

LISTADO DE SECUENCIAS

<110> Novo Nordisk A/S

<120> COMPOSICIONES SÓLIDAS QUE COMPRENDEN UN AGONISTA DEL GLP-1, UN INHIBIDOR DEL SGLT2 Y UNA SAL DEL ÁCIDO N-(8-(2-HIDROXIBENZOIL)AMINO)CAPRÍLICO

<130> 190068W001

<160> 6

<170> PatentIn versión 3.5

<210> 1

<211> 31

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 1

His	Ala	Glu	Gly	Thr	Phe	Thr	Ser	Asp	Val	Ser	Ser	Tyr	Leu	Glu	Gly
1				5					10					15	

Gln	Ala	Ala	Lys	Glu	Phe	Ile	Ala	Trp	Leu	Val	Lys	Gly	Arg	Gly
			20					25					30	

<210> 2

<211> 40

<212> PRT

<213> Heloderma suspectum

<400> 2

His	Gly	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Thr	Ser	Asp	Leu	Ser	Lys	Gln	Met	Glu
1				5					10					15	

Glu	Glu	Ala	Val	Arg	Leu	Phe	Ile	Glu	Trp	Leu	Lys	Asn	Gly	Gly	Pro
			20					25					30		

Ser	Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35					40

<210> 3

<211> 29

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 3

His	Ser	Gln	Gly	Thr	Phe	Thr	Ser	Asp	Tyr	Ser	Lys	Tyr	Leu	Asp	Ser
1				5					10					15	

Arg	Arg	Ala	Gln	Asp	Phe	Val	Gln	Trp	Leu	Met	Asn	Thr
			20					25				

<210> 4

<211> 31

<212> PRT

<213> Secuencia Artificial

<220>

<223> Sintética

<220>

<221> MOD_RES

<222> (2)..(2)

<223> Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (20)..(20)

<223> El residuo de amino ácido se modificó con un sustituyente.

<400> 4

His Xaa Glu Gly Thr Phe Thr Ser Asp Val Ser Ser Tyr Leu Glu Gly
1 5 10 15

Gln Ala Ala Lys Glu Phe Ile Ala Trp Leu Val Arg Gly Arg Gly
20 25 30

<210> 5
<211> 31
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Sintética

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (20)..(20)
<223> El residuo de amino ácido se modificó con un sustituyente.
<220>
<221> MOD_RES
<222> (31)..(31)
<223> El residuo de amino ácido se modificó con un sustituyente.
<400> 5

His Xaa Glu Gly Thr Phe Thr Ser Asp Val Ser Ser Tyr Leu Glu Gly
1 5 10 15

Gln Ala Ala Lys Glu Phe Ile Ala Trp Leu Val Arg Gly Arg Lys
20 25 30

<210> 6
<211> 33
<212> PRT
<213> Secuencia Artificial

<220>
<223> Sintética

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (21)..(21)
<223> El residuo de amino ácido se modificó con un sustituyente

<220>
<221> MOD_RES
<222> (30)..(30)
<223> El residuo de amino ácido se modificó con un sustituyente

<400> 6

His Xaa Glu Gly Thr Phe Thr Ser Asp Val Ser Ser Tyr Leu Glu Glu
1 5 10 15

Gln Ala Ala Arg Lys Phe Ile Gly Trp Leu Val Arg Gly Lys Gly Glu
20 25 30

Gly