

P-2019/31825

SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO
DIRECCIÓN DE NUEVAS CREACIONES

E. S. D.

Ref.: Expediente No. **NC2019/0009034**
Solicitud de registro de patente de invención a nombre de **MEDIMMUNE LIMITED**

Yo, CAROLINA DAZA MONTALVO, identificada como aparece al pie de mi firma, domiciliada en la Carrera 11 No. 86-53, piso 3, obrando como apoderada de la solicitante de la patente de invención de la referencia, **MEDIMMUNE LIMITED**, atentamente me permito presentar el siguiente documento como complemento de información:

1. **Listado de secuencias:** Se adjunta el listado de secuencias traducido a Español.

Amablemente solicito a ese Despacho tener en cuenta el documento aquí presentado y continuar con el trámite de la presente solicitud.

Atentamente,


CAROLINA DAZA MONTALVO
C.C. 66.783.790 de Palmira Valle
TP-141563 CSJ
notificaciones@clarkemodet.com.co

LISTA DE SECUENCIAS

<110> MedImmune Limited
 <120> FORMULACIÓN DE ANTICUERPO MONOCLONAL ANTI-RSV
 <130> 490.00050201
 <150> US 62/465,379
 <151> 2017-03-01
 <160> 12
 <170> PatentIn versión 3.5
 <210> 1
 <211> 214
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> Secuencia recombinante
 <400> 1
 Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ala Val Gly
 1 5 10 15
 Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Gln Asp Ile Val Asn Tyr
 20 25 30
 Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45
 Tyr Val Ala Ser Asn Leu Glu Thr Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60
 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Ser Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80
 Glu Asp Val Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr Asp Asn Leu Pro Leu
 85 90 95
 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
 100 105 110
 Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
 115 120 125
 Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
 130 135 140
 Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
 145 150 155 160
 Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
 165 170 175
 Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
 180 185 190
 Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
 195 200 205
 Phe Asn Arg Gly Glu Cys
 210
 <210> 2
 <211> 456
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> Secuencia artificial
 <400> 2
 Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
 1 5 10 15
 Ser Val Met Val Ser Cys Gln Ala Ser Gly Gly Leu Leu Glu Asp Tyr
 20 25 30
 Ile Ile Asn Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Pro Glu Trp Met
 35 40 45

Sequences.txt

Gly Gly Ile Ile Pro Val Leu Gly Thr Val His Tyr Gly Pro Lys Phe
50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Asp Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Met Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Thr Glu Thr Ala Leu Val Val Ser Glu Thr Tyr Leu Pro His Tyr
100 105 110

Phe Asp Asn Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser
115 120 125

Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr
130 135 140

Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro
145 150 155 160

Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val
165 170 175

His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser
180 185 190

Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile
195 200 205

Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Arg Val
210 215 220

Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala
225 230 235 240

Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro
245 250 255

Lys Asp Thr Leu Tyr Ile Thr Arg Glu Pro Glu Val Thr Cys Val Val
260 265 270

Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val
275 280 285

Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln
290 295 300

Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln
305 310 315 320

Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala
325 330 335

Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro
340 345 350

Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr
355 360 365

Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser
370 375 380

Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr
385 390 395 400

Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr
405 410 415

Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe
420 425 430

Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys
435 440 445

Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
450 455

<210> 3
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 3

Gln Ala Ser Gln Asp Ile Val Asn Tyr Leu Asn
 1 5 10

<210> 4
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 4

Val Ala Ser Asn Leu Glu Thr
 1 5

<210> 5
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 5

Gln Gln Tyr Asp Asn Leu Pro Leu Thr
 1 5

<210> 6
 <211> 5
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 6

Asp Tyr Ile Ile Asn
 1 5

<210> 7
 <211> 17
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 7

Gly Ile Ile Pro Val Leu Gly Thr Val His Tyr Gly Pro Lys Phe Gln
 1 5 10 15

Gly

<210> 8
 <211> 17
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 8

Glu Thr Ala Leu Val Val Ser Glu Thr Tyr Leu Pro His Tyr Phe Asp
 1 5 10 15

Asn

<210> 9
 <211> 107
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 9

Sequences.txt

Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ala Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Gln Ala Ser Gln Asp Ile Val Asn Tyr
 20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45

Tyr Val Ala Ser Asn Leu Glu Thr Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Ser Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80

Glu Asp Val Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr Asp Asn Leu Pro Leu
 85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105

<210> 10
 <211> 126
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 10

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
 1 5 10 15

Ser Val Met Val Ser Cys Gln Ala Ser Gly Gly Leu Leu Glu Asp Tyr
 20 25 30

Ile Ile Asn Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Pro Glu Trp Met
 35 40 45

Gly Gly Ile Ile Pro Val Leu Gly Thr Val His Tyr Gly Pro Lys Phe
 50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Asp Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Met Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Thr Glu Thr Ala Leu Val Val Ser Glu Thr Tyr Leu Pro His Tyr
 100 105 110

Phe Asp Asn Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120 125

<210> 11
 <211> 642
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 11

gacatccaga tgaccagtc cccctcctct ctgtctgctg ccgtgggcga cagagtgacc	60
atcacctgtc aggctccca ggacatcgtg aactacctga actggtatca gcagaagccc	120
ggcaaggccc ccaagctgct gatctacgtg gcctccaacc tggaaaccgg cgtgccctcc	180
agattctccg gctctggctc tggcaccgac ttcagcctga ccatctccag cctgcagcct	240
gaggacgtgg ccacctacta ctgccagcag tacgacaacc tgcccctgac ctttggcgga	300
ggcaccaagg tggagatcaa acgaactgtg gctgcaccat ctgtcttcat cttccccccc	360
agcgacgagc agctgaagag cggcaccgcc tccgtggtgt gcctgctgaa caacttctac	420
ccccgcgagg ccaaggtgca gtggaagggtg gacaacgcc tgcagtccgg caacagccag	480
gagagcgtca ccgagcagga cagcaaggac tccacctaca gcctgagcag caccctgacc	540
ctgagcaagg ccgactacga gaagcacaag gtgtacgcct gcgaggtgac ccaccagggc	600
ctgtccagcc ccgtgaccaa gagcttcaac aggggcgagt gc	642

<210> 12

<211> 1368
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia artificial

<400> 12
 caagtgcagc tgggtgcagtc tggcgccgaa gtgaagaaac ccggctcctc cgtgatgggtg 60
 tcctgccagg ctctctggcg cctgctggaa gattacatca tcaactgggt gcgacaggcc 120
 ccaggccagg gacctgaatg gatgggcgga atcatccccg tgctgggcac cgtgcactac 180
 ggccctaagt tccagggcag agtgaccatc accgccgacg agtctaccga caccgcctac 240
 atggaactgt cctccctgcg gagcgaggac accgccatgt actactgcg caccgagaca 300
 gccctggtgg tgtccgagac atacctgccc cactacttcg acaactgggg ccagggaacc 360
 ctcgtgaccg tctcctcagc ctccaccaag ggcccatcgg tcttccccct ggaccctcc 420
 tccaagtcca cctccggcgg caccgccgct ctgggctgcc tgggtgaagga ctacttcctt 480
 gagcctgtga ccgtgtcctg gaactctggc gccctgacct ctggcgctga caccttcctt 540
 gccgtgctgc agtcctccgg cctgtactcc ctgtcctccg tgggtgacagt gccttcctcc 600
 tccctgggca cccagaccta catctgcaac gtgaaccaca agcccagcaa caccaagggtg 660
 gacaagagag ttgagcccaa atcttgtgac aaaactcaca catgcccacc gtgcccagca 720
 cctgaactcc tgggggggacc gtcagtcttt ctgttccctc ctaagcctaa ggacaccctg 780
 tacatcaccg gggagcctga agtgacctgc gtgggtgggtg atgtgtccca cgaggaccct 840
 gaggtgaagt tcaattggta cgtggacggc gtggaggtgc acaacgcaa gaccaagcct 900
 cgggaggagc agtacaactc cacctaccgg gtggtgtctg tgctgaccgt gctgcaccag 960
 gactggctga acggcaaaga atacaagtgc aaagtctcca acaaggcctt gcctgcccc 1020
 atcgagaaaa ccatctccaa agccaaaggg cagccccgag aaccacaggt gtacaccctg 1080
 cctccctccc gcgaggagat gaccaagaac cagggtgtccc tgacctgtct ggtgaagggc 1140
 ttctaccctt ccgatatcgc cgtggagtgg gagtccaacg gccagcctga gaacaactac 1200
 aagaccaccc ctctgtgtct ggactccgac ggctccttct tcctgtactc caagctgacc 1260
 gtggacaagt cccggtggca gcagggaac gtgttctcct gctccgtgat gcacgaggct 1320
 ctgcacaacc actacacca gaaaagcctc tccctgtctc cgggtaaa 1368