

LISTADO DE SECUENCIAS

<110> BioNTech Cell & Gene Therapies GmbH

<120> CÉLULAS MODIFICADAS POR RECEPTOR DE ANTÍGENO QUIMÉRICO
PARA EL TRATAMIENTO DE CÁNCERES QUE EXPRESAN CLDN6

<130> 674-260 PCT2

<150> PCT/EP2019/053156

<151> 2019-02-08

<160> 40

<170> PatentIn versión 3.5

<210> 1

<211> 220

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 1

Met Ala Ser Ala Gly Met Gln Ile Leu Gly Val Val Leu Thr Leu Leu
1 5 10 15

Gly Trp Val Asn Gly Leu Val Ser Cys Ala Leu Pro Met Trp Lys Val
20 25 30

Thr Ala Phe Ile Gly Asn Ser Ile Val Val Ala Gln Val Val Trp Glu
35 40 45

Gly Leu Trp Met Ser Cys Val Val Gln Ser Thr Gly Gln Met Gln Cys
50 55 60

Lys Val Tyr Asp Ser Leu Leu Ala Leu Pro Gln Asp Leu Gln Ala Ala
65 70 75 80

Arg Ala Leu Cys Val Ile Ala Leu Leu Val Ala Leu Phe Gly Leu Leu
85 90 95

Val Tyr Leu Ala Gly Ala Lys Cys Thr Thr Cys Val Glu Glu Lys Asp
100 105 110

Ser Lys Ala Arg Leu Val Leu Thr Ser Gly Ile Val Phe Val Ile Ser

115	120	125
Gly Val Leu Thr Leu Ile Pro Val Cys Trp Thr Ala His Ala Ile Ile		
130	135	140
Arg Asp Phe Tyr Asn Pro Leu Val Ala Glu Ala Gln Lys Arg Glu Leu		
145	150	155
Gly Ala Ser Leu Tyr Leu Gly Trp Ala Ala Ser Gly Leu Leu Leu Leu		
	165	170
		175
Gly Gly Gly Leu Leu Cys Cys Thr Cys Pro Ser Gly Gly Ser Gln Gly		
	180	185
		190
Pro Ser His Tyr Met Ala Arg Tyr Ser Thr Ser Ala Pro Ala Ile Ser		
	195	200
		205
Arg Gly Pro Ser Glu Tyr Pro Thr Lys Asn Tyr Val		
210	215	220

<210> 2
 <211> 220
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> VARIANTE
 <222> (143)..(143)
 <223> Polimorfismo I143V de claudina 6 humana

<400> 2

Met Ala Ser Ala Gly Met Gln Ile Leu Gly Val Val Leu Thr Leu Leu
1 5 10 15
Gly Trp Val Asn Gly Leu Val Ser Cys Ala Leu Pro Met Trp Lys Val
20 25 30
Thr Ala Phe Ile Gly Asn Ser Ile Val Val Ala Gln Val Val Trp Glu
35 40 45

Gly Leu Trp Met Ser Cys Val Val Gln Ser Thr Gly Gln Met Gln Cys
 50 55 60

Lys Val Tyr Asp Ser Leu Leu Ala Leu Pro Gln Asp Leu Gln Ala Ala
 65 70 75 80

Arg Ala Leu Cys Val Ile Ala Leu Leu Val Ala Leu Phe Gly Leu Leu
 85 90 95

Val Tyr Leu Ala Gly Ala Lys Cys Thr Thr Cys Val Glu Glu Lys Asp
 100 105 110

Ser Lys Ala Arg Leu Val Leu Thr Ser Gly Ile Val Phe Val Ile Ser
 115 120 125

Gly Val Leu Thr Leu Ile Pro Val Cys Trp Thr Ala His Ala Val Ile
 130 135 140

Arg Asp Phe Tyr Asn Pro Leu Val Ala Glu Ala Gln Lys Arg Glu Leu
 145 150 155 160

Gly Ala Ser Leu Tyr Leu Gly Trp Ala Ala Ser Gly Leu Leu Leu Leu
 165 170 175

Gly Gly Gly Leu Leu Cys Cys Thr Cys Pro Ser Gly Gly Ser Gln Gly
 180 185 190

Pro Ser His Tyr Met Ala Arg Tyr Ser Thr Ser Ala Pro Ala Ile Ser
 195 200 205

Arg Gly Pro Ser Glu Tyr Pro Thr Lys Asn Tyr Val
 210 215 220

<210> 3

<211> 117

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de VH de anticuerpo

<400> 3

Glu Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Met Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ser Phe Thr Gly Tyr
20 25 30

Thr Met Asn Trp Val Lys Gln Ser His Gly Lys Asn Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Leu Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Thr Ser Tyr Asn Gln Lys Phe
50 55 60

Lys Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ile Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Met Glu Leu Leu Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Asp Tyr Gly Tyr Val Leu Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
100 105 110

Leu Thr Val Ser Ser
115

<210> 4

<211> 106

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de VL de anticuerpo

<400> 4

Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Ile Met Ser Ala Ser Pro Gly Glu
1 5 10 15

Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala Ser Ser Ser Val Ser Tyr Leu His
20 25 30

Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Thr Ser Pro Lys Leu Trp Val Tyr Ser
35 40 45

Thr Ser Asn Leu Pro Ser Gly Val Pro Ala Arg Phe Gly Gly Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Arg Met Glu Ala Glu Asp
65 70 75 80

Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Ile Tyr Pro Pro Trp Thr
85 90 95

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
100 105

```
<210> 5
<211> 117
<212> PRT
<213> Secuencia artificial
```

<220>
<223> Secuencia de VH de anticuerpo

<400> 5

Glu Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Met Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ser Phe Thr Gly Tyr
20 25 30

Thr Met Asn Trp Val Lys Gln Ser His Gly Lys Asn Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Leu Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Thr Ile Tyr Asn Gln Lys Phe
50 55 60

Lys Gly Lys Ala Thr Leu Thr Val Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Met Glu Leu Leu Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Asp Tyr Gly Phe Val Leu Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
 100 105 110

Leu Thr Val Ser Ser
 115

<210> 6
 <211> 106
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de VL de anticuerpo

<400> 6

Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ile Met Ser Val Ser Pro Gly Glu
 1 5 10 15

Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala Ser Ser Ser Val Ser Tyr Met His
 20 25 30

Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Thr Ser Pro Lys Leu Cys Ile Tyr Ser
 35 40 45

Thr Ser Asn Leu Ala Ser Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser Gly Arg Gly
 50 55 60

Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Arg Val Ala Ala Glu Asp
 65 70 75 80

Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Asn Tyr Pro Pro Trp Thr
 85 90 95

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105

<210> 7
 <211> 117
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de VH de anticuerpo

<400> 7

Glu Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Met Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ser Phe Thr Gly Tyr
 20 25 30

Thr Met Asn Trp Val Lys Gln Ser His Gly Lys Asn Leu Glu Trp Ile
 35 40 45

Gly Leu Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Ile Ile Tyr Asn Gln Lys Phe
 50 55 60

Lys Gly Lys Ala Thr Leu Thr Val Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

Met Glu Leu Leu Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Phe Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Asp Phe Gly Tyr Val Leu Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
 100 105 110

Leu Thr Val Ser Ser
 115

<210> 8

<211> 106

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de VL de anticuerpo

<400> 8

Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Ile Met Ser Ala Ser Pro Gly Glu
 1 5 10 15

Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala Ser Ser Ser Val Ser Tyr Met His
20 25 30

Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Thr Ser Pro Lys Leu Trp Ile Tyr Ser
35 40 45

Thr Ser Asn Leu Ala Ser Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser Gly Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Arg Val Ala Ala Glu Asp
65 70 75 80

Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Thr Tyr Pro Pro Trp Thr
85 90 95

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
100 105

<210> 9

<211> 117

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de VH de anticuerpo

<400> 9

Glu Val Gln Leu Gln Gln Ser Arg Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala
1 5 10 15

Ser Met Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ser Phe Thr Gly Tyr
20 25 30

Thr Leu Asn Trp Val Lys Gln Ser His Gly Lys Asn Leu Glu Trp Ile
35 40 45

Gly Leu Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Ser Ser Tyr Asn Gln Lys Phe
50 55 60

Lys Asp Lys Ala Thr Leu Thr Val Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr
65 70 75 80

Met Glu Leu Leu Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Asp Tyr Gly Tyr Val Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
 100 105 110

Leu Thr Val Ser Ser
 115

<210> 10

<211> 106

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de VL de anticuerpo

<400> 10

Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Ile Met Ser Ala Ser Pro Gly Glu
 1 5 10 15

Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala Ser Ser Ser Val Asn Tyr Met His
 20 25 30

Trp Phe Gln Leu Lys Pro Gly Thr Ser Pro Lys Leu Leu Ile Tyr Ser
 35 40 45

Thr Ser Asn Leu Ala Ser Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser Gly Arg Gly
 50 55 60

Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Arg Met Glu Ala Glu Asp
 65 70 75 80

Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Asn Asn Tyr Pro Pro Trp Thr
 85 90 95

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105

<210> 11
 <211> 5
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de CDR3 de VH de anticuerpo

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (1)..(1)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático, muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (3)..(3)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático, muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (5)..(5)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Leu o Phe, más preferiblemente Leu

<400> 11

Xaa Gly Xaa Val Xaa
 1 5

<210> 12
 <211> 6
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de CDR3 de VH de anticuerpo

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (2)..(2)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático, muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (4)..(4)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático,

muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (6)..(6)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Leu o Phe, más preferiblemente Leu

<400> 12

Asp Xaa Gly Xaa Val Xaa

1 5

<210> 13

<211> 6

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de CDR3 de VH de anticuerpo

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (1)..(1)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático, muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (3)..(3)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático, muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (5)..(5)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Leu o Phe, más preferiblemente Leu

<400> 13

Xaa Gly Xaa Val Xaa Asp

1 5

<210> 14

<211> 7

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de CDR3 de VH de anticuerpo

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (2)..(2)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático,
 muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (4)..(4)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático,
 muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (6)..(6)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Leu o Phe, más
 preferiblemente Leu

<400> 14

Asp Xaa Gly Xaa Val Xaa Asp
 1 5

<210> 15
 <211> 10
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de CDR3 de VH de anticuerpo

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (4)..(4)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático,
 muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (6)..(6)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente un aminoácido aromático,
 muy preferiblemente Phe o Tyr, más preferiblemente Tyr

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (8)..(8)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Leu o Phe, más preferiblemente Leu

<400> 15

Ala	Arg	Asp	Xaa	Gly	Xaa	Val	Xaa	Asp	Tyr
1				5					10

<210> 16

<211> 8

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de CDR1 de VH de anticuerpo

<400> 16

Gly	Tyr	Ser	Phe	Thr	Gly	Tyr	Thr
1				5			

<210> 17

<211> 8

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de CDR2 de VH de anticuerpo

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (8)..(8)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Thr, Ser o Ile, más preferiblemente Thr

<400> 17

Ile	Asn	Pro	Tyr	Asn	Gly	Gly	Xaa
1				5			

<210> 18

<211> 5

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de CDR3 de VL de anticuerpo

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (2)..(2)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Ser o Asn,
 más preferiblemente Ser

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (3)..(3)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Tyr, Ser, Ile, Asn o Thr,
 muy preferiblemente Tyr, Ser, o Asn, más preferiblemente Asn

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (4)..(4)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Ser o Tyr,
 más preferiblemente Tyr

<400> 18
 Arg Xaa Xaa Xaa Pro
 1 5

<210> 19
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de CDR3 de VL de anticuerpo

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (3)..(3)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Ser o Asn,
 más preferiblemente Ser

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (4)..(4)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Tyr, Ser, Ile, Asn o Thr,
 muy preferiblemente Tyr, Ser, o Asn, más preferiblemente Asn

<220>
 <221> CARACTERÍSTICA_MISC
 <222> (5)..(5)
 <223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Ser o Tyr,
 más preferiblemente Tyr

<400> 19

Gln Arg Xaa Xaa Xaa Pro Pro
1 5

<210> 20

<211> 10

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de CDR3 de VL de anticuerpo

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (4)..(4)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Ser o Asn,
más preferiblemente Ser

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (5)..(5)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Tyr, Ser, Ile, Asn o Thr,
muy preferiblemente Tyr, Ser, o Asn, más preferiblemente Asn

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (6)..(6)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Ser o Tyr,
más preferiblemente Tyr

<400> 20

Gln Gln Arg Xaa Xaa Xaa Pro Pro Trp Thr
1 5 10

<210> 21

<211> 5

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de CDR1 de VL de anticuerpo

<220>

<221> CARACTERÍSTICA_MISC

<222> (4)..(4)

<223> Cualquier aminoácido, preferiblemente Ser o Asn,

más preferiblemente Ser

<400> 21

Ser Ser Val Xaa Tyr
1 5

<210> 22

<211> 3

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de CDR2 de VL de anticuerpo

<400> 22

Ser Thr Ser
1

<210> 23

<211> 106

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Secuencia de VL de anticuerpo

<400> 23

Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ile Met Ser Val Ser Pro Gly Glu
1 5 10 15

Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala Ser Ser Ser Val Ser Tyr Met His
20 25 30

Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Thr Ser Pro Lys Leu Gly Ile Tyr Ser
35 40 45

Thr Ser Asn Leu Ala Ser Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser Gly Arg Gly
50 55 60

Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Arg Val Ala Ala Glu Asp
65 70 75 80

Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Asn Tyr Pro Pro Trp Thr
 85 90 95

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105

<210> 24
 <211> 106
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Secuencia de VL de anticuerpo

<400> 24

Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ile Met Ser Val Ser Pro Gly Glu
 1 5 10 15

Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala Ser Ser Ser Val Ser Tyr Met His
 20 25 30

Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Thr Ser Pro Lys Leu Ser Ile Tyr Ser
 35 40 45

Thr Ser Asn Leu Ala Ser Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser Gly Arg Gly
 50 55 60

Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Arg Val Ala Ala Glu Asp
 65 70 75 80

Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Asn Tyr Pro Pro Trp Thr
 85 90 95

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105

<210> 25
 <211> 19
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>

<223> Péptido señal de IgG humana

<400> 25

Met Asp Trp Ile Trp Arg Ile Leu Phe Leu Val Gly Ala Ala Thr Gly
1 5 10 15

Ala His Ser

<210> 26

<211> 15

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Enlazador GS

<400> 26

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
1 5 10 15

<210> 27

<211> 47

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio de bisagra de CD8 humano

<400> 27

Thr Thr Thr Pro Ala Pro Arg Pro Pro Thr Pro Ala Pro Thr Ile Ala
1 5 10 15

Ser Gln Pro Leu Ser Leu Arg Pro Glu Ala Cys Arg Pro Ala Ala Gly
20 25 30

Gly Ala Val His Thr Arg Gly Leu Asp Phe Ala Cys Asp Ile Tyr
35 40 45

<210> 28

<211> 22

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio transmembrana de CD8 humano

<400> 28

Ile Trp Ala Pro Leu Ala Gly Thr Cys Gly Val Leu Leu Leu Ser Leu
 1 5 10 15

Val Ile Thr Leu Tyr Cys
 20

<210> 29

<211> 69

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio de bisagra y transmembrana de CD8 humano

<400> 29

Thr Thr Thr Pro Ala Pro Arg Pro Pro Thr Pro Ala Pro Thr Ile Ala
 1 5 10 15

Ser Gln Pro Leu Ser Leu Arg Pro Glu Ala Cys Arg Pro Ala Ala Gly
 20 25 30

Gly Ala Val His Thr Arg Gly Leu Asp Phe Ala Cys Asp Ile Tyr Ile
 35 40 45

Trp Ala Pro Leu Ala Gly Thr Cys Gly Val Leu Leu Leu Ser Leu Val
 50 55 60

Ile Thr Leu Tyr Cys
 65

<210> 30

<211> 42

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio de señalización de 4-1BB humano

<400> 30

Lys Arg Gly Arg Lys Lys Leu Leu Tyr Ile Phe Lys Gln Pro Phe Met
1 5 10 15

Arg Pro Val Gln Thr Thr Gln Glu Glu Asp Gly Cys Ser Cys Arg Phe
20 25 30

Pro Glu Glu Glu Glu Gly Gly Cys Glu Leu
35 40

<210> 31

<211> 112

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio de señalización de CD3zeta humano

<400> 31

Arg Val Lys Phe Ser Arg Ser Ala Asp Ala Pro Ala Tyr Lys Gln Gly
1 5 10 15

Gln Asn Gln Leu Tyr Asn Glu Leu Asn Leu Gly Arg Arg Glu Glu Tyr
20 25 30

Asp Val Leu Asp Lys Arg Arg Gly Arg Asp Pro Glu Met Gly Gly Lys
35 40 45

Pro Arg Arg Lys Asn Pro Gln Glu Gly Leu Tyr Asn Glu Leu Gln Lys
50 55 60

Asp Lys Met Ala Glu Ala Tyr Ser Glu Ile Gly Met Lys Gly Glu Arg
65 70 75 80

Arg Arg Gly Lys Gly His Asp Gly Leu Tyr Gln Gly Leu Ser Thr Ala
85 90 95

Thr Lys Asp Thr Tyr Asp Ala Leu His Met Gln Ala Leu Pro Pro Arg
100 105 110

<210> 32
 <211> 235
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Dominio Fc de bisagra-Ch2-CD3 de IgG1

<400> 32

Glu Pro Lys Ser Pro Asp Lys Thr His Thr Cys Pro Pro Cys Pro Ala
 1 5 10 15

Pro Pro Val Ala Gly Pro Ser Val Phe Leu Phe Pro Pro Lys Pro Lys
 20 25 30

Asp Thr Leu Met Ile Ala Arg Thr Pro Glu Val Thr Cys Val Val Val
 35 40 45

Asp Val Ser His Glu Asp Pro Glu Val Lys Phe Asn Trp Tyr Val Asp
 50 55 60

Gly Val Glu Val His Asn Ala Lys Thr Lys Pro Arg Glu Glu Gln Tyr
 65 70 75 80

Asn Ser Thr Tyr Arg Val Val Ser Val Leu Thr Val Leu His Gln Asp
 85 90 95

Trp Leu Asn Gly Lys Glu Tyr Lys Cys Lys Val Ser Asn Lys Ala Leu
 100 105 110

Pro Ala Pro Ile Glu Lys Thr Ile Ser Lys Ala Lys Gly Gln Pro Arg
 115 120 125

Glu Pro Gln Val Tyr Thr Leu Pro Pro Ser Arg Asp Glu Leu Thr Lys
 130 135 140

Asn Gln Val Ser Leu Thr Cys Leu Val Lys Gly Phe Tyr Pro Ser Asp
 145 150 155 160

Ile Ala Val Glu Trp Glu Ser Asn Gly Gln Pro Glu Asn Asn Tyr Lys
 165 170 175

Thr Thr Pro Pro Val Leu Asp Ser Asp Gly Ser Phe Phe Leu Tyr Ser
 180 185 190

Lys Leu Thr Val Asp Lys Ser Arg Trp Gln Gln Gly Asn Val Phe Ser
 195 200 205

Cys Ser Val Met His Glu Ala Leu His Asn His Tyr Thr Gln Lys Ser
 210 215 220

Leu Ser Leu Ser Pro Gly Lys Lys Asp Pro Lys
 225 230 235

<210> 33

<211> 68

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominios transmembrana y de señalización de CD28 humano

<400> 33

Phe Trp Val Leu Val Val Val Gly Gly Val Leu Ala Cys Tyr Ser Leu
 1 5 10 15

Leu Val Thr Val Ala Phe Ile Ile Phe Trp Val Arg Ser Lys Arg Ser
 20 25 30

Arg Leu Leu His Ser Asp Tyr Met Asn Met Thr Pro Arg Arg Pro Gly
 35 40 45

Pro Thr Arg Lys His Tyr Gln Ala Tyr Ala Ala Ala Arg Asp Phe Ala
 50 55 60

Ala Tyr Arg Ser
 65

<210> 34

<211> 27

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Dominio transmembrana de CD28 humano

<400> 34

Phe Trp Val Leu Val Val Val Gly Gly Val Leu Ala Cys Tyr Ser Leu
 1 5 10 15

Leu Val Thr Val Ala Phe Ile Ile Phe Trp Val
 20 25

<210> 35

<211> 244

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> anti-CLDN6 scFv

<400> 35

Glu Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15

Ser Met Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ser Phe Thr Gly Tyr
 20 25 30

Thr Met Asn Trp Val Lys Gln Ser His Gly Lys Asn Leu Glu Trp Ile
 35 40 45

Gly Leu Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Thr Ile Tyr Asn Gln Lys Phe
 50 55 60

Lys Gly Lys Ala Thr Leu Thr Val Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr
 65 70 75 80

Met Glu Leu Leu Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Asp Tyr Gly Phe Val Leu Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
 100 105 110

Leu Thr Val Ser Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 115 120 125

Gly Gly Gly Ser Asp Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser Ile Met Ser
 130 135 140

Val Ser Pro Gly Glu Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala Ser Ser Ser
 145 150 155 160

Val Ser Tyr Met His Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Thr Ser Pro Lys
 165 170 175

Leu Ser Ile Tyr Ser Thr Ser Asn Leu Ala Ser Gly Val Pro Ala Arg
 180 185 190

Phe Ser Gly Arg Gly Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Arg
 195 200 205

Val Ala Ala Glu Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Asn
 210 215 220

Tyr Pro Pro Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg
 225 230 235 240

Ser Asp Pro Ala

<210> 36
 <211> 486
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> CLDN6-CAR

<400> 36

Met Asp Trp Ile Trp Arg Ile Leu Phe Leu Val Gly Ala Ala Thr Gly
 1 5 10 15

Ala His Ser Glu Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Pro Glu Leu Val Lys
 20 25 30

Pro Gly Ala Ser Met Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ser Phe
 35 40 45

Thr Gly Tyr Thr Met Asn Trp Val Lys Gln Ser His Gly Lys Asn Leu
 50 55 60

Glu Trp Ile Gly Leu Ile Asn Pro Tyr Asn Gly Gly Thr Ile Tyr Asn
 65 70 75 80

Gln Lys Phe Lys Gly Lys Ala Thr Leu Thr Val Asp Lys Ser Ser Ser
 85 90 95

Thr Ala Tyr Met Glu Leu Leu Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val
 100 105 110

Tyr Tyr Cys Ala Arg Asp Tyr Gly Phe Val Leu Asp Tyr Trp Gly Gln
 115 120 125

Gly Thr Thr Leu Thr Val Ser Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly
 130 135 140

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ser
 145 150 155 160

Ile Met Ser Val Ser Pro Gly Glu Lys Val Thr Ile Thr Cys Ser Ala
 165 170 175

Ser Ser Ser Val Ser Tyr Met His Trp Phe Gln Gln Lys Pro Gly Thr
 180 185 190

Ser Pro Lys Leu Ser Ile Tyr Ser Thr Ser Asn Leu Ala Ser Gly Val
 195 200 205

Pro Ala Arg Phe Ser Gly Arg Gly Ser Gly Thr Ser Tyr Ser Leu Thr
 210 215 220

Ile Ser Arg Val Ala Ala Glu Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln
 225 230 235 240

Arg Ser Asn Tyr Pro Pro Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu
245 250 255

Ile Lys Arg Ser Asp Pro Ala Thr Thr Thr Pro Ala Pro Arg Pro Pro
260 265 270

Thr Pro Ala Pro Thr Ile Ala Ser Gln Pro Leu Ser Leu Arg Pro Glu
275 280 285

Ala Cys Arg Pro Ala Ala Gly Gly Ala Val His Thr Arg Gly Leu Asp
290 295 300

Phe Ala Cys Asp Ile Tyr Ile Trp Ala Pro Leu Ala Gly Thr Cys Gly
305 310 315 320

Val Leu Leu Leu Ser Leu Val Ile Thr Leu Tyr Cys Lys Arg Gly Arg
325 330 335

Lys Lys Leu Leu Tyr Ile Phe Lys Gln Pro Phe Met Arg Pro Val Gln
340 345 350

Thr Thr Gln Glu Glu Asp Gly Cys Ser Cys Arg Phe Pro Glu Glu Glu
355 360 365

Glu Gly Gly Cys Glu Leu Arg Val Lys Phe Ser Arg Ser Ala Asp Ala
370 375 380

Pro Ala Tyr Lys Gln Gly Gln Asn Gln Leu Tyr Asn Glu Leu Asn Leu
385 390 395 400

Gly Arg Arg Glu Glu Tyr Asp Val Leu Asp Lys Arg Arg Gly Arg Asp
405 410 415

Pro Glu Met Gly Gly Lys Pro Arg Arg Lys Asn Pro Gln Glu Gly Leu
420 425 430

Tyr Asn Glu Leu Gln Lys Asp Lys Met Ala Glu Ala Tyr Ser Glu Ile
435 440 445

Gly Met Lys Gly Glu Arg Arg Arg Gly Lys Gly His Asp Gly Leu Tyr
 450 455 460

Gln Gly Leu Ser Thr Ala Thr Lys Asp Thr Tyr Asp Ala Leu His Met
 465 470 475 480

Gln Ala Leu Pro Pro Arg
 485

<210> 37
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> oligonucleótido

<400> 37
 cttatctcct tcgcagtgc a g 21

<210> 38
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> oligonucleótido

<400> 38
 aaggagggcg atgacacaga g 21

<210> 39
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> oligonucleótido

<400> 39
 tgacactggc aaaacaatgc a 21

<210> 40
 <211> 21

<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Oligonucleótido

<400> 40
ggtccttttc accagcaagc t