

<120> Título de la invención: ANTICUERPO ANTI-MUERTE PROGRAMADA-LIGANDO 1 Y SU USO

<160> Número de secuencias: 92

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<223> Otra Información: VH secuencia nucleotídica que codifica PD-L1 anticuerpo YN-002

tca 363

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<223> Otra Información: VH de PD-L1 anticuerpo YN-002

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Arg Lys Pro Gly Ser  
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr  
20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
           35                          40                          45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
       50                          55                          60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
       65                          70                          75                          80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
                           85                          90                          95

Ala Arg Thr Met Asp Gly Tyr Ser Tyr Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
                   100                          105                          110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser  
       115                          120

<210> SEQ ID NO: 3  
 <211> Longitud: 336  
 <212> Tipo: ADN  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: VL secuencia nucleotídica que codifica PD-L1 anticuerpo YN-002

<400> Secuencia: 3  
 cagtctgccc tgactcagcc tgcctccgtg tctgggtctc ctggacagtc gatcaccatc 60  
 tcctgcaccg gaaccagcag tgacgttggt gggtataact atgtctcctg gtaccaacag 120  
 caccagggca aagcccccaa actcctcatc tatggtaaca gcaatcggcc ctcaggggctc 180  
 cctgaccgat tctctggctc caagtctggc acctcagcct ccctggccat cactgggctc 240  
 caggctgagg atgaggctga ttattactgc cagtcctatg acagcagcct gagtgggttcg 300  
 gtattcggcg gagggaccaa gctgaccgtc ctaggc 336

<210> SEQ ID NO: 4  
 <211> Longitud: 112  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: VL de PD-L1 anticuerpo YN-002

<400> Secuencia: 4

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Ser Ser Asp Val Gly Gly Tyr  
20 25 30

Asn Tyr Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
35 40 45

Leu Ile Tyr Gly Asn Ser Asn Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe  
50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Thr Ser Ala Ser Leu Ala Ile Thr Gly Leu  
65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
85 90 95

Leu Ser Gly Ser Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
100 105 110

<210> SEQ ID NO: 5

<211> Longitud: 1353

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica que codifica la cadena pesada de PD-L1 anticuerpo YN-002

<400> Secuencia: 5

|                                                                    |     |
|--------------------------------------------------------------------|-----|
| caggtgcagc tgggtgcagtc tggggctgag gtaggaagc ctgggtcctc ggtgaaggtc  | 60  |
| tcctgcaagg cttctggagg caccttcagc agctatgcta tcagctgggt gcgacaggcc  | 120 |
| cctggacaag ggcttgagtg gatgggaagg atcatcccta tccttggtat agcaaactac  | 180 |
| gcacagaagt tccagggcag agtcacgatt accgcggaca aatccacgag cacagcctac  | 240 |
| atggagctga gcagcctgag atctgaggac acggccgtgt attactgtgc gagaacgatg  | 300 |
| gacggataca gctatggcaa ctttgactac tggggccagg gaaccctggg cactgtctcc  | 360 |
| tcagcgtcga ccaagggccc atcgggtcttc cccctggcac cctcctccaa gagcacctct | 420 |
| gggggcacag cggccctggg ctgcctgggc aaggactact tccccgaacc ggtgacggtg  | 480 |
| tcgtggaact caggcgccct gaccagcggc gtgcacacct tcccggctgt cctacagtcc  | 540 |

```

tcaggactct actccctcag cagcgtggtg accgtgccct ccagcagctt gggcaccacag      600
acctacatct gcaacgtgaa tcacaagccc agcaacacca aggtggacaa gaaagttgag      660
cccaaattctt gtgacaaaac tcacacatgc ccaccgtgcc cagcacctga actcctgggg      720
ggaccgtcag tcttcctctt cccccaaaaa cccaaggaca ccctcatgat ctcccggacc      780
cctgaggtca catgcggtgt ggtggacgtg agccacgaag accctgaggt caagttcaac      840
tggtacgtgg acggcgtgga ggtgcataat gccaaagacaa agccgcggga ggagcagtac      900
aacagcacgt accgtgtggt cagcgtcctc accgtcctgc accaggactg gctgaatggc      960
aaggagtaca agtgcaaggt ctccaacaaa gccctcccag ccccatcga gaaaaccatc     1020
tccaaagcca aagggcagcc ccgagaacca caggtgtaca ccctgcccc atcccgggat     1080
gagctgacca agaaccaggt cagcctgacc tgcttggtca aaggcttcta tcccagcgac     1140
atcgccgtgg agtgggagag caatgggcag ccggagaaca actacaagac cagcctccc     1200
gtgctggact ccgacggctc cttcttcctc tacagcaagc tcaccgtgga caagagcagg     1260
tggcagcagg ggaacgtctt ctcatgtctc gtgatgcatg aggtcttgca caaccactac     1320
acgcagaaga gcctctccct gtctccgggt aaa                                1353

```

<210> SEQ ID NO: 6

<211> Longitud: 451

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena pesada de PD-L1 anticuerpo YN-002

<400> Secuencia: 6

```

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Arg Lys Pro Gly Ser
1           5           10           15

```

```

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr
          20           25           30

```

```

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
          35           40           45

```

```

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe
          50           55           60

```

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
85 90 95

Ala Arg Thr Met Asp Gly Tyr Ser Tyr Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser  
115 120 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala  
130 135 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val  
145 150 155 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala  
165 170 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val  
180 185 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His  
195 200 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys  
210 215 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly  
225 230 235 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met  
245 250 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His  
260 265 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val  
275 280 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr  
 290 295 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly  
 305 310 315 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile  
 325 330 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val  
 340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser  
 355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu  
 370 375 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro  
 385 390 395 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val  
 405 410 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met  
 420 425 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser  
 435 440 445

Pro Gly Lys  
 450

<210> SEQ ID NO: 7

<211> Longitud: 651

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica que codifica la cadena ligera de PD-L1 anticuerpo YN-002

<400> Secuencia: 7

cagtctgccc tgactcagcc tgcctccgtg tctgggtctc ctggacagtc gatcaccatc

```

tcctgcaccg gaaccagcag tgacgttggt ggttataact atgtctcctg gtaccaacag      120
caccagggca aagcccccaa actcctcatc tatggtaaca gcaatcggcc ctgaggggctc      180
cctgaccgat tctctggctc caagtctggc acctcagcct ccctggccat cactgggctc      240
caggctgagg atgaggctga ttattactgc cagtcctatg acagcagcct gagtggttcg      300
gtattcggcg gagggaccaa gctgaccgtc ctagggcagc ccaaggctgc cccctcggctc      360
actctgttcc caccctcctc tgaggagctt caagccaaca aggccacact ggtgtgtctc      420
ataagtgact tctaccggg agccgtgaca gtggcctgga aggcagatag cagccccgtc      480
aaggcgggag tggagaccac cacaccctcc aaacaagca acaacaagta cgcgggccagc      540
agctacctga gcctgacgcc tgagcagtgg aagtcccaca gaagctacag ctgccaggctc      600
acgcatgaag ggagcaccgt ggagaagaca gtggccccta cagaatgttc a              651

```

<210> SEQ ID NO: 8

<211> Longitud: 217

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena ligera de PD-L1 anticuerpo YN-002

<400> Secuencia: 8

```

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln
1              5              10              15

```

```

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Ser Ser Asp Val Gly Gly Tyr
              20              25              30

```

```

Asn Tyr Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu
35              40              45

```

```

Leu Ile Tyr Gly Asn Ser Asn Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe
50              55              60

```

```

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Thr Ser Ala Ser Leu Ala Ile Thr Gly Leu
65              70              75              80

```

```

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser
85              90              95

```

```

Leu Ser Gly Ser Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly

```

|     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
|     | 100 |     | 105 |     | 110 |
| Gln | Pro | Lys | Ala | Ala | Pro |
|     | 115 |     |     |     | Ser |
| Val | Thr | Leu | Phe | Pro | Pro |
|     | 120 |     |     | 125 | Ser |
| Ser |     | Ser | Glu |     |     |
| Glu | Leu | Gln | Ala | Asn | Lys |
|     | 130 |     |     | 135 | Thr |
| Leu | Val | Cys | Leu | Ile | Ser |
|     |     | 140 |     |     | Asp |
| Phe |     |     |     |     |     |
| Tyr | Pro | Gly | Ala | Val | Thr |
|     | 145 |     |     | 150 | Val |
| Ala | Trp | Lys | Ala | Asp | Ser |
|     |     | 155 |     |     | Ser |
| Pro | Val |     |     |     |     |
|     | 160 |     |     |     |     |
| Lys | Ala | Gly | Val | Glu | Thr |
|     |     |     | 165 |     | Thr |
| Thr | Thr | Pro | Ser | Lys | Gln |
|     |     | 170 |     |     | Ser |
| Asn | Asn | Lys |     |     |     |
|     | 175 |     |     |     |     |
| Tyr | Ala | Ala | Ser | Ser | Tyr |
|     | 180 |     |     |     | Leu |
| Ser | Leu | Thr | Pro | Glu | Gln |
|     | 185 |     |     |     | Trp |
| Lys | Ser |     |     |     |     |
|     |     |     |     |     | 190 |
| His | Arg | Ser | Tyr | Ser | Cys |
|     | 195 |     |     |     | Gln |
| Val | Thr | His | Glu | Gly | Ser |
|     | 200 |     |     |     | Thr |
| Val | Glu |     |     |     |     |
|     | 205 |     |     |     |     |
| Lys | Thr | Val | Ala | Pro | Thr |
|     | 210 |     |     |     | Glu |
| Cys | Ser |     |     |     |     |
|     |     |     |     |     | 215 |

<210> SEQ ID NO: 9

<211> Longitud: 121

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: VH de PD-L1 anticuerpo YN-003

<400> Secuencia: 9

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Gln | Val | Gln | Leu | Val | Gln | Ser | Gly | Ala | Glu | Val | Lys | Lys | Pro | Gly | Ser |
| 1   |     |     | 5   |     |     |     |     |     | 10  |     |     |     |     | 15  |     |
| Ser | Val | Lys | Val | Ser | Cys | Lys | Ala | Ser | Gly | Gly | Thr | Phe | Ser | Ser | Tyr |
|     |     |     | 20  |     |     |     |     | 25  |     |     |     |     | 30  |     |     |
| Ala | Ile | Ser | Trp | Val | Arg | Gln | Ala | Pro | Gly | Gln | Gly | Leu | Glu | Trp | Met |
|     |     | 35  |     |     |     |     | 40  |     |     |     |     | 45  |     |     |     |
| Gly | Arg | Ile | Ile | Pro | Ile | Leu | Gly | Ile | Ala | Asn | Tyr | Ala | Gln | Lys | Phe |
|     | 50  |     |     |     |     | 55  |     |     |     |     | 60  |     |     |     |     |

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
85 90 95

Ala Arg Thr Met Asp Gly Tyr Ser Tyr Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser  
115 120

<210> SEQ ID NO: 10  
<211> Longitud: 363  
<212> Tipo: ADN  
<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
<223> Otra Información: VH secuencia nucleotídica que codifica PD-L1 anticuerpo YN-003

<400> Secuencia: 10  
cagggtgcagc tgggtgcagtc tggggctgag gtgaagaagc ctgggtcctc ggtgaaggtc 60  
tcctgcaagg cttctggagg caccttcagc agctatgcta tcagctgggt gcgacaggcc 120  
cctggacaag ggcttgagtg gatgggaagg atcatcccta tccttggtat agcaaactac 180  
gcacagaagt tccagggcag agtcacgatt accgcggaca aatccacgag cacagcctac 240  
atggagctga gcagcctgag atctgaggac acggccgtgt attactgtgc gagaacgatg 300  
gacggataca gctatggcaa ctttgactac tggggccagg gaaccctggt cactgtctcc 360  
tca 363

<210> SEQ ID NO: 11  
<211> Longitud: 112  
<212> Tipo: PRT  
<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
<223> Otra Información: VL de PD-L1 anticuerpo YN-003

<400> Secuencia: 11

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Ser Ser Asp Val Gly Gly Tyr  
 20 25 30

Asn Tyr Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
 35 40 45

Met Ile Tyr Gly Asn Ser Asn Arg Pro Ser Gly Val Ser Asn Arg Phe  
 50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
 65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
 85 90 95

Leu Ser Gly Ser Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 100 105 110

<210> SEQ ID NO: 12

<211> Longitud: 336

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: VL secuencia nucleotídica que codifica PD-L1 anticuerpo YN-003

<400> Secuencia: 12

cagtctgccc tgactcagcc tgcctccgtg tctgggtctc ctggacagtc gatcaccatc 60

tcctgcaccg gaaccagcag tgacgttggt gggtataact atgtctcctg gtaccaacag 120

caccagggca aagcccccaa actcatgatac tatggtaaca gcaatcggcc ctcaggggctc 180

tctaatacat tctctggctc caagtctggc aacacggcct ccctgaccat ctctgggctc 240

caggctgagg atgaggctga ttattactgc cagtcctatg acagcagcct gagtgggttcg 300

gtattcggcg gagggaccaa gctgaccgtc ctaggc 336

<210> SEQ ID NO: 13

<211> Longitud: 451

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena pesada de PD-L1 anticuerpo YN-003

<400> Secuencia: 13

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr  
 20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
 35 40 45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
 50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
 85 90 95

Ala Arg Thr Met Asp Gly Tyr Ser Tyr Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
 100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser  
 115 120 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala  
 130 135 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val  
 145 150 155 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala  
 165 170 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val  
 180 185 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His  
 195 200 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys  
 210 215 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly  
 225 230 235 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met  
 245 250 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His  
 260 265 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val  
 275 280 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr  
 290 295 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly  
 305 310 315 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile  
 325 330 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val  
 340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser  
 355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu  
 370 375 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro  
 385 390 395 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val  
 405 410 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met  
 420 425 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser  
 435 440 445

Pro Gly Lys  
450

<210> SEQ ID NO: 14  
<211> Longitud: 1353  
<212> Tipo: ADN  
<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica que codifica la cadena pesada de PD-L1 anticuerpo YN-003

<400> Secuencia: 14  
caggtgcagc tgggtgcagtc tggggctgag gtgaagaagc ctgggtcctc ggtgaaggtc 60  
tcctgcaagg cttctggagg caccttcagc agctatgcta tcagctgggt gcgacaggcc 120  
cctggacaag ggcttgagtg gatgggaagg atcatcccta tccttggtat agcaaactac 180  
gcacagaagt tccagggcag agtcacgatt accgcggaca aatccacgag cacagcctac 240  
atggagctga gcagcctgag atctgaggac acggccgtgt attactgtgc gagaacgatg 300  
gacggataca gctatggcaa ctttgactac tggggccagg gaaccctggg cactgtctcc 360  
tcagcgtcga ccaagggccc atcgggtcttc cccctggcac cctcctccaa gagcacctct 420  
gggggcacag cggccctggg ctgcctggtc aaggactact tccccgaacc ggtgacgggtg 480  
tcgtggaact caggcgcctt gaccagcggc gtgcacacct tcccggctgt cctacagtcc 540  
tcaggactct actccctcag cagcgtgggt accgtgccct ccagcagctt gggcacccag 600  
acctacatct gcaacgtgaa tcacaagccc agcaacacca aggtggacaa gaaagttgag 660  
cccaaattctt gtgacaaaac tcacacatgc ccaccgtgcc cagcacctga actcctgggg 720  
ggaccgtcag tcttctctct cccccaaaa cccaaggaca ccctcatgat ctcccggacc 780  
cctgagggtca catgcgtggg ggtggacgtg agccacgaag accctgaggt caagttcaac 840  
tggtacgtgg acggcgtgga ggtgcataat gccaaagaaa agccgcggga ggagcagtac 900  
aacagcacgt accgtgtggg cagcgtcctc accgtcctgc accaggactg gctgaatggc 960  
aaggagtaca agtgcaaggc ctccaacaaa gccctcccag ccccatcga gaaaaccatc 1020  
tccaaagcca aagggcagcc ccgagaacca cagggtgtaca ccctgcccc atcccgggat 1080  
gagctgacca agaaccaggc cagcctgacc tgcttgggtc aaggcttcta tcccagcgac 1140  
atcgccgtgg agtgggagag caatgggcag ccggagaaca actacaagac cacgcctccc 1200  
gtgctggact ccgacggctc cttcttctc tacagcaagc tcaccgtgga caagagcagg 1260

tggcagcagg ggaacgtctt ctcattgctcc gtgatgcatg aggctctgca caaccactac 1320

acgcagaaga gcctctccct gtctccgggt aaa 1353

<210> SEQ ID NO: 15

<211> Longitud: 217

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena ligera de PD-L1 anticuerpo YN-003; El segundo polipéptido de PD-L1/4-1BB anticuerpo biespecífico YN-007

<400> Secuencia: 15

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Ser Ser Asp Val Gly Gly Tyr  
20 25 30

Asn Tyr Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
35 40 45

Met Ile Tyr Gly Asn Ser Asn Arg Pro Ser Gly Val Ser Asn Arg Phe  
50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
85 90 95

Leu Ser Gly Ser Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
100 105 110

Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser Glu  
115 120 125

Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp Phe  
130 135 140

Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro Val  
145 150 155 160

Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn Lys  
165 170 175

Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys Ser  
180 185 190

His Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val Glu  
195 200 205

Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser  
210 215

```
<210> SEQ ID NO: 16
<211> Longitud: 651
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: Secuencia Artificial
```

<220> Característica:  
<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica que codifica la cadena ligera de PD-L1 anticuerpo YN-003;  
Nucleósido que codifica el segundo polipéptido de YN-007 Secuencia de ácidos

|                                                                   |     |
|-------------------------------------------------------------------|-----|
| <400> Secuencia: 16                                               |     |
| cagtctgccc tgactcagcc tgcctccgtg tctgggtctc ctggacagtc gatcaccatc | 60  |
| tctctgaccg gaaccagcag tgacgttggt ggttataact atgtctcctg gtaccaacag | 120 |
| caccagga aagccccaa actcatgac tatggtaaca gcaatcggcc ctcaggggtc     | 180 |
| tctaatacga tctctggctc caagtctggc aacacggcct ccctgaccat ctctgggctc | 240 |
| caggctgagg atgaggctga ttattactgc cagtcctatg acagcagcct gagtggttcg | 300 |
| gtattcggcg gagggaccaa gctgaccgtc ctaggccagc ccaaggctgc cccctcggtc | 360 |
| actctgttcc caccctctc tgaggagctt caagccaaca aggccacact ggtgtgtctc  | 420 |
| ataagtgact tctaccggg agccgtgaca gtggcctgga aggcagatag cagccccgtc  | 480 |
| aaggcgggag tggagaccac cacaccctcc aaacaaagca acaacaagta cgcggccagc | 540 |
| agctacctga gcctgacgcc tgagcagtgg aagtcccaca gaagctacag ctgccaggtc | 600 |
| acgcatgaag ggagcaccgt ggagaagaca gtggccccta cagaatgttc a          | 651 |

```
<210> SEQ ID NO: 17
<211> Longitud: 360
<212> Tipo: ADN
<213> Organismo: Secuencia Artificial
```

<220> Característica:

<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica de VH que codifica 4-1BB anticuerpo YN-005

<400> Secuencia: 17

```

caggtccagc tgggtgcagtc tgggggaggc ttggtacagc ctgggggggtc cctgagactc      60
tcctgtgcag cctctggatt caccttttagc agctatgccca tgagctgggt ccgccaggct      120
ccaggggaagg ggctggagtg ggtctcagct attagtggta gtggtggtag cacatactac      180
gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat      240
cttcaaataga acagcctgag agccgaggac acggccgtgt attactgtgc gaaaactaac      300
tggggcccct ctgatgcttt tgatatctgg ggccaaggga caatggtcac cgtctcctca      360

```

<210> SEQ ID NO: 18

<211> Longitud: 120

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: VH de 4-1BB anticuerpo YN-005

<400> Secuencia: 18

```

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1           5           10          15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
          20          25          30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
          35          40          45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
          50          55          60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65          70          75          80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
          85          90          95

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln
          100         105         110

```

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser  
115 120

<210> SEQ ID NO: 19  
<211> Longitud: 333  
<212> Tipo: ADN  
<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica de VL que codifica 4-1BB anticuerpo YN-005;  
Secuencia nucleotídica de VL que codifica YN-006

<400> Secuencia: 19  
cagagcgtct tgactcagcc accctcagcg tctgggaccc ccgggcagag ggtcaccatc 60  
tcttggttctg gaagcacctc cgacatcgga agttacagcg taaactggta ccagcagctc 120  
ccaggaacgg cccccaaact cctcatctat agtaataatc agcggccctc aggggtccct 180  
gaccgattct ctggctccaa gtctggcacc tcagcctccc tggccatcag tgggctccag 240  
tctgaggatg aggctgatta ttactgtgca gcatgggatg acagcctgaa tggttatgtc 300  
ttcggaactg ggaccaagct gaccgtccta ggt 333

<210> SEQ ID NO: 20  
<211> Longitud: 111  
<212> Tipo: PRT  
<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
<223> Otra Información: VL de 4-1BB anticuerpo humano YN-006; VL de YN-005  
<400> Secuencia: 20

Gln Ser Val Leu Thr Gln Pro Pro Ser Ala Ser Gly Thr Pro Gly Gln  
1 5 10 15

Arg Val Thr Ile Ser Cys Ser Gly Ser Thr Ser Asp Ile Gly Ser Tyr  
20 25 30

Ser Val Asn Trp Tyr Gln Gln Leu Pro Gly Thr Ala Pro Lys Leu Leu  
35 40 45

Ile Tyr Ser Asn Asn Gln Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser  
50 55 60

Gly Ser Lys Ser Gly Thr Ser Ala Ser Leu Ala Ile Ser Gly Leu Gln  
65 70 75 80

Ser Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Ala Ala Trp Asp Asp Ser Leu  
85 90 95

Asn Gly Tyr Val Phe Gly Thr Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
100 105 110

<210> SEQ ID NO: 21

<211> Longitud: 446

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena pesada de 4-1BB anticuerpo YN-005

<400> Secuencia: 21

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr  
20 25 30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val  
35 40 45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val  
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr  
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
85 90 95

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln  
100 105 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val  
115 120 125

Phe Pro Leu Ala Pro Cys Ser Arg Ser Thr Ser Glu Ser Thr Ala Ala  
130 135 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser  
145 150 155 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val  
165 170 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro  
180 185 190

Ser Ser Asn Phe Gly Thr Gln Thr Tyr Thr Cys Asn Val Asp His Lys  
195 200 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Thr Val Glu Arg Lys Cys Cys Val  
210 215 220

Glu Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Pro Val Ala Gly Pro Ser Val Phe  
225 230 235 240

Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro  
245 250 255

Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val  
260 265 270

Gln Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr  
275 280 285

Lys Pro Arg Glu Glu Gln Phe Asn Ser Thr Phe Arg Val Val Ser Val  
290 295 300

Leu Thr Val Val His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys  
305 310 315 320

Lys Val Ser Asn Lys Gly Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser  
325 330 335

Lys Thr Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro  
340 345 350

Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val  
355 360 365

Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly  
 370 375 380

Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Met Leu Asp Ser Asp  
 385 390 395 400

Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp  
 405 410 415

Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His  
 420 425 430

Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys  
 435 440 445

<210> SEQ ID NO: 22

<211> Longitud: 1338

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica que codifica la cadena pesada de 4-1BB anticuerpo YN-005

<400> Secuencia: 22

|                                                                     |     |
|---------------------------------------------------------------------|-----|
| caggtccagc tgggtgcagtc tgggggaggc ttggtacagc ctgggggggtc cctgagactc | 60  |
| tcctgtgcag cctctggatt cacctttagc agctatgccca tgagctgggt ccgccaggct  | 120 |
| ccaggggaagg ggctggagtg ggtctcagct attagtggta gtgggtggtag cacatactac | 180 |
| gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat   | 240 |
| cttcaaatac acagcctgag agccgaggac acggccgtgt attactgtgc gaaaactaac   | 300 |
| tggggcccct ctgatgcttt tgatatctgg ggccaaggga caatgggtcac cgtctcctca  | 360 |
| gcgtcgacca agggcccac ggtcttcccc ctggcgccct gctccaggag cacctccgag    | 420 |
| agcacagcgg ccctgggctg cctgggtcaag gactacttcc ccgaaccagt gacggtgtcg  | 480 |
| tggaaactcag gcgctctgac cagcggcgtg cacaccttcc cggctgtcct acagtcctca  | 540 |
| ggactctact ccctcagcag cgtagtgacc gtgccctcca gcaacttcgg caccagacc    | 600 |
| tacacctgca acgtagatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagac agttgagcgc   | 660 |
| aaatgtttgtg tcgagtgcc accgtgccc gcaccacctg tggcaggacc gtcagtcttc    | 720 |
| ctcttcccc caaaacccaa ggacaccctc atgatctccc ggaccctga gggtcacgtgc    | 780 |

```

gtggtggtgg acgtgagcca cgaagacccc gaggtccagt tcaactggta cgtggacggc      840
gtggaggtgc ataatgccaa gacaaagcca cgggaggagc agttcaacag cacgttccgt      900
gtggtcagcg tcctcaccgt cgtgcaccag gactggctga acggcaagga gtacaagtgc      960
aaggtctcca acaaaggcct cccagcccc atcgagaaaa ccatctccaa aaccaaaggg     1020
cagccccgag aaccacaggt gtacaccctg ccccatccc gggaggagat gaccaagaac     1080
caggtcagcc tgacctgcct ggtcaaaggc ttctacccca gcgacatcgc cgtggagtgg     1140
gagagcaatg ggcagccgga gaacaactac aagaccacac ctcccatgct ggactccgac     1200
ggctccttct tcctctacag caagctcacc gtggacaaga gcaggtggca gcaggggaac     1260
gtcttctcat gtcctgtgat gcatgaggct ctgcacaacc actacacaca gaagagcctc     1320
tccctgtctc cgggtaaa                                     1338

```

<210> SEQ ID NO: 23

<211> Longitud: 216

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena ligera de 4-1BB anticuerpo YN-005; YN-006  
cadena ligera

<400> Secuencia: 23

```

Gln Ser Val Leu Thr Gln Pro Pro Ser Ala Ser Gly Thr Pro Gly Gln
1           5           10           15

```

```

Arg Val Thr Ile Ser Cys Ser Gly Ser Thr Ser Asp Ile Gly Ser Tyr
          20           25           30

```

```

Ser Val Asn Trp Tyr Gln Gln Leu Pro Gly Thr Ala Pro Lys Leu Leu
          35           40           45

```

```

Ile Tyr Ser Asn Asn Gln Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser
          50           55           60

```

```

Gly Ser Lys Ser Gly Thr Ser Ala Ser Leu Ala Ile Ser Gly Leu Gln
65           70           75           80

```

```

Ser Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Ala Ala Trp Asp Asp Ser Leu
          85           90           95

```

Asn Gly Tyr Val Phe Gly Thr Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly Gln  
 100 105 110

Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser Glu Glu  
 115 120 125

Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp Phe Tyr  
 130 135 140

Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro Val Lys  
 145 150 155 160

Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn Lys Tyr  
 165 170 175

Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys Ser His  
 180 185 190

Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val Glu Lys  
 195 200 205

Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser  
 210 215

<210> SEQ ID NO: 24  
 <211> Longitud: 648  
 <212> Tipo: ADN  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: La secuencia nucleotídica de la cadena ligera de 4-1BB anticuerpo YN-005; Secuencia nucleotídica que codifica YN-006 cadena ligera

<400> Secuencia: 24  
 cagagcgtct tgactcagcc accctcagcg tctgggaccc ccgggcagag ggtcaccatc 60  
 tcttgttctg gaagcacctc cgacatcgga agttacagcg taaactggta ccagcagctc 120  
 ccaggaacgg cccccaaact cctcatctat agtaataatc agcggccctc aggggtccct 180  
 gaccgattct ctggctccaa gtctggcacc tcagcctccc tggccatcag tgggctccag 240  
 tctgaggatg aggctgatta ttactgtgca gcatgggatg acagcctgaa tggttatgtc 300  
 ttcggaactg ggaccaagct gaccgtccta ggctcagccca aggctgcccc ctcggtcact 360  
 ctgttccac cctcctctga ggagcttcaa gccacaagg ccacactggt gtgtctcata 420

```

agtgacttct acccgggagc cgtgacagtg gcctggaagg cagatagcag ccccgtaag      480
gcgggagtgg agaccaccac accctccaaa caaagcaaca acaagtacgc ggccagcagc      540
tacctgagcc tgacgcctga gcagtggaag tcccacagaa gctacagctg ccagggtcacg      600
catgaaggga gcaccgtgga gaagacagtg gccctacag aatgttca                      648

```

<210> SEQ ID NO: 25

<211> Longitud: 120

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: VH de 4-1BB anticuerpo humano YN-006

<400> Secuencia: 25

```

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1              5              10              15

```

```

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
              20              25              30

```

```

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
              35              40              45

```

```

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50              55              60

```

```

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65              70              75              80

```

```

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
              85              90              95

```

```

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln
100              105              110

```

```

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser
115              120

```

<210> SEQ ID NO: 26

<211> Longitud: 360

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica de VH que codifica 4-1BB anticuerpo YN-006

<400> Secuencia: 26

cagggtccagc tgggtggaatc tggggggaggc ttggtacagc ctggggggggtc cctgagactc 60

tcctgtgcag cctctggatt cacctttaqc agctatgcca tgaqctgggt ccgccaggct 120

ccaggggaagg ggctggagtg ggtctcagct attagtggta gtggtggtag cacatactac 180

gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240

cttcaaattga acagcctgaq agccgaaggac acggccgtgt attactgtgc gaaaactaac 300

tggggccctt ctgatgcttt tgatatctgg ggccaaggga caatgggtcac cgtctcctca 360

<210> SEQ ID NO: 27

<211> Longitud: 446

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena pesada de 4-1BB anticuerpo YN-006

<400> Secuencia: 27

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr  
20 25 30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val  
35 40 45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val  
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr  
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
85 90 95

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln  
100 105 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser Val  
 115 120 125

Phe Pro Leu Ala Pro Cys Ser Arg Ser Thr Ser Glu Ser Thr Ala Ala  
 130 135 140

Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val Ser  
 145 150 155 160

Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala Val  
 165 170 175

Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val Pro  
 180 185 190

Ser Ser Asn Phe Gly Thr Gln Thr Tyr Thr Cys Asn Val Asp His Lys  
 195 200 205

Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Thr Val Glu Arg Lys Cys Cys Val  
 210 215 220

Glu Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Pro Val Ala Gly Pro Ser Val Phe  
 225 230 235 240

Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met Ile Ser Arg Thr Pro  
 245 250 255

Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val  
 260 265 270

Gln Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr  
 275 280 285

Lys Pro Arg Glu Glu Gln Phe Asn Ser Thr Phe Arg Val Val Ser Val  
 290 295 300

Leu Thr Val Val His Gln Asp Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys  
 305 310 315 320

Lys Val Ser Asn Lys Gly Leu Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser  
 325 330 335

Lys Thr Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro  
                   340                                  345                                  350

Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val  
                   355                                  360                                  365

Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly  
           370                                  375                                  380

Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro Met Leu Asp Ser Asp  
   385                                  390                                  395                                  400

Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp  
                   405                                  410                                  415

Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His  
                   420                                  425                                  430

Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys  
                   435                                  440                                  445

<210> SEQ ID NO: 28

<211> Longitud: 1338

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica de cadena pesada que codifica  
 4-1BB anticuerpo YN-006

<400> Secuencia: 28

|                                                                     |     |
|---------------------------------------------------------------------|-----|
| caggtccagc tgggtggaatc tgggggaggc ttggtacagc ctgggggggtc cctgagactc | 60  |
| tcctgtgcag cctctggatt caccttttagc agctatgccca tgagctgggt ccgccaggct | 120 |
| ccaggggaagg ggctggagtg ggtctcagct attagtggta gtggtggtag cacatactac  | 180 |
| gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat   | 240 |
| cttcaaatac acagcctgag agccgaggac acggccgtgt attactgtgc gaaaactaac   | 300 |
| tggggcccct ctgatgcttt tgatatctgg ggccaaggga caatgggtcac cgtctcctca  | 360 |
| gcgtcgacca agggcccacg ggtcttcccc ctggcgccct gctccaggag cacctccgag   | 420 |
| agcacagcgg ccctgggctg cctgggtcaag gactacttcc ccgaaccagt gacggtgtcg  | 480 |
| tggaactcag gcgctctgac cagcggcggtg cacaccttcc cggctgtcct acagtcctca  | 540 |

```

ggactctact ccctcagcag cgtagtgacc gtgccctcca gcaacttcgg caccagacc      600
tacacctgca acgtagatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagac agttgagcgc      660
aaatgtttgtg tcgagtgtccc accgtgtccc gcaccacctg tggcaggacc gtcagtcttc      720
ctcttcccc caaaacccaa ggacaccctc atgatctccc ggaccctga ggtcacgtgc      780
gtggtggtgg acgtgagcca cgaagacccc gaggtccagt tcaactggta cgtggacggc      840
gtggaggtgc ataatgccaa gacaaagcca cgggaggagc agttcaacag cacgttccgt      900
gtggtcagcg tcctcaccgt cgtgcaccag gactggctga acggcaagga gtacaagtgc      960
aaggtctcca acaaaggcct ccagcccc atcgagaaaa ccatctccaa aaccaaaggg      1020
cagccccgag aaccacaggt gtacaccctg ccccatccc gggaggagat gaccaagaac      1080
caggtcagcc tgacctgcct ggtcaaaggc ttctacccca gcgacatcgc cgtggagtgg      1140
gagagcaatg ggcagccgga gaacaactac aagaccacac ctcccatgct ggactccgac      1200
ggctccttct tcctctacag caagctcacc gtggacaaga gcaggtggca gcaggggaac      1260
gtcttctcat gctccgtgat gcatgaggct ctgcacaacc actacacaca gaagagcctc      1320
tccctgtctc cgggtaaa

```

<210> SEQ ID NO: 29

<211> Longitud: 2139

<212> Tipo: ADN

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Secuencia nucleotídica que codifica el primer polipéptido de PD-L1/CD137 anticuerpo biespecífico YN-007

<400> Secuencia: 29

```

caggtgcagc tgggtgcagtc tggggctgag gtgaagaagc ctgggtcctc ggtgaaggtc      60
tcctgcaagg cttctggagg caccttcagc agctatgcta tcagctgggt gcgacaggcc      120
cctggacaag ggcttgagtg gatgggaagg atcatcccta tccttggtat agcaaactac      180
gcacagaagt tccagggcag agtcacgatt accgcggaca aatccacgag cacagcctac      240
atggagctga gcagcctgag atctgaggac acggccgtgt attactgtgc gagaacgatg      300
gacggataca gctatggcaa ctttgactac tggggccagg gaaccctggg cactgtctcc      360
tcagcgtcga ccaagggccc atcgggtcttc cccctggcac cctcctccaa gagcacctct      420
gggggcacag cggccctggg ctgcctggtc aaggactact tccccgaacc ggtgacgggtg      480

```

|                                                                     |      |
|---------------------------------------------------------------------|------|
| tcgtggaact caggcgccct gaccagcggc gtgcacacct tcccggctgt cctacagtcc   | 540  |
| tcaggactct actccctcag cagcgtggtg accgtgccct ccagcagctt gggcacccag   | 600  |
| acctacatct gcaacgtgaa tcacaagccc agcaacacca aggtggacaa gaaagttgag   | 660  |
| cccaaattctt gtgacaaaac tcacacatgc ccaccgtgcc cagcacctga actcctgggg  | 720  |
| ggaccgtcag tcttcctctt cccccaaaa cccaaggaca ccctcatgat ctcccggacc    | 780  |
| cctgaggtca catgcgtggt ggtggacgtg agccacgaag accctgaggt caagttcaac   | 840  |
| tggtacgtgg acggcgtgga ggtgcataat gccaaagaaa agccgcggga ggagcagtac   | 900  |
| gcaagcacgt accgtgtggt cagcgtcctc accgtcctgc accaggactg gctgaatggc   | 960  |
| aaggagtaca agtgcaagggt ctccaacaaa gccctccag ccccatcga gaaaaccatc    | 1020 |
| tccaaagcca aagggcagcc ccgagaacca caggtgtaca ccctgcccc atcccgggaa    | 1080 |
| gagatgacca agaaccagggt cagcctgacc tgcttgggtca aaggcttcta tcccagcgac | 1140 |
| atcgccgtgg agtgggagag caatgggcag ccggagaaca actacaagac cacgcctccc   | 1200 |
| gtgctggact ccgacggctc cttcttcctc tacagcaagc tcaccgtgga caagagcagg   | 1260 |
| tggcagcagg ggaacgtctt ctcatgctcc gtgatgcatg aggtcttgca caaccactac   | 1320 |
| acgcagaaga gcctctccct gtctccgggt ggcggtggaa gcggcgggtg cggaagcggc   | 1380 |
| ggtggcggca gccagggtcca gctggtggaa tctgggggag gcttggtaca gcctgggggg  | 1440 |
| tccctgagac tctcctgtgc agcctctgga ttacacctta gcagctatgc catgagctgg   | 1500 |
| gtccgccagg ctccagggaa ggggctggag tgggtctcag ctattagtgg tagtgggtgt   | 1560 |
| agcacatact acgcagactc cgtgaagggc cggttcacca tctccagaga caattccaag   | 1620 |
| aacacgctgt atcttcaaat gaacagcctg agagccgagg acacggccgt gtattactgt   | 1680 |
| gcgaaaacta actggggccc ctctgatgct ttgatatact ggggccaaagg gacaatggtc  | 1740 |
| accgtctcct cagcctccac cgggtggcggg ggaagcggcg gtggcggaag cggcgggtggc | 1800 |
| ggcagccaga gcgtcttgac tcagccaccc tcagcgtctg ggacccccgg gcagagggtc   | 1860 |
| accatctctt gttctggaag cacctccgac atcggaagtt acagcgtaaa ctggtaccag   | 1920 |
| cagctcccag gaacggcccc caaactcctc atctatagta ataatcagcg gccctcaggg   | 1980 |
| gtccctgacc gattctctgg ctccaagtct ggcacctcag cctccctggc catcagtggg   | 2040 |
| ctccagtctg aggatgaggc tgattattac tgtgcagcat gggatgacag cctgaatggt   | 2100 |
| tatgtcttcg gaactgggac caagctgacc gtcctagggt                         | 2139 |

<210> SEQ ID NO: 30  
 <211> Longitud: 713  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: El primer polipéptido de PD-L1/CD137 anticuerpo  
 biespecífico YN-007  
  
 <400> Secuencia: 30  
  
 Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
 1 5 10 15  
  
 Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser Ser Tyr  
 20 25 30  
  
 Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
 35 40 45  
  
 Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
 50 55 60  
  
 Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
 65 70 75 80  
  
 Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
 85 90 95  
  
 Ala Arg Thr Met Asp Gly Tyr Ser Tyr Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
 100 105 110  
  
 Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser  
 115 120 125  
  
 Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala  
 130 135 140  
  
 Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val  
 145 150 155 160  
  
 Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala  
 165 170 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val  
 180 185 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His  
 195 200 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys  
 210 215 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly  
 225 230 235 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met  
 245 250 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His  
 260 265 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val  
 275 280 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Ala Ser Thr Tyr  
 290 295 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly  
 305 310 315 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile  
 325 330 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val  
 340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser  
 355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu  
 370 375 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro  
 385 390 395 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val  
 405 410 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met  
 420 425 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser  
 435 440 445

Pro Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser  
 450 455 460

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
 465 470 475 480

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr  
 485 490 495

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val  
 500 505 510

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val  
 515 520 525

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr  
 530 535 540

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
 545 550 555 560

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln  
 565 570 575

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Gly Gly Gly Gly Ser  
 580 585 590

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gln Ser Val Leu Thr Gln  
 595 600 605

Pro Pro Ser Ala Ser Gly Thr Pro Gly Gln Arg Val Thr Ile Ser Cys  
 610 615 620

Ser Gly Ser Thr Ser Asp Ile Gly Ser Tyr Ser Val Asn Trp Tyr Gln  
625 630 635 640

Gln Leu Pro Gly Thr Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr Ser Asn Asn Gln  
645 650 655

Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Lys Ser Gly Thr  
660 665 670

Ser Ala Ser Leu Ala Ile Ser Gly Leu Gln Ser Glu Asp Glu Ala Asp  
675 680 685

Tyr Tyr Cys Ala Ala Trp Asp Asp Ser Leu Asn Gly Tyr Val Phe Gly  
690 695 700

Thr Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
705 710

<210> SEQ ID NO: 31

<211> Longitud: 121

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: YN-035VH

<400> Secuencia: 31

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Arg Gly Pro Phe Ser Thr Tyr  
20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
35 40 45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys

33

85

90

95

Ala Arg Thr Met Glu Gly Tyr Gly Phe Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser  
115 120

<210> SEQ ID NO: 32

<211> Longitud: 451

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: Cadena pesada de YN-035

<400> Secuencia: 32

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Arg Gly Pro Phe Ser Thr Tyr  
20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
35 40 45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
85 90 95

Ala Arg Thr Met Glu Gly Tyr Gly Phe Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser  
115 120 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala  
130 135 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val  
 145 150 155 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala  
 165 170 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val  
 180 185 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His  
 195 200 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys  
 210 215 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly  
 225 230 235 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met  
 245 250 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His  
 260 265 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val  
 275 280 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr  
 290 295 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly  
 305 310 315 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile  
 325 330 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val  
 340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser  
 355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu  
 370 375 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro  
 385 390 395 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val  
 405 410 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met  
 420 425 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser  
 435 440 445

Pro Gly Lys  
 450

<210> SEQ ID NO: 33

<211> Longitud: 112

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: YN-035VL/YN-036VL

<400> Secuencia: 33

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
 1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Val Ser Glu Val Gly Gly Tyr  
 20 25 30

Asn Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
 35 40 45

Met Ile Tyr Gly Asn Ser Asn Arg Pro Ser Gly Val Ser Asn Arg Phe  
 50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
 65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser

85

90

95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 100 105 110

<210> SEQ ID NO: 34

<211> Longitud: 217

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: cadena ligera de YN-035; cadena ligera de YN-036;  
 segundo polipéptido de YN-051; segundo polipéptido de YN-052

<400> Secuencia: 34

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
 1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Val Ser Glu Val Gly Gly Tyr  
 20 25 30

Asn Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
 35 40 45

Met Ile Tyr Gly Asn Ser Asn Arg Pro Ser Gly Val Ser Asn Arg Phe  
 50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
 65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
 85 90 95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 100 105 110

Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser Glu  
 115 120 125

Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp Phe  
 130 135 140

Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro Val  
 145 150 155 160

Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn Lys  
                                   165                                  170                                  175

Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys Ser  
                                   180                                  185                                  190

His Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val Glu  
                                   195                                  200                                  205

Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser  
                                   210                                  215

<210> SEQ ID NO: 35

<211> Longitud: 121

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: YN-036VH/YN-037VH/YN-038VH/YN-039VH

<400> Secuencia: 35

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
   1                                  5                                  10                                  15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Arg Gly Pro Phe Ser Thr Tyr  
                                   20                                  25                                  30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
                                   35                                  40                                  45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
                                   50                                  55                                  60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
   65                                  70                                  75                                  80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
                                   85                                  90                                  95

Ala Arg Thr Met Gly Glu Tyr Ser Tyr Gly Asn Tyr Asp Tyr Trp Gly  
                                   100                                  105                                  110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser  
 115 120

<210> SEQ ID NO: 36

<211> Longitud: 451

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: YN-036/YN-037/YN-038/YN-039 cadena pesada

<400> Secuencia: 36

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Arg Gly Pro Phe Ser Thr Tyr  
 20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
 35 40 45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
 50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
 85 90 95

Ala Arg Thr Met Gly Glu Tyr Ser Tyr Gly Asn Tyr Asp Tyr Trp Gly  
 100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser  
 115 120 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala  
 130 135 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val  
 145 150 155 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala  
 165 170 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val  
 180 185 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His  
 195 200 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys  
 210 215 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly  
 225 230 235 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met  
 245 250 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His  
 260 265 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val  
 275 280 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Asn Ser Thr Tyr  
 290 295 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly  
 305 310 315 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile  
 325 330 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val  
 340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys Asn Gln Val Ser  
 355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu  
 370 375 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro  
 385 390 395 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val  
                                   405                                  410                                  415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met  
                                   420                                  425                                  430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser  
                                   435                                  440                                  445

Pro Gly Lys  
                   450

<210> SEQ ID NO: 37

<211> Longitud: 112

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: YN-037VL

<400> Secuencia: 37

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
  1                                  5                                  10                                  15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Ser Ser Ser Val Gly Gly Tyr  
                                   20                                  25                                  30

Arg Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
                                   35                                  40                                  45

Met Ile Tyr Glu Asn Ser Ile Arg Pro Ser Gly Val Ser His Arg Phe  
                                   50                                  55                                  60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
  65                                  70                                  75                                  80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
                                   85                                  90                                  95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
                                   100                                  105                                  110

<210> SEQ ID NO: 38  
 <211> Longitud: 217  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: YN-037 cadena ligera  
  
 <400> Secuencia: 38

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
 1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Ser Ser Ser Val Gly Gly Tyr  
 20 25 30

Arg Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
 35 40 45

Met Ile Tyr Glu Asn Ser Ile Arg Pro Ser Gly Val Ser His Arg Phe  
 50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
 65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
 85 90 95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 100 105 110

Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser Glu  
 115 120 125

Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp Phe  
 130 135 140

Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro Val  
 145 150 155 160

Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn Lys  
 165 170 175

Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys Ser  
 180 185 190

His Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val Glu  
 195 200 205

Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser  
 210 215

<210> SEQ ID NO: 39  
 <211> Longitud: 112  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: YN-038VL

<400> Secuencia: 39

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
 1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Arg Ser Asp Val Gly Gly Tyr  
 20 25 30

Asn Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
 35 40 45

Met Ile Tyr Glu Asn Ser Ile Arg Pro Ser Gly Val Ser His Arg Phe  
 50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
 65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
 85 90 95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 100 105 110

<210> SEQ ID NO: 40  
 <211> Longitud: 217  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: YN-038 cadena ligera

<400> Secuencia: 40

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Arg Ser Asp Val Gly Gly Tyr  
20 25 30

Asn Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
35 40 45

Met Ile Tyr Glu Asn Ser Ile Arg Pro Ser Gly Val Ser His Arg Phe  
50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
85 90 95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
100 105 110

Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser Glu  
115 120 125

Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp Phe  
130 135 140

Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro Val  
145 150 155 160

Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn Lys  
165 170 175

Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys Ser  
180 185 190

His Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val Glu  
195 200 205

Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser  
210 215

<210> SEQ ID NO: 41  
 <211> Longitud: 112  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: YN-039VL

<400> Secuencia: 41

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
 1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Val Ser Asp Val Gly Gly Tyr  
 20 25 30

Asn Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
 35 40 45

Met Ile Tyr Glu Asn Ser Ile Arg Pro Ser Gly Val Ser His Arg Phe  
 50 55 60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
 65 70 75 80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
 85 90 95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 100 105 110

<210> SEQ ID NO: 42  
 <211> Longitud: 217  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: YN-039 cadena ligera

<400> Secuencia: 42

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln  
 1 5 10 15

Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Val Ser Asp Val Gly Gly Tyr  
 20 25 30

Asn Glu Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu  
           35                                  40                                  45

Met Ile Tyr Glu Asn Ser Ile Arg Pro Ser Gly Val Ser His Arg Phe  
       50                                  55                                  60

Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu  
   65                                  70                                  75                                  80

Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Tyr Asp Ser Ser  
                                   85                                  90                                  95

Leu Ser Gly Thr Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
                   100                                  105                                  110

Gln Pro Lys Ala Ala Pro Ser Val Thr Leu Phe Pro Pro Ser Ser Glu  
           115                                  120                                  125

Glu Leu Gln Ala Asn Lys Ala Thr Leu Val Cys Leu Ile Ser Asp Phe  
       130                                  135                                  140

Tyr Pro Gly Ala Val Thr Val Ala Trp Lys Ala Asp Ser Ser Pro Val  
   145                                  150                                  155                                  160

Lys Ala Gly Val Glu Thr Thr Thr Pro Ser Lys Gln Ser Asn Asn Lys  
                                   165                                  170                                  175

Tyr Ala Ala Ser Ser Tyr Leu Ser Leu Thr Pro Glu Gln Trp Lys Ser  
           180                                  185                                  190

His Arg Ser Tyr Ser Cys Gln Val Thr His Glu Gly Ser Thr Val Glu  
       195                                  200                                  205

Lys Thr Val Ala Pro Thr Glu Cys Ser  
       210                                  215

<210> SEQ ID NO: 43

<211> Longitud: 713

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: primer polipéptido de YN-051

<400> Secuencia: 43

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Arg Gly Pro Phe Ser Thr Tyr  
20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
35 40 45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
85 90 95

Ala Arg Thr Met Glu Gly Tyr Gly Phe Gly Asn Phe Asp Tyr Trp Gly  
100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser  
115 120 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala  
130 135 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val  
145 150 155 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala  
165 170 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val  
180 185 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His  
195 200 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys  
 210 215 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly  
 225 230 235 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met  
 245 250 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His  
 260 265 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val  
 275 280 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Ala Ser Thr Tyr  
 290 295 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly  
 305 310 315 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile  
 325 330 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val  
 340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser  
 355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu  
 370 375 380

Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys Thr Thr Pro Pro  
 385 390 395 400

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val  
 405 410 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met  
 420 425 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser  
 435 440 445

Pro Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser  
 450 455 460

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
 465 470 475 480

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr  
 485 490 495

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val  
 500 505 510

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val  
 515 520 525

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr  
 530 535 540

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
 545 550 555 560

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln  
 565 570 575

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Gly Gly Gly Gly Ser  
 580 585 590

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gln Ser Val Leu Thr Gln  
 595 600 605

Pro Pro Ser Ala Ser Gly Thr Pro Gly Gln Arg Val Thr Ile Ser Cys  
 610 615 620

Ser Gly Ser Thr Ser Asp Ile Gly Ser Tyr Ser Val Asn Trp Tyr Gln  
 625 630 635 640

Gln Leu Pro Gly Thr Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr Ser Asn Asn Gln  
 645 650 655

Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Lys Ser Gly Thr  
 660 665 670

Ser Ala Ser Leu Ala Ile Ser Gly Leu Gln Ser Glu Asp Glu Ala Asp  
 675 680 685

Tyr Tyr Cys Ala Ala Trp Asp Asp Ser Leu Asn Gly Tyr Val Phe Gly  
 690 695 700

Thr Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 705 710

<210> SEQ ID NO: 44

<211> Longitud: 713

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: primer polipéptido de YN-052

<400> Secuencia: 44

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
 1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Arg Gly Pro Phe Ser Thr Tyr  
 20 25 30

Ala Ile Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met  
 35 40 45

Gly Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe  
 50 55 60

Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr  
 65 70 75 80

Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
 85 90 95

Ala Arg Thr Met Gly Glu Tyr Ser Tyr Gly Asn Tyr Asp Tyr Trp Gly  
 100 105 110

Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Lys Gly Pro Ser  
 115 120 125

Val Phe Pro Leu Ala Pro Ser Ser Lys Ser Thr Ser Gly Gly Thr Ala  
 130 135 140

Ala Leu Gly Cys Leu Val Lys Asp Tyr Phe Pro Glu Pro Val Thr Val  
 145 150 155 160

Ser Trp Asn Ser Gly Ala Leu Thr Ser Gly Val His Thr Phe Pro Ala  
 165 170 175

Val Leu Gln Ser Ser Gly Leu Tyr Ser Leu Ser Ser Val Val Thr Val  
 180 185 190

Pro Ser Ser Ser Leu Gly Thr Gln Thr Tyr Ile Cys Asn Val Asn His  
 195 200 205

Lys Pro Ser Asn Thr Lys Val Asp Lys Lys Val Glu Pro Lys Ser Cys  
 210 215 220

Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala Pro Glu Leu Leu Gly  
 225 230 235 240

Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys Asp Thr Leu Met  
 245 250 255

Ile Ser Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val Asp Val Ser His  
 260 265 270

Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp Gly Val Glu Val  
 275 280 285

His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr Ala Ser Thr Tyr  
 290 295 300

Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp Trp Leu Asn Gly  
 305 310 315 320

Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu Pro Ala Pro Ile  
 325 330 335

Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg Glu Pro Gln Val  
 340 345 350

Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Glu Glu Met Thr Lys Asn Gln Val Ser  
355 360 365

Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp Ile Ala Val Glu  
370 375 380

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Trp | Glu | Ser | Asn | Gly | Gln | Pro | Glu | Asn | Asn | Tyr | Lys | Thr | Thr | Pro | Pro |
| 385 |     |     |     |     | 390 |     |     |     |     | 395 |     |     |     |     | 400 |

Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser Lys Leu Thr Val  
405 410 415

Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser Cys Ser Val Met  
420 425 430

His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser Leu Ser Leu Ser  
435 440 445

Pro Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser  
450 455 460

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
465 470 475 480

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr  
485 490 495

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val  
500 505 510

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val  
515 520 525

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr  
530 535 540

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
545 550 555 560

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln  
565 570 575

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Gly Gly Gly Gly Ser  
                   580                  585                  590

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gln Ser Val Leu Thr Gln  
                   595                  600                  605

Pro Pro Ser Ala Ser Gly Thr Pro Gly Gln Arg Val Thr Ile Ser Cys  
           610                  615                  620

Ser Gly Ser Thr Ser Asp Ile Gly Ser Tyr Ser Val Asn Trp Tyr Gln  
   625                  630                  635                  640

Gln Leu Pro Gly Thr Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr Ser Asn Asn Gln  
                   645                  650                  655

Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Lys Ser Gly Thr  
                   660                  665                  670

Ser Ala Ser Leu Ala Ile Ser Gly Leu Gln Ser Glu Asp Glu Ala Asp  
           675                  680                  685

Tyr Tyr Cys Ala Ala Trp Asp Asp Ser Leu Asn Gly Tyr Val Phe Gly  
   690                  695                  700

Thr Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
   705                  710

<210> SEQ ID NO: 45

<211> Longitud: 5

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: HCDR1 de anticuerpo PD-L1

<220> Característica:

<221> Nombre/Clave: X1

<222> Ubicación: (1)..(1)

<223> Otra Información: X1 es S o T

<400> Secuencia: 45

Xaa Tyr Ala Ile Ser  
   1                  5

<210> SEQ ID NO: 46  
 <211> Longitud: 5  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: HCDR1 de YN-002; HCDR1 de YN-003

<400> Secuencia: 46

Ser Tyr Ala Ile Ser  
 1 5

<210> SEQ ID NO: 47  
 <211> Longitud: 5  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: HCDR1 de YN-035; HCDR1 de YN-036; HCDR1 de YN-037;  
 HCDR1 de YN-038; HCDR1 de YN-039

<400> Secuencia: 47

Thr Tyr Ala Ile Ser  
 1 5

<210> SEQ ID NO: 48  
 <211> Longitud: 17  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: HCDR2 de YN-002; HCDR2 de YN-003 ; HCDR2 de YN-035 ;  
 HCDR2 de YN-036; HCDR2 de YN-037 ; HCDR2 de YN-038 ; HCDR2 de YN-039; HCDR2 de  
 PD-L1

<400> Secuencia: 48

Arg Ile Ile Pro Ile Leu Gly Ile Ala Asn Tyr Ala Gln Lys Phe Gln  
 1 5 10 15

Gly

<210> SEQ ID NO: 49  
 <211> Longitud: 12  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: HCDR3 de anticuerpo PD-L1

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X1  
 <222> Ubicación: (3)..(3)  
 <223> Otra Información: X1 es D, E o G

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X2  
 <222> Ubicación: (4)..(4)  
 <223> Otra Información: X2 es G o E

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X3  
 <222> Ubicación: (6)..(6)  
 <223> Otra Información: X3 es S o G

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X4  
 <222> Ubicación: (7)..(7)  
 <223> Otra Información: X4 es Y o F

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X5  
 <222> Ubicación: (10)..(10)  
 <223> Otra Información: X5 es F o Y

<400> Secuencia: 49

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Thr | Met | Xaa | Xaa | Tyr | Xaa | Xaa | Gly | Asn | Xaa | Asp | Tyr |
| 1   |     |     |     | 5   |     |     |     |     |     | 10  |     |

<210> SEQ ID NO: 50  
 <211> Longitud: 12  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: HCDR3 de YN-002; HCDR3 de YN-003

<400> Secuencia: 50

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Thr | Met | Asp | Gly | Tyr | Ser | Tyr | Gly | Asn | Phe | Asp | Tyr |
| 1   |     |     |     | 5   |     |     |     |     |     | 10  |     |

<210> SEQ ID NO: 51  
 <211> Longitud: 12  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: HCDR3 de YN-035

<400> Secuencia: 51

Thr Met Glu Gly Tyr Gly Phe Gly Asn Phe Asp Tyr  
1 5 10

<210> SEQ ID NO: 52

<211> Longitud: 12

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: HCDR3 de YN-036 ; HCDR3 de YN-037 ; HCDR3 de YN-038 ;  
HCDR3 de YN-039

<400> Secuencia: 52

Thr Met Gly Glu Tyr Ser Tyr Gly Asn Tyr Asp Tyr  
1 5 10

<210> SEQ ID NO: 53

<211> Longitud: 14

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: LCDR1 de anticuerpo PD-L1

<220> Característica:

<221> Nombre/Clave: X1

<222> Ubicación: (4)..(4)

<223> Otra Información: X1 es S;ΦR o V

<220> Característica:

<221> Nombre/Clave: X2

<222> Ubicación: (6)..(6)

<223> Otra Información: X2 es D;ΦE o S

<220> Característica:

<221> Nombre/Clave: X3

<222> Ubicación: (11)..(11)

<223> Otra Información: X3 es N o R

<220> Característica:

<221> Nombre/Clave: X4

<222> Ubicación: (12)..(12)

<223> Otra Información: X4 es Y o E

<400> Secuencia: 53

Thr Gly Thr Xaa Ser Xaa Val Gly Gly Tyr Xaa Xaa Val Ser  
1 5 10

<210> SEQ ID NO: 54  
 <211> Longitud: 14  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR1 de YN-002; LCDR1 de YN-003  
  
 <400> Secuencia: 54  
  
 Thr Gly Thr Ser Ser Asp Val Gly Gly Tyr Asn Tyr Val Ser  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 55  
 <211> Longitud: 14  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR1 de YN-035 ; LCDR1 de YN-036  
  
 <400> Secuencia: 55  
  
 Thr Gly Thr Val Ser Glu Val Gly Gly Tyr Asn Glu Val Ser  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 56  
 <211> Longitud: 14  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR1 de YN-037  
  
 <400> Secuencia: 56  
  
 Thr Gly Thr Ser Ser Ser Val Gly Gly Tyr Arg Glu Val Ser  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 57  
 <211> Longitud: 14  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR1 de YN-038  
  
 <400> Secuencia: 57  
  
 Thr Gly Thr Arg Ser Asp Val Gly Gly Tyr Asn Glu Val Ser  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 58  
 <211> Longitud: 14  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR1 de YN-039

<400> Secuencia: 58

Thr Gly Thr Val Ser Asp Val Gly Gly Tyr Asn Glu Val Ser  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 59  
 <211> Longitud: 7  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR2 de anticuerpo PD-L1

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X1  
 <222> Ubicación: (1)..(1)  
 <223> Otra Información: X1 es G o E

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X2  
 <222> Ubicación: (4)..(4)  
 <223> Otra Información: X2 es N o I

<400> Secuencia: 59

Xaa Asn Ser Xaa Arg Pro Ser  
 1 5

<210> SEQ ID NO: 60  
 <211> Longitud: 7  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR2 de YN-002; LCDR2 de YN-003 ; LCDR2 de YN-035  
 ; LCDR2 de YN-036

<400> Secuencia: 60

Gly Asn Ser Asn Arg Pro Ser  
 1 5

<210> SEQ ID NO: 61

<211> Longitud: 7  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR2 de YN-037 ; LCDR2 de YN-038 ; LCDR2 de YN-039

<400> Secuencia: 61

Glu Asn Ser Ile Arg Pro Ser  
 1 5

<210> SEQ ID NO: 62  
 <211> Longitud: 11  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR3 de anticuerpo PD-L1

<220> Característica:  
 <221> Nombre/Clave: X1  
 <222> Ubicación: (10)..(10)  
 <223> Otra Información: X1 es S o T

<400> Secuencia: 62

Gln Ser Tyr Asp Ser Ser Leu Ser Gly Xaa Val  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 63  
 <211> Longitud: 11  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR3 de YN-002 ; LCDR3 de YN-003

<400> Secuencia: 63

Gln Ser Tyr Asp Ser Ser Leu Ser Gly Ser Val  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 64  
 <211> Longitud: 11  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: LCDR3 de YN-035 ; LCDR3 de YN-036 ; LCDR3 de YN-037 ;  
 LCDR3 de YN-038 ; LCDR3 de YN-039

<400> Secuencia: 64

Gln Ser Tyr Asp Ser Ser Leu Ser Gly Thr Val  
1 5 10

<210> SEQ ID NO: 65

<211> Longitud: 30

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: H-FR1 de YN-002

<400> Secuencia: 65

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Arg Lys Pro Gly Ser  
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser  
20 25 30

<210> SEQ ID NO: 66

<211> Longitud: 30

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: H-FR1 de YN-003

<400> Secuencia: 66

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Gly Thr Phe Ser  
20 25 30

<210> SEQ ID NO: 67

<211> Longitud: 30

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: H-FR1 de YN-035~YN-039

<400> Secuencia: 67

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ser  
1 5 10 15

Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Arg Gly Pro Phe Ser  
                   20                                  25                                  30

<210> SEQ ID NO: 68  
 <211> Longitud: 14  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: H-FR2 de YN-002; H-FR2 de YN-003; H-FR2 de YN-035~YN-039

<400> Secuencia: 68

Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met Gly  
   1                                  5                                  10

<210> SEQ ID NO: 69  
 <211> Longitud: 32  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: H-FR3 de YN-002; H-FR3 de YN-003; H-FR3 de YN-035~YN-039

<400> Secuencia: 69

Arg Val Thr Ile Thr Ala Asp Lys Ser Thr Ser Thr Ala Tyr Met Glu  
   1                                  5                                  10                                  15

Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Arg  
                   20                                  25                                  30

<210> SEQ ID NO: 70  
 <211> Longitud: 11  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: H-FR4 de YN-002; H-FR4 de YN-003; H-FR4 de YN-035~YN-039

<400> Secuencia: 70

Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser  
   1                                  5                                  10

<210> SEQ ID NO: 71  
 <211> Longitud: 22

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: L-FR1 de YN-002; L-FR1 de YN-003; L-FR1 de YN-035~YN-039

<400> Secuencia: 71

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Gln | Ser | Ala | Leu | Thr | Gln | Pro | Ala | Ser | Val | Ser | Gly | Ser | Pro | Gly | Gln |
| 1   |     |     |     | 5   |     |     |     |     | 10  |     |     |     |     | 15  |     |

|     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Ser | Ile | Thr | Ile | Ser | Cys |
|     |     |     | 20  |     |     |

<210> SEQ ID NO: 72

<211> Longitud: 15

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: L-FR2 de YN-002; L-FR2 de YN-003; L-FR2 de YN-035~YN-039

<400> Secuencia: 72

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Trp | Tyr | Gln | Gln | His | Pro | Gly | Lys | Ala | Pro | Lys | Leu | Met | Ile | Tyr |
| 1   |     |     |     | 5   |     |     |     |     | 10  |     |     |     |     | 15  |

<210> SEQ ID NO: 73

<211> Longitud: 32

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: L-FR3 de YN-002

<400> Secuencia: 73

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Gly | Val | Pro | Asp | Arg | Phe | Ser | Gly | Ser | Lys | Ser | Gly | Thr | Ser | Ala | Ser |
| 1   |     |     |     | 5   |     |     |     |     | 10  |     |     |     |     | 15  |     |

|     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |     |
|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|
| Leu | Ala | Ile | Thr | Gly | Leu | Gln | Ala | Glu | Asp | Glu | Ala | Asp | Tyr | Tyr | Cys |
|     |     |     | 20  |     |     |     |     | 25  |     |     |     |     | 30  |     |     |

<210> SEQ ID NO: 74

<211> Longitud: 32

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: L-FR3 de YN-003; L-FR3 de YN-035~YN-036

<400> Secuencia: 74

Gly Val Ser Asn Arg Phe Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser  
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Gly Leu Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys  
20 25 30

<210> SEQ ID NO: 75

<211> Longitud: 32

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: L-FR3 de YN-037~YN-039

<400> Secuencia: 75

Gly Val Ser His Arg Phe Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser  
1 5 10 15

Leu Thr Ile Ser Gly Leu Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys  
20 25 30

<210> SEQ ID NO: 76

<211> Longitud: 11

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: L-FR4 de YN-002; L-FR4 de YN-003; L-FR4 de YN-035~YN-039

<400> Secuencia: 76

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
1 5 10

<210> SEQ ID NO: 77

<211> Longitud: 5

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 H-CDR1

<400> Secuencia: 77

Ser Tyr Ala Met Ser  
1 5

<210> SEQ ID NO: 78  
 <211> Longitud: 17  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 H-CDR2  
  
 <400> Secuencia: 78  
  
 Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val Lys  
 1 5 10 15

Gly

<210> SEQ ID NO: 79  
 <211> Longitud: 11  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 H-CDR3  
  
 <400> Secuencia: 79  
  
 Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 80  
 <211> Longitud: 13  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 L-CDR1  
  
 <400> Secuencia: 80  
  
 Ser Gly Ser Thr Ser Asp Ile Gly Ser Tyr Ser Val Asn  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 81  
 <211> Longitud: 7  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial  
  
 <220> Característica:  
 <223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 L-CDR2

<400> Secuencia: 81

Ser Asn Asn Gln Arg Pro Ser  
1 5

<210> SEQ ID NO: 82

<211> Longitud: 11

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 L-CDR3

<400> Secuencia: 82

Ala Ala Trp Asp Asp Ser Leu Asn Gly Tyr Val  
1 5 10

<210> SEQ ID NO: 83

<211> Longitud: 249

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo scFv

<400> Secuencia: 83

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr  
20 25 30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val  
35 40 45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val  
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr  
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys  
85 90 95

Ala Lys Thr Asn Trp Gly Pro Ser Asp Ala Phe Asp Ile Trp Gly Gln  
100 105 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Ala Ser Thr Gly Gly Gly Gly Ser  
 115 120 125

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gln Ser Val Leu Thr Gln  
 130 135 140

Pro Pro Ser Ala Ser Gly Thr Pro Gly Gln Arg Val Thr Ile Ser Cys  
 145 150 155 160

Ser Gly Ser Thr Ser Asp Ile Gly Ser Tyr Ser Val Asn Trp Tyr Gln  
 165 170 175

Gln Leu Pro Gly Thr Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr Ser Asn Asn Gln  
 180 185 190

Arg Pro Ser Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Lys Ser Gly Thr  
 195 200 205

Ser Ala Ser Leu Ala Ile Ser Gly Leu Gln Ser Glu Asp Glu Ala Asp  
 210 215 220

Tyr Tyr Cys Ala Ala Trp Asp Asp Ser Leu Asn Gly Tyr Val Phe Gly  
 225 230 235 240

Thr Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
 245

<210> SEQ ID NO: 84

<211> Longitud: 30

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005 H-FR1

<400> Secuencia: 84

Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser  
 20 25 30

<210> SEQ ID NO: 85  
 <211> Longitud: 30  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-006 H-FR1

<400> Secuencia: 85

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly  
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser  
 20 25 30

<210> SEQ ID NO: 86  
 <211> Longitud: 14  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 H-FR2

<400> Secuencia: 86

Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val Ser  
 1 5 10

<210> SEQ ID NO: 87  
 <211> Longitud: 32  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:  
 <223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 H-FR3

<400> Secuencia: 87

Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr Leu Gln  
 1 5 10 15

Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala Lys  
 20 25 30

<210> SEQ ID NO: 88  
 <211> Longitud: 11  
 <212> Tipo: PRT  
 <213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 H-FR4

<400> Secuencia: 88

Trp Gly Gln Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser  
1 5 10

<210> SEQ ID NO: 89

<211> Longitud: 22

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 L-FR1

<400> Secuencia: 89

Gln Ser Val Leu Thr Gln Pro Pro Ser Ala Ser Gly Thr Pro Gly Gln  
1 5 10 15

Arg Val Thr Ile Ser Cys  
20

<210> SEQ ID NO: 90

<211> Longitud: 15

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 L-FR2

<400> Secuencia: 90

Trp Tyr Gln Gln Leu Pro Gly Thr Ala Pro Lys Leu Leu Ile Tyr  
1 5 10 15

<210> SEQ ID NO: 91

<211> Longitud: 32

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 L-FR3

<400> Secuencia: 91

Gly Val Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser Lys Ser Gly Thr Ser Ala Ser  
1 5 10 15

Leu Ala Ile Ser Gly Leu Gln Ser Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys  
20 25 30

<210> SEQ ID NO: 92

<211> Longitud: 11

<212> Tipo: PRT

<213> Organismo: Secuencia Artificial

<220> Característica:

<223> Otra Información: 4-1BB anticuerpo YN-005/006 L-FR4

<400> Secuencia: 92

Phe Gly Thr Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu Gly  
1                  5                  10