LISTADO DE SECUENCIAS

A. DATOS DE LA SOLICITUD

(i) Solicitante: FIVE PRIME THERAPEUTICS, INC.

(ii) Título de la Invención: ANTICUERPOS DE B7-H4 Y MÉTODOS PARA USARLOS

(iii) Referencia del Solicitante: 3986.009PC04

B. DATOS DE LA SOLICITUD ANTERIOR:

(i) Número de Prioridad: 62/550,173
(ii) Fecha de Prioridad: 2017-08-25

(i) Número de Prioridad: 62/579,774
(ii) Fecha de Prioridad: 2017-10-31

(i) Número de Prioridad: 62/607,810
(ii) Fecha de Prioridad: 2017-12-19

(i) Número de Prioridad: 62/656,789
(ii) Fecha de Prioridad: 2018-04-12

C. NÚMERO DE SECUENCIAS: 469

D. FORMATO LEGIBLE EN COMPUTADORA: PatentIn versión 3.5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 1
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 282
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Homo sapiens

SECUENCIA SEQ ID No: 1

```
Met Ala Ser Leu Gly Gln Ile Leu Phe Trp Ser Ile Ile Ser Ile Ile
1               5                  10                  15


Ile Ile Leu Ala Gly Ala Ile Ala Leu Ile Ile Gly Phe Gly Ile Ser
            20                  25                  30


Gly Arg His Ser Ile Thr Val Thr Thr Val Ala Ser Ala Gly Asn Ile
        35                  40                  45
```

```
Gly Glu Asp Gly Ile Leu Ser Cys Thr Phe Glu Pro Asp Ile Lys Leu
    50                  55                  60

Ser Asp Ile Val Ile Gln Trp Leu Lys Glu Gly Val Leu Gly Leu Val
65                  70                  75                  80

His Glu Phe Lys Glu Gly Lys Asp Glu Leu Ser Glu Gln Asp Glu Met
                85                  90                  95

Phe Arg Gly Arg Thr Ala Val Phe Ala Asp Gln Val Ile Val Gly Asn
            100                 105                 110

Ala Ser Leu Arg Leu Lys Asn Val Gln Leu Thr Asp Ala Gly Thr Tyr
        115                 120                 125

Lys Cys Tyr Ile Ile Thr Ser Lys Gly Lys Gly Asn Ala Asn Leu Glu
    130                 135                 140

Tyr Lys Thr Gly Ala Phe Ser Met Pro Glu Val Asn Val Asp Tyr Asn
145                 150                 155                 160

Ala Ser Ser Glu Thr Leu Arg Cys Glu Ala Pro Arg Trp Phe Pro Gln
                165                 170                 175

Pro Thr Val Val Trp Ala Ser Gln Val Asp Gln Gly Ala Asn Phe Ser
            180                 185                 190

Glu Val Ser Asn Thr Ser Phe Glu Leu Asn Ser Glu Asn Val Thr Met
        195                 200                 205

Lys Val Val Ser Val Leu Tyr Asn Val Thr Ile Asn Asn Thr Tyr Ser
    210                 215                 220

Cys Met Ile Glu Asn Asp Ile Ala Lys Ala Thr Gly Asp Ile Lys Val
225                 230                 235                 240
```

Thr Glu Ser Glu Ile Lys Arg Arg Ser His Leu Gln Leu Leu Asn Ser
245 250 255

Lys Ala Ser Leu Cys Val Ser Ser Phe Phe Ala Ile Ser Trp Ala Leu
260 265 270

Leu Pro Leu Ser Pro Tyr Leu Met Leu Lys
275 280

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 2
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 282
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: B7-H4 de mono cynomolgus

SECUENCIA SEQ ID No: 2
Met Ala Ser Leu Gly Gln Ile Leu Phe Trp Ser Ile Ile Ser Ile Ile
1 5 10 15

Phe Ile Leu Ala Gly Ala Ile Ala Leu Ile Ile Gly Phe Gly Ile Ser
20 25 30

Gly Arg His Ser Ile Thr Val Thr Thr Val Ala Ser Ala Gly Asn Ile
35 40 45

Gly Glu Asp Gly Ile Leu Ser Cys Thr Phe Glu Pro Asp Ile Lys Leu
50 55 60

Ser Asp Ile Val Ile Gln Trp Leu Lys Glu Gly Val Ile Gly Leu Val
65 70 75 80

His Glu Phe Lys Glu Gly Lys Asp Glu Leu Ser Glu Gln Asp Glu Met
85 90 95

```
Phe Arg Gly Arg Thr Ala Val Phe Ala Asp Gln Val Ile Val Gly Asn
            100                 105                 110

Ala Ser Leu Arg Leu Lys Asn Val Gln Leu Thr Asp Ala Gly Thr Tyr
        115                 120                 125

Lys Cys Tyr Ile Ile Thr Ser Lys Gly Lys Gly Asn Ala Asn Leu Glu
    130                 135                 140

Tyr Lys Thr Gly Ala Phe Ser Met Pro Glu Val Asn Val Asp Tyr Asn
145                 150                 155                 160

Ala Ser Ser Glu Thr Leu Arg Cys Glu Ala Pro Arg Trp Phe Pro Gln
                165                 170                 175

Pro Thr Val Val Trp Ala Ser Gln Val Asp Gln Gly Ala Asn Phe Ser
            180                 185                 190

Glu Val Ser Asn Thr Ser Phe Glu Leu Asn Ser Glu Asn Val Thr Met
        195                 200                 205

Lys Val Val Ser Val Leu Tyr Asn Val Thr Ile Asn Asn Thr Tyr Ser
    210                 215                 220

Cys Met Ile Glu Asn Asp Ile Ala Lys Ala Thr Gly Asp Ile Lys Val
225                 230                 235                 240

Thr Glu Ser Glu Ile Lys Arg Arg Ser His Leu Gln Leu Leu Asn Ser
                245                 250                 255

Lys Ala Ser Leu Cys Val Ser Ser Phe Leu Ala Ile Ser Trp Ala Leu
            260                 265                 270

Leu Pro Leu Ala Pro Tyr Leu Met Leu Lys
        275                 280
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 3
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 283
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: B7-H4 de murino

SECUENCIA SEQ ID No: 3

```
Met Ala Ser Leu Gly Gln Ile Ile Phe Trp Ser Ile Ile Asn Ile Ile
1               5                  10                  15


Ile Ile Leu Ala Gly Ala Ile Ala Leu Ile Ile Gly Phe Gly Ile Ser
            20                  25                  30


Gly Lys His Phe Ile Thr Val Thr Thr Phe Thr Ser Ala Gly Asn Ile
        35                  40                  45


Gly Glu Asp Gly Thr Leu Ser Cys Thr Phe Glu Pro Asp Ile Lys Leu
    50                  55                  60


Asn Gly Ile Val Ile Gln Trp Leu Lys Glu Gly Ile Lys Gly Leu Val
65                  70                  75                  80


His Glu Phe Lys Glu Gly Lys Asp Asp Leu Ser Gln Gln His Glu Met
                85                  90                  95


Phe Arg Gly Arg Thr Ala Val Phe Ala Asp Gln Val Val Val Gly Asn
            100                 105                 110


Ala Ser Leu Arg Leu Lys Asn Val Gln Leu Thr Asp Ala Gly Thr Tyr
        115                 120                 125


Thr Cys Tyr Ile Arg Thr Ser Lys Gly Lys Gly Asn Ala Asn Leu Glu
    130                 135                 140
```

```
Tyr Lys Thr Gly Ala Phe Ser Met Pro Glu Ile Asn Val Asp Tyr Asn
145                 150                 155                 160

Ala Ser Ser Glu Ser Leu Arg Cys Glu Ala Pro Arg Trp Phe Pro Gln
                165                 170                 175

Pro Thr Val Ala Trp Ala Ser Gln Val Asp Gln Gly Ala Asn Phe Ser
            180                 185                 190

Glu Val Ser Asn Thr Ser Phe Glu Leu Asn Ser Glu Asn Val Thr Met
        195                 200                 205

Lys Val Val Ser Val Leu Tyr Asn Val Thr Ile Asn Asn Thr Tyr Ser
    210                 215                 220

Cys Met Ile Glu Asn Asp Ile Ala Lys Ala Thr Gly Asp Ile Lys Val
225                 230                 235                 240

Thr Asp Ser Glu Val Lys Arg Arg Ser Gln Leu Gln Leu Leu Asn Ser
                245                 250                 255

Gly Pro Ser Pro Cys Val Phe Ser Ser Ala Phe Val Ala Gly Trp Ala
            260                 265                 270

Leu Leu Ser Leu Ser Cys Cys Leu Met Leu Arg
        275                 280
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 4
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 282
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: B7-H4 de rata

SECUENCIA SEQ ID No: 4

```
Met Ala Ser Leu Gly Gln Ile Ile Phe Trp Ser Ile Ile Asn Val Ile
1               5                  10                  15

Ile Ile Leu Ala Gly Ala Ile Val Leu Ile Ile Gly Phe Gly Ile Ser
            20                  25                  30

Gly Lys His Phe Ile Thr Val Thr Thr Phe Thr Ser Ala Gly Asn Ile
        35                  40                  45

Gly Glu Asp Gly Thr Leu Ser Cys Thr Phe Glu Pro Asp Ile Lys Leu
    50                  55                  60

Asn Gly Ile Val Ile Gln Trp Leu Lys Glu Gly Ile Lys Gly Leu Val
65                  70                  75                  80

His Glu Phe Lys Glu Gly Lys Asp Asp Leu Ser Gln Gln His Glu Met
                85                  90                  95

Phe Arg Gly Arg Thr Ala Val Phe Ala Asp Gln Val Val Val Gly Asn
            100                 105                 110

Ala Ser Leu Arg Leu Lys Asn Val Gln Leu Thr Asp Ala Gly Thr Tyr
        115                 120                 125

Thr Cys Tyr Ile His Thr Ser Lys Gly Lys Gly Asn Ala Asn Leu Glu
    130                 135                 140

Tyr Lys Thr Gly Ala Phe Ser Met Pro Glu Ile Asn Val Asp Tyr Asn
145                 150                 155                 160

Ala Ser Ser Glu Ser Leu Arg Cys Glu Ala Pro Arg Trp Phe Pro Gln
                165                 170                 175

Pro Thr Val Ala Trp Ala Ser Gln Val Asp Gln Gly Ala Asn Phe Ser
            180                 185                 190
```

Glu Val Ser Asn Thr Ser Phe Glu Leu Asn Ser Glu Asn Val Thr Met
195 200 205

Lys Val Val Ser Val Leu Tyr Asn Val Thr Ile Asn Asn Thr Tyr Ser
210 215 220

Cys Met Ile Glu Asn Asp Ile Ala Lys Ala Thr Gly Asp Ile Lys Val
225 230 235 240

Thr Asp Ser Glu Val Lys Arg Arg Ser Gln Leu Glu Leu Leu Asn Ser
245 250 255

Gly Pro Ser Pro Cys Val Ser Ser Val Ser Ala Ala Gly Trp Ala Leu
260 265 270

Leu Ser Leu Ser Cys Cys Leu Met Leu Arg
275 280

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 5
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 5
Gly Ser Ile Ser Ser Ser Ser Tyr Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 6
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 6
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 7
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 7
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 8
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 8
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 9
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 9
Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 10
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 10
Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 11
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 11
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Ser
20 25 30

Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

```
Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 12
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 12

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                   10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60
```

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 13
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 13
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Ser
20 25 30

Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

```
Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285
```

```
Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385                 390                 395                 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
                405                 410                 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
            420                 425                 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
        435                 440                 445

Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 14
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 14

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                  10                  15


Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
            20                  25                  30


Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45


Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60


Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80


Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95


Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110


Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125


Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140


Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
```

145 150 155 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
165 170 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 15
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 15
Gly Ser Ile Lys Ser Gly Ser His Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 16
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 16
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Arg Ser

1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 17
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 17
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 18
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 18
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 19
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 19
Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr

1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 20
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 20
Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 21
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 21
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
20 25 30

Ser His Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Arg Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe

65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln
100 105 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 22
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 22
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe

85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 23
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 23
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
20 25 30

Ser His Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Arg Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln
100 105 110

```
Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300
```

```
Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385                 390                 395                 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
                405                 410                 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
            420                 425                 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
        435                 440                 445

Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 24
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 24

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                  10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175
```

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 25
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 25
Gly Ser Ile Lys Ser Gly Ser His Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 26
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 26
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 27
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 27
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Leu Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 28
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 28
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 29
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 29
Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 30
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 30
Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 31
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 31
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
20 25 30

Ser His Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Leu Asp Pro Trp Gly Gln
100 105 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 32
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 32
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 33
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 33

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
            20                  25                  30

Ser His Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Leu Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140
```

```
Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335
```

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
340 345 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
355 360 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
370 375 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385 390 395 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
405 410 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
420 425 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
435 440 445

Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 34
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 34
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly

```
1               5                   10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
```

195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 35
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 35
Gly Ser Ile Lys Ser Gly Ser Tyr Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 36
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 36
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 37
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 20502.1 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 37
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Gln Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 38
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 38
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 39
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 39
Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 40
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 20502.1 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 40
Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 41
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 41
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
20 25 30

Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Gln Phe Asp Pro Trp Gly Gln
100 105 110

Gly Ile Leu Val Thr Val Ser Ser

115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 42
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 y 20502.1 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 42

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                  10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 43
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 43

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
            20                  25                  30

Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Gln Phe Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Ile Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160
```

```
Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350
```

```
Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385                 390                 395                 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
                405                 410                 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
            420                 425                 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
        435                 440                 445

Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 44
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 y 20502.1 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 44

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                   10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
            20                  25                  30
```

```
Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
        195                 200                 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 45
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 45
Gly Ser Ile Lys Ser Gly Ser His Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 46
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 46
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 47
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 47
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 48
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 48
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Thr Asn Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 49
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 49
Asp Ala Ser Ala Arg Val Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 50
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 50
Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 51
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 51

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15


Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
            20                  25                  30


Ser His Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45


Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60


Leu Lys Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80


Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95


Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110


Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 52
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 52

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                  10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Thr Asn
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Asp Ala Ser Ala Arg Val Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 53
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 22208 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 53

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
            20                  25                  30

Ser His Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175
```

```
Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365
```

```
Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385                 390                 395                 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
                405                 410                 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
            420                 425                 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
        435                 440                 445

Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 54
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 54

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                   10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Thr Asn
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45
```

```
Tyr Asp Ala Ser Ala Arg Val Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
        195                 200                 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 55
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 55
Gly Ser Ile Ser Ser Ser Ser Tyr Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 56
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 56
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 57
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 57
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Thr Thr Val Leu Asn Val
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 58
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 58

Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Ser Tyr Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 59
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 59
Gly Ala Ser Ser Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 60
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 60
Gln Gln Ala Ala Ser Tyr Pro Leu Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 61
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 61

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15


Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Ser
            20                  25                  30


Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45


Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60


Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80


Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95


Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Thr Thr Val Leu Asn Val Trp Gly Gln
            100                 105                 110


Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 62
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 108
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 62

```
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1               5                  10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Ser
            20                  25                  30

Tyr Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
        35                  40                  45

Ile Tyr Gly Ala Ser Ser Arg Ala Thr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser
    50                  55                  60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu
65                  70                  75                  80

Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala Ala Ser Tyr Pro
                85                  90                  95

Leu Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 63
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 63

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
```

```
1               5                   10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Ser
            20                  25                  30

Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Thr Thr Val Leu Asn Val Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
```

```
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
```

385 390 395 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
405 410 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
420 425 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
435 440 445

Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 64
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 215
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 64
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Gly Ala Ser Ser Arg Ala Thr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser
50 55 60

```
Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu
65                  70                  75                  80

Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala Ala Ser Tyr Pro
                85                  90                  95

Leu Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala
            100                 105                 110

Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser
        115                 120                 125

Gly Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu
    130                 135                 140

Ala Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser
145                 150                 155                 160

Gln Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu
                165                 170                 175

Ser Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val
            180                 185                 190

Tyr Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys
        195                 200                 205

Ser Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210                 215
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 65
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 65
Gly Ser Ile Gly Arg Gly Ser Tyr Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 66
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 66
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 67
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 67
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Thr Thr Val Leu Asn Val
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 68
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 68
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ala Ser Ser His Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 69
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 69
Asp Ala Val Ser Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 70
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 70
Gln Gln Ala Ala Ser Tyr Pro Leu Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 71
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 71

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Gly Arg Gly
            20                  25                  30

Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Thr Thr Val Leu Asn Val Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 72
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 108
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 72

```
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1               5                  10                  15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ala Ser Ser
            20                  25                  30

His Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
        35                  40                  45

Ile Tyr Asp Ala Val Ser Arg Ala Thr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser
    50                  55                  60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu
65                  70                  75                  80

Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala Ala Ser Tyr Pro
                85                  90                  95

Leu Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 73
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 73

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Gly Arg Gly
            20                  25                  30
```

```
Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Thr Thr Val Leu Asn Val Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220
```

```
Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385                 390                 395                 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
                405                 410                 415
```

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
420 425 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
435 440 445

Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 74
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 215
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 74
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ala Ser Ser
20 25 30

His Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Asp Ala Val Ser Arg Ala Thr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser
50 55 60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala Ala Ser Tyr Pro
85 90 95

Leu Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala
100 105 110

Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser
115 120 125

Gly Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu
130 135 140

Ala Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser
145 150 155 160

Gln Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu
165 170 175

Ser Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val
180 185 190

Tyr Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys
195 200 205

Ser Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210 215

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 75
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 75
Gly Ser Ile Ser Ser Gly Gly Tyr Tyr Trp Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 76
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 76
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 77
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 77

la Arg Glu Ser Ser Thr Ile Ser Ala Asp Phe Asp Leu
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 78
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 78
Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Trp Leu Ala

1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 79
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 79
Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 80
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 80
Gln Gln Ala His Thr Phe Pro Tyr Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 81
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 121
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 81
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln

1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Gly
20 25 30

Gly Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Glu Ser Ser Thr Ile Ser Ala Asp Phe Asp Leu Trp Gly
100 105 110

Arg Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 82
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 82
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Trp

20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala His Thr Phe Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 83
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 451
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 83
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Gly
20 25 30

Gly Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

```
Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Ser Ser Thr Ile Ser Ala Asp Phe Asp Leu Trp Gly
            100                 105                 110

Arg Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser
        115                 120                 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala
    130                 135                 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val
145                 150                 155                 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala
                165                 170                 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val
            180                 185                 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His
        195                 200                 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys
    210                 215                 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly
225                 230                 235                 240
```

```
Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met
                245                 250                 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His
            260                 265                 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val
        275                 280                 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr
    290                 295                 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly
305                 310                 315                 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile
                325                 330                 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val
            340                 345                 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser
        355                 360                 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu
    370                 375                 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro
385                 390                 395                 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val
                405                 410                 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met
            420                 425                 430
```

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser
435 440 445

Pro Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 84
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 84
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Trp
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala His Thr Phe Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
100 105 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
115 120 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
130 135 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145 150 155 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
165 170 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 85
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 85
Gly Ser Ile Ser His Gly Gly Tyr Tyr Trp Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 86
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 86
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 87
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 87
Ala Arg Glu Ser Ser Thr Ile Ser Ala Asp Phe Asp Leu
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 88
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 88
Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 89
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 89
Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 90
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 90
Gln Gln Ala His Thr Phe Pro Tyr Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 91
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 121
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 91
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Ala Ser Gly Gly Ser Ile Ser His Gly
20 25 30

```
Gly Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Ser Ser Thr Ile Ser Ala Asp Phe Asp Leu Trp Gly
            100                 105                 110

Arg Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 92
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 92

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1               5                   10                  15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Trp
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45
```

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala His Thr Phe Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 93
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 451
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 93
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Ala Ser Gly Gly Ser Ile Ser His Gly
20 25 30

Gly Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

```
Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Ser Ser Thr Ile Ser Ala Asp Phe Asp Leu Trp Gly
            100                 105                 110

Arg Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser
        115                 120                 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala
    130                 135                 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val
145                 150                 155                 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala
                165                 170                 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val
            180                 185                 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His
        195                 200                 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys
    210                 215                 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly
225                 230                 235                 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met
                245                 250                 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His
            260                 265                 270
```

```
Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val
        275                 280                 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr
    290                 295                 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly
305                 310                 315                 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile
                325                 330                 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val
            340                 345                 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser
        355                 360                 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu
    370                 375                 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro
385                 390                 395                 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val
                405                 410                 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met
            420                 425                 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser
        435                 440                 445

Pro Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 94
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 94

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15


Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Trp
            20                  25                  30


Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45


Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60


Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80


Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala His Thr Phe Pro Tyr
                85                  90                  95


Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110


Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125


Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
```

130 135 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145 150 155 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
165 170 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 95
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 95
Gly Ser Ile Ser Ser Gly Gly Tyr Tyr Trp Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 96
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 15483 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 96
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 97
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 97
Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 98
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 98
Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 99
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 15483 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 99
Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 100
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 100
Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 101
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 121
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 101
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Gly
20 25 30

Gly Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser

50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro Trp Gly
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 102
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 102
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro

65 70 75 80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 103
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 451
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 103
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Gly
20 25 30

Gly Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

```
Cys Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro Trp Gly
            100                 105                 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser
        115                 120                 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala
    130                 135                 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val
145                 150                 155                 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala
                165                 170                 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val
            180                 185                 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His
        195                 200                 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys
    210                 215                 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly
225                 230                 235                 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met
                245                 250                 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His
            260                 265                 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val
        275                 280                 285
```

```
His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr
    290                 295                 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly
305                 310                 315                 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile
                325                 330                 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val
            340                 345                 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser
        355                 360                 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu
    370                 375                 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro
385                 390                 395                 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val
                405                 410                 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met
            420                 425                 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser
        435                 440                 445

Pro Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 104
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 104

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15


Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30


Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45


Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60


Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80


Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr
                85                  90                  95


Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110


Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125


Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140


Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160
```

```
Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
        195                 200                 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 105
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 105

```
Gly Ser Ile Ser Asp Gly Ser Tyr Tyr Trp Ser
1               5                   10
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 106
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 106

```
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Arg Ser
1               5                   10                  15
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 107
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 107
Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 108
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 108
Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 109
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 109
Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 110
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 110
Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 111
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 121
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 111
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Asp Gly
20 25 30

Ser Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Arg Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro Trp Gly
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 112
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 112
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 113
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 451
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 113
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Asp Gly
20 25 30

Ser Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Arg Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro Trp Gly
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser
115 120 125

```
Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala
    130                 135                 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val
145                 150                 155                 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala
                165                 170                 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val
            180                 185                 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His
        195                 200                 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys
    210                 215                 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly
225                 230                 235                 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met
                245                 250                 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His
            260                 265                 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val
        275                 280                 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr
    290                 295                 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly
305                 310                 315                 320
```

```
Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile
                325                 330                 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val
            340                 345                 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser
        355                 360                 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu
    370                 375                 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro
385                 390                 395                 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val
                405                 410                 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met
            420                 425                 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser
        435                 440                 445

Pro Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 114
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 20513 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 114

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15


Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30


Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45


Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60


Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80


Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr
                85                  90                  95


Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110


Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125


Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140


Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160


Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175
```

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 115
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 115
Gly Ser Ile Ser Asp Gly Ser Tyr Tyr Trp Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 116
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 116
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Arg Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 117
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 117
Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 118
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 118
Arg Ala Ser Lys Ser Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 119
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 119
Glu Ala Ser Ser Leu His Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 120
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 120
Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 121
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 121
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 121
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Asp Gly
20 25 30

Ser Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Arg Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

Cys Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro Trp Gly
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 122
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 122
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Lys Ser Ile Ser Ser Trp
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Glu Ala Ser Ser Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 123
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 451
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 123

```
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Asp Gly
            20                  25                  30

Ser Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Arg Ser Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Gly Leu Ser Thr Ile Asp Glu Ala Phe Asp Pro Trp Gly
            100                 105                 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser
        115                 120                 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala
    130                 135                 140
```

```
Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val
145                 150                 155                 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala
                165                 170                 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val
            180                 185                 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His
        195                 200                 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys
    210                 215                 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly
225                 230                 235                 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met
                245                 250                 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His
            260                 265                 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val
        275                 280                 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr
    290                 295                 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly
305                 310                 315                 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile
                325                 330                 335
```

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val
340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser
355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu
370 375 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro
385 390 395 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val
405 410 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met
420 425 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser
435 440 445

Pro Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 124
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 124
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

```
Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Lys Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Glu Ala Ser Ser Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Tyr Pro Tyr
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
        195                 200                 205
```

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 125
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 125
Gly Ser Ile Ser Ser Tyr Tyr Trp Ser
1   5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 126
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 126
Tyr Ile Tyr Ser Ser Gly Ser Thr Asn Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1   5   10   15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 127
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 127
Ala Arg Gly Ser Gly Gln Tyr Ala Ala Pro Asp Tyr Gly Met Asp Val
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 128
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 128
Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 129
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 129
Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 130
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 130
Gln Gln Asp Asn Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 131
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 122
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 131
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Tyr
20 25 30

Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Tyr Ile Tyr Ser Ser Gly Ser Thr Asn Tyr Asn Pro Ser Leu Lys
50 55 60

Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu
65 70 75 80

Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
85 90 95

Arg Gly Ser Gly Gln Tyr Ala Ala Pro Asp Tyr Gly Met Asp Val Trp
100 105 110

Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 132
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 132

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15


Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30


Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45


Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60


Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80


Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95


Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 133
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 452
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 133

```
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
        35                  40                  45

Gly Tyr Ile Tyr Ser Ser Gly Ser Thr Asn Tyr Asn Pro Ser Leu Lys
    50                  55                  60

Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu
65                  70                  75                  80

Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
                85                  90                  95

Arg Gly Ser Gly Gln Tyr Ala Ala Pro Asp Tyr Gly Met Asp Val Trp
            100                 105                 110

Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro
        115                 120                 125

Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr
    130                 135                 140

Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr
145                 150                 155                 160

Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro
```

```
                165                 170                 175

Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr
            180                 185                 190

Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn
        195                 200                 205

His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser
    210                 215                 220

Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu
225                 230                 235                 240

Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu
                245                 250                 255

Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser
            260                 265                 270

His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu
        275                 280                 285

Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr
    290                 295                 300

Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn
305                 310                 315                 320

Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro
                325                 330                 335

Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln
            340                 345                 350

Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val
```

355 360 365

Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val
370 375 380

Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro
385 390 395 400

Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr
405 410 415

Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val
420 425 430

Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu
435 440 445

Ser Pro Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 134
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 134
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
20 25 30

```
Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
        195                 200                 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 135
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 135
Gly Ser Ile Ile Ser Tyr Tyr Trp Gly
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 136
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 136
Tyr Ile Tyr Ser Ser Gly Ser Thr Ser Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 137
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 137
Ala Arg Gly Ser Gly Leu Tyr Ala Ala Pro Asp Tyr Gly Leu Asp Val
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 138
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 138
Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 139
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 139
Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 140
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 140
Gln Gln Asp Asn Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 141
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 122
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 141

```
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ile Ser Tyr
            20                  25                  30

Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
        35                  40                  45

Gly Tyr Ile Tyr Ser Ser Gly Ser Thr Ser Tyr Asn Pro Ser Leu Lys
    50                  55                  60

Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu
65                  70                  75                  80

Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
                85                  90                  95

Arg Gly Ser Gly Leu Tyr Ala Ala Pro Asp Tyr Gly Leu Asp Val Trp
            100                 105                 110

Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 142
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 142

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15


Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30


Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45


Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60


Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80


Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95


Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 143
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 452
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 143

```
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ile Ser Tyr
            20                  25                  30

Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile
        35                  40                  45

Gly Tyr Ile Tyr Ser Ser Gly Ser Thr Ser Tyr Asn Pro Ser Leu Lys
    50                  55                  60

Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu
65                  70                  75                  80

Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
                85                  90                  95

Arg Gly Ser Gly Leu Tyr Ala Ala Pro Asp Tyr Gly Leu Asp Val Trp
            100                 105                 110

Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro
        115                 120                 125

Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr
    130                 135                 140

Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr
145                 150                 155                 160

Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro
                165                 170                 175

Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr
            180                 185                 190
```

```
Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn
        195                 200                 205

His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser
    210                 215                 220

Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu
225                 230                 235                 240

Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu
                245                 250                 255

Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser
            260                 265                 270

His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu
        275                 280                 285

Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr
    290                 295                 300

Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn
305                 310                 315                 320

Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro
                325                 330                 335

Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln
            340                 345                 350

Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val
        355                 360                 365

Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val
    370                 375                 380
```

```
Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro
385                 390                 395                 400


Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr
                405                 410                 415


Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val
            420                 425                 430


Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu
        435                 440                 445


Ser Pro Gly Lys
    450
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 144
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 144

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                   10                  15


Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30


Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45


Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60
```

```
Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asp Asn Ser Phe Pro Phe
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
        195                 200                 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 145
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 145
Phe Thr Phe Ser Ser Tyr Ala Met Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 146
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 17
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 146
Thr Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val Lys
1 5 10 15

Gly

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 147
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 147
Ala Arg Gly Ala Gly His Tyr Asp Leu Val Gly Arg Tyr
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 148
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 148
Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Tyr Leu Asn
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 149
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 149
Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 150
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 150
Gln Gln Leu Tyr Ser Leu Pro Pro Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 151
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 151

```
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1               5                  10                  15


Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
            20                  25                  30


Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
        35                  40                  45


Ser Thr Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
    50                  55                  60


Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65                  70                  75                  80


Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95


Ala Arg Gly Ala Gly His Tyr Asp Leu Val Gly Arg Tyr Trp Gly Gln
            100                 105                 110


Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 152
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 152

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Leu Tyr Ser Leu Pro Pro
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 153
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 153

```
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
```

```
1               5                   10                  15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
        35                  40                  45

Ser Thr Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
    50                  55                  60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65                  70                  75                  80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95

Ala Arg Gly Ala Gly His Tyr Asp Leu Val Gly Arg Tyr Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
```

```
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
```

385 390 395 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
405 410 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
420 425 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
435 440 445

Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 154
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 154
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Tyr
20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Leu Tyr Ser Leu Pro Pro
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
100 105 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
115 120 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
130 135 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145 150 155 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
165 170 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 155
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 155
Phe Thr Phe Ser Ser Tyr Ala Met Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 156
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 17
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 156
Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val Lys
1 5 10 15

Gly

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 157
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 157
Ala Arg Val Gly Phe Arg Ala Leu Asn Tyr
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 158
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 158
Arg Ala Ser Gln Asp Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 159
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 159
Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 160
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 160
Gln Gln Ala Thr Ser Tyr Pro Pro Trp Thr
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 161
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 117

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 161

```
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1               5                  10                  15


Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
            20                  25                  30


Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
        35                  40                  45


Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
    50                  55                  60


Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65                  70                  75                  80


Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95


Ala Arg Val Gly Phe Arg Ala Leu Asn Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
            100                 105                 110


Val Thr Val Ser Ser
        115
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 162
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 108
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 162

```
Asp Ile Gln Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Asp Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala Thr Ser Tyr Pro Pro
                85                  90                  95

Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 163
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 447
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 163

```
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1               5                  10                  15
```

```
Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
        35                  40                  45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
    50                  55                  60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65                  70                  75                  80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95

Ala Arg Val Gly Phe Arg Ala Leu Asn Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
            100                 105                 110

Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu
        115                 120                 125

Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys
    130                 135                 140

Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser
145                 150                 155                 160

Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser
                165                 170                 175

Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser
            180                 185                 190

Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn
        195                 200                 205
```

```
Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His
    210                 215                 220

Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val
225                 230                 235                 240

Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr
                245                 250                 255

Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu
            260                 265                 270

Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys
        275                 280                 285

Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser
    290                 295                 300

Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys
305                 310                 315                 320

Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile
                325                 330                 335

Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro
            340                 345                 350

Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu
        355                 360                 365

Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn
    370                 375                 380

Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser
385                 390                 395                 400
```

Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg
405 410 415

Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu
420 425 430

His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
435 440 445

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 164
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 215
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 164
Asp Ile Gln Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Asp Ile Ser Ser Trp
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ala Thr Ser Tyr Pro Pro
85 90 95

```
Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala
            100                 105                 110

Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser
        115                 120                 125

Gly Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu
    130                 135                 140

Ala Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser
145                 150                 155                 160

Gln Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu
                165                 170                 175

Ser Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val
            180                 185                 190

Tyr Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys
        195                 200                 205

Ser Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210                 215
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 165
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 165

```
Gly Thr Phe Ser Ser Tyr Ala Ile Ser
1               5
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 166
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 17
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 166
Gly Ile Ile Pro Ile Phe Gly Thr Ala Ser Tyr Ala Gln Lys Phe Gln
1 5 10 15

Gly

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 167
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 167
Ala Arg Gln Gln Tyr Asp Gly Arg Arg Tyr Phe Gly Leu
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 168
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 168
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 169
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 169
Ser Ala Ser Thr Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 170
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 170
Gln Gln Val Asn Val Trp Pro Pro Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 171
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 171

```
Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1               5                  10                  15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
        35                  40                  45

Gly Gly Ile Ile Pro Ile Phe Gly Thr Ala Ser Tyr Ala Gln Lys Phe
    50                  55                  60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Ser Thr Ala Tyr
65                  70                  75                  80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95

Ala Arg Gln Gln Tyr Asp Gly Arg Arg Tyr Phe Gly Leu Trp Gly Arg
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 172

I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT

VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 15495 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 172

```
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1               5                  10                  15
```

```
Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Ser Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Val Asn Val Trp Pro Pro
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 173
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 173

```
Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1               5                   10                  15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
```

```
        35                  40                  45

Gly Gly Ile Ile Pro Ile Phe Gly Thr Ala Ser Tyr Ala Gln Lys Phe
    50                  55                  60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Ser Thr Ala Tyr
65                  70                  75                  80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95

Ala Arg Gln Gln Tyr Asp Gly Arg Arg Tyr Phe Gly Leu Trp Gly Arg
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
```

225 230 235 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
245 250 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
260 265 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
275 280 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
290 295 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305 310 315 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
325 330 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
340 345 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
355 360 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
370 375 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385 390 395 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
405 410 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His

420 425 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
435 440 445

Gly Lys
450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 174
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 174
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Ser Ala Ser Thr Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Val Asn Val Trp Pro Pro
85 90 95

```
Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
            180                 185                 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
        195                 200                 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
    210
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 175
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 175

```
Gly Thr Phe Ser Ser Tyr Ala Ile Ser
1               5
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 176
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 17
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 176
Gly Ile Ile Pro Ile Phe Gly Thr Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe Gln
1 5 10 15

Gly

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 177
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 177
Ala Arg Gly Gly Pro Trp Phe Asp Pro
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 178
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 178

Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 179
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 179
Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 180
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 180
Gln Gln Tyr Asn Ser Tyr Pro Pro Phe Thr
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 181
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 116
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 181

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
35 40 45

Gly Gly Ile Ile Pro Ile Phe Gly Thr Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe
50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Gly Gly Pro Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val
100 105 110

Thr Val Ser Ser
115

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 182
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 108
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 182
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

```
Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr Asn Ser Tyr Pro Pro
                85                  90                  95

Phe Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 183
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 446
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 183

```
Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1               5                   10                  15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
        35                  40                  45
```

```
Gly Gly Ile Ile Pro Ile Phe Gly Thr Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe
    50                  55                  60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Ser Thr Ala Tyr
65                  70                  75                  80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95

Ala Arg Gly Gly Pro Trp Phe Asp Pro Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val
            100                 105                 110

Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala
        115                 120                 125

Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu
    130                 135                 140

Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly
145                 150                 155                 160

Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser
                165                 170                 175

Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu
            180                 185                 190

Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn Thr
        195                 200                 205

Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His Thr
    210                 215                 220

Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe
225                 230                 235                 240
```

Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro
245 250 255

Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val
260 265 270

Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr
275 280 285

Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val
290 295 300

Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys
305 310 315 320

Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser
325 330 335

Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro
340 345 350

Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val
355 360 365

Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly
370 375 380

Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp
385 390 395 400

Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp
405 410 415

Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His
420 425 430

Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
435 440 445

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 184
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 215
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 184
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Lys Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr Asn Ser Tyr Pro Pro
85 90 95

Phe Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala
100 105 110

Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser
115 120 125

Gly Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu
130 135 140

Ala Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser
145 150 155 160

Gln Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu
165 170 175

Ser Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val
180 185 190

Tyr Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys
195 200 205

Ser Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210 215

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 185
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 185
Phe Thr Phe Ser Ser Tyr Ala Met Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 186
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 17
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 186
Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Ser Tyr Ala Asp Ser Val Lys
1 5 10 15

Gly

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 187
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 187
Ala Lys Pro Ser Leu Ala Thr Met Leu Ala Phe Asp Ile
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 188
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 188
Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 189
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 189
Asp Ala Ser Ser Leu Glu Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 190
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 190
Gln Gln Ser Lys Ser Tyr Pro Arg Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 191
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 191
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

```
Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
        35                  40                  45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Ser Tyr Ala Asp Ser Val
    50                  55                  60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65                  70                  75                  80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95

Ala Lys Pro Ser Leu Ala Thr Met Leu Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 192
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 192

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                   10                  15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45
```

Tyr Asp Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50   55   60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65   70   75   80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ser Lys Ser Tyr Pro Arg
                85   90   95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
            100   105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 193
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 193
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1   5   10   15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
            20   25   30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
        35   40   45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Ser Tyr Ala Asp Ser Val
    50   55   60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr

65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Lys Pro Ser Leu Ala Thr Met Leu Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln
100 105 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
115 120 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
130 135 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145 150 155 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
165 170 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
180 185 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
195 200 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
210 215 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225 230 235 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
245 250 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu

260 265 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
275 280 285

Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
290 295 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305 310 315 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
325 330 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
340 345 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
355 360 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
370 375 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385 390 395 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
405 410 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
420 425 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
435 440 445

Gly Lys

450

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 194
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 194

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Trp
            20                  25                  30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Asp Ala Ser Ser Leu Glu Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ser Lys Ser Tyr Pro Arg
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125
```

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
130 135 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145 150 155 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
165 170 175

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 195
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 195
Gly Ser Ile Ser Ser Ser Val Tyr Tyr Trp Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 196
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 196
Ser Ile Leu Val Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Lys Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 197
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 197
Ala Arg Ala Val Ser Phe Leu Asp Val
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 198
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 198
Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Tyr Leu Asn
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 199
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 199
Gly Ala Ser Ser Leu Gln Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 200
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 200
Gln Gln Ser Tyr Asp Pro Pro Trp Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 201
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 117
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 201
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Ser
20 25 30

Val Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

```
Trp Ile Gly Ser Ile Leu Val Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Ala Val Ser Phe Leu Asp Val Trp Gly Gln Gly Thr Met
            100                 105                 110

Val Ile Val Ser Ser
        115
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 202
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 Cadena ligera variable

SECUENCIA SEQ ID No: 202

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                   10                  15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Gly Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60
```

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ser Tyr Asp Pro Pro Trp
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 203
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 447
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 203
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Ser
20 25 30

Val Tyr Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
35 40 45

Trp Ile Gly Ser Ile Leu Val Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
50 55 60

Leu Lys Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65 70 75 80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
85 90 95

```
Cys Ala Arg Ala Val Ser Phe Leu Asp Val Trp Gly Gln Gly Thr Met
            100                 105                 110

Val Ile Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu
        115                 120                 125

Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys
    130                 135                 140

Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser
145                 150                 155                 160

Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser
                165                 170                 175

Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser
            180                 185                 190

Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn
        195                 200                 205

Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His
    210                 215                 220

Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val
225                 230                 235                 240

Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr
                245                 250                 255

Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu
            260                 265                 270

Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys
        275                 280                 285
```

```
Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser
    290                 295                 300

Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys
305                 310                 315                 320

Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile
                325                 330                 335

Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro
            340                 345                 350

Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu
        355                 360                 365

Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn
    370                 375                 380

Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser
385                 390                 395                 400

Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg
                405                 410                 415

Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu
            420                 425                 430

His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
        435                 440                 445
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 204
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 214
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 Cadena ligera de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 204

```
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1               5                  10                  15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Ser Ser Tyr
            20                  25                  30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
        35                  40                  45

Tyr Gly Ala Ser Ser Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
    50                  55                  60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
65                  70                  75                  80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ser Tyr Asp Pro Pro Trp
                85                  90                  95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr Val Ala Ala
            100                 105                 110

Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln Leu Lys Ser Gly
        115                 120                 125

Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr Pro Arg Glu Ala
    130                 135                 140

Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser Gly Asn Ser Gln
145                 150                 155                 160

Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr Tyr Ser Leu Ser
                165                 170                 175
```

Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys His Lys Val Tyr
180 185 190

Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro Val Thr Lys Ser
195 200 205

Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 205
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 205
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 206
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 206
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 207
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 207

Arg	Val	Thr	Ile	Ser	Val	Asp	Thr	Ser	Lys	Asn	Gln	Phe	Ser	Leu	Lys
1				5				10					15		

Leu	Ser	Ser	Val	Thr	Ala	Ala	Asp	Thr	Ala	Val	Tyr	Tyr	Cys		
		20					25					30			

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 208
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 208

Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Leu	Val	Thr	Val	Ser	Ser
1				5				10		

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 209
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 209
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
            20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 210
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 210
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 211
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 211
Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
            20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 212
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 212
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 213
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 213
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcagc agtagtagtt actactgggg ctggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggct ggagtggatt gggaacatct attatagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagtcacc atatccgtag acacgtccaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagagaa 300

ggatcttacc ccaattggtt tgatccatgg ggacagggta cattggtcac cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 214
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15461 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 214
gaaatagtga tgacgcagtc tccagccacc ctgtctgtgt ctccagggga aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gagtgttagc agcaacttag cctggtacca gcagaaacct 120

ggccaggctc ccaggctcct catctatggt gcatccacca gggccactgg tatcccagcc 180

aggttcagtg gcagtgggtc tgggacagag ttcactctca ccatcagcag cctgcagtct 240

gaagattttg cagtttatta ctgtcagcag taccactcct tccctttcac ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 215
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 215
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 216
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 216
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 217
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 217
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 218
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 218
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 219
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 219
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 220
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 220
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 221
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 221
Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 222
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 222
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 223
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 223
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcaag agtggtagtc actactgggg ctggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggct ggagtggatt gggaacatct attatagtgg
gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaggag tcgagtcacc atatccgtag acacgtccaa
gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg
cgccagggaa 300

ggatcttacc ccaattggtt tgatccatgg ggacagggta cattggtcac
cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 224
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20500 Cadena ligera variable que
codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 224
gaaatagtga tgacgcagtc tccagccacc ctgtctgtgt ctccagggga
aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gagtgttagc agcaacttag cctggtacca
gcagaaacct 120

ggccaggctc ccaggctcct catctatggt gcatccacca gggccactgg
tatcccagcc 180

aggttcagtg gcagtgggtc tgggacagag ttcactctca ccatcagcag
cctgcagtct 240

gaagattttg cagtttatta ctgtcagcag taccactcct tccctttcac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 225
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 225
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 226
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 226
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 227
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 227
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 228
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 228
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 229
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 229
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 230
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 230
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 231
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 231
Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 232
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 232
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 233
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 233
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcaag agtggtagtc actactgggg ctggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggct ggagtggatt gggaacatct attatagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagtcacc atatccgtag acacgtccaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagagaa 300

ggatcttacc ccaattggtt ggatccatgg ggacagggta cattggtcac cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 234
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20501 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 234
gaaatagtga tgacgcagtc tccagccacc ctgtctgtgt ctccagggga aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gagtgttagc agcaacttag cctggtacca gcagaaacct 120

ggccaggctc ccaggctcct catctatggt gcatccacca gggccactgg
tatcccagcc 180

aggttcagtg gcagtgggtc tgggacagag ttcactctca ccatcagcag
cctgcagtct 240

gaagattttg cagtttatta ctgtcagcag taccactcct tccctttcac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 235
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 235
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 236
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 236
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 237
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 237
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 238
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 238
Trp Gly Gln Gly Ile Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 239
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 y 20502.1 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 239
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
            20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 240
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 y 20502.1 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 240
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 241
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 y 20502.1 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 241
Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
            20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 242
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo20502 y 20502.1 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 242
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 243
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502.1 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 243
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcaag agtggtagtt actactgggg ctggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggct ggagtggatt gggaacatct attatagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagtcacc atatccgtag acacgtccaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagagaa 300

ggatcttacc ccaatcagtt tgatccatgg ggacagggta tattggtcac cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 244
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 y 20502.1 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 244
gaaatagtga tgacgcagtc tccagccacc ctgtctgtgt ctccagggga aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gagtgttagc agcaacttag cctggtacca gcagaaacct 120

ggccaggctc ccaggctcct catctatggt gcatccacca gggccactgg tatcccagcc 180

aggttcagtg gcagtgggtc tgggacagag ttcactctca ccatcagcag cctgcagtct 240

gaagattttg cagtttatta ctgtcagcag taccactcct tccctttcac ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 245
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 245
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
            20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 246
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 246
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 247
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 247
Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 248
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 248
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 249
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 249
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 250
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 250
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 251
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 251
Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 252
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 252
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 253
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 253
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcaag agtggtagtc actactgggg ctggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggct ggagtggatt gggaacatct attatagtgg
gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagtcacc atgtccgtag acacgtccaa
gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg
cgccagagaa 300

ggatcttacc ccaattggtt tgatccatgg ggacagggta cattggtcac
cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 254
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22208 Cadena ligera variable que
codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 254
gaaatagtga tgacgcagtc tccagccacc ctgtctgtgt ctccagggga
aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gtccgttagc accaacttag cctggtacca
gcagaaacct 120

ggccaggctc ccaggctcct catctatgac gcatccgcca gggtcactgg
tatcccagcc 180

aggttcagtg gcagtgggtc tgggacagag ttcactctca ccatcagcag
cctgcagtct 240

gaagattttg cagtttatta ctgtcagcag taccactcct tccctttcac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 255
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 255
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
  20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 256
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 256
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 257
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 257
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 258
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 258
Trp Gly Gln Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 259
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 259
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 260
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 260
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 261
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 261
Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 262
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 262
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 263
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 263
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcagc agtagtagtt actactgggg ctggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggct ggagtggatt gggaacatct attatagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagtcacc atatccgtag acacgtccaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagagaa 300

ggatcttaca caaccgtgtt aaacgtatgg ggtcagggta caatggtcac cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 264
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 324
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15462 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 264
gaaattgtgt tgacgcagtc tccaggcacc ctgtctttgt ctccagggga aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gagtgttagc agcagctact tagcctggta ccagcagaaa 120

cctggccagg ctcccaggct cctcatctat ggtgcatcca gcagggccac
tggcatccca 180

gacaggttca gtggcagtgg gtctgggaca gacttcactc tcaccatcag
cagactggag 240

cctgaagatt ttgcagtgta ttactgtcag caggccgcca gttaccctct
cacttttggc 300

ggagggacca aggttgagat caaa
324

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 265
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 265
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 266
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 266
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 267
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 267

Arg	Val	Thr	Ile	Ser	Val	Asp	Thr	Ser	Lys	Asn	Gln	Phe	Ser	Leu	Lys
1				5				10					15		

Leu	Ser	Ser	Val	Thr	Ala	Ala	Asp	Thr	Ala	Val	Tyr	Tyr	Cys		
		20					25					30			

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 268
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 268

Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Met	Val	Thr	Val	Ser	Ser
1				5				10		

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 269
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 269
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 270
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 270
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 271
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 271
Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 272
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 272
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 273
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 273
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcggg agggggagtt actactgggg ctggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggct ggagtggatt gggaacatct attatagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagtcacc atatccgtag acacgtccaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagagaa 300

ggatcttaca caaccgtgtt aaacgtatgg ggtcagggta caatggtcac cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 274
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 324
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22213 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de polinucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 274
gaaattgtgt tgacgcagtc tccaggcacc ctgtctttgt ctccagggga aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gagtgttgcc agcagccact tagcctggta ccagcagaaa 120

cctggccagg ctcccaggct cctcatctat gacgcagtca gcagggccac tggcatccca 180

gacaggttca gtggcagtgg gtctgggaca gacttcactc tcaccatcag cagactggag 240

cctgaagatt ttgcagtgta ttactgtcag caggccgcca gttaccctct cactttggc 300

ggagggacca aggttgagat caaa
324

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 275
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 275
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
            20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 276
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 276
Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 277
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 277
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 278
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 278
Trp Gly Arg Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 279
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 279
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 280
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 280
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 281
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 281
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 282
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 282
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 283
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 363
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 283
caggtgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcacagac cctgtccctc 60

acctgtactg tctctggtgg ctccatcagc agtggtggtt actactggag ctggatccgc 120

cagcacccag ggaagggcct ggagtggatt gggaacatct attacagtgg
gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagttacc atatcagtag acacgtctaa
gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg
cgccagagaa 300

tctagcacca tatctgccga cttcgaccta tgggggagag gtaccttggt
caccgtctcc 360

tca
363

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 284
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15465 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 284
gacatccaga tgacccagtc tccatcttcc gtgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgtc gggcgagtca gggtattagc aggtggttag cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctatgct gcatccagtt tgcaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagat ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gaagattttg caacttatta ctgtcagcag gcacacacct tcccttacac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 285
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 285
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Ala Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 286
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 286
Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 287
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 287
Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
            20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 288
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 288
Trp Gly Arg Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 289
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 289
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
            20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 290
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 290
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 291
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 291
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 292
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 292
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 293
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 363
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 293
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgtactg cctctggtgg ctccatcagc catggtgggt actactggag ctggatccgc 120

cagcacccag ggaagggcct ggagtggatt gggaacatct attacagtgg gagcacctac 180

tacaatccgt ccctcaagag tcgagttacc atgtcagtag acacgtctaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagagaa 300

tctagcacca tatctgccga cttcgaccta tgggggagag gtaccttggt caccgtctcc 360

tca
363

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 294
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20506 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 294
gacatccaga tgacccagtc tccatcttcc gtgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgtc gggcgagtca gggtattagc aggtggttag cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctatgct gcatccagtt tgcaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagat ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gaagattttg caacttatta ctgtcagcag gcacacacct tcccttacac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 295
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 295
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
  20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 296
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 296
Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 297
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 297
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 298
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 298
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 299
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 299
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 300
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 300
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 301
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 301
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 302
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 302
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 303
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 363
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 303
caggtgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcacagac cctgtccctc 60

acctgtactg tctctggtgg ctccatcagc agtggtggtt actactggag ctggatccgc 120

cagcacccag ggaagggcct ggagtggatt gggaacatct attacagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagttacc atatcagtag acacgtctaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagaggg 300

ttgagcacca tagacgaggc attcgaccca tggggacagg gtacattggt
caccgtctcc 360

tca
363

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 304
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15483 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 304
gacatccaga tgacccagtc tccttccacc ctgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgcc gggccagtca gagtattagt agctggttgg cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctataaa gcctccagtt tggaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagaa ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gatgattttg caacttatta ctgccagcag gacaacagtt acccttacac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 305
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 20513 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 305
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 306
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 306
Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 307
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 307
Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 308

I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 308
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 309
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 309
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 310
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 310
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr

1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 311
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 311
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 312
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 312
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 313
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 363
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 20513 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 313
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcagc gatggtagtt actactggag ctggatccgc 120

cagcacccag ggaagggcct ggagtggatt gggaacatct attacagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaggag tcgagttacc atgtcagtag acacgtctaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagaggg 300

ttgagcacca tagacgaggc attcgaccca tggggacagg gtacattggt caccgtctcc 360

tca
363

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 314
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20513 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 314
gacatccaga tgacccagtc tccttccacc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc 60

atcacttgcc gggccagtca gagtattagt agctggttgg cctggtatca gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctataaa gcctccagtt tggaaagtgg ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagaa ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gatgattttg caacttatta ctgccagcag gacaacagtt acccttacac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 315
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 315
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 316
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 316
Trp Ile Arg Gln His Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 317
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 317
Arg Val Thr Met Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 318
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 318
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 319
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 319
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 320
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 320
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 321
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 321
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 322
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 322
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 323
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 363
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 323
caggtgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcacagac cctgtccctc 60

acctgtactg tctctggtgg ctccatcagc gatggtagtt actactggag ctggatccgc 120

cagcacccag ggaagggcct ggagtggatt gggaacatct attacagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaggag tcgagttacc atgtcagtag acacgtctaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagaggg 300

ttgagcacca tagacgaggc attcgaccca tggggacagg gtacattggt caccgtctcc 360

tca
363

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 324
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 22216 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 324
gacatccaga tgacccagtc tccttccacc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc 60

atcacttgcc gggccagtaa aagtattagt tcctggttgg cctggtatca gcagaaacca 120

ggaaaagccc ctaagctcct gatctatgaa gcctcctcct tgcacagtgg ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagaa ttcactctca ccatcagcag cctgcagcct 240

gatgattttg caacttatta ctgccagcag gacaacagtt acccttacac ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 325
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 325
Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 326
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 326
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 327
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 327
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 328
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 328
Trp Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 329
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 329
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 330
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 330
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 331
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 331
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 332
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 332
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 333
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 366
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 333
caggtgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac
cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcagt agttactact ggagctggat
ccggcagccc 120

ccagggaagg gactggagtg gattgggtat atctatagta gtgggagcac
caactacaac 180

ccctccctca agagtcgagt caccatatca gtagacacgt ccaagaacca
gttctccctg 240

aagctgagtt ctgtgaccgc cgcagacacg gcggtgtact actgcgccag
aggctctgga 300

cagtatgcag ctcctgatta tggaatggac gtatggggcc agggaacaac
tgtcaccgtc 360

tcctca
366

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 334
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15489 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 334
gacatccaga tgacccagtc tccttccacc ctgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgcc gggccagtca gagtattagt agctggttgg cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctataaa gcctccagtt tggaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagaa ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gatgattttg caacttatta ctgccagcag gacaatagct tccctttcac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 335
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 335

Gln	Val	Gln	Leu	Gln	Glu	Ser	Gly	Pro	Gly	Leu	Val	Lys	Pro	Ser	Glu
1				5				10					15		

Thr	Leu	Ser	Leu	Thr	Cys	Thr	Val	Ser	Gly
		20				25			

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 336
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 336

Trp	Ile	Arg	Gln	Pro	Pro	Gly	Lys	Gly	Leu	Glu	Trp	Ile	Gly
1				5				10					

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 337
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 337

Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 338
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 338
Trp Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 339
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 339
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 340
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 340
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 341
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 341
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 342
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 342
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 343
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 366
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 343
caggtgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcatt agttactact gggggtggat ccggcagccc 120

ccagggaagg gactggagtg gattgggtat atctattcta gtgggagcac ctcgtacaac 180

ccctccctca agagtcgagt caccatatca gtagacacgt ccaagaacca gttctccctg 240

aagctgagtt ctgtgaccgc cgcagacacg gcggtgtact actgcgccag aggctctgga 300

ctgtatgcag ctcctgatta tggacttgac gtatggggtc agggaacaac tgtcaccgtc 360

tcctca
366

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 344
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20516 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 344

gacatccaga tgacccagtc tccttccacc ctgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgcc gggccagtca gagtattagt agctggttgg cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctataaa gcctccagtt tggaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagaa ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gatgattttg caacttatta ctgccagcag gacaatagct tccctttcac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 345
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 345
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 346
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: Anticuerpo 15472 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 346
Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 347
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 347
Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr Leu Gln
1 5 10 15

Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 348
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 348
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 349
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT

VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 349

Asp	Ile	Gln	Met	Thr	Gln	Ser	Pro	Ser	Ser	Leu	Ser	Ala	Ser	Val	Gly
1				5				10					15		

Asp	Arg	Val	Thr	Ile	Thr	Cys
		20				

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 350
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 350

Trp	Tyr	Gln	Gln	Lys	Pro	Gly	Lys	Ala	Pro	Lys	Leu	Leu	Ile	Tyr
1				5				10					15	

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 351
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 351

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Phe	Thr
1				5				10					15		

Leu	Thr	Ile	Ser	Ser	Leu	Gln	Pro	Glu	Asp	Phe	Ala	Thr	Tyr	Tyr	Cys

20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 352
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 352
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 353
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 353
gaggtgcagc tgttggagtc tgggggaggc ttggtacagc ctgggggtc
cctgagactc 60

tcctgtgcag cctctggatt cacctttagc agctatgcca tgagctgggt
ccgccaggct 120

ccagggaagg ggctggagtg ggtctcaacc attagtggta gtggtggtag
cacatactac 180

gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa
cacgctgtat 240

ctgcaaatga acagcctgag agccgaggac acggcggtgt actactgcgc
cagaggtgcc 300

ggacactacg acctcgtcgg acgatactgg ggacagggta cattggtcac
cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 354
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15472 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 354
gacatccaga tgacccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgcc gggcaagtca gagcattagc agctatttaa attggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctatgct gcatccagtt tgcaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagtg gcagtggatc tgggacagat ttcactctca ccatcagcag
tctgcaacct 240

gaagattttg caacttacta ctgtcagcaa ctatacagtc tccctcctac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 355
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 355

Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 356
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 356
Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 357
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 357
Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr Leu Gln
1 5 10 15

Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 358
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 358
Trp Gly Gln Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 359
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 359
Asp Ile Gln Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ser Val Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 360
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 360
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 361
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 361

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Asp	Phe	Thr
1				5				10					15		

Leu	Thr	Ile	Ser	Ser	Leu	Gln	Pro	Glu	Asp	Phe	Ala	Thr	Tyr	Tyr	Cys
			20					25					30		

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 362
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 362

Phe	Gly	Gly	Gly	Thr	Lys	Val	Glu	Ile	Lys
1				5				10	

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 363
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 351
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 363
gaggtgcagc tgttggagtc tgggggaggc ttggtacagc ctgggggggtc
cctgagactc 60

tcctgtgcag cctctggatt cacctttagc agctatgcca tgagctgggt
ccgccaggct 120

ccagggaagg ggctggagtg ggtctcagct attagtggta gtggtggtag
cacatactac 180

gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa
cacgctgtat 240

ctgcaaatga acagcctgag agccgaggac acggcggtgt actactgcgc
cagagtggga 300

ttcagagcat taaactactg gggacagggt acaactgtca ccgtctcctc a
351

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 364
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 324
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15503 Cadena ligera variable que
codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 364
gacatccagt tgacccagtc tccatcttcc gtgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgtc gggcgagtca ggatattagc agctggttag cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctatgct gcatccagtt tgcaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagat ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gaagattttg caacttatta ctgtcagcag gcaaccagtt accctccttg
gacttttggc 300

ggagggacca aggttgagat caaa
324

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 365
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 365
Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 366
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 366
Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 367
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 367
Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Ser Thr Ala Tyr Met Glu
1 5 10 15

Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 368
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 368
Trp Gly Arg Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 369
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 369
Glu Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 370
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 370
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 371
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 371
Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 372
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 372

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 373
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 373
caggtgcagc tggtgcagtc tggggctgag gtgaagaagc ctgggtcctc ggtgaaggtc 60

tcctgcaagg cttctggagg caccttcagc agctatgcta tcagctgggt gcgacaggcc 120

cctggacaag ggcttgagtg gatgggaggg atcatcccta tctttggtac agcaagctac 180

gcacagaagt tccagggcag agtcacgatt accgcggacg aatccacgag cacagcctac 240

atggagctga gcagcctgag atctgaggac acggcggtgt actactgcgc aagacagcaa 300

tacgacggta gacgatactt cggcctatgg gggagaggta ccttggtcac cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 374
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15495 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 374
gaaatagtga tgacgcagtc tccagccacc ctgtctgtgt ctccagggga
aagagccacc 60

ctctcctgca gggccagtca gagtgttagc agcaacttag cctggtacca
gcagaaacct 120

ggccaggctc ccaggctcct catctatagc gcatccacca gggccactgg
tatcccagcc 180

aggttcagtg gcagtgggtc tgggacagag ttcactctca ccatcagcag
cctgcagtct 240

gaagattttg cagtttatta ctgtcagcag gtcaacgtct ggcctcctac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 375
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 375
Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly
  20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 376
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 376
Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 377
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 377
Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Glu Ser Thr Ser Thr Ala Tyr Met Glu
1 5 10 15

Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 378
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 378
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 379
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 379
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 380
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 380
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 381
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 381
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Glu Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Asp Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 382
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 382
Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 383
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 348
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 383
caggtgcagc tggtgcagtc tggggctgag gtgaagaagc ctgggtcctc ggtgaaggtc 60

tcctgcaagg cttctggagg caccttcagc agctatgcta tcagctgggt gcgacaggcc 120

cctggacaag ggcttgagtg gatgggaggg atcatcccta tctttggtac agcaaactac 180

gcacagaagt tccagggcag agtcacgatt accgcggacg aatccacgag cacagcctac 240

atggagctga gcagcctgag atctgaggac acggcggtgt actactgcgc cagaggtggg 300

ccttggtttg atccatgggg acagggtaca ttggtcaccg tctcctca
348

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 384
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 324
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15478 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 384
gacatccaga tgacccagtc tccttccacc ctgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgcc gggccagtca gagtattagt agctggttgg cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctataaa gcctccagtt tggaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagaa ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gatgattttg caacttatta ctgccagcag tacaatagct accctccttt
cacttttggc 300

ggagggacca aggttgagat caaa
324

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 385
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 385

Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 386
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 386
Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 387
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 387
Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr Leu Gln
1 5 10 15

Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 388
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 388
Trp Gly Gln Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 389
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 389
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Thr Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 390
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 390
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 391
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 391

Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Glu	Phe	Thr
1				5				10					15		

Leu	Thr	Ile	Ser	Ser	Leu	Gln	Pro	Asp	Asp	Phe	Ala	Thr	Tyr	Tyr	Cys
		20					25					30			

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 392
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 392

Phe	Gly	Gly	Gly	Thr	Lys	Val	Glu	Ile	Lys
1				5				10	

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 393
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 360
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 393
gaggtgcagc tgttggagtc tgggggaggc ttggtacagc ctgggggggtc
cctgagactc 60

tcctgtgcag cctctggatt cacctttagc agctatgcca tgagctgggt
ccgccaggct 120

ccagggaagg ggctggagtg ggtctcagct attagtggta gtggtggtag
cacatcctac 180

gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa
cacgctgtat 240

ctgcaaatga acagcctgag agccgaggac acggcggtgt actactgcgc
caagccttct 300

ttggcaacaa tgttagcctt cgatatctgg ggtcagggta caatggtcac
cgtctcctca 360

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 394
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 15441 Cadena ligera variable que
codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 394
gacatccaga tgacccagtc tccttccacc ctgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgcc gggccagtca gagtattagt agctggttgg cctggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctatgat gcctccagtt tggaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagcg gcagtggatc tgggacagaa ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct 240

gatgattttg caacttatta ctgccagcag tccaaaagtt accctaggac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 395
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 395
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 396
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 396
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 397
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 397
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 398
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 398
Trp Gly Gln Gly Thr Met Val Ile Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 399
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VL FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 399
Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 400
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VL FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 400
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 401
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VL FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 401
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 402
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 VL FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 402

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 403
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 351
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 Cadena pesada variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 403
cagctgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc cttcggagac cctgtccctc 60

acctgcactg tctctggtgg ctccatcagc agtagtgttt actactggag ttggatccgc 120

cagcccccag ggaaggggtt ggagtggatt gggagtatcc tggtgagtgg gagcacctac 180

tacaacccgt ccctcaagag tcgagtcacc atatccgtag acacgtccaa gaaccagttc 240

tccctgaagc tgagttctgt gaccgccgca gacacggcgg tgtactactg cgccagagct 300

gtatccttct tagacgtatg gggtcagggt acaatggtca tcgtctcctc a 351

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 404
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20496 Cadena ligera variable que codifica la secuencia de nucleótidos

SECUENCIA SEQ ID No: 404
gacatccaga tgacccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga
cagagtcacc 60

atcacttgcc gggcaagtca gagcattagc agctatttaa attggtatca
gcagaaacca 120

gggaaagccc ctaagctcct gatctatggt gcatccagtt tgcaaagtgg
ggtcccatca 180

aggttcagtg gcagtggatc tgggacagat ttcactctca ccatcagcag
tctgcaacct 240

gaagattttg caacttacta ctgtcagcaa agctacgacc ccccttggac
ttttggcgga 300

gggaccaagg ttgagatcaa a
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 405
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Homo sapiens

SECUENCIA SEQ ID No: 405
Arg Thr Val Ala Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu
1 5 10 15

Gln Leu Lys Ser Gly Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe
20 25 30

Tyr Pro Arg Glu Ala Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln
35 40 45

Ser Gly Asn Ser Gln Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser
50 55 60

Thr Tyr Ser Leu Ser Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu
65 70 75 80

Lys His Lys Val Tyr Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser
85 90 95

Pro Val Thr Lys Ser Phe Asn Arg Gly Glu Cys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 406
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 321
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Homo sapiens

SECUENCIA SEQ ID No: 406
cggaccgtgg ctgcaccatc tgtcttcatc ttcccgccat ctgatgagca
gttgaaatct 60

ggaactgcct ctgttgtgtg cctgctgaat aacttctatc ccagagaggc
caaagtacag 120

tggaaggtgg ataacgccct ccaatcgggt aactcccagg agagtgtcac
agagcaggac 180

agcaaggaca gcacctacag cctcagcagc accctgacgc tgagcaaagc
agactacgag 240

aaacacaaag tctacgcctg cgaagtcacc catcagggcc tgagctcgcc
cgtcacaaag 300

agcttcaaca ggggagagtg t
321

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 407
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 330
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Homo sapiens

SECUENCIA SEQ ID No: 407
Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys
1 5 10 15

```
Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr
            20                  25                  30

Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser
        35                  40                  45

Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser
    50                  55                  60

Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr
65                  70                  75                  80

Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys
                85                  90                  95

Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys
            100                 105                 110

Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro
        115                 120                 125

Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys
    130                 135                 140

Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp
145                 150                 155                 160

Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu
                165                 170                 175

Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu
            180                 185                 190

His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn
        195                 200                 205
```

Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly
210 215 220

Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu
225 230 235 240

Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr
245 250 255

Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn
260 265 270

Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe
275 280 285

Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn
290 295 300

Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr
305 310 315 320

Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
325 330

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 408
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 990
II.- TIPO DE MOLÉCULA: ADN
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Homo sapiens

SECUENCIA SEQ ID No: 408
gcctccacca agggcccatc ggtcttcccc ctggcaccct cctccaagag
cacctctggg 60

ggcacagcgg ccctgggctg cctggtcaag gactacttcc ccgaaccggt
gacggtgtcg 120

tggaactcag gcgccctgac cagcggcgtg cacaccttcc cggctgtcct
acagtcctca 180

ggactctact ccctcagcag cgtggtgacc gtgccctcca gcagcttggg
cacccagacc 240

tacatctgca acgtgaatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagaa
agttgagccc 300

aaatcttgtg acaaaactca cacatgccca ccgtgcccag cacctgaact
cctgggggga 360

ccgtcagtct tcctcttccc cccaaaaccc aaggacaccc tcatgatctc
ccggaccct 420

gaggtcacat gcgtggtggt ggacgtgagc cacgaagacc ctgaggtcaa
gttcaactgg 480

tacgtggacg gcgtggaggt gcataatgcc aagacaaagc cgcgggagga
gcagtacaac 540

agcacgtacc gggtggtcag cgtcctcacc gtcctgcacc aggactggct
gaatggcaag 600

gagtacaagt gcaaggtctc caacaaagcc ctcccagccc ccatcgagaa
aaccatctcc 660

aaagccaaag ggcagccccg agaaccacag gtgtacaccc tgcccccatc
ccgggatgag 720

ctgaccaaga accaggtcag cctgacctgc ctggtcaaag gcttctatcc
cagcgacatc 780

gccgtggagt gggagagcaa tgggcagccg gagaacaact acaagaccac
gcctcccgtg 840

ctggactccg acggctcctt cttcctctac agcaagctca ccgtggacaa
gagcaggtgg 900

cagcagggga acgtcttctc atgctccgtg atgcatgagg ctctgcacaa
ccactacacg 960

cagaagagcc tctccctgtc tccgggtaaa
990

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 409

I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 493
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: B7-H4-huIgG1

SECUENCIA SEQ ID No: 409

```
Met Ala Ser Leu Gly Gln Ile Leu Phe Trp Ser Ile Ile Ser Ile Ile
1               5                  10                  15

Ile Ile Leu Ala Gly Ala Ile Ala Leu Ile Ile Gly Phe Gly Ile Ser
            20                  25                  30

Gly Arg His Ser Ile Thr Val Thr Thr Val Ala Ser Ala Gly Asn Ile
        35                  40                  45

Gly Glu Asp Gly Ile Leu Ser Cys Thr Phe Glu Pro Asp Ile Lys Leu
    50                  55                  60

Ser Asp Ile Val Ile Gln Trp Leu Lys Glu Gly Val Leu Gly Leu Val
65                  70                  75                  80

His Glu Phe Lys Glu Gly Lys Asp Glu Leu Ser Glu Gln Asp Glu Met
                85                  90                  95

Phe Arg Gly Arg Thr Ala Val Phe Ala Asp Gln Val Ile Val Gly Asn
            100                 105                 110

Ala Ser Leu Arg Leu Lys Asn Val Gln Leu Thr Asp Ala Gly Thr Tyr
        115                 120                 125

Lys Cys Tyr Ile Ile Thr Ser Lys Gly Lys Gly Asn Ala Asn Leu Glu
    130                 135                 140

Tyr Lys Thr Gly Ala Phe Ser Met Pro Glu Val Asn Val Asp Tyr Asn
```

```
145                 150                 155                 160

Ala Ser Ser Glu Thr Leu Arg Cys Glu Ala Pro Arg Trp Phe Pro Gln
                165                 170                 175

Pro Thr Val Val Trp Ala Ser Gln Val Asp Gln Gly Ala Asn Phe Ser
            180                 185                 190

Glu Val Ser Asn Thr Ser Phe Glu Leu Asn Ser Glu Asn Val Thr Met
        195                 200                 205

Lys Val Val Ser Val Leu Tyr Asn Val Thr Ile Asn Asn Thr Tyr Ser
    210                 215                 220

Cys Met Ile Glu Asn Asp Ile Ala Lys Ala Thr Gly Asp Ile Lys Val
225                 230                 235                 240

Thr Glu Ser Glu Ile Lys Arg Arg Ser His Leu Gln Leu Leu Asn Ser
                245                 250                 255

Lys Ala Ser Gly Ser Glu Pro Lys Ser Ser Asp Lys Thr His Thr Cys
            260                 265                 270

Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu
        275                 280                 285

Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu
    290                 295                 300

Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys
305                 310                 315                 320

Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys
                325                 330                 335

Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu
```

340 345 350

Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys
355 360 365

Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys
370 375 380

Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser
385 390 395 400

Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys
405 410 415

Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln
420 425 430

Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly
435 440 445

Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln
450 455 460

Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn
465 470 475 480

His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
485 490

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 410
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 385
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: B7-H4 IgV-huIgG1

SECUENCIA SEQ ID No: 410

```
Met Ala Ser Leu Gly Gln Ile Leu Phe Trp Ser Ile Ile Ser Ile Ile
1               5                  10                  15

Ile Ile Leu Ala Gly Ala Ile Ala Leu Ile Ile Gly Phe Gly Ile Ser
            20                  25                  30

Gly Arg His Ser Ile Thr Val Thr Thr Val Ala Ser Ala Gly Asn Ile
        35                  40                  45

Gly Glu Asp Gly Ile Leu Ser Cys Thr Phe Glu Pro Asp Ile Lys Leu
    50                  55                  60

Ser Asp Ile Val Ile Gln Trp Leu Lys Glu Gly Val Leu Gly Leu Val
65                  70                  75                  80

His Glu Phe Lys Glu Gly Lys Asp Glu Leu Ser Glu Gln Asp Glu Met
                85                  90                  95

Phe Arg Gly Arg Thr Ala Val Phe Ala Asp Gln Val Ile Val Gly Asn
            100                 105                 110

Ala Ser Leu Arg Leu Lys Asn Val Gln Leu Thr Asp Ala Gly Thr Tyr
        115                 120                 125

Lys Cys Tyr Ile Ile Thr Ser Lys Gly Lys Gly Asn Ala Asn Leu Glu
    130                 135                 140

Tyr Lys Thr Gly Ala Phe Ser Gly Ser Glu Pro Lys Ser Ser Asp Lys
145                 150                 155                 160

Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro
                165                 170                 175

Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser
```

```
            180                 185                 190

Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp
        195                 200                 205

Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn
    210                 215                 220

Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val
225                 230                 235                 240

Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu
                245                 250                 255

Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys
            260                 265                 270

Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr
        275                 280                 285

Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr
    290                 295                 300

Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu
305                 310                 315                 320

Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu
                325                 330                 335

Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys
            340                 345                 350

Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu
        355                 360                 365

Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly
```

370 375 380

Lys
385

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 411
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 411
Ser Gly Ser Val Phe Ser Ile Asp Ala Met
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 412
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 8
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 412
Leu Ser Gly Ile Ser Ser Ala Lys
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 413
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 413

```
Tyr Ala Asp Val Ser Thr Gly Trp Gly Arg Asp Ala His Gly Tyr Trp
1               5                  10                  15
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 414

I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 119

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT

VI.- FUENTE ORIGINAL:

(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 414

```
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Glu Val Gln Pro Gly Gly
1               5                  10                  15


Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Ser Val Phe Ser Ile Asp
            20                  25                  30


Ala Met Gly Trp Tyr Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gln Arg Glu Leu Val
        35                  40                  45


Ala Val Leu Ser Gly Ile Ser Ser Ala Lys Tyr Ala Ala Ser Ala Pro
    50                  55                  60


Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ala Lys Asn Thr Val Tyr Leu
65                  70                  75                  80


Gln Met Ser Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Tyr
                85                  90                  95


Ala Asp Val Ser Thr Gly Trp Gly Arg Asp Ala His Gly Tyr Trp Gly
            100                 105                 110


Gln Gly Thr Leu Val Thr Val
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 415
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 479
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 415

```
Glu Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Glu Val Gln Pro Gly Gly
1               5                  10                  15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Ser Val Phe Ser Ile Asp
            20                  25                  30

Ala Met Gly Trp Tyr Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gln Arg Glu Leu Val
        35                  40                  45

Ala Val Leu Ser Gly Ile Ser Ser Ala Lys Tyr Ala Ala Ser Ala Pro
    50                  55                  60

Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ala Lys Asn Thr Val Tyr Leu
65                  70                  75                  80

Gln Met Ser Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Tyr
                85                  90                  95

Ala Asp Val Ser Thr Gly Trp Gly Arg Asp Ala His Gly Tyr Trp Gly
            100                 105                 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Lys Pro Gly Gly Ser Gly Gly Ser Glu
        115                 120                 125

Val Gln Leu Leu Glu Ser Gly Gly Gly Glu Val Gln Pro Gly Gly Ser
```

```
    130                 135                 140

Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Ser Val Phe Ser Ile Asp Ala
145                 150                 155                 160

Met Gly Trp Tyr Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gln Arg Glu Leu Val Ala
                165                 170                 175

Val Leu Ser Gly Ile Ser Ser Ala Lys Tyr Ala Ala Ser Ala Pro Gly
            180                 185                 190

Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ala Lys Asn Thr Val Tyr Leu Gln
        195                 200                 205

Met Ser Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Tyr Ala
    210                 215                 220

Asp Val Ser Thr Gly Trp Gly Arg Asp Ala His Gly Tyr Trp Gly Gln
225                 230                 235                 240

Gly Thr Leu Val Thr Val Lys Pro Gly Gly Gly Gly Asp Lys Thr His
                245                 250                 255

Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val
            260                 265                 270

Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr
        275                 280                 285

Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu
    290                 295                 300

Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys
305                 310                 315                 320

Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser
```

325 330 335

Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys
340 345 350

Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile
355 360 365

Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro
370 375 380

Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu
385 390 395 400

Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn
405 410 415

Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser
420 425 430

Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg
435 440 445

Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu
450 455 460

His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
465 470 475

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 416
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 416
Glu Pro Lys Ser Ser Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 417
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 417
Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 418
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 418
Glu Ser Lys Tyr Gly Pro Pro Cys Pro Pro Cys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 419
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 6
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 419
Gly Gly Ser Gly Gly Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 420
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 420
Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 421
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 421
Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 422
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 422
Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 423
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 4
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 423
Gly Gly Gly Gly
1

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 424
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 5
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 424
Gly Gly Gly Gly Gly
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 425
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 6
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 425
Gly Gly Gly Gly Gly Gly
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 426
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 208
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 426
Val Ile His Val Thr Lys Glu Val Lys Glu Val Ala Thr Leu Ser Cys
1 5 10 15

Gly His Asn Val Ser Val Glu Glu Leu Ala Gln Thr Arg Ile Tyr Trp
20 25 30

Gln Lys Glu Lys Lys Met Val Leu Thr Met Met Ser Gly Asp Met Asn
35 40 45

Ile Trp Pro Glu Tyr Lys Asn Arg Thr Ile Phe Asp Ile Thr Asn Asn
50 55 60

Leu Ser Ile Val Ile Leu Ala Leu Arg Pro Ser Asp Glu Gly Thr Tyr
65 70 75 80

Glu Cys Val Val Leu Lys Tyr Glu Lys Asp Ala Phe Lys Arg Glu His
85 90 95

Leu Ala Glu Val Thr Leu Ser Val Lys Ala Asp Phe Pro Thr Pro Ser
100 105 110

Ile Ser Asp Phe Glu Ile Pro Thr Ser Asn Ile Arg Arg Ile Ile Cys

115 120 125

Ser Thr Ser Gly Gly Phe Pro Glu Pro His Leu Ser Trp Leu Glu Asn
130 135 140

Gly Glu Glu Leu Asn Ala Ile Asn Thr Thr Val Ser Gln Asp Pro Glu
145 150 155 160

Thr Glu Leu Tyr Ala Val Ser Ser Lys Leu Asp Phe Asn Met Thr Thr
165 170 175

Asn His Ser Phe Met Cys Leu Ile Lys Tyr Gly His Leu Arg Val Asn
180 185 190

Gln Thr Phe Asn Trp Asn Thr Thr Lys Gln Glu His Phe Pro Asp Asn
195 200 205

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 427
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 440
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 427
Val Ile His Val Thr Lys Glu Val Lys Glu Val Ala Thr Leu Ser Cys
1 5 10 15

Gly His Asn Val Ser Val Glu Glu Leu Ala Gln Thr Arg Ile Tyr Trp
20 25 30

Gln Lys Glu Lys Lys Met Val Leu Thr Met Met Ser Gly Asp Met Asn
35 40 45

Ile Trp Pro Glu Tyr Lys Asn Arg Thr Ile Phe Asp Ile Thr Asn Asn

```
    50                  55                  60

Leu Ser Ile Val Ile Leu Ala Leu Arg Pro Ser Asp Glu Gly Thr Tyr
65                  70                  75                  80

Glu Cys Val Val Leu Lys Tyr Glu Lys Asp Ala Phe Lys Arg Glu His
                85                  90                  95

Leu Ala Glu Val Thr Leu Ser Val Lys Ala Asp Phe Pro Thr Pro Ser
            100                 105                 110

Ile Ser Asp Phe Glu Ile Pro Thr Ser Asn Ile Arg Arg Ile Ile Cys
        115                 120                 125

Ser Thr Ser Gly Gly Phe Pro Glu Pro His Leu Ser Trp Leu Glu Asn
    130                 135                 140

Gly Glu Glu Leu Asn Ala Ile Asn Thr Thr Val Ser Gln Asp Pro Glu
145                 150                 155                 160

Thr Glu Leu Tyr Ala Val Ser Ser Lys Leu Asp Phe Asn Met Thr Thr
                165                 170                 175

Asn His Ser Phe Met Cys Leu Ile Lys Tyr Gly His Leu Arg Val Asn
            180                 185                 190

Gln Thr Phe Asn Trp Asn Thr Thr Lys Gln Glu His Phe Pro Asp Asn
        195                 200                 205

Glu Pro Lys Ser Ser Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala
    210                 215                 220

Pro Glu Leu Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro
225                 230                 235                 240

Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val
```

```
                245                 250                 255

Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val
            260                 265                 270

Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln
        275                 280                 285

Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln
    290                 295                 300

Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala
305                 310                 315                 320

Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro
                325                 330                 335

Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr
            340                 345                 350

Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser
        355                 360                 365

Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr
    370                 375                 380

Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr
385                 390                 395                 400

Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe
                405                 410                 415

Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys
            420                 425                 430

Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
```

435 440

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 428
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 440
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 428

Val Ile His Val Thr Lys Glu Val Lys Glu Val Ala Thr Leu Ser Cys
1 5 10 15

Gly His Asn Val Ser Val Glu Glu Leu Ala Gln Thr Arg Ile Tyr Trp
20 25 30

Gln Lys Glu Lys Lys Met Val Leu Thr Met Met Ser Gly Asp Met Asn
35 40 45

Ile Trp Pro Glu Tyr Lys Asn Arg Thr Ile Phe Asp Ile Thr Asn Asn
50 55 60

Leu Ser Ile Val Ile Leu Ala Leu Arg Pro Ser Asp Glu Gly Thr Tyr
65 70 75 80

Glu Cys Val Val Leu Lys Tyr Glu Lys Asp Ala Phe Lys Arg Glu His
85 90 95

Leu Ala Glu Val Thr Leu Ser Val Lys Ala Asp Phe Pro Thr Pro Ser
100 105 110

Ile Ser Asp Phe Glu Ile Pro Thr Ser Asn Ile Arg Arg Ile Ile Cys
115 120 125

Ser Thr Ser Gly Gly Phe Pro Glu Pro His Leu Ser Trp Leu Glu Asn

130 135 140

Gly Glu Glu Leu Asn Ala Ile Asn Thr Thr Val Ser Gln Asp Pro Glu
145 150 155 160

Thr Glu Leu Tyr Ala Val Ser Ser Lys Leu Asp Phe Asn Met Thr Thr
165 170 175

Asn His Ser Phe Met Cys Leu Ile Lys Tyr Gly His Leu Arg Val Asn
180 185 190

Gln Thr Phe Asn Trp Asn Thr Thr Lys Gln Glu His Phe Pro Asp Asn
195 200 205

Glu Pro Lys Ser Ser Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala
210 215 220

Pro Glu Phe Glu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro
225 230 235 240

Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val
245 250 255

Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val
260 265 270

Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln
275 280 285

Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln
290 295 300

Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala
305 310 315 320

Leu Pro Ala Ser Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro

325 330 335

Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr
340 345 350

Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser
355 360 365

Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr
370 375 380

Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr
385 390 395 400

Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe
405 410 415

Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys
420 425 430

Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys
435 440

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 429
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 122
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 429
Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Asp Asn

20 25 30

Tyr Met Ile Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
35 40 45

Gly Asp Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Thr Thr Phe Asn Gln Lys Phe
50 55 60

Lys Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Glu Ser Pro Tyr Phe Ser Asn Leu Tyr Val Met Asp Tyr Trp
100 105 110

Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 430
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 111
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 430
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Lys Ala Ser Gln Ser Val Asp Tyr Asp
20 25 30

Gly Asp Asn Tyr Met Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro

35 40 45

Arg Leu Leu Ile Tyr Ala Ala Ser Asn Leu Glu Ser Gly Ile Pro Ala
50 55 60

Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser
65 70 75 80

Ser Leu Glu Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys His Leu Ser Asn
85 90 95

Glu Asp Leu Ser Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105 110

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 431
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: GITR Anticuerpo

SECUENCIA SEQ ID No: 431
Gly Tyr Thr Phe Thr Asp Asn Tyr Met Ile
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 432
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 17
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 432
Asp Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Thr Thr Phe Asn Gln Lys Phe Lys

1 5 10 15

Gly

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 433
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 13
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 433
Glu Ser Pro Tyr Phe Ser Asn Leu Tyr Val Met Asp Tyr
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 434
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 434
Lys Ala Ser Gln Ser Val Asp Tyr Asp Gly Asp Asn Tyr Met Asn
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 435
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica

Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 435
Ala Ala Ser Asn Leu Glu Ser
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 436
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 436
His Leu Ser Asn Glu Asp Leu Ser Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 437
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 449
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 437
Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Asp Asn
20 25 30

Tyr Met Ile Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
35 40 45

Gly Asp Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Thr Thr Phe Asn Gln Lys Phe

```
    50                  55                  60

Lys Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr
65                  70                  75                  80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                85                  90                  95

Ala Arg Glu Ser Pro Tyr Phe Ser Asn Leu Tyr Val Met Asp Tyr Trp
            100                 105                 110

Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro
        115                 120                 125

Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Cys Ser Arg Ser Thr Ser Glu Ser Thr
    130                 135                 140

Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr
145                 150                 155                 160

Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro
                165                 170                 175

Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr
            180                 185                 190

Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Lys Thr Tyr Thr Cys Asn Val Asp
        195                 200                 205

His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Arg Val Glu Ser Lys Tyr
    210                 215                 220

Gly Pro Pro Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Phe Leu Gly Gly Pro
225                 230                 235                 240

Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser
```

245 250 255

Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser Gln Glu Asp
260 265 270

Pro Glu Val Gln Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn
275 280 285

Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Phe Asn Ser Thr Tyr Arg Val
290 295 300

Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu
305 310 315 320

Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Gly Leu Pro Ser Ser Ile Glu Lys
325 330 335

Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr
340 345 350

Leu Pro Pro Ser Gln Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr
355 360 365

Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu
370 375 380

Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val Leu
385 390 395 400

Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Arg Leu Thr Val Asp Lys
405 410 415

Ser Arg Trp Gln Glu Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu
420 425 430

Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Leu Gly

435 440 445

Lys

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 438
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 218
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CD80

SECUENCIA SEQ ID No: 438

Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Lys Ala Ser Gln Ser Val Asp Tyr Asp
20 25 30

Gly Asp Asn Tyr Met Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro
35 40 45

Arg Leu Leu Ile Tyr Ala Ala Ser Asn Leu Glu Ser Gly Ile Pro Ala
50 55 60

Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser
65 70 75 80

Ser Leu Glu Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys His Leu Ser Asn
85 90 95

Glu Asp Leu Ser Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg
100 105 110

Thr Val Ala Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu Gln

115 120 125

Leu Lys Ser Gly Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe Tyr
130 135 140

Pro Arg Glu Ala Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln Ser
145 150 155 160

Gly Asn Ser Gln Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser Thr
165 170 175

Tyr Ser Leu Ser Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu Lys
180 185 190

His Lys Val Tyr Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser Pro
195 200 205

Val Thr Lys Ser Phe Asn Arg Gly Glu Cys
210 215

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 439
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 268
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Homo sapiens

SECUENCIA SEQ ID No: 439
Pro Gly Trp Phe Leu Asp Ser Pro Asp Arg Pro Trp Asn Pro Pro Thr
1 5 10 15

Phe Ser Pro Ala Leu Leu Val Val Thr Glu Gly Asp Asn Ala Thr Phe
20 25 30

Thr Cys Ser Phe Ser Asn Thr Ser Glu Ser Phe Val Leu Asn Trp Tyr
35 40 45

```
Arg Met Ser Pro Ser Asn Gln Thr Asp Lys Leu Ala Ala Phe Pro Glu
    50                  55                  60

Asp Arg Ser Gln Pro Gly Gln Asp Cys Arg Phe Arg Val Thr Gln Leu
65                  70                  75                  80

Pro Asn Gly Arg Asp Phe His Met Ser Val Val Arg Ala Arg Arg Asn
                85                  90                  95

Asp Ser Gly Thr Tyr Leu Cys Gly Ala Ile Ser Leu Ala Pro Lys Ala
            100                 105                 110

Gln Ile Lys Glu Ser Leu Arg Ala Glu Leu Arg Val Thr Glu Arg Arg
        115                 120                 125

Ala Glu Val Pro Thr Ala His Pro Ser Pro Ser Pro Arg Pro Ala Gly
    130                 135                 140

Gln Phe Gln Thr Leu Val Val Gly Val Val Gly Gly Leu Leu Gly Ser
145                 150                 155                 160

Leu Val Leu Leu Val Trp Val Leu Ala Val Ile Cys Ser Arg Ala Ala
                165                 170                 175

Arg Gly Thr Ile Gly Ala Arg Arg Thr Gly Gln Pro Leu Lys Glu Asp
            180                 185                 190

Pro Ser Ala Val Pro Val Phe Ser Val Asp Tyr Gly Glu Leu Asp Phe
        195                 200                 205

Gln Trp Arg Glu Lys Thr Pro Glu Pro Pro Val Pro Cys Val Pro Glu
    210                 215                 220

Gln Thr Glu Tyr Ala Thr Ile Val Phe Pro Ser Gly Met Gly Thr Ser
225                 230                 235                 240
```

Ser Pro Ala Arg Arg Gly Ser Ala Asp Gly Pro Arg Ser Ala Gln Pro
245 250 255

Leu Arg Pro Glu Asp Gly His Cys Ser Trp Pro Leu
260 265

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 440
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 113
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: PD-1 región variable de cadena pesada

SECUENCIA SEQ ID No: 440
Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Asp Cys Lys Ala Ser Gly Ile Thr Phe Ser Asn Ser
20 25 30

Gly Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ala Val Ile Trp Tyr Asp Gly Ser Lys Arg Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Phe
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Thr Asn Asp Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser
100 105 110

Ser

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 441
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 327
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: PD-1 región constante de cadena pesada

SECUENCIA SEQ ID No: 441

```
Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val Phe Pro Leu Ala Pro Cys Ser Arg
1               5                  10                  15

Ser Thr Ser Glu Ser Thr Ala Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr
            20                  25                  30

Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser
        35                  40                  45

Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser
    50                  55                  60

Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Lys Thr
65                  70                  75                  80

Tyr Thr Cys Asn Val Asp His Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys
                85                  90                  95

Arg Val Glu Ser Lys Tyr Gly Pro Pro Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro
            100                 105                 110

Glu Phe Leu Gly Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys
        115                 120                 125
```

```
Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val
    130                 135                 140

Asp Val Ser Gln Glu Asp Pro Glu Val Gln Phe Asn Trp Tyr Val Asp
145                 150                 155                 160

Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Phe
                165                 170                 175

Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp
            180                 185                 190

Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Gly Leu
        195                 200                 205

Pro Ser Ser Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg
    210                 215                 220

Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Gln Glu Glu Met Thr Lys
225                 230                 235                 240

Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp
                245                 250                 255

Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys
            260                 265                 270

Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser
        275                 280                 285

Arg Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Glu Gly Asn Val Phe Ser
    290                 295                 300

Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser
305                 310                 315                 320
```

Leu Ser Leu Ser Leu Gly Lys
325

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 442
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: PD-1 región variable de cadena ligera

SECUENCIA SEQ ID No: 442
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Tyr
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Asp Ala Ser Asn Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Ser Ser Asn Trp Pro Arg
85 90 95

Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 443
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 107

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: PD-1 región constante de cadena ligera

SECUENCIA SEQ ID No: 443

```
Arg Thr Val Ala Ala Pro Ser Val Phe Ile Phe Pro Pro Ser Asp Glu
1               5                  10                  15


Gln Leu Lys Ser Gly Thr Ala Ser Val Val Cys Leu Leu Asn Asn Phe
            20                  25                  30


Tyr Pro Arg Glu Ala Lys Val Gln Trp Lys Val Asp Asn Ala Leu Gln
        35                  40                  45


Ser Gly Asn Ser Gln Glu Ser Val Thr Glu Gln Asp Ser Lys Asp Ser
    50                  55                  60


Thr Tyr Ser Leu Ser Ser Thr Leu Thr Leu Ser Lys Ala Asp Tyr Glu
65                  70                  75                  80


Lys His Lys Val Tyr Ala Cys Glu Val Thr His Gln Gly Leu Ser Ser
                85                  90                  95


Pro Val Thr Lys Ser Phe Asn Arg Gly Glu Cys
            100                 105
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 444
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR1 pesada de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 444

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Asp Cys Lys Ala Ser Gly Ile Thr Phe Ser
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 445
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 5
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CDR1 pesada de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 445
Asn Ser Gly Met His
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 446
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR2 pesada de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 446
Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 447
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 17
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CDR2 pesada de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 447
Val Ile Trp Tyr Asp Gly Ser Lys Arg Tyr Tyr Ala Asp Ser Val Lys
1 5 10 15

Gly

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 448
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR3 pesada de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 448
Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Phe Leu Gln
1 5 10 15

Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Thr
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 449
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 4
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CDR3 pesada de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 449
Asn Asp Asp Tyr
1

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 450
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR4 pesada de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 450
Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 451
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 23
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR1 ligera de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 451
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys
20

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 452
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CDR1 ligera de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 452

Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Tyr Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 453
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 15
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR2 ligera de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 453
Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile Tyr
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 454
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CDR2 ligera de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 454
Asp Ala Ser Asn Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 455
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 32
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR3 ligera de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 455

Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 456
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: CDR3 ligera de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 456
Gln Gln Ser Ser Asn Trp Pro Arg Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 457
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 10
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: FR4 ligera de PD-1

SECUENCIA SEQ ID No: 457
Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 458
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VH CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 458
Gly Ser Ile Lys Ser Gly Ser Tyr Tyr Trp Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 459
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 16
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VH CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 459
Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser Leu Arg Ser
1 5 10 15

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 460
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 12
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VH CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 460
Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Gln Phe Asp Pro
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 461
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VL CDR1

SECUENCIA SEQ ID No: 461
Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Asn Leu Ala
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 462
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 7
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VL CDR2

SECUENCIA SEQ ID No: 462
Gly Ala Ser Thr Arg Ala Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 463
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 9
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VL CDR3

SECUENCIA SEQ ID No: 463
Gln Gln Tyr His Ser Phe Pro Phe Thr
1 5

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 464
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 120
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 Cadena pesada variable

SECUENCIA SEQ ID No: 464

```
Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1               5                  10                  15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Lys Ser Gly
            20                  25                  30

Ser Tyr Tyr Trp Gly Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu
        35                  40                  45

Trp Ile Gly Asn Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Tyr Tyr Asn Pro Ser
    50                  55                  60

Leu Arg Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe
65                  70                  75                  80

Ser Leu Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr
                85                  90                  95

Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Gln Phe Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
        115                 120
```

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 465
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 26
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VH FR1

SECUENCIA SEQ ID No: 465

Gln Leu Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly
20 25

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 466
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 14
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VH FR2

SECUENCIA SEQ ID No: 466
Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
1 5 10

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 467
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 30
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VH FR3

SECUENCIA SEQ ID No: 467
Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Ser Leu Lys
1 5 10 15

Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
20 25 30

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 468
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 11

II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 VH FR4

SECUENCIA SEQ ID No: 468

Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Leu	Val	Thr	Val	Ser	Ser
1				5				10		

INFORMACIÓN PARA LA SEQ ID No: 469
I.- CARACTERÍSTICAS DE LA SECUENCIA:

(A) LONGITUD: 450
II.- TIPO DE MOLÉCULA: PRT
VI.- FUENTE ORIGINAL:
(A) ORGANISMO: Secuencia artificial

Característica
Otra información: Anticuerpo 20502 Cadena pesada de longitud completa

SECUENCIA SEQ ID No: 469

Gln	Leu	Gln	Leu	Gln	Glu	Ser	Gly	Pro	Gly	Leu	Val	Lys	Pro	Ser	Glu
1				5				10					15		

Thr	Leu	Ser	Leu	Thr	Cys	Thr	Val	Ser	Gly	Gly	Ser	Ile	Lys	Ser	Gly
		20					25					30			

Ser	Tyr	Tyr	Trp	Gly	Trp	Ile	Arg	Gln	Pro	Pro	Gly	Lys	Gly	Leu	Glu
		35					40					45			

Trp	Ile	Gly	Asn	Ile	Tyr	Tyr	Ser	Gly	Ser	Thr	Tyr	Tyr	Asn	Pro	Ser
	50					55					60				

Leu	Arg	Ser	Arg	Val	Thr	Ile	Ser	Val	Asp	Thr	Ser	Lys	Asn	Gln	Phe
65				70				75					80		

Ser	Leu	Lys	Leu	Ser	Ser	Val	Thr	Ala	Ala	Asp	Thr	Ala	Val	Tyr	Tyr
				85				90					95		

```
Cys Ala Arg Glu Gly Ser Tyr Pro Asn Gln Phe Asp Pro Trp Gly Gln
            100                 105                 110

Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val
        115                 120                 125

Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala Ala
    130                 135                 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser
145                 150                 155                 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val
                165                 170                 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro
            180                 185                 190

Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His Lys
        195                 200                 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys Asp
    210                 215                 220

Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly Gly
225                 230                 235                 240

Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile
                245                 250                 255

Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu
            260                 265                 270

Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His
        275                 280                 285
```

```
Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr Arg
    290                 295                 300

Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys
305                 310                 315                 320

Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile Glu
                325                 330                 335

Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr
            340                 345                 350

Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu
        355                 360                 365

Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp
    370                 375                 380

Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Val
385                 390                 395                 400

Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp
                405                 410                 415

Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His
            420                 425                 430

Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro
        435                 440                 445

Gly Lys
    450
```