

A

Cobertura de secuencia de proteínas: 29%
gi|5815436: Der f 15

1 METIYAILSI MACIGLMNAS IARDHNDYSK NPMRIVCYVG TWSVYHKVDP
51 YTIEDIDPFK CTHLMYGFPAK IDEYKYTIQV FDPYQDDNNH SWEKRGYERF
101 NNLRLENPEL TTMIISLGGWY EGSEKYSDMA ANPTYRQOQFI QSVLDFLOEY
151 KFDGLDLONE YPGSRLGNPK IDKQNYLALV RELKDAFEPH GYLLTAAVSP
201 GKDKIDRAYD IKELNKLFDW MNVMTYDYG GWENFYGHNA PLYKRPDETD
251 ELHTYFNVNY TMHYLLNNGA TRDKLVMGVF FYGRANSIED RSKLKLQDPA
301 KGMSPPGFIS GEEGVLSYIE LCQLFQKEEW HIQYDEYYNA PYGYNDRIWV
351 GYDDLASISC KLAFLKELGV SGVMVWSLEN DDFKGHGCGPK NPLLNKVHNM
401 INGDEKNSFE CILGPSTTTP TPTTPTTPT TPTTTPSPPT PTTTSPSTTP
451 TTTSPSTTPT TTPSPSTTPT TPTTPAPTTS TSPSTTTEHT SETPKYTTYV
501 DGHLIKCYKE GDIPHPTNIH KYLVCEPVNG GWWVHIMPCP PGTIWCQEKL
551 TCIGE

B

Cobertura de secuencia de proteínas: 18%
gi|27550039: Der f 18

1 MTRPSLTVLA VLAACFGSNI RPNVATLEPK TVCYYESWVH WRQEGEKMDP
51 EDIDTSLCTH IVYSYFGIDA ATHEIKLLDE YLMKDLHDME HPTQHKGNK
101 AMIAVGGSTM SDQFSKTAAY EHYRETFVVS TVDLMTRYGF DGVMLDWSGM
151 QAKDSDNFIK LLDKPFDEKFA HTSFVMGVTL PATIASYDNY NIPAISSNYVD
201 FBNVLSLDYT GSWAHTVGHA SPFPEQLKTL EAYHKGAPR HKMVMVAVPFY
251 ARTWILEKMN KQDIGDKASG PGPFGOPTOT DGFLSYNELC VOIQAETNAF
301 TITRDHDNTA IYAVYVHSNH AEWISFEDRH TLGERAKNIT QQGYAGMSVY
351 TLSNEDVHGV CGDKNPLLHA IQSNYYHGVV TEPTVVTLP VTHHTERVTD
401 IPGVFHCHEE GFFRDKTYCA TYECKKQDF GLEKTVHICA NHLQAFDEVS
451 RTCIDHTKIP GC

Cobertura de secuencia de proteínas: 16%
gi|5815436: Der f 15

C

1 METIYAILSI MACIGLMNAS IARDHNDYSK NPMRIVCYVG TWSVYHKVDP
51 YTIEDIDPFK CTHLMYGFPAK IDEYKYTIQV FDPYQDDNNH SWEKRGYERF
101 NNLRLENPEL TTMIISLGGWY EGSEKYSDMA ANPTYRQOQFI QSVLDFLOEY
151 KFDGLDLONE YPGSRLGNPK IDKQNYLALV RELKDAFEPH GYLLTAAVSP
201 GKDKIDRAYD IKELNKLFDW MNVMTYDYG GWENFYGHNA PLYKRPDETD
251 ELHTYFNVNY TMHYLLNNGA TRDKLVMGVF FYGRANSIED RSKLKLQDPA
301 KGMSPPGFIS GEEGVLSYIE LCQLFQKEEW HIQYDEYYNA PYGYNDRIWV
351 GYDDLASISC KLAFLKELGV SGVMVWSLEN DDFKGHGCGPK NPLLNKVHNM
401 INGDEKNSFE CILGPSTTTP TPTTPTTPT TPTTTPSPPT PTTTSPSTTP
451 TTTSPSTTPT TTPSPSTTPT TPTTPAPTTS TSPSTTTEHT SETPKYTTYV
501 DGHLIKCYKE GDIPHPTNIH KYLVCEPVNG GWWVHIMPCP PGTIWCQEKL
551 TCIGE

D

Cobertura de secuencia de proteínas: 18%
gi|27550039: Der f 18

1 MTRPSLTVLA VLAACFGSNI RPNVATLEPK TVCYYESWVH WRQEGEKMDP
51 EDIDTSLCTH IVYSYFGIDA ATHEIKLLDE YLMKDLHDME HPTQHKGNK
101 AMIAVGGSTM SDQFSKTAAY EHYRETFVVS TVDLMTRYGF DGVMLDWSGM
151 QAKDSDNFIK LLDKPFDEKFA HTSFVMGVTL PATIASYDNY NIPAISSNYVD
201 FBNVLSLDYT GSWAHTVGHA SPFPEQLKTL EAYHKGAPR HKMVMVAVPFY
251 ARTWILEKMN KQDIGDKASG PGPFGOPTOT DGFLSYNELC VOIQAETNAF
301 TITRDHDNTA IYAVYVHSNH AEWISFEDRH TLGERAKNIT QQGYAGMSVY
351 TLSNEDVHGV CGDKNPLLHA IQSNYYHGVV TEPTVVTLP VTHHTERVTD
401 IPGVFHCHEE GFFRDKTYCA TYECKKQDF GLEKTVHICA NHLQAFDEVS
451 RTCIDHTKIP GC

E

Cobertura de secuencia de proteínas: 56%
gi|5815436: Der f 15

1 METIYAILSI MACIGLMNAS IARDHNDYSK NPMRIVCYVG TWSVYHKVDP
51 YTIEDIDPFK CTHLMYGFPAK IDEYKYTIQV FDPYQDDNNH SWEKRGYERF
101 NNLRLENPEL TTMIISLGGWY EGSEKYSDMA ANPTYRQOQFI QSVLDFLOEY
151 KFDGLDLONE YPGSRLGNPK IDKQNYLALV RELKDAFEPH GYLLTAAVSP
201 GKDKIDRAYD IKELNKLFDW MNVMTYDYG GWENFYGHNA PLYKRPDETD
251 ELHTYFNVNY TMHYLLNNGA TRDKLVMGVF FYGRANSIED RSKLKLQDPA
301 KGMSPPGFIS GEEGVLSYIE LCQLFQKEEW HIQYDEYYNA PYGYNDRIWV
351 GYDDLASISC KLAFLKELGV SGVMVWSLEN DDFKGHGCGPK NPLLNKVHNM
401 INGDEKNSFE CILGPSTTTP TPTTPTTPT TPTTTPSPPT PTTTSPSTTP
451 TTTSPSTTPT TTPSPSTTPT TPTTPAPTTS TSPSTTTEHT SETPKYTTYV
501 DGHLIKCYKE GDIPHPTNIH KYLVCEPVNG GWWVHIMPCP PGTIWCQEKL
551 TCIGE

F

Cobertura de secuencia de proteínas: 28%
gi|27550039: Der f 18

1 MTRPSLTVLA VLAACFGSNI RPNVATLEPK TVCYYESWVH WRQEGEKMDP
51 EDIDTSLCTH IVYSYFGIDA ATHEIKLLDE YLMKDLHDME HPTQHKGNK
101 AMIAVGGSTM SDQFSKTAAY EHYRETFVVS TVDLMTRYGF DGVMLDWSGM
151 QAKDSDNFIK LLDKPFDEKFA HTSFVMGVTL PATIASYDNY NIPAISSNYVD
201 FBNVLSLDYT GSWAHTVGHA SPFPEQLKTL EAYHKGAPR HKMVMVAVPFY
251 ARTWILEKMN KQDIGDKASG PGPFGOPTOT DGFLSYNELC VOIQAETNAF
301 TITRDHDNTA IYAVYVHSNH AEWISFEDRH TLGERAKNIT QQGYAGMSVY
351 TLSNEDVHGV CGDKNPLLHA IQSNYYHGVV TEPTVVTLP VTHHTERVTD
401 IPGVFHCHEE GFFRDKTYCA TYECKKQDF GLEKTVHICA NHLQAFDEVS
451 RTCIDHTKIP GC

Figura 6