

<110> CJ CheilJedang Corporation
 <120> Composición para la prevención, el tratamiento o la mejora de
 trastornos
 gástricos que contiene una cepa de Corynebacterium y cultivo de
 la misma
 <130> OPP20201524KR
 <150> KR 10-2019-0071007
 <151> 14-06-2019
 <160> 30
 <170> KoPatentIn 3.0
 <210> 1
 <211> 23
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> IL-1beta_Directo
 <400> 1
 caggctccga gatgaacaac aaa
 23
 <210> 2
 <211> 20
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> IL-1beta_Inverso
 <400> 2
 tggggaactc tgcagactca
 20
 <210> 3
 <211> 20
 <212> ADN
 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> IL-8_Directo
 <400> 3

cagacagtgg cagggattca
20

<210> 4
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> IL-8_Inverso

<400> 4
ttggggacac ccttttagcat
20

<210> 5
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Cox-2_Directo

<400> 5
gaaatggctg cagagttgaa
20

<210> 6
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Cox-2_Inverso

<400> 6
tcattctagtc tggagtggga
20

<210> 7
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> iNOS_Directo

<400> 7
ctcactggga ctgcacagaa
20

<210> 8
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> iNOS_Inverso

<400> 8
tggtgaaggg tgtcgtgaaa
20

<210> 9
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> HO-1_Directo

<400> 9
gacagcatgt cccaggattt
20

<210> 10
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> HO-1_Inverso

<400> 10
ggttctgctt gtttcgctct
20

<210> 11
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>

<223> HSP70_Directo

<400> 11
gagttgagcg gcatcccgcc
20

<210> 12
<211> 21
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> HSP70_Inverso

<400> 12
gtcctagatt cacacctgga g
21

<210> 13
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Gapdh_Directo

<400> 13
ggtgctgagt atgtcgtgga
20

<210> 14
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Gapdh_Inverso

<400> 14
ttcagctctg ggatgacctt
20

<210> 15
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> IL-8_Directo

<400> 15
cactcccagc atcgtagagc
20

<210> 16
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> IL-8_Inverso

<400> 16
cagtgtactt gtggcgtgga
20

<210> 17
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> iNos_Directo

<400> 17
ttttcccagg caaccagacg
20

<210> 18
<211> 19
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> iNos_Inverso

<400> 18
gtagcggggt tcagaatgg
19

<210> 19
<211> 20

<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> IFN-gamma_Directo

<400> 19
atccatgagt gctacacgcc
20

<210> 20
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> IFN-gamma_Inverso

<400> 20
tctgtggggtt gttcacctcg
20

<210> 21
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> HIF-1alfa_Directo

<400> 21
tatcactgga cttcggcagc
20

<210> 22
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> HIF-1alfa_Inverso

<400> 22
gctgccgaag tccagtgata
20

<210> 23
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> PDGF_Directo

<400> 23
aggaagccat tcccgcagtt
20

<210> 24
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> PDGF_Inverso

<400> 24
ctaacctcac ctggacctct
20

<210> 25
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> VEGF_Directo

<400> 25
caatgatgaa gccctggagt
20

<210> 26
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> VEGF_Inverso

<400> 26
gatttcttgc gctttcgttt
20

<210> 27
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> GAPDH_Directo

<400> 27
ggtgctgagt atgtcgtgga
20

<210> 28
<211> 20
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> GAPDH_Inverso

<400> 28
ttcagctctg ggatgacctt
20

<210> 29
<211> 26
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> TNF-alfa_Directo

<400> 29
ccctcacact cagatcatct tctcaa
26

<210> 30
<211> 27
<212> ADN
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> TNF-alfa_Inverso

<400> 30

tctaaggtag ttgggcaggt tgacctc
27