

[Figura 22]

Secuencia de aminoácidos la cadena liviana chB1 (SEQ ID NO: 28)

MVLQTQVFISLLLWISGAYGDIQMTQTASSLSASLGDRVTISCRASQDINNLYLNWYQQKPDGTVKLL
IYFTSRLHSGVPSRFSGSGSGTHYSLTITNLEQEDIATYFCQQGYPLPWTFGGGTKLEIKRAVAAPS
VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDSSTYLSSTLTLL
SKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC

Secuencia de señal (1-20), región variable de la cadena liviana (21-127), región
constante de la cadena liviana (128-234)

Fragmento de ADN que incluye la secuencia de ADN que codifican la secuencia de
aminoácidos de la cadena liviana chB1 (SEQ ID NO: 29)

ccagcctccggactctagagccaccATGGTGCTGCAGACCCAGGTGTTTCATCAGCCTGCTGCTGTGG
ATCAGCGGCGCCTACGGCGACATCCAGATGACCCAGACAGCCAGCAGCCTGAGCGCCAGCCTGGGCG
ATAGAGTGACCATCAGCTGCAGAGCCAGCCAGGACATCAACAACCTACCTGAACTGGTATCAGCAGAA
ACCCGACGGCACCGTGAAGCTGCTGATCTACTTCACCAGCAGACTGCACAGCGGCGTGCCGAGCAGA
TTTTCTGGCAGCGGCTCTGGCACCCACTACAGCCTGACCATCACCAACCTGGAACAGGAAGATATCG
CTACCTACTTCTGTGAGCAAGGCTACCCCTGCCCTGGACCTTTGGCGGCGGAACAAAGCTGGAAAT
CAAGCGGGCGCTGGCGGCTCCCTCCGTGTTTCATCTTTCCACCCAGCGACGAGCAGCTGAAGTCCGGC
ACAGCTAGCGTCTGTGCCTGCTGAACAACCTTCTACCCCGCGAGGCCAAGGTGCAGTGGAAGGTGG
ACAATGCCCTGCAGAGCGGCAACAGCCAGGAAAGCGTGACCGAGCAGGACAGCAAGGACTCCACCTA
CTCCCTGAGCAGCACCTGACCTGAGCAAGGCCGACTACGAGAAGCACAAGGTGTACGCCTGCCGAA
GTGACCCACCAGGGCCTGTCTAGCCCCGTGACCAAGAGCTTCAACCGGGGCGAGTGTtgagtttaaa
cgggggaggctaact

Secuencia de señal (26-85), región variable de la cadena liviana (86-406), región
constante de la cadena liviana (407-727)

[Figura 23]

Secuencia de aminoácidos de la región variable de la cadena liviana chB1 (SEQ ID NO: 30)

DIQMTQTASSLSASLGDRVTISCRASQDINNLYLNWYQQKPDGTVKLLIYFTSRLHSGVPSRFSGSGS
GTHYSLTITNLEQEDIATYFCQQGYPLPWTFGGGTKLEIK

Secuencia de nucleótidos que codifican la región variable de la cadena liviana chB1 (SEQ
ID NO: 31)

GACATCCAGATGACCCAGACAGCCAGCAGCCTGAGCGCCAGCCTGGGCGATAGAGTGACCATCAGCT
GCAGAGCCAGCCAGGACATCAACAACCTACCTGAACTGGTATCAGCAGAAACCCGACGGCACCGTGAA
GCTGCTGATCTACTTCACCAGCAGACTGCACAGCGGCGTGCCGAGCAGATTTTCTGGCAGCGGCTCT
GGCACCCACTACAGCCTGACCATCACCAACCTGGAACAGGAAGATATCGCTACCTACTTCTGTGAGC
AAGGCTACCCCTGCCCTGGACCTTTGGCGGCGGAACAAAGCTGGAAATCAAG