

En una modalidad preferida, las mezclas de la invención (Mezclas B, D, E, L, Z y W) tienen los porcentajes de dNTPs indicados en las Tablas 3 y 4.

Tabla 3.

Mezcla	A-T (% mol/mol)	G-C (% mol/mol)	Porcentaje Total AT o (AU) + GC
Mezcla B	30,0	20,0	100,0 %
Mezcla D	20,0	30,0	100,0 %
Mezcla E	33,0	17,0	100,0 %
Mezcla L	15,0	35,0	100,0 %
Mezcla Z	35,0	15,0	100,0 %

5

Tabla 4.

Mezcla	A-U (% mol/mol)	G-C (% mol/mol)	Porcentaje Total AT o (AU) + GC
Mezcla W	30,0	20,0	100,0 %

Para la preparación de las mezclas de acuerdo a la invención, se puede partir de composiciones independientes de cada uno de los nucleótidos (soluciones stock) y obtener la concentración deseada de cada uno de los nucleótidos siguiendo los métodos de dilución convencionales. Posteriormente se pueden incorporar los coadyuvantes y/o el vehículo para obtener así las mezclas.

La presente invención también contempla un proceso para la amplificación y secuenciación de polímeros de ácidos nucleicos caracterizado porque emplea una o más mezclas de dNTPs indicadas en las Tablas 1, 3 y 4.

La amplificación y secuenciación se puede llevar a cabo aplicando técnicas moleculares que incluyen: hibridación, síntesis de ácido desoxirribonucleico complementario (ADNc), amplificación de ácidos nucleicos, secuenciación de ácidos nucleicos, predicción por medio de tecnologías electrónicas, informáticas o manuales que permitan determinar la complementariedad entre secuencias nucleotídicas y la concentración de sus componentes