

LISTADO DE SECUENCIAS

<110> Eli Lilly and Company

<120> Compuestos agonistas de GIPR

<130> X21836

<150> US 62/881,685

<151> 2019-08-01

<160> 126

<170> PatentIn versión 3.5

<210> 1

<211> 42

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<220>

<221> MOD_RES

<222> (42)..(42)

<223> AMIDACIÓN

<400> 1

Tyr	Ala	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Met	Asp	Lys
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Gln	Asp	Phe	Val	Asn	Trp	Leu	Leu	Ala	Gln	Lys	Gly	Lys
		20						25					30		

Lys	Asn	Asp	Trp	Lys	His	Asn	Ile	Thr	Gln
	35						40		

<210> 2

<211> 30

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<220>

<221> MOD_RES

<222> (30)..(30)

<223> AMIDACIÓN

<400> 2

His Ala Glu Gly Thr Phe Thr Ser Asp Val Ser Ser Tyr Leu Glu Gly

1 5 10 15

Gln Ala Ala Lys Glu Phe Ile Ala Trp Leu Val Lys Gly Arg
20 25 30

<210> 3
<211> 29
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 3

His Ser Gln Gly Thr Phe Thr Ser Asp Tyr Ser Lys Tyr Leu Asp Ser
1 5 10 15

Arg Arg Ala Gln Asp Phe Val Gln Trp Leu Met Asn Thr
20 25

<210> 4
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> El extremo N de Xaa en la posición 1 se modifica con Z1, en donde la modificación se selecciona del grupo que consiste en acetil y ausente.

<220>
<221> VARIANT
<222> (1)..(1)
<223> Xaa en la posición 1 es Y o D-Tyr

<220>
<221> VARIANT
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es A, Aib, o D-Ala

<220>
<221> VARIANT
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es F, alfa-metil-Phe, Iva, L, alfa-metil-Leu, o alfa-metil-Phe(2F)

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu, A, L o Aib

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es K, E, o Orn

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (17)..(17)
 <223> Xaa en la posición 17 es I o K

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Cuando Xaa en la posición 17 es K, entonces K está químicamente modificado por
 la conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys
 con
 K(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-gamma-Glu-CO-(CH₂)_q-CO₂H
 , en donde q=16 o 18

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (17)..(26)
 <223> en donde uno y solamente uno seleccionado del grupo que consiste en
 X17 y X26 es
 K(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)_q-CO
 2H

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (18)..(18)
 <223> Xaa en la posición 18 es H, A o R

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib o Q

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (21)..(21)
 <223> Xaa en la posición 21 es D o E

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (22)..(22)
 <223> Xaa en la posición 22 es F o alfa-metil-Phe

```

<220>
<221> VARIANT
<222> (24)..(24)
<223> Xaa en la posición 24 es E, N, Q o D-Glu

<220>
<221> VARIANT
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es Y, 4-Pal, W o alfa-metil-Tyr

<220>
<221> VARIANT
<222> (26)..(26)
<223> Xaa en la posición 26 es K o L

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Cuando Xaa en la posición 26 es K, entonces K está químicamente
modificado por
    la conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys
con
    K(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-gamma-Glu-CO-(CH2)q-CO2H
    , en donde q=16 o 18

<220>
<221> VARIANT
<222> (28)..(28)
<223> Xaa en la posición 28 es E o A

<220>
<221> VARIANT
<222> (29)..(29)
<223> Xaa en la posición 29 es A, G, Q o T

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> El extremo C de Xaa en la posición 39 se modifica con Z2, en donde
Z2 está ausente o la modificación es amidación.

<400> 4

Xaa Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1          5          10          15

Xaa Xaa Gln Xaa Xaa Xaa Val Xaa Xaa Xaa Leu Xaa Xaa Gly Pro Ser
20          25          30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

```

<210> 5
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 5

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	Ala	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Asn	Trp	Leu	Leu	Ala	Gln	Gly	Pro	Ser
		20					25						30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 6
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₆-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 6

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	Ala	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Asn	Trp	Leu	Leu	Ala	Gln	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 7

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 7

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Ala Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 8
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 8

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Ala Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 9
 <211> 39

<212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 9

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 10
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

```

<220>
<223>  Construcción sintética

<220>
<221>  MISC_FEATURE
<222>  (2)..(2)
<223>  Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221>  MISC_FEATURE
<222>  (13)..(13)
<223>  Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221>  MISC_FEATURE
<222>  (16)..(16)
<223>  Xaa en la posición 16 es Orn

<220>
<221>  MISC_FEATURE
<222>  (20)..(20)
<223>  Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221>  MOD_RES
<222>  (26)..(26)
<223>  Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
del
      grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
      (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
      2H

<220>
<221>  MOD_RES
<222>  (39)..(39)
<223>  Ser en la posición 39 está amidado

<400>  10

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1          5          10          15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
      20          25          30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
      35

<210>  11

```

<211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (24)..(24)
 <223> Xaa en la posición 24 es D-Glu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
 2H

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 11

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5				10					15		

Ile His Gln Xaa Glu Phe Val Xaa Tyr Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser

20

25

30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 12

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 12

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Xaa Asp Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 13
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 13

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 14
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 14

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Gln Asp Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 15
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 15

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Gln Asp Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 16

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 16

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys

1 5 10 15

Lys Ala Gln Gln Asp Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 17
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 17

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Gln Glu Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 18

<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 18

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Gln	Asp	Phe	Val	Glu	Trp	Leu	Leu	Ala	Gln	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 19
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 19

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Gln Asp Phe Val Asn Tyr Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 20
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO2H

<220>
<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 20

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5				10						15	

Lys	Ala	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Trp	Leu	Leu	Ala	Gln	Gly	Pro	Ser
		20					25					30			

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 21
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 21

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Xaa Asp Phe Val Asn Trp Leu Leu Glu Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 22

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₆-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 22

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Xaa Asp Phe Val Asn Xaa Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 23
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 23

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Xaa Asp Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 24
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 24

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Xaa Glu Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 25

<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 25

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 26
<211> 39
<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 26

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 27

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 27

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Ala	Gly	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 28
 <211> 39

<212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 28

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 29
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 29

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 30

```

<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
    grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
    (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
    2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 30

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1          5          10          15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
          20          25          30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
          35

<210> 31
<211> 39
<212> PRT

```

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 31

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Xaa Glu Phe Val Gln Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 32

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 32

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	Ala	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Asn	Trp	Leu	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 33
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 33

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys Ala Gln Xaa Glu Phe Val Glu Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 34

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (1)..(1)

<223> Xaa en la posición 1 es D-Tyr

<220>

<221> MOD_RES

<222> (1)..(1)

<223> El extremo N de Xaa en la posición 1 está acetilado

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO 2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 34

Xaa Ala Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Tyr Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 35
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO

2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 35

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Asn	Tyr	Leu	Leu	Ala	Ala	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 36

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₆-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 36

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Leu	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	Ala	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Asn	Trp	Leu	Leu	Ala	Gln	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35

<210> 37
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (1)..(1)
<223> Xaa en la posición 1 es D-Tyr

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> El extremo N de Xaa en la posición 1 está acetilado

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 37

Xaa Ala Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Tyr Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 38
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 38

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Tyr Leu Leu Ala Thr Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 39
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 39

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Asn	Tyr	Leu	Leu	Ala	Thr	Gly	Pro	Ser
		20					25						30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35

<210> 40
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 40

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Tyr	Leu	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35

<210> 41

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 41

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 42

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 42

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Thr Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 43
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 43

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 44
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 44

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Trp Leu Leu Glu Thr Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 45
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 45

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5				10						15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35

<210> 46

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 46

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 47
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 48

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 49
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 49

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 50

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 50

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Gln	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 51
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 51

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 52
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 52

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Ala	Gly	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 53
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 53

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Ala	Gly	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 54

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 54

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 55

<211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 55

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 56

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 56

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 57
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 57

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 58
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 58

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Trp Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 59
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es Iva

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 59

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 60

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (22)..(22)

<223> Xaa en la posición 22 es alfa-metil-Phe

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 60

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Xaa Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 61
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 61

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 62
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 62

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Thr Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 63
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO

2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 63

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Ala	Ala	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 64

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 64

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Ala	Gln	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 65
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 65

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Ala	Thr	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 66
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 66

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Ala Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 67
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 67

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Tyr Leu Leu Glu Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 68

```

<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
      grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
      (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
      2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 68

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1          5          10          15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Tyr Leu Leu Glu Thr Gly Pro Ser
          20          25          30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
          35

<210> 69
<211> 39
<212> PRT

```

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 69

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Tyr Leu Leu Glu Ala Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 70

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 70

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Leu Leu Glu Thr Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 71
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 71

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Leu Leu Glu Gln Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 72
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 72

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Tyr	Leu	Leu	Glu	Ala	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 73
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 73

 Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

 Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
 20 25 30

 Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

 <210> 74
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 74

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Thr Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 75
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>

```

<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
      grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
      (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
      2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 75

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1           5           10           15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Trp Leu Leu Glu Thr Gly Pro Ser
          20           25           30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
          35

<210> 76
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)

```

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 76

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Leu	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Tyr	Leu	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 77

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 77

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Leu	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Tyr	Leu	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 78
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es Iva

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 78

 Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
 1 5 10 15

 Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
 20 25 30

 Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

 <210> 79
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es Iva

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 79

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 80
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (6)..(6)
 <223> Xaa en la posición 6 es Iva

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 80

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 81
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es Iva

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (16)..(16)
<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 81

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5				10					15		

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
		20					25					30			

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 82

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 82

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Ala	Ala	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35

<210> 83
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con

(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 83

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 84

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (16)..(16)

<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 84

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 85

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 85

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Gln	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 86
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (16)..(16)

<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 86

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 87
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 87

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Glu
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Thr Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 88
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 88

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Glu
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 89
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 89

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Glu

1

5

10

15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Ala Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

```
<210> 90
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial
```

<220>
<223> Construcción sintética

```
<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib
```

```
<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu
```

```
<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación
del
      grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
      (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
      2H
```

```
<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib
```

```
<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal
```

```
<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado
```

<400> 90

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Glu
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 91

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (16)..(16)

<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)

<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₆-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 91

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1 5 10 15

Lys His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Leu Leu Glu Ala Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 92
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es Iva

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 92

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Ala	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 93
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MOD_RES
<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 93

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Leu	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Ala	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 94

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (17)..(17)
<223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es alfa-metil-Tyr

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 94

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Ala	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 95
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (17)..(17)
 <223> Lys en la posición 17 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es alfa-metil-Tyr

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 95

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Lys	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Leu	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 96
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 96

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Tyr	Lys	Leu	Glu	Gln	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 97
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es D-Ala

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₆-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 97

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Leu	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Ile	Ala	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Asn	Trp	Lys	Leu	Ala	Gln	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 98

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 98

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Tyr Lys Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 99
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 99

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Tyr Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 100
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 100

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5				10					15		

Ile	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Asn	Tyr	Lys	Leu	Ala	Gly	Gly	Pro	Ser
		20					25					30			

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 101
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 101

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Asn	Tyr	Lys	Leu	Ala	Gly	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35

<210> 102

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 102

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Glu Phe Val Asn Tyr Lys Leu Ala Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 103

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 103

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 104
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 104

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5				10					15		

Ile	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Xaa	Lys	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
		20					25					30			

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 105

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (16)..(16)

<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (24)..(24)

<223> Xaa en la posición 24 es D-Glu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 105

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Xaa Tyr Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 106

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (16)..(16)

<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (24)..(24)
 <223> Xaa en la posición 24 es D-Glu

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 106

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Xaa	Tyr	Lys	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 107
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MISC_FEATURE

<222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
 2H

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 107

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Tyr	Lys	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 108
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 108

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
 1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Tyr Lys Leu Glu Ala Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 109
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

<220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 109

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Tyr	Lys	Leu	Glu	Thr	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 110
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib
 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu
 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn
 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib
 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H
 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado
 <400> 110
 Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
 1 5 10 15
 Ile His Gln Xaa Glu Phe Val Glu Tyr Lys Leu Glu Gln Gly Pro Ser
 20 25 30
 Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35
 <210> 111
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial
 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)
 <223> Xaa en la posición 16 es Orn

 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (20)..(20)
 <223> Xaa en la posición 20 es Aib

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
 del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

 <400> 111

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Tyr	Lys	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 112
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (16)..(16)

<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 112

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 113
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 113

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 114
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación
del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 114

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 115
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (16)..(16)
<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del
grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)16-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 115

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5				10					15		

Ile	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Lys	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
		20					25					30			

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 116

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 116

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Xaa	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Ala	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Xaa	Lys	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35

<210> 117
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con

(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 117

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Ala Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 118

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 IS 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 118

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Ala Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Gln Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 119

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 119

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5				10					15		

Ile	Arg	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Tyr	Lys	Leu	Glu	Gly	Gly	Pro	Ser
		20					25					30			

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
		35				

<210> 120
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (16)..(16)
<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 120

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Xaa
1 5 10 15

Ile Arg Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 121
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (13)..(13)
<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 121

Tyr Xaa Glu Gly Thr Phe Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Xaa Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Tyr Lys Leu Glu Ala Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 122

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (13)..(13)

<223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 122

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Lys
1				5					10					15	

Ile	Arg	Gln	Xaa	Asp	Phe	Val	Glu	Tyr	Lys	Leu	Glu	Ala	Gly	Pro	Ser
			20					25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
			35			

<210> 123

<211> 39

<212> PRT

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción sintética

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (2)..(2)

<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (6)..(6)

<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-F(2F)

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 29 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 123

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Gly Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 124
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (25)..(25)
<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (26)..(26)
<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO2H

<220>
<221> MOD_RES
<222> (39)..(39)
<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 124

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Ala Gly Pro Ser
20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
35

<210> 125
<211> 39
<212> PRT
<213> Secuencia artificial

<220>
<223> Construcción sintética

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (6)..(6)
<223> Xaa en la posición 6 es alfa-metil-Phe(2F)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (20)..(20)
<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

 <220>
 <221> MOD_RES
 <222> (26)..(26)
 <223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del
 grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
 (2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH2)18-CO
 2H

<220>
 <221> MOD_RES
 <222> (39)..(39)
 <223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 125

Tyr Xaa Glu Gly Thr Xaa Ile Ser Asp Tyr Ser Ile Leu Leu Asp Lys
 1 5 10 15

Ile His Gln Xaa Asp Phe Val Glu Xaa Lys Leu Glu Gln Gly Pro Ser
 20 25 30

Ser Gly Ala Pro Pro Pro Ser
 35

<210> 126
 <211> 39
 <212> PRT
 <213> Secuencia artificial

 <220>
 <223> Construcción sintética

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (2)..(2)
 <223> Xaa en la posición 2 es Aib

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (13)..(13)
 <223> Xaa en la posición 13 es alfa-metil-Leu

<220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222> (16)..(16)

<223> Xaa en la posición 16 es Orn

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (20)..(20)

<223> Xaa en la posición 20 es Aib

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (25)..(25)

<223> Xaa en la posición 25 es 4-Pal

<220>

<221> MOD_RES

<222> (26)..(26)

<223> Lys en la posición 26 está químicamente modificado por conjugación del

grupo épsilon-amino de la cadena lateral de Lys con
(2-[2-(2-amino-etoxi)-etoxi]-acetil)2-(gamma-Glu)-CO-(CH₂)₁₈-CO
2H

<220>

<221> MOD_RES

<222> (39)..(39)

<223> Ser en la posición 39 está amidado

<400> 126

Tyr	Xaa	Glu	Gly	Thr	Phe	Ile	Ser	Asp	Tyr	Ser	Ile	Xaa	Leu	Asp	Xaa
1				5					10					15	

Ile	His	Gln	Xaa	Glu	Phe	Val	Glu	Xaa	Lys	Leu	Glu	Ala	Gly	Pro	Ser
		20						25					30		

Ser	Gly	Ala	Pro	Pro	Pro	Ser
						35