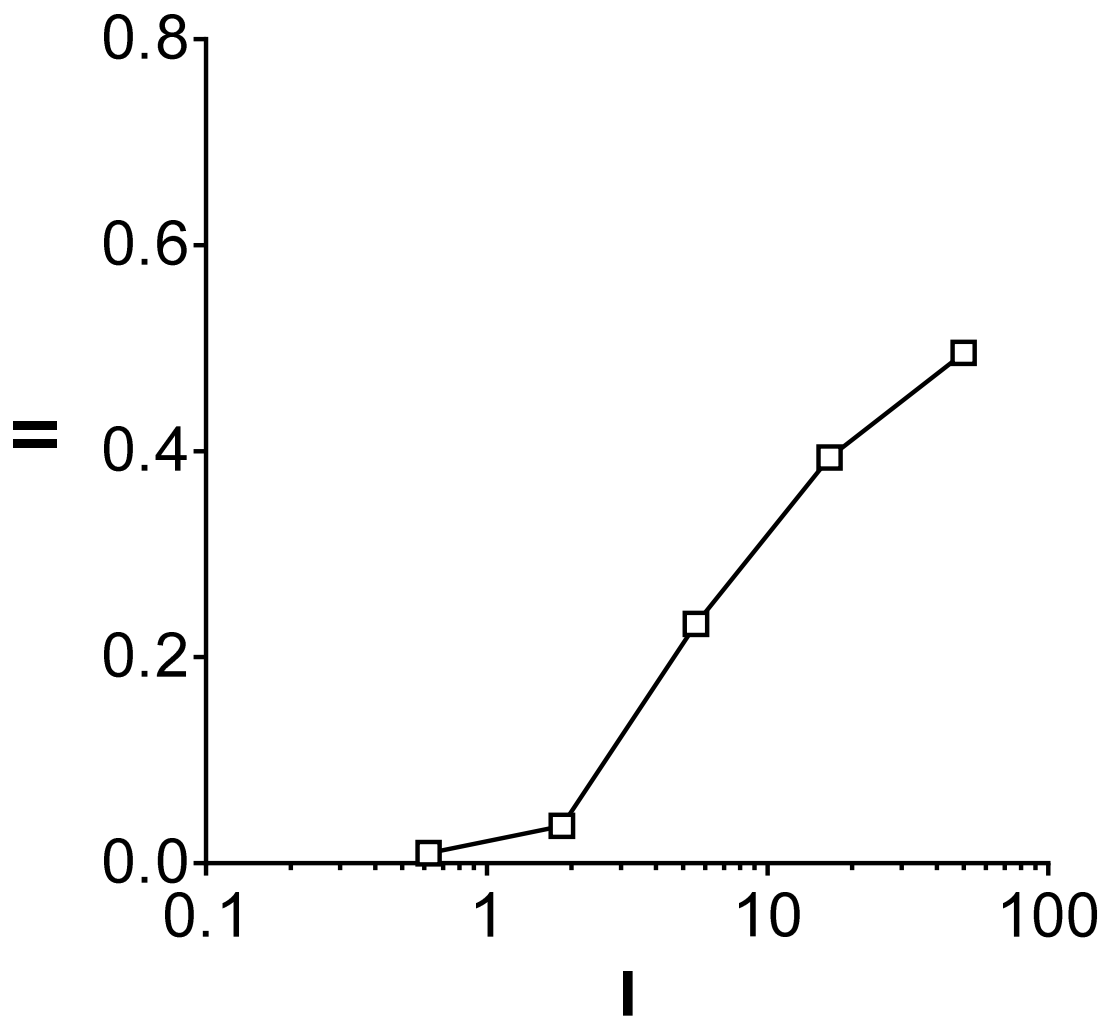


Figura 37



38 de 52
Figura 38

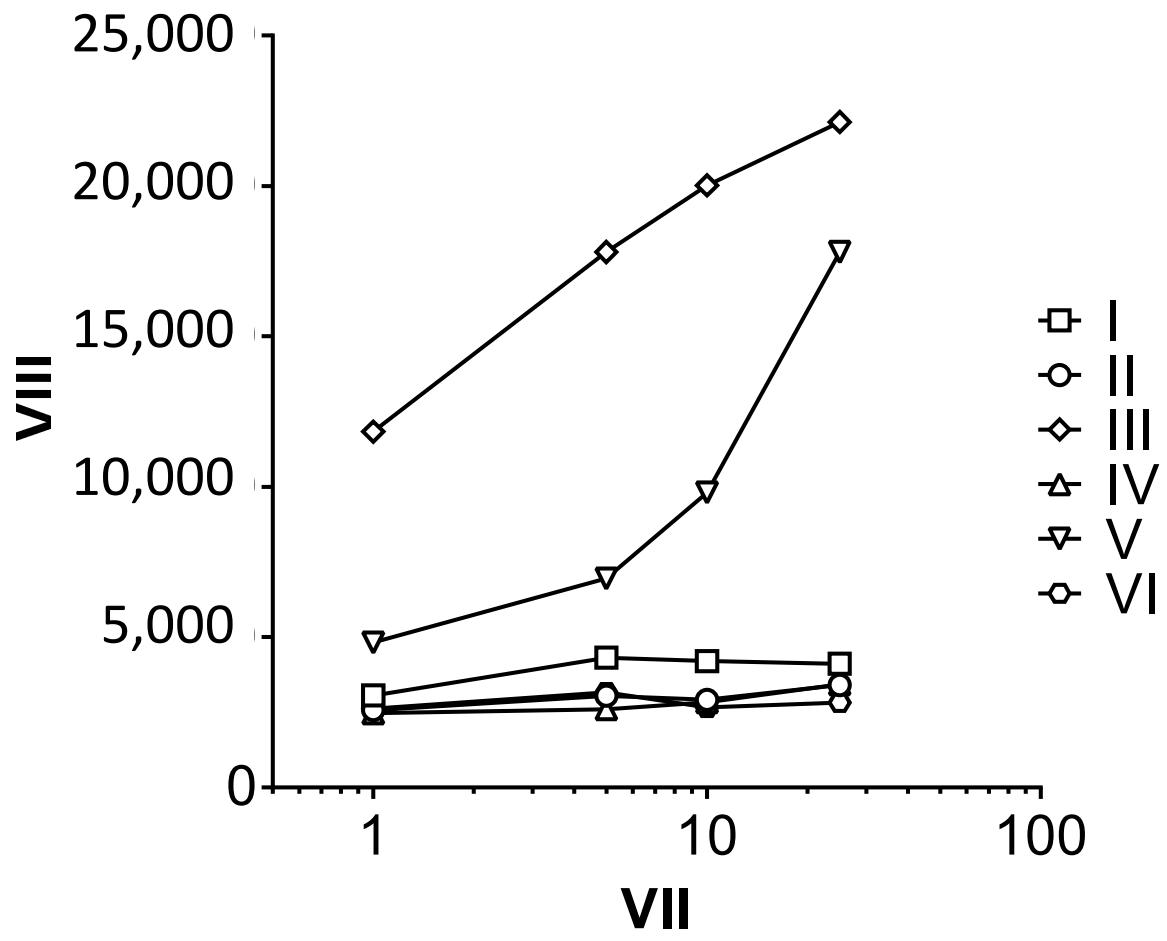


Figura 39

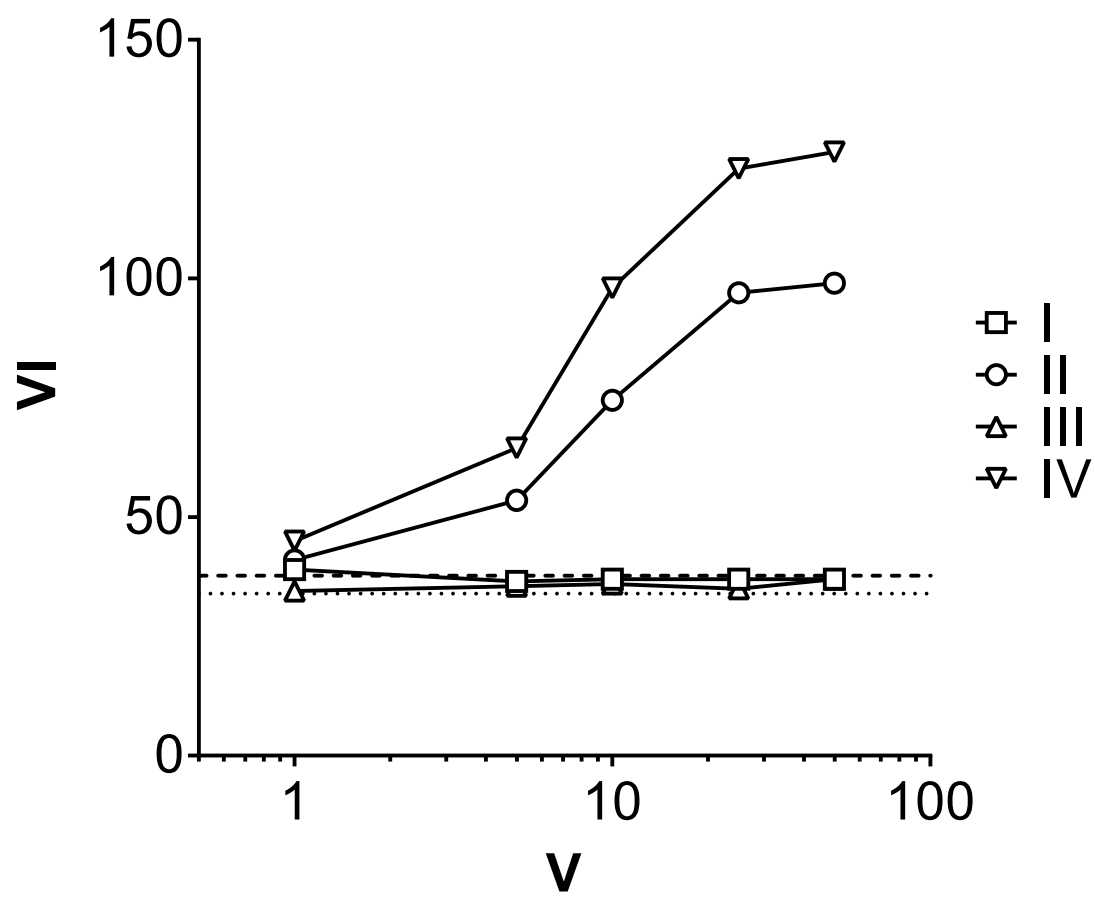


Figura 40

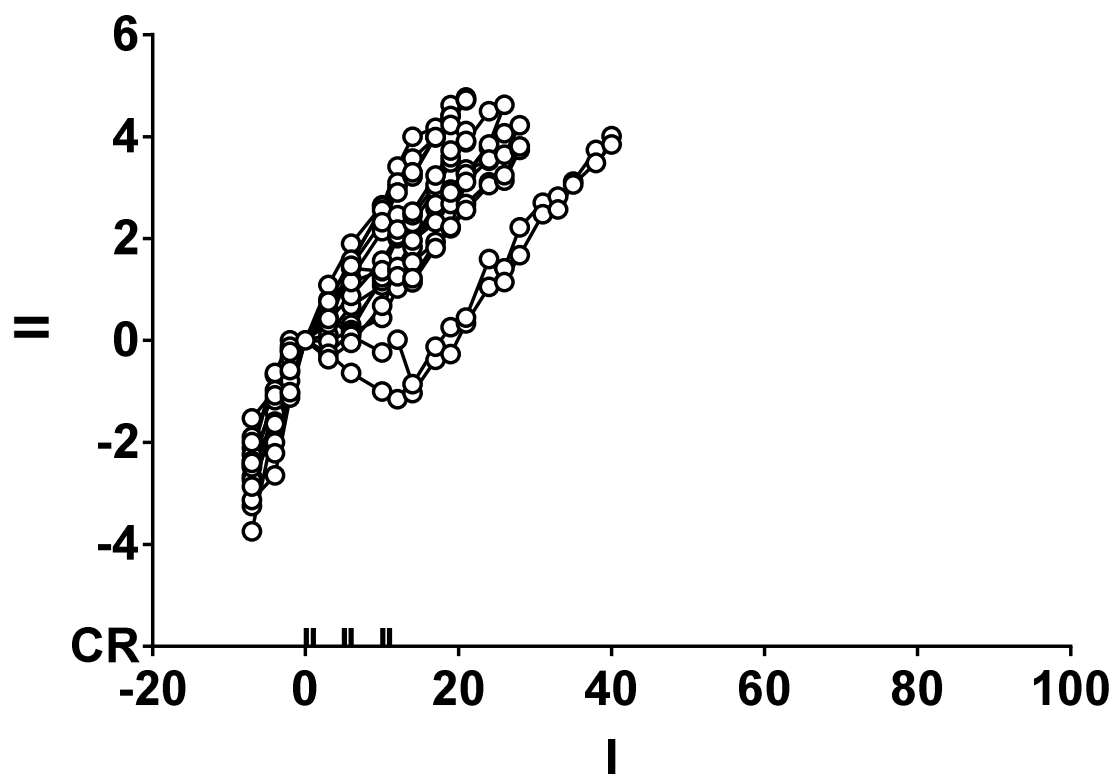


Figura 41

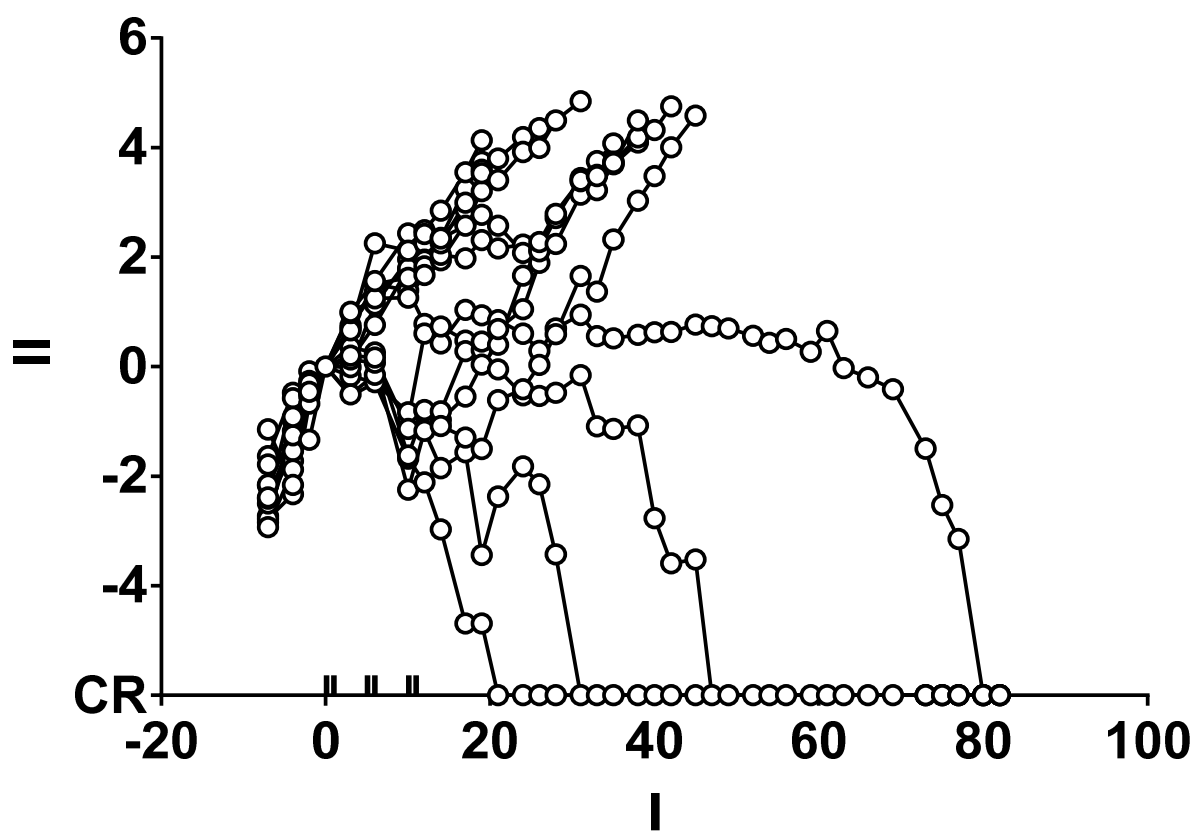


Figura 42

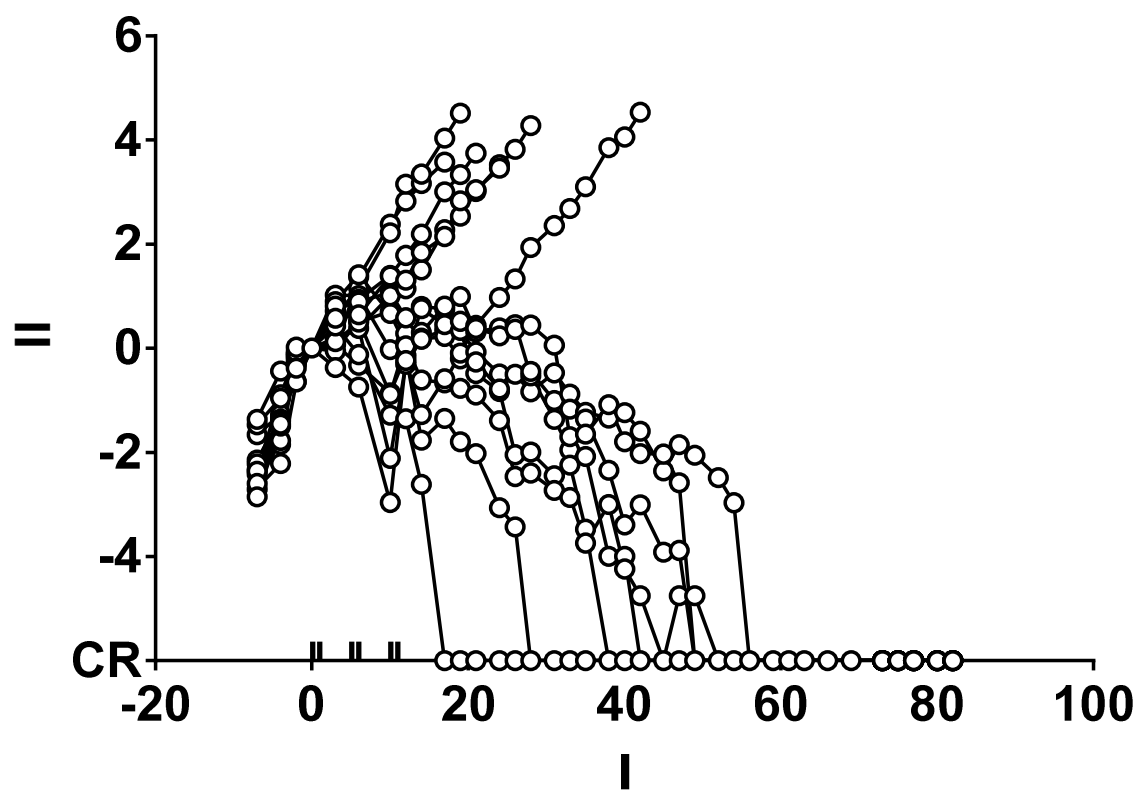


Figura 43

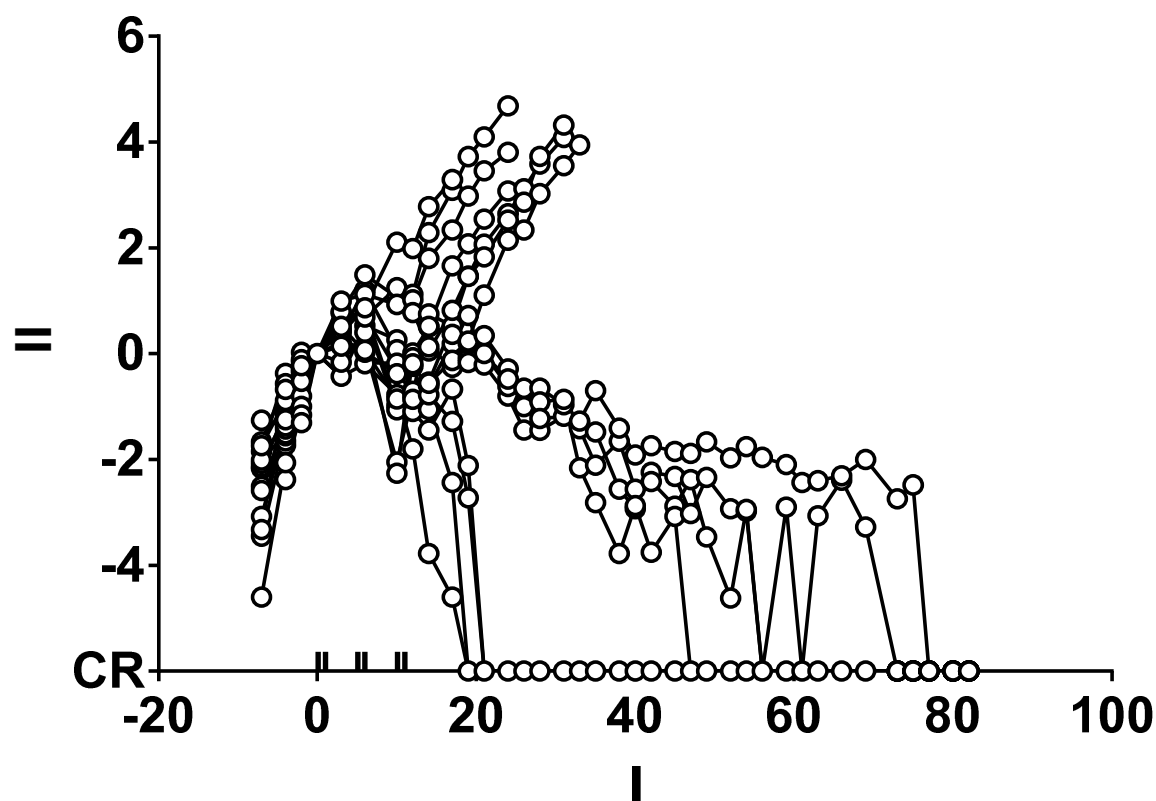
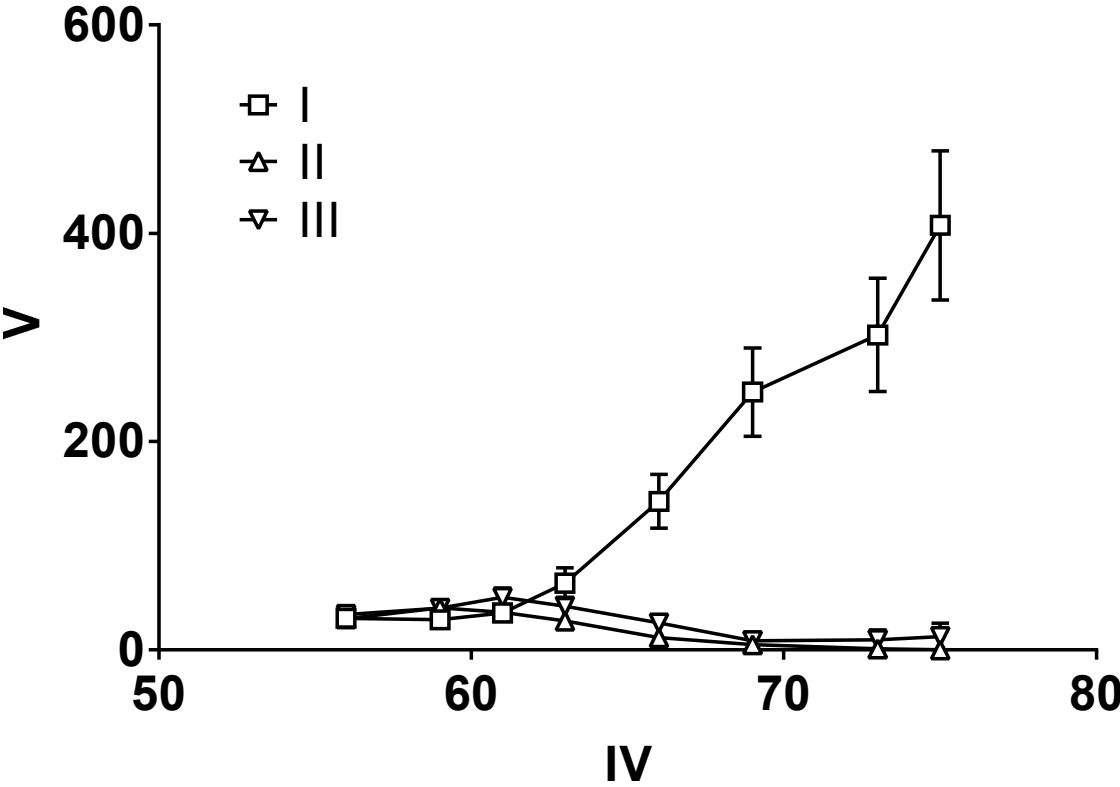


Figura 44



45 de 52
Figura 45

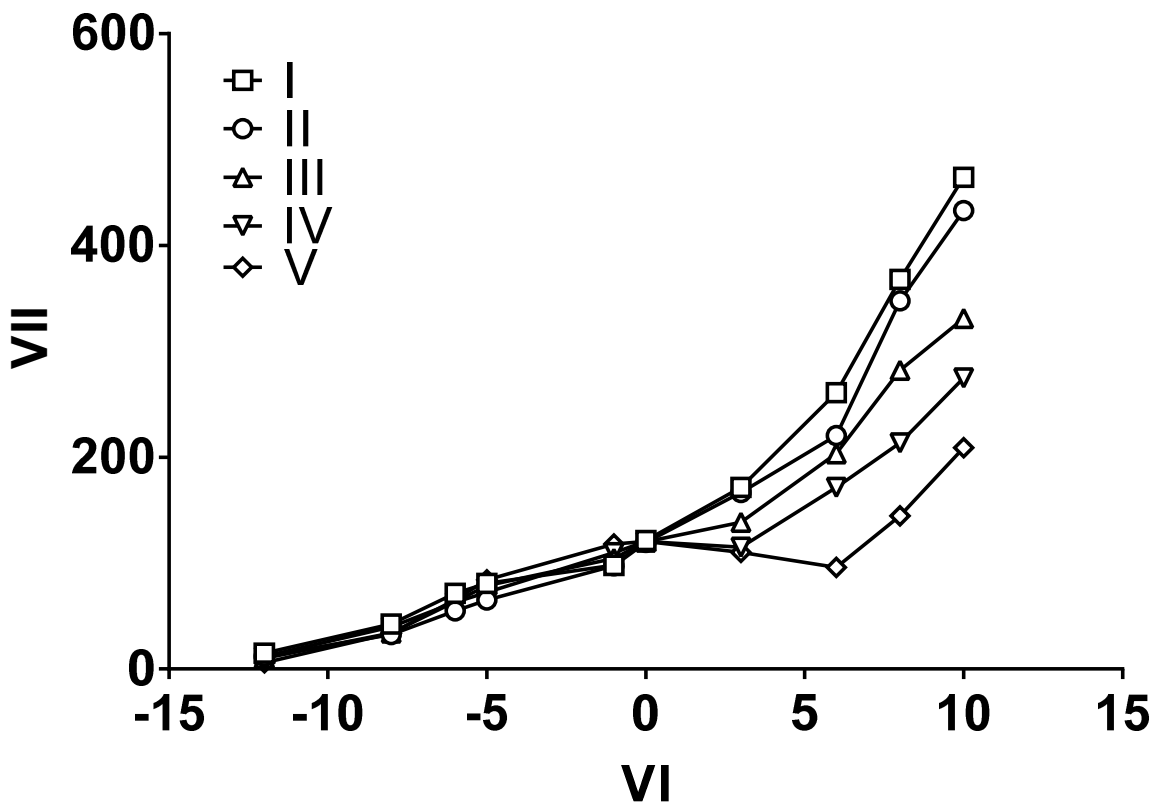


Figura 46

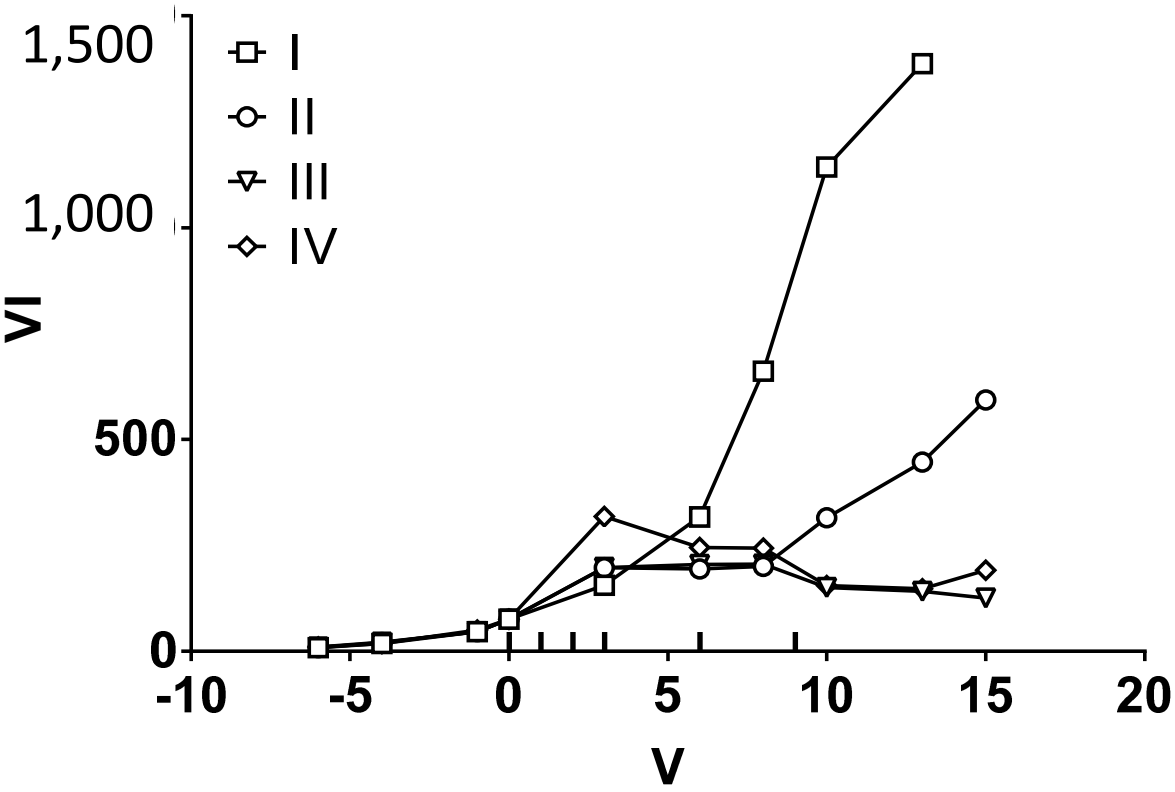
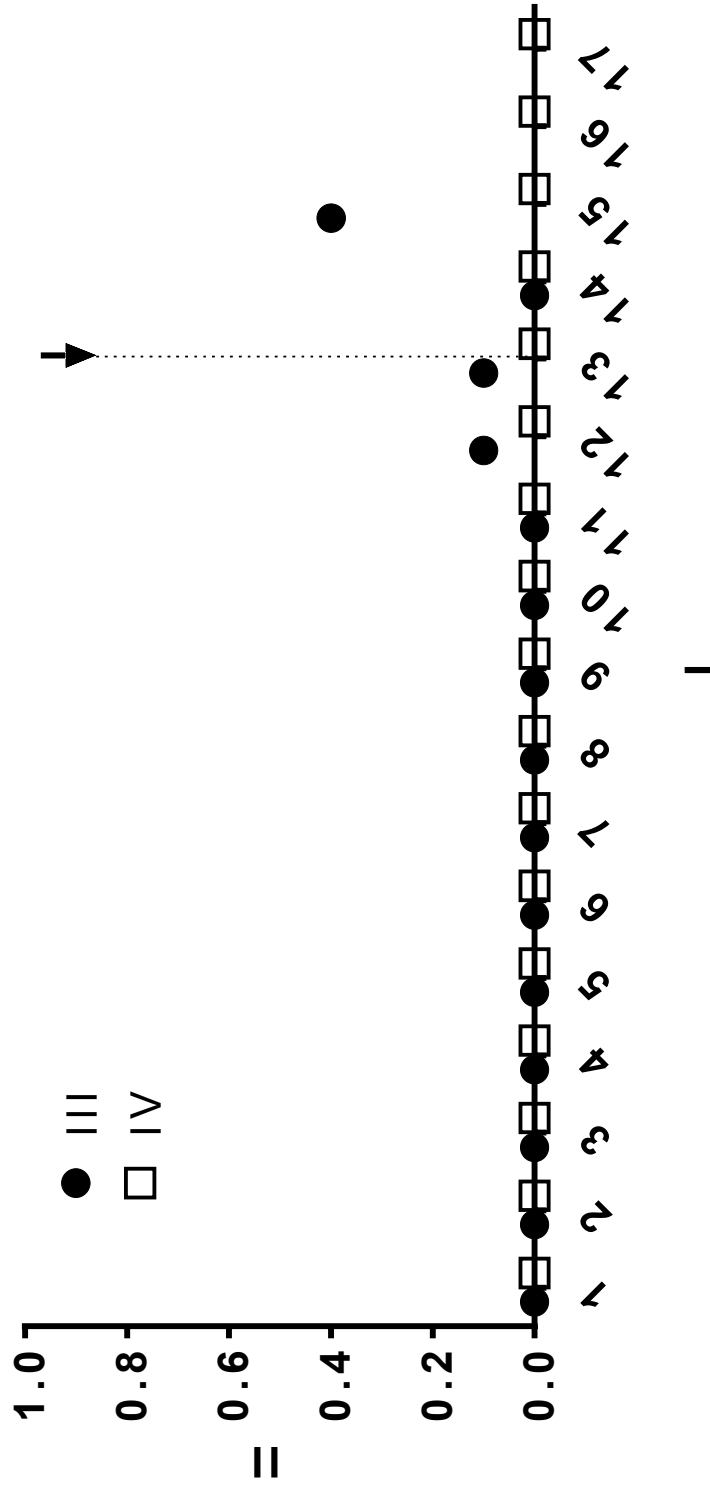
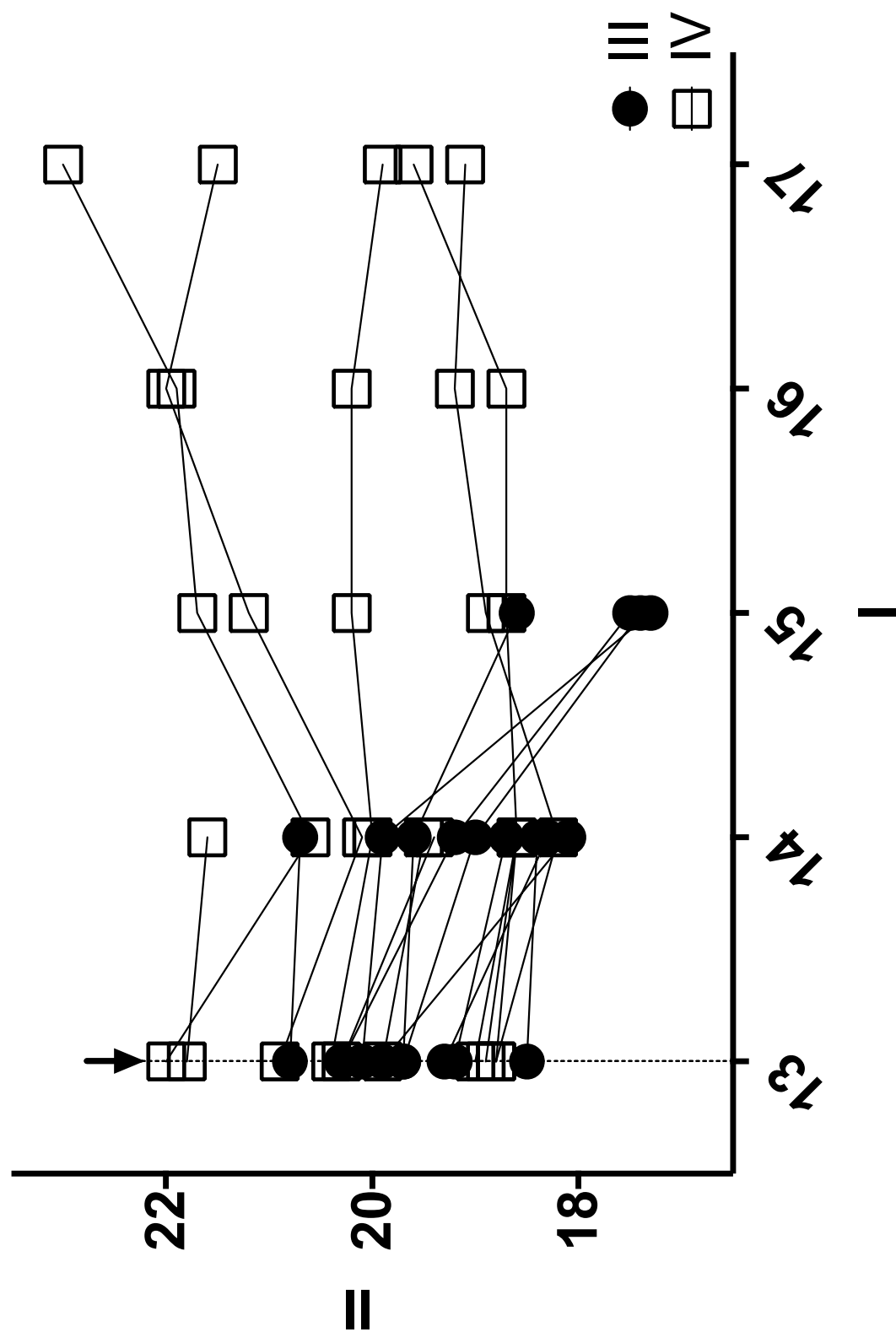
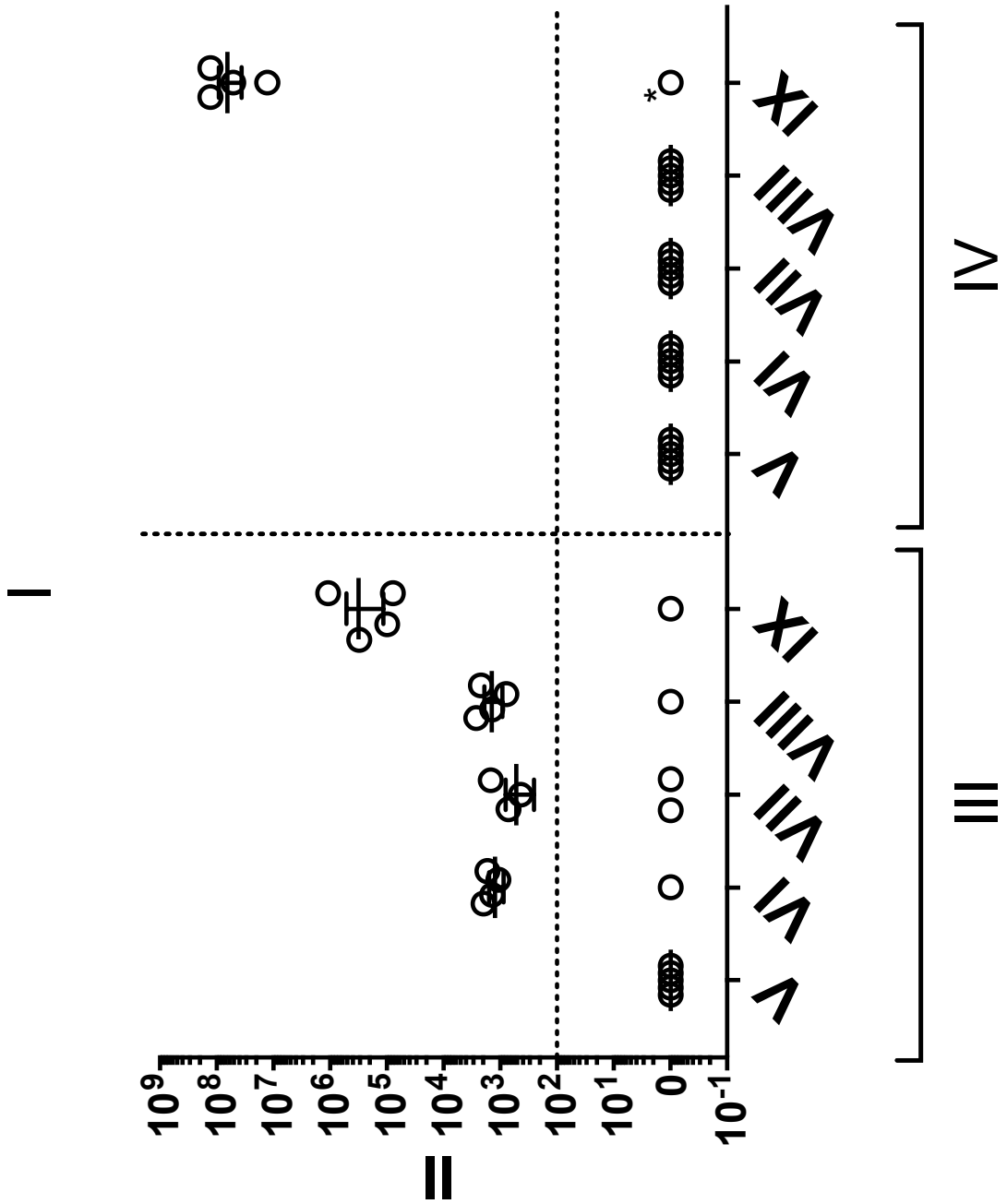


Figura 48







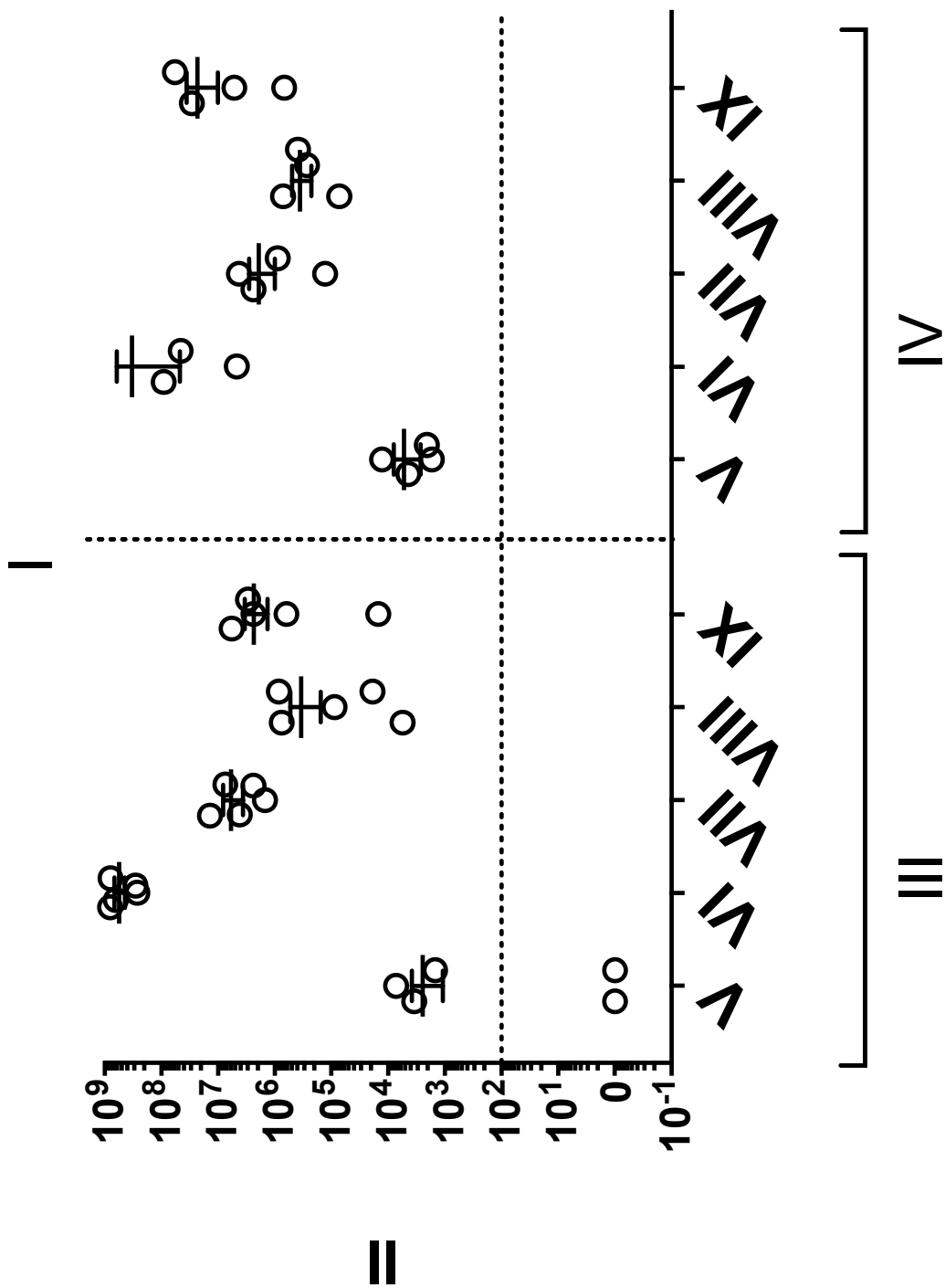


Figura 52

