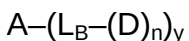


REIVINDICACIONES

1. Un conjugado de Fórmula (I) o una sal farmacéuticamente aceptable del mismo;



Fórmula (I)

donde:

A es un fragmento de anticuerpo que específicamente se une a cKIT humano, donde el fragmento de anticuerpo se selecciona entre cualquiera de los siguientes:

- (1) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 (Región Determinante de Complementariedad de Cadena Pesada 1) de SEQ ID NO: 1, (b) una HCDR2 (Región Determinante de Complementariedad de Cadena Pesada 2) de SEQ ID NO: 2, y (c) una HCDR3 (Región Determinante de Complementariedad de Cadena Pesada 3) de SEQ ID NO: 3; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 (Región Determinante de Complementariedad de Cadena Liviana 1) de SEQ ID NO: 16, (e) una LCDR2 (Región Determinante de Complementariedad de Cadena Liviana 2) de SEQ ID NO: 17, y (f) una LCDR3 (Región Determinante de Complementariedad de Cadena Liviana 3) de SEQ ID NO: 18;
- (2) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 4, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 5, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 3; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 19, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 20, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 21;
- (3) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 6, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 2, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 3; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID

NO: 16, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 17, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 18;

- (4) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 7, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 8, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 9; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 22, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 20, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 18;
- (5) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 27, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 28, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 29; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 42, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 17, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 43;
- (6) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 30, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 31, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 29; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 44, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 20, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 45;
- (7) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 32, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 28, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 29; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 42, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 17, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 43;
- (8) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 33, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 34, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 35; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID

NO: 46, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 20, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 43;

(9) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 60, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 61, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 62; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 75, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 76, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 77;

(10) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 63, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 64, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 62; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 78, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 79, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 80;

(11) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 65, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 61, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 62; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 75, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 76, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 77;

(12) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 66, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 67, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 68; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 81, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 79, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 77;

(13) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 86, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 87, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 88; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID

- NO: 101, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 102, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 103;
- (14) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 89, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 90, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 88; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 104, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 105, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 106;
- (15) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 91, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 87, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 88; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 101, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 102, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 103;
- (16) un Fab o Fab' que comprende (i) una región variable de cadena pesada que comprende (a) una HCDR1 de SEQ ID NO: 92, (b) una HCDR2 de SEQ ID NO: 93, (c) una HCDR3 de SEQ ID NO: 94; y (ii) una región variable de cadena liviana que comprende: (d) una LCDR1 de SEQ ID NO: 107, (e) una LCDR2 de SEQ ID NO: 105, y (f) una LCDR3 de SEQ ID NO: 103;
- (17) un Fab o Fab' que comprende una región variable de cadena pesada (VH) que comprende SEQ ID NO: 10, y una región variable de cadena liviana (VL) que comprende SEQ ID NO: 23;
- (18) un Fab o Fab' que comprende una VH que comprende SEQ ID NO: 36, y una VL que comprende SEQ ID NO: 47;
- (19) un Fab o Fab' que comprende una VH que comprende SEQ ID NO: 69, y una VL que comprende SEQ ID NO: 82;
- (20) un Fab o Fab' que comprende una VH que comprende SEQ ID NO: 95, y una VL que comprende SEQ ID NO: 108;
- (21) un Fab' que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 14, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 25;

- (22) un Fab' que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 40, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 49;
- (23) un Fab' que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 73, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 84;
- (24) un Fab' que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 99, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 110;
- (25) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 118, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 122;
- (26) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 118, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 123;
- (27) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 124, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 128;
- (28) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 124, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 129;
- (29) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 130, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 134;
- (30) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 130, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 135;
- (31) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 136, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 140;
- (32) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende SEQ ID NO: 141, y una cadena liviana que comprende SEQ ID NO: 145;
- (33) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada entre SEQ ID NO: 119, 120 o 121, y una cadena liviana que comprende la secuencia de aminoácidos de SEQ ID NO: 25;
- (34) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada entre SEQ ID NO: 125, 126, o 127, y una cadena liviana que comprende la secuencia de aminoácidos de SEQ ID NO: 49;

(35) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada entre SEQ ID NO: 137, 138, o 139, y una cadena liviana que comprende la secuencia de aminoácidos de SEQ ID NO: 84; o

(36) un Fab que comprende una cadena pesada que comprende una secuencia de aminoácidos seleccionada entre SEQ ID NO: 142, 143, o 144, y una cadena liviana que comprende la secuencia de aminoácidos de SEQ ID NO: 110;

L_B es un enlazador, donde cada L_B se selecciona independientemente de un enlazador escindible o un enlazador no-escindible;

D es un agente citotóxico, donde cada D es un agente citotóxico seleccionado independientemente entre una auristatina, una amanitina, un maitansinoide o una saporina;

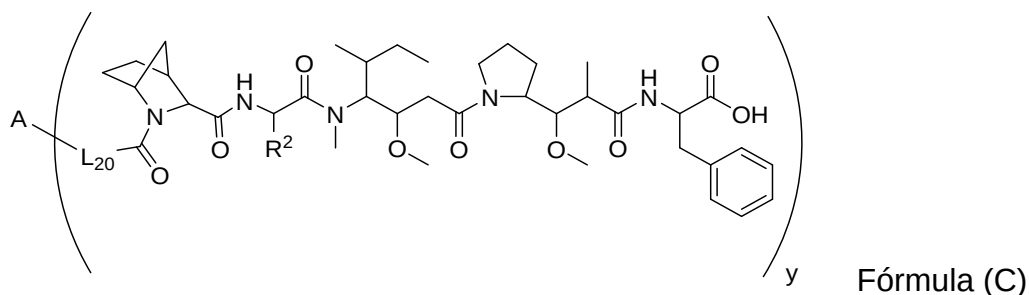
n es un número entero que va desde 1 hasta 10; y

y es un número entero que va desde 1 hasta 10; y

donde el conjugado no induce degranulación de mastocitos.

2. El conjugado de la reivindicación 1, donde n es 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7 o 8.
3. El conjugado de la reivindicación 1, donde y es 1, 2, 3 o 4.
4. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 3, donde cada D es un agente citotóxico seleccionado independientemente entre una auristatina, una amanitina o un maitansinoide.
5. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 4, donde cada D es un agente citotóxico seleccionado independientemente entre una auristatina o una amanitina.

6. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 5, donde cada L_B es un enlazador escindible.
7. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 5, donde cada L_B es un enlazador no-escindible.
8. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 7, que tiene la estructura de Fórmula (C):



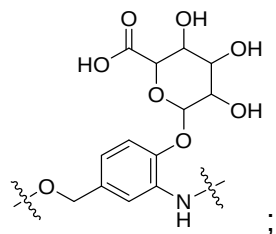
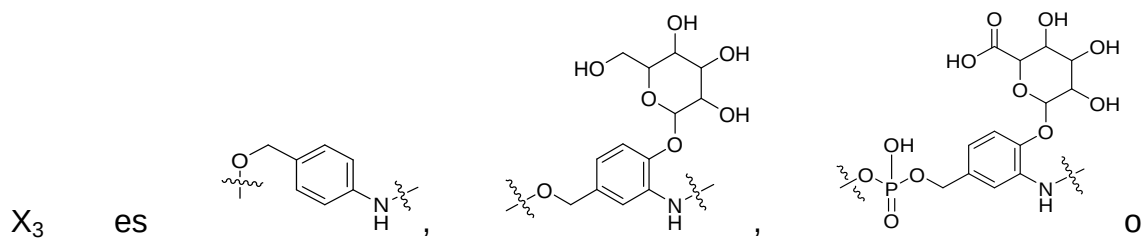
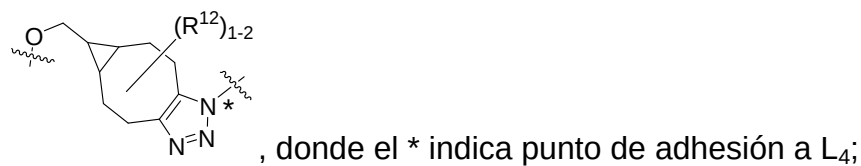
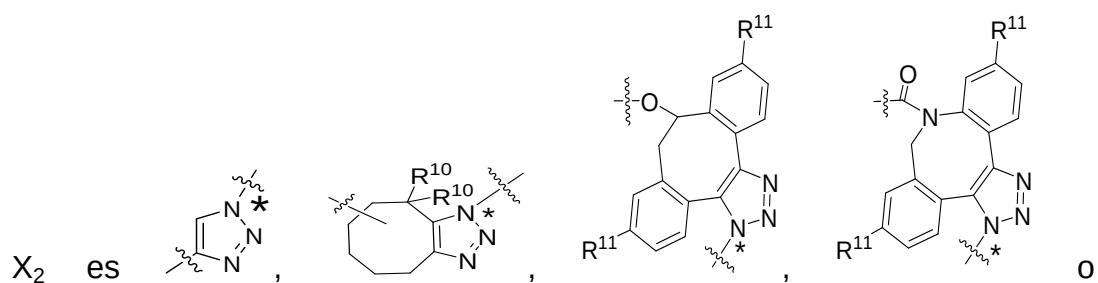
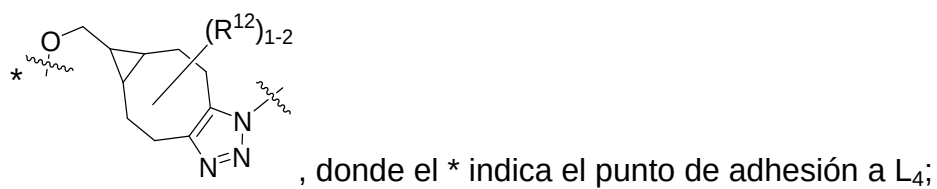
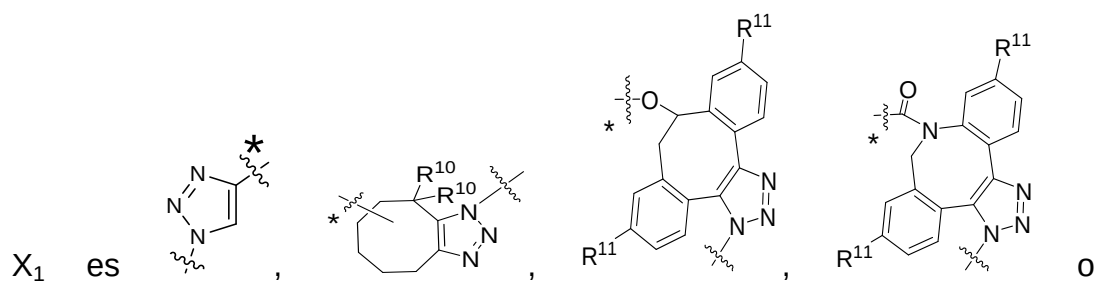
donde:

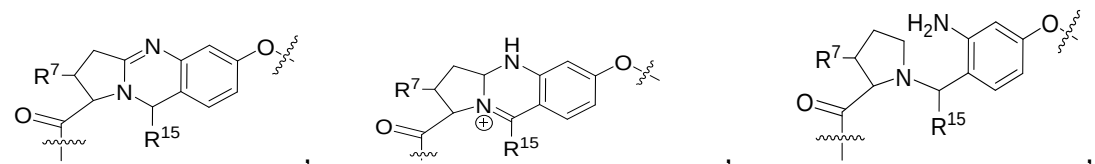
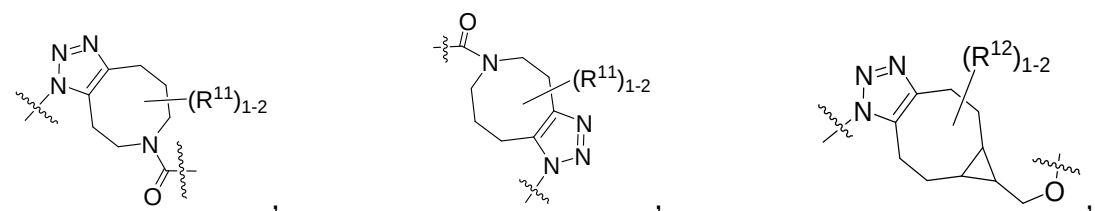
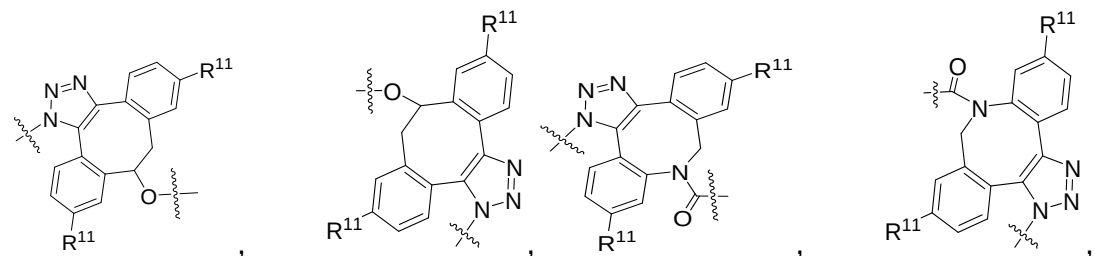
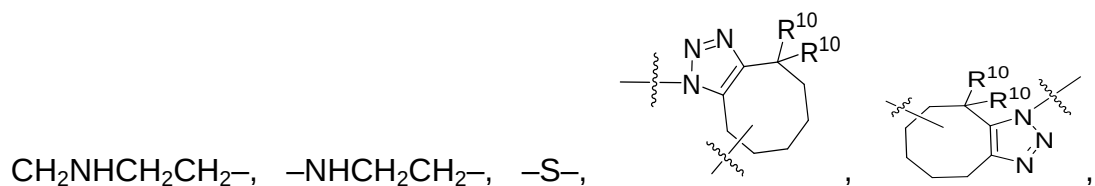
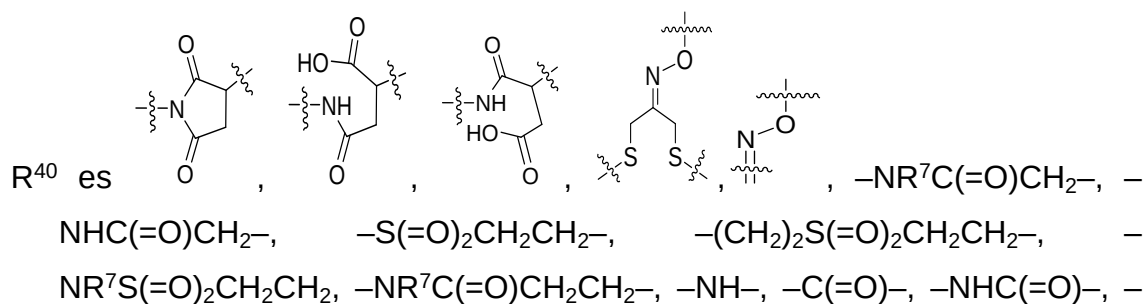
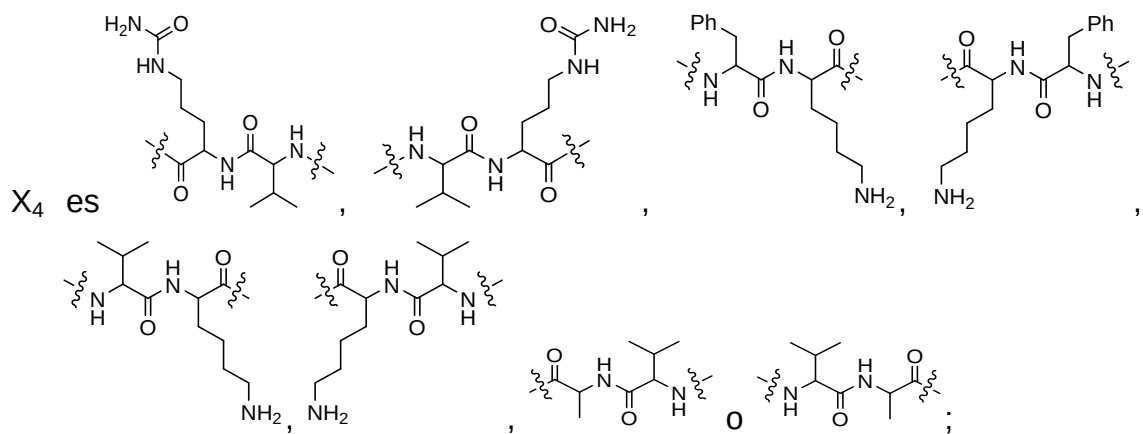
R^2 es alquilo C_1-C_6 ;

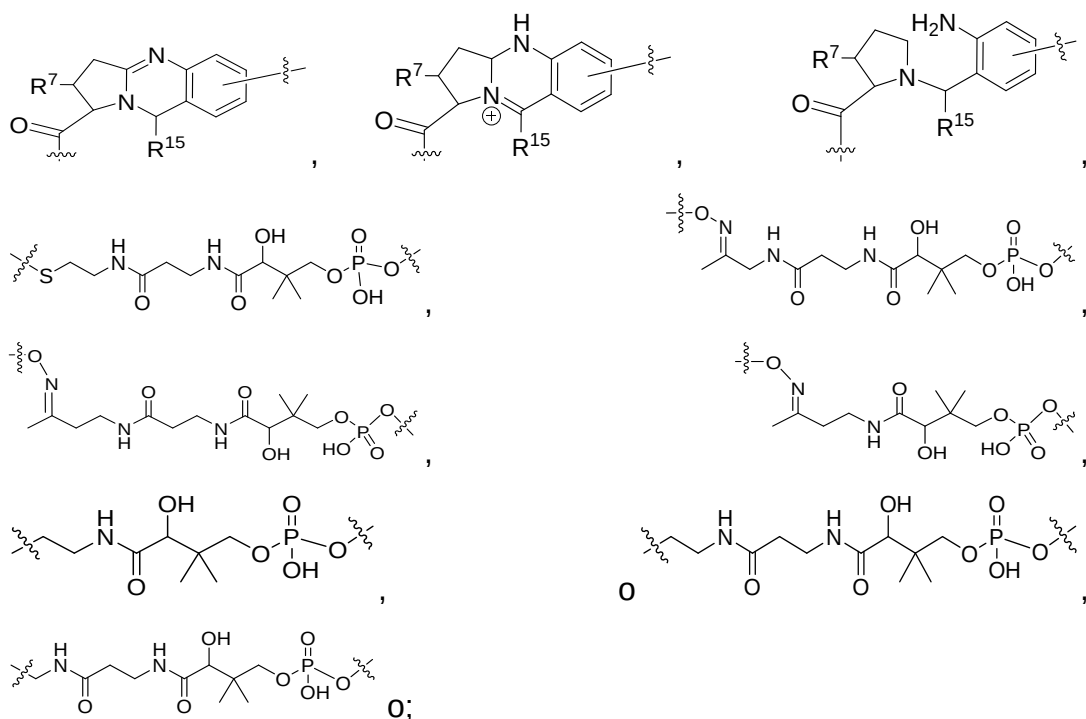
L_{20} es $-L_1R^{40}$;

L_1 es $-((CH_2)_mO)_p(CH_2)_mX_1L_4-$, $-((CH_2)_mO)_p(CH_2)_mX_2L_4-$, $-$
 $((CH_2)_mO)_p(CH_2)_m-$, $-(CH_2)_m-$, $-(CH_2)_mX_1(CH_2)_m-$, $-$
 $(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_m-$, $-(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_mC(=O)NH(CH_2)_m-$, $-$
 $((CH_2)_mO)_p(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_m-$, $-((CH_2)_mO)_pCH_2)_mC(=O)NH(CH_2)_m-$, $-$
 $X_3X_4C(=O)((CH_2)_mO)_p(CH_2)_m-$, $-X_3X_4C(=O)(CH_2)_m-$, $-$
 $X_3C(=O)(CH_2)_nNHC(=O)(CH_2)_m-$, $-$
 $X_3C(=O)(CH_2)_mNHC(=O)((CH_2)_mO)_p(CH_2)_m-$, $-(CH_2)_mC(R_7)_2-$, $-$
 $(CH_2)_mC(R_7)_2SS(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_m-$ o $-$
 $(CH_2)_mX_3C(=O)(CH_2)_mNHC(=O)((CH_2)_mO)_p(CH_2)_m-$;

L_4 es $-((CH_2)_m-$;







cada R^7 se selecciona independientemente entre H y alquilo C_1-C_6 ;

cada R^{10} se selecciona independientemente entre H, alquilo C_1-C_6 , F, Cl, y $-OH$;

cada R^{11} se selecciona independientemente entre H, alquilo C_1-C_6 , F, Cl, $-NH_2$, $-OCH_3$, $-OCH_2CH_3$, $-N(CH_3)_2$, $-CN$, $-NO_2$ y $-OH$;

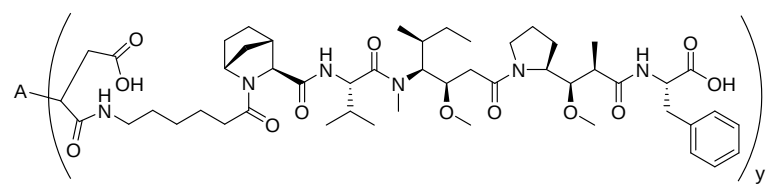
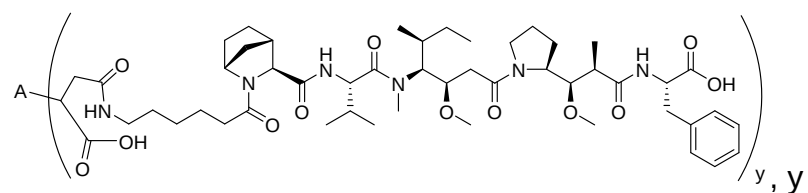
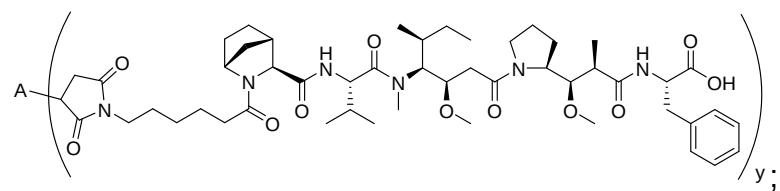
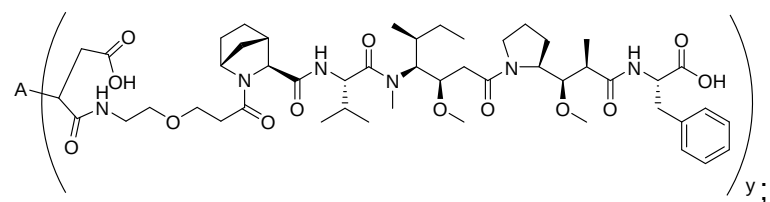
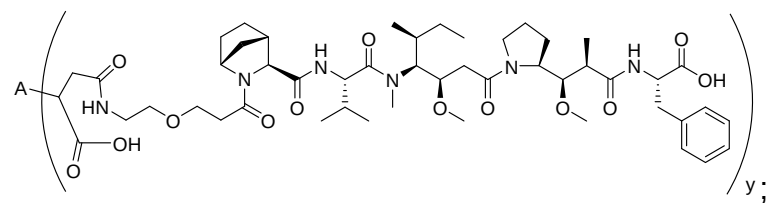
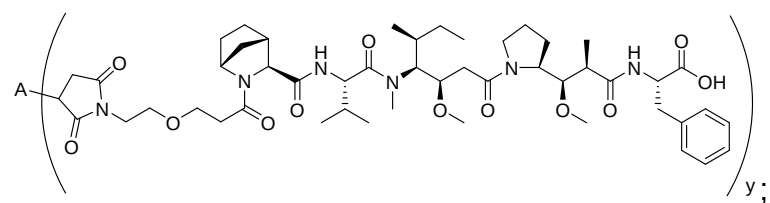
cada R^{12} se selecciona independientemente entre H, alquilo C_{1-6} , flúor, benciloxi sustituido con $-C(=O)OH$, bencilo sustituido con $-C(=O)OH$, alcoxi C_{1-4} sustituido con $-C(=O)OH$ y alquilo C_{1-4} sustituido con $-C(=O)OH$;

cada R^{15} se selecciona independientemente entre H, $-CH_3$ y fenilo;

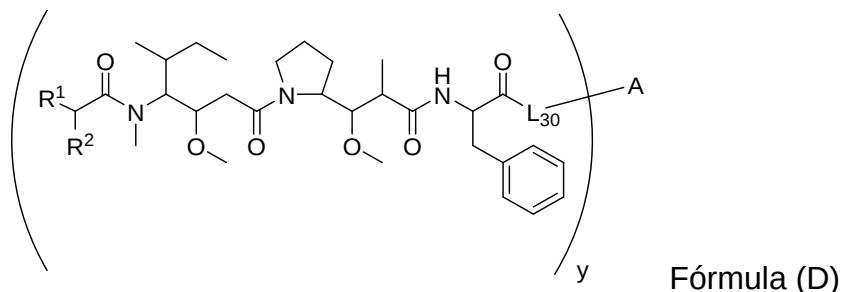
cada m se selecciona independientemente entre 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 y 10, y

cada p se selecciona independientemente entre 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13 y 14.

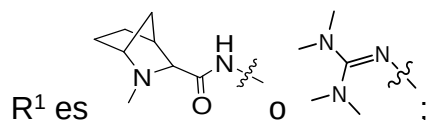
9. El conjugado de la reivindicación 8, que se selecciona entre



10. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 7, que tiene la estructura de Fórmula (D):



donde:

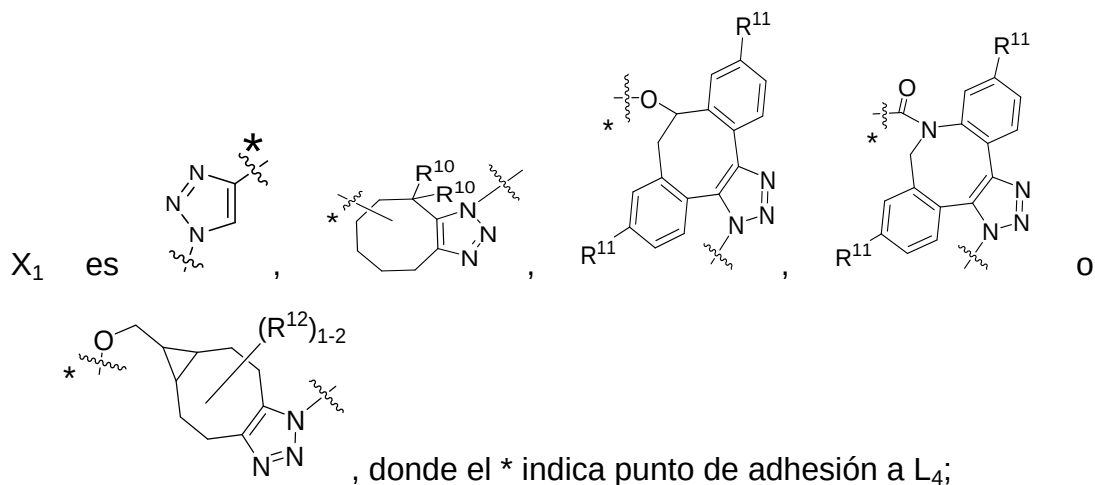


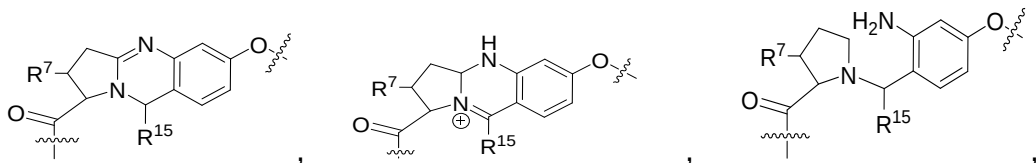
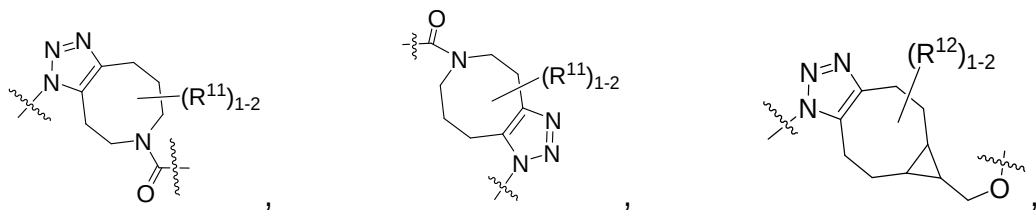
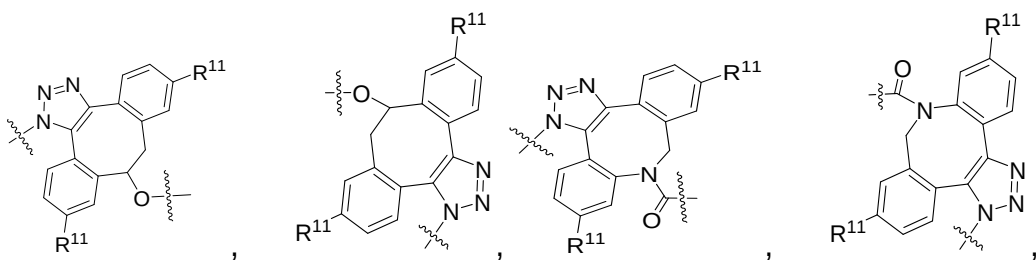
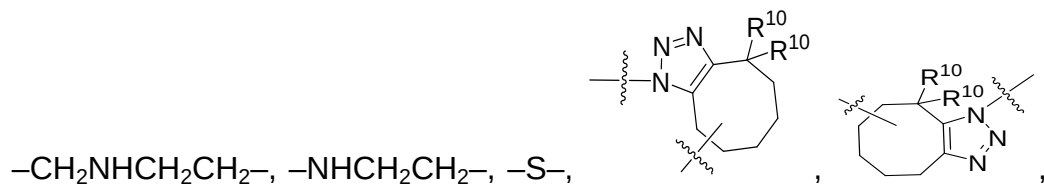
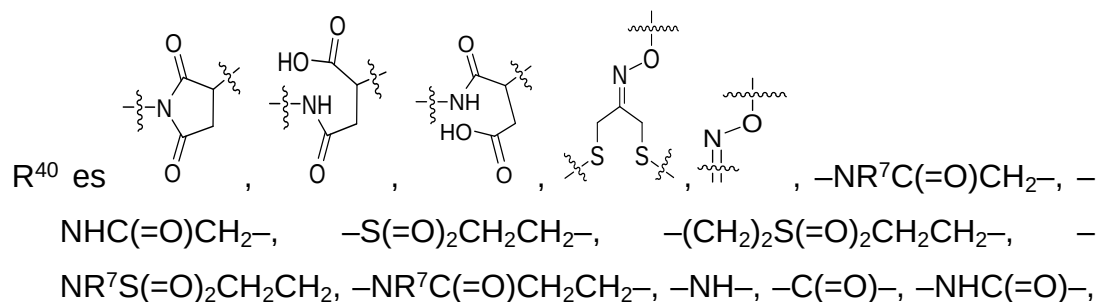
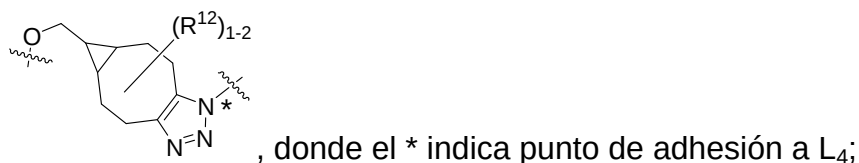
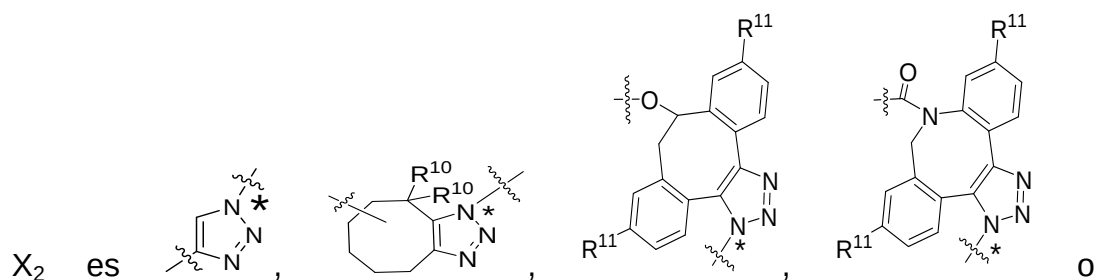
R^2 es alquilo C_1-C_6 ;

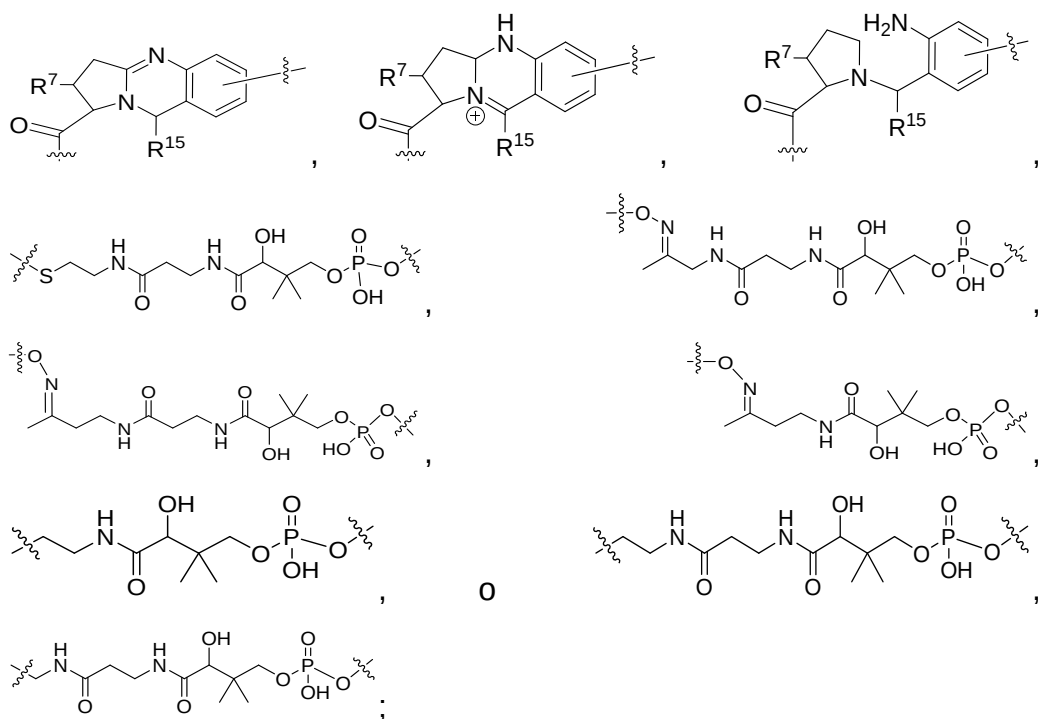
L_{30} es $-L_5R^{40}$;

L_4 es $-((CH_2)_m$;

L_5 es $-NHS(=O)_2(CH_2)_mX_1L_4$, $-NH((CH_2)_mO)_p(CH_2)_mX_1L_4$, $-$
 $NH((CH_2)_mO)_p(CH_2)_mX_2L_4$, $-NH((CH_2)_mO)_p(CH_2)_m$, $-NH(CH_2)_m$, $-$
 $NH(CH_2)_mX_1(CH_2)_m$, $-NH(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_m$, $-$
 $NH(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_mC(=O)NH(CH_2)_m$, $-$
 $NH((CH_2)_mO)_p(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_m$, $-$
 $NH((CH_2)_mO)_pCH_2)_mC(=O)NH(CH_2)_m$, $-NH(CH_2)_nC(R_7)_2$, $-$
 $NH(CH_2)_mC(R_7)_2SS(CH_2)_mNHC(=O)(CH_2)_m$ o $-$
 $NH(CH_2)_mX_3C(=O)(CH_2)_mNHC(=O)((CH_2)_mO)_p(CH_2)_m$;







cada R^7 se selecciona independientemente entre H y alquilo C_1-C_6 ;

cada R^{10} se selecciona independientemente entre H, alquilo C_1-C_6 , F, Cl, y $-OH$;

cada R^{11} se selecciona independientemente entre H, alquilo C_1-C_6 , F, Cl, $-NH_2$, $-OCH_3$, $-OCH_2CH_3$, $-N(CH_3)_2$, $-CN$, $-NO_2$ y $-OH$;

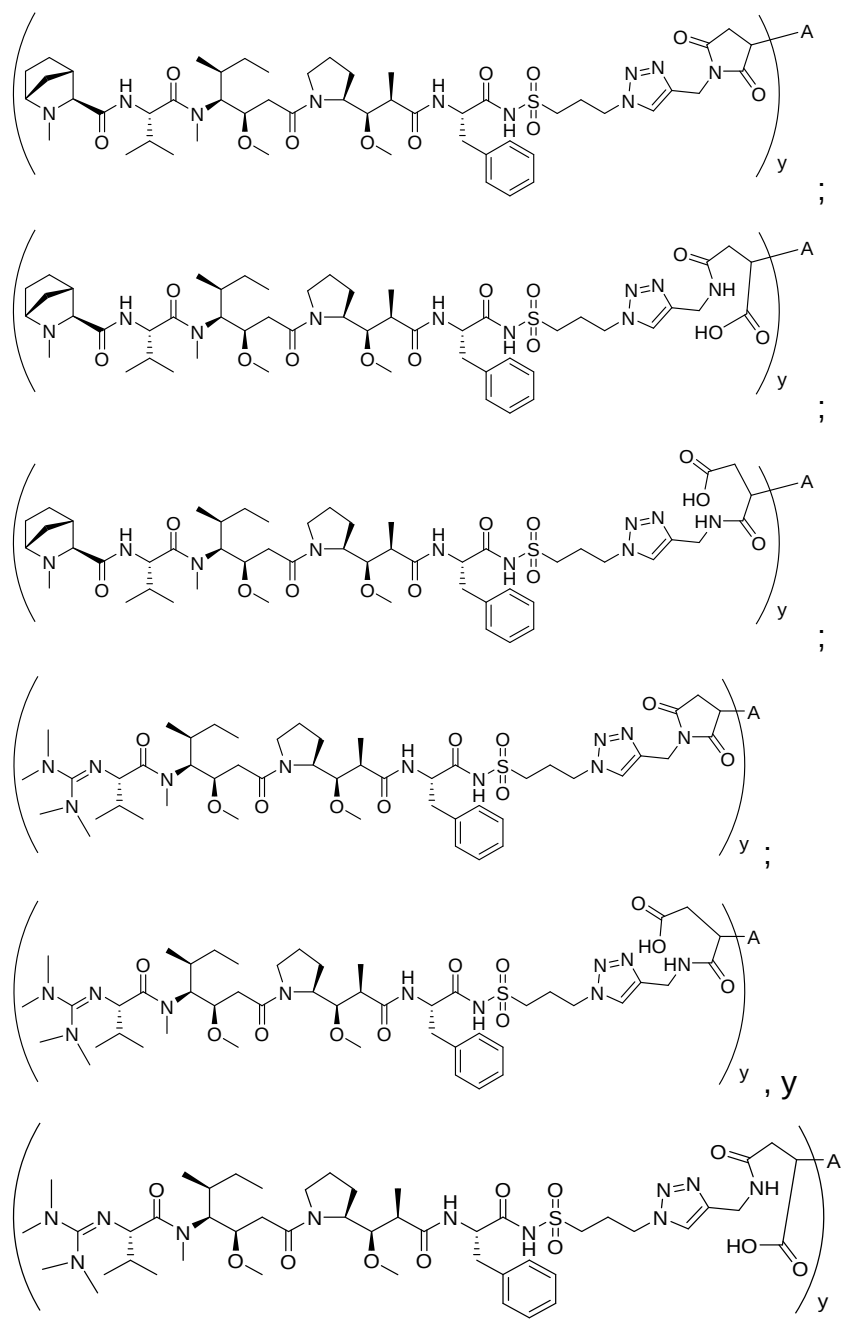
cada R^{12} se selecciona independientemente entre H, alquilo C_{1-6} , flúor, benciloxi sustituido con $-C(=O)OH$, bencilo sustituido con $-C(=O)OH$, alcoxi C_{1-4} sustituido con $-C(=O)OH$ y alquilo C_{1-4} sustituido con $-C(=O)OH$;

cada R^{15} se selecciona independientemente entre H, $-CH_3$ y fenilo;

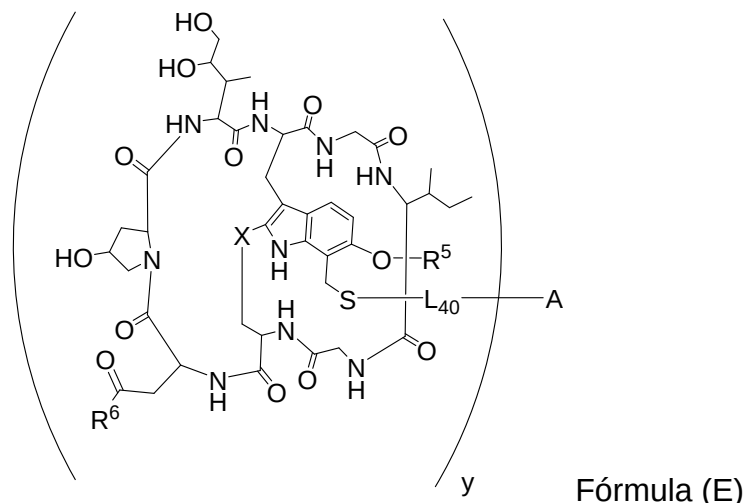
cada m se selecciona independientemente entre 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 y 10, y

cada p se selecciona independientemente entre 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13 y 14.

11. El conjugado de la reivindicación 10 que se selecciona entre



12. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 7, que tiene la estructura de Fórmula (E):



donde:

X es S(=O), S(=O)₂ o S;

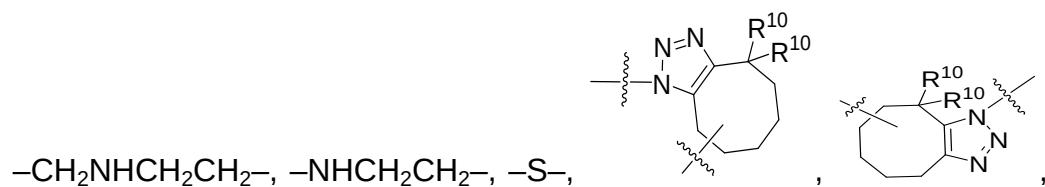
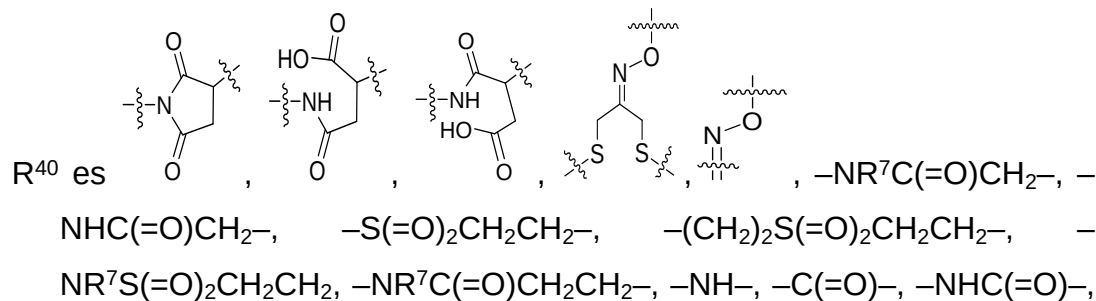
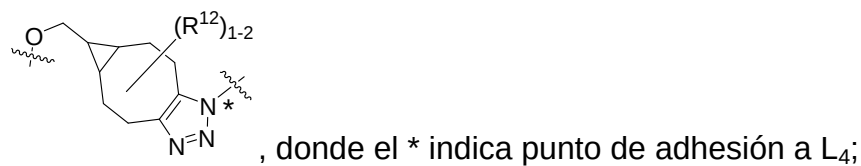
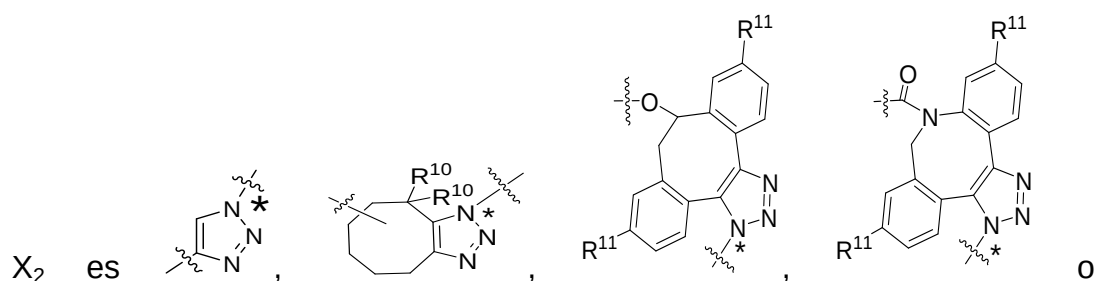
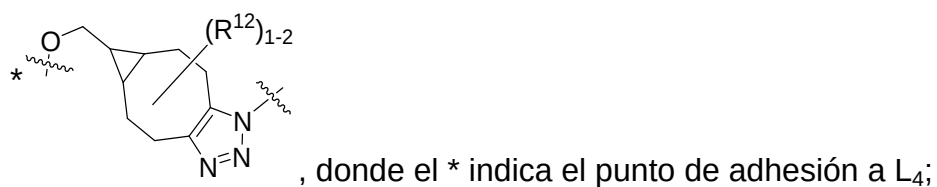
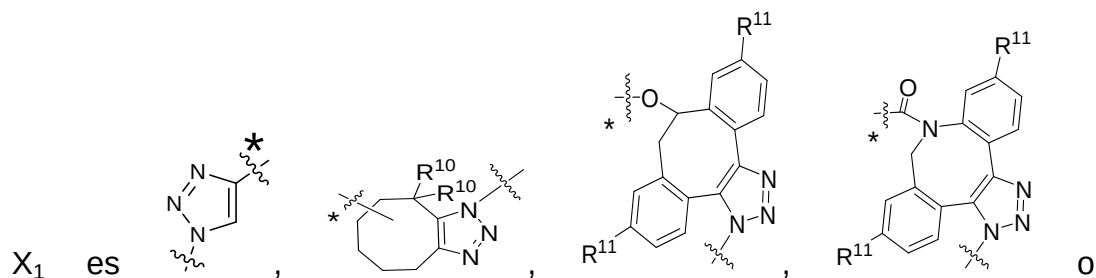
R⁵ es H, -CH₃ o -CD₃;

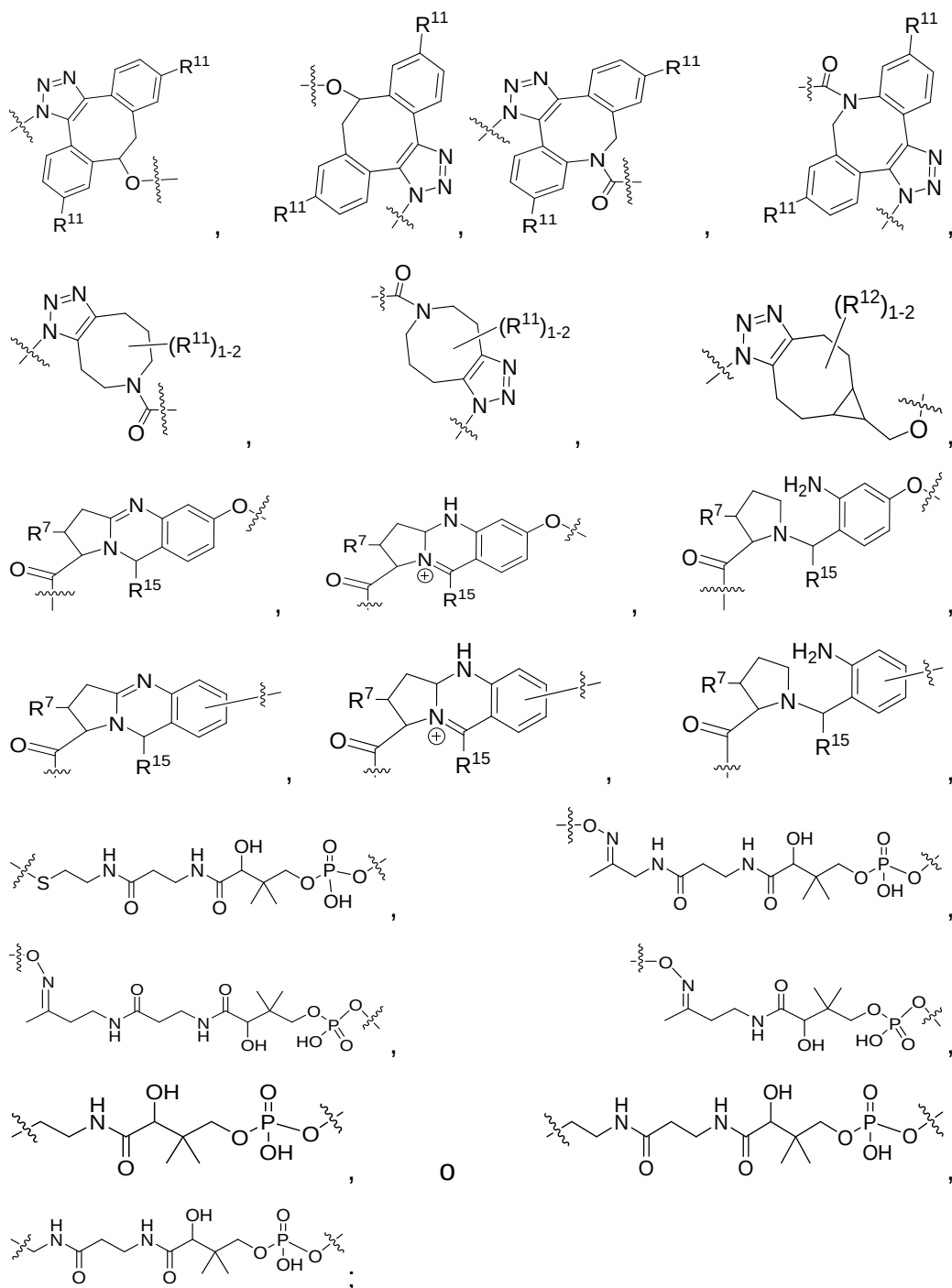
R⁶ es -NH₂ o -OH;

L₄₀ es -L₆R⁴⁰;

L₆ es -((CH₂)_mO)_p(CH₂)_mX₁L₄-, -((CH₂)_mO)_p(CH₂)_mX₂L₄-, -
 L₄NHC(=O)NH((CH₂)_mO)_p(CH₂)_mX₁L₄-, - L₄NHC(=O)NH
 ((CH₂)_mO)_p(CH₂)_mX₂L₄-, -((CH₂)_mO)_p(CH₂)_m-, -(CH₂)_m-, -
 (CH₂)_mX₁(CH₂)_m-, -(CH₂)_mNHC(=O)(CH₂)_m-, -
 (CH₂)_mNHC(=O)(CH₂)_mC(=O)NH(CH₂)_m-, -
 ((CH₂)_mO)_p(CH₂)_mNHC(=O)(CH₂)_m-, -((CH₂)_mO)_pCH₂)_mC(=O)NH(CH₂)_m-,
 -(CH₂)_mC(R₇)₂- o -(CH₂)_mC(R₇)₂SS(CH₂)_mNHC(=O)(CH₂)_m-;

L₄ es -((CH₂)_m);





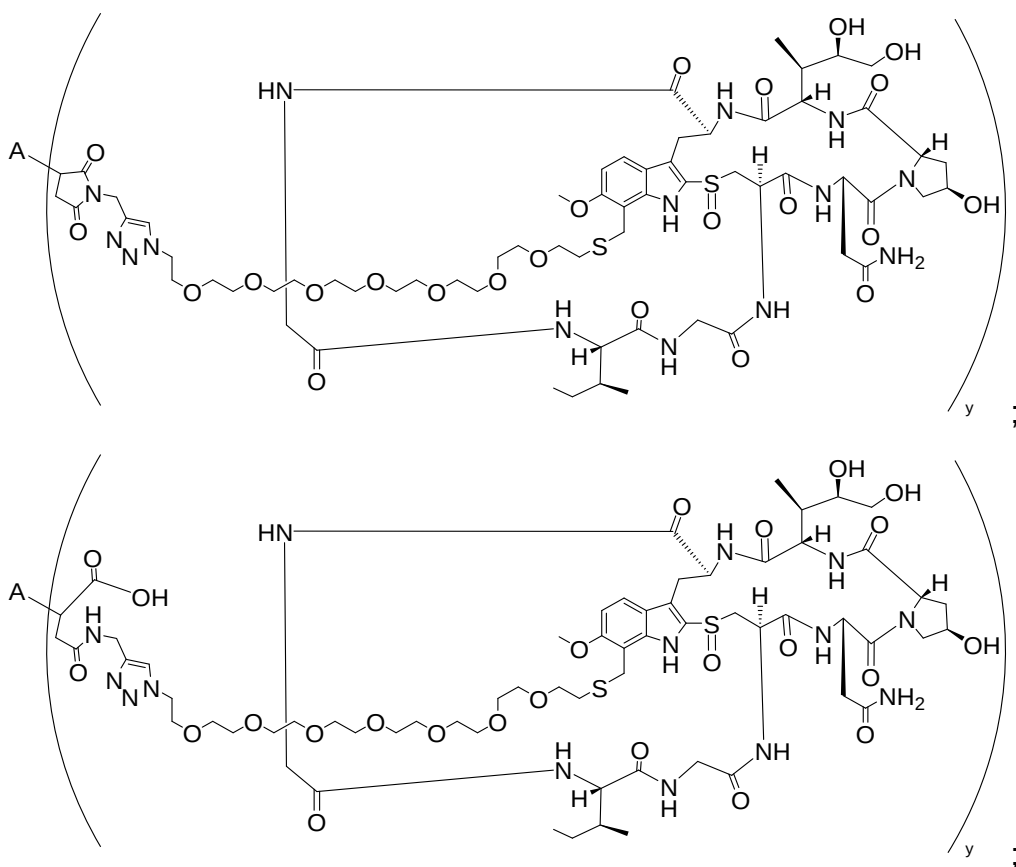
cada R⁷ se selecciona independientemente entre H y alquilo C₁–C₆;

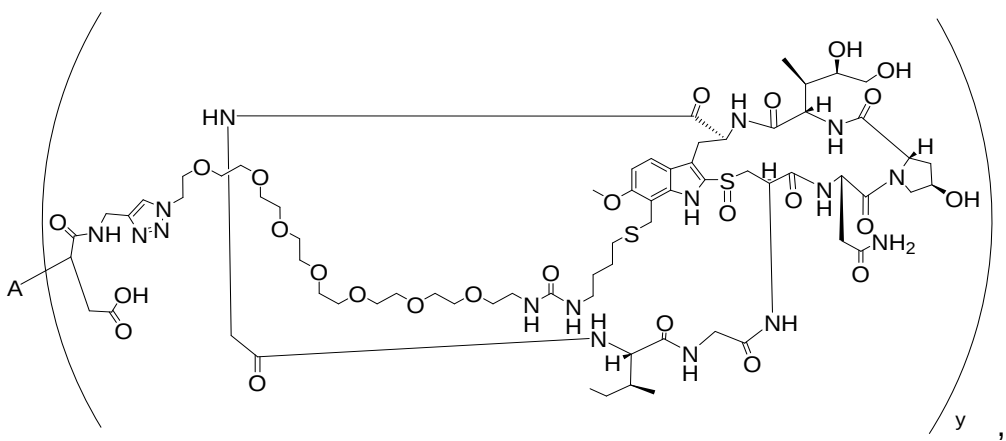
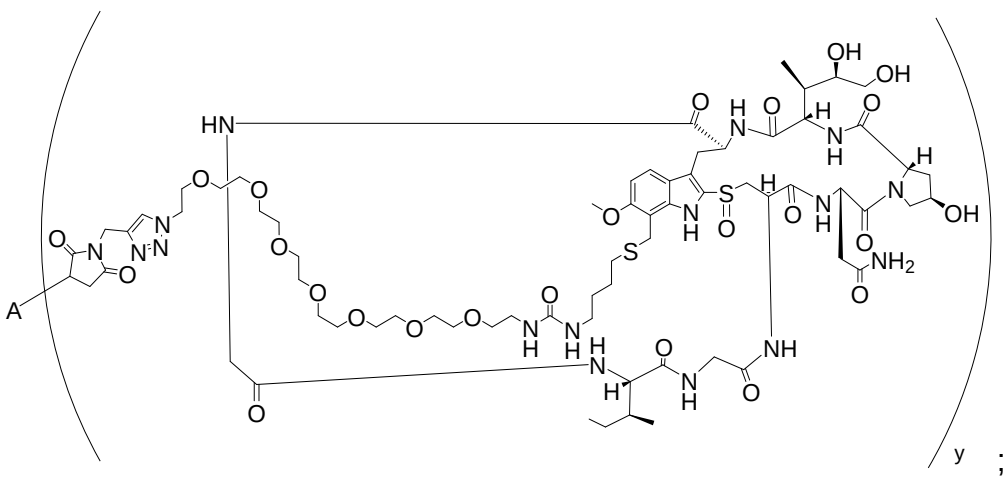
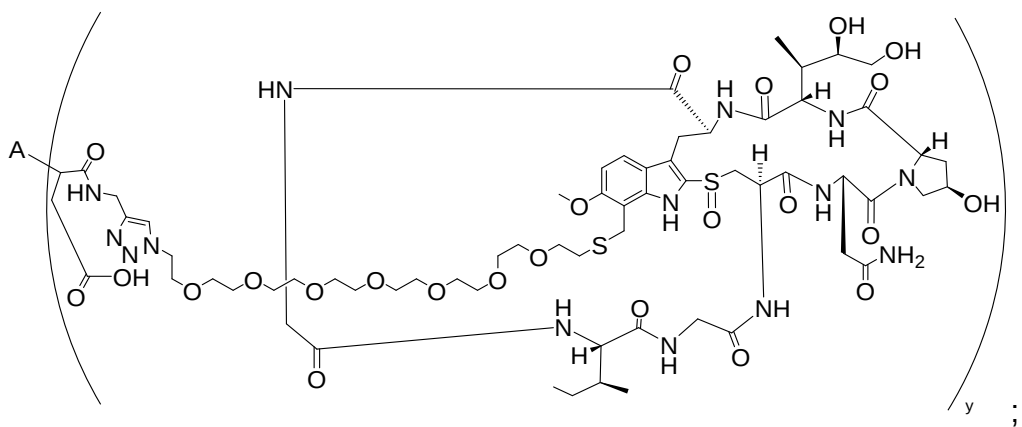
cada R¹⁰ se selecciona independientemente entre H, alquilo C₁–C₆, F, Cl, y –OH;

cada R¹¹ se selecciona independientemente entre H, alquilo C₁–C₆, F, Cl, –NH₂, –OCH₃, –OCH₂CH₃, –N(CH₃)₂, –CN, –NO₂ y –OH;

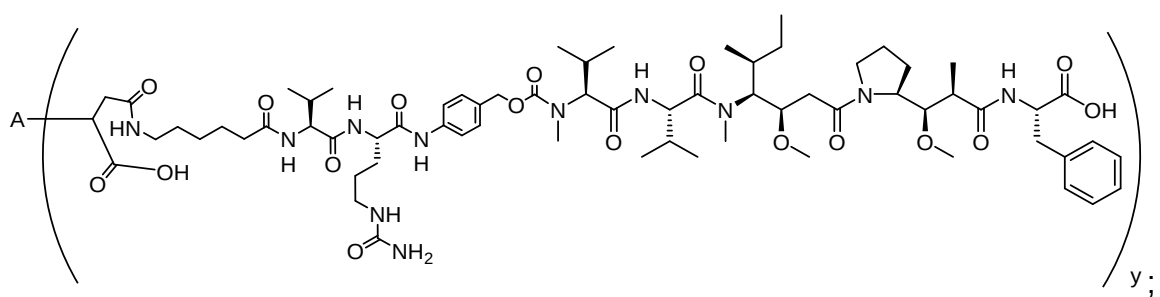
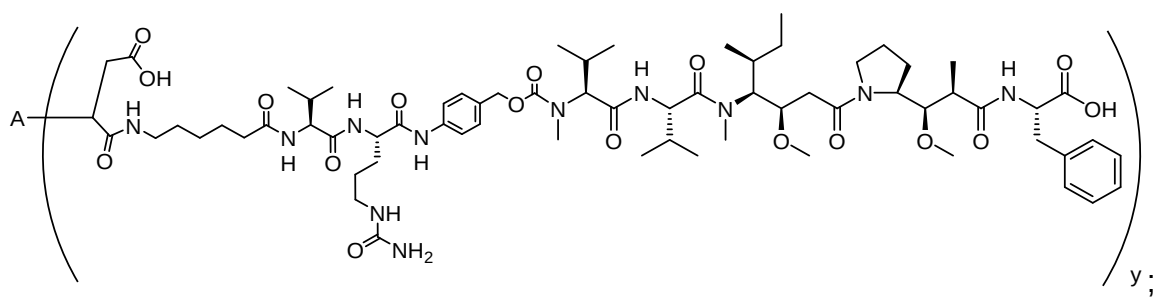
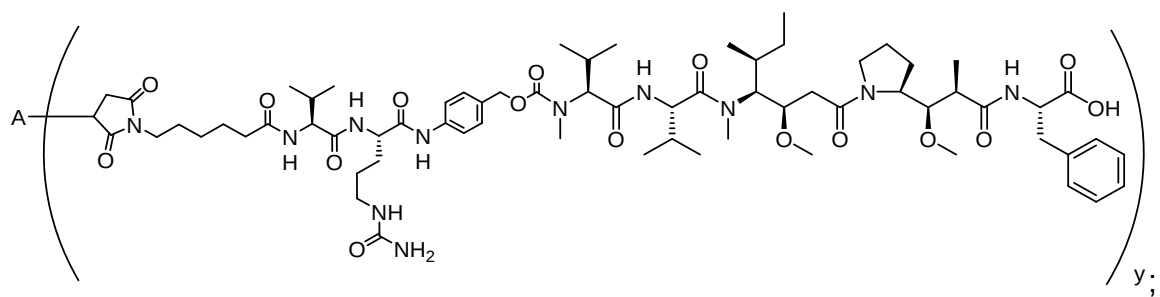
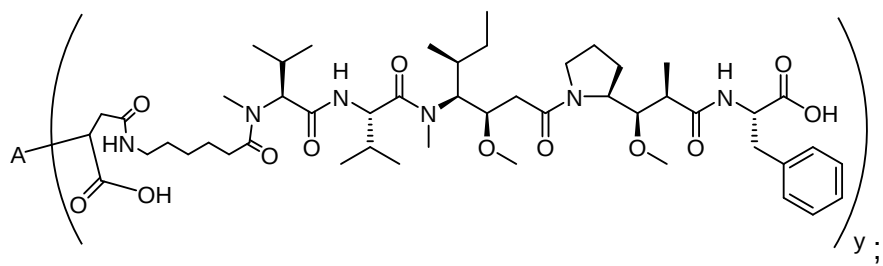
cada R^{12} se selecciona independientemente entre H, alquilo C_{1-6} , flúor, benciloxi sustituido con $-C(=O)OH$, bencilo sustituido con $-C(=O)OH$, C_{1-4} alcoxi sustituido con $-C(=O)OH$ y alquilo C_{1-4} sustituido con $-C(=O)OH$;
 cada R^{15} se selecciona independientemente entre H, $-CH_3$ y fenilo;
 cada m se selecciona independientemente entre 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 y 10,
 y
 cada p se selecciona independientemente entre 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13 y 14.

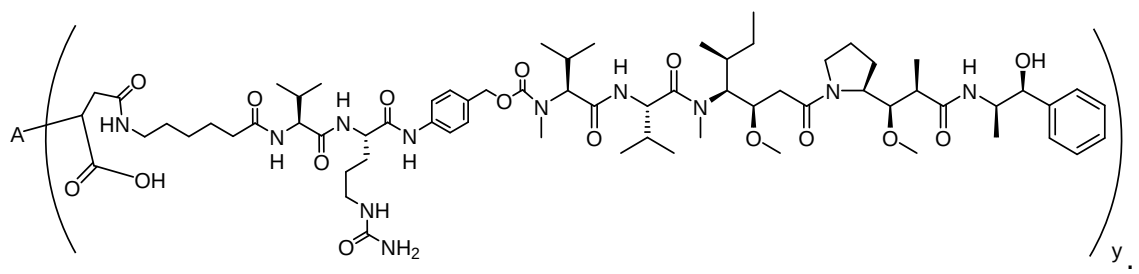
13. El conjugado de la reivindicación 12 que se selecciona entre:



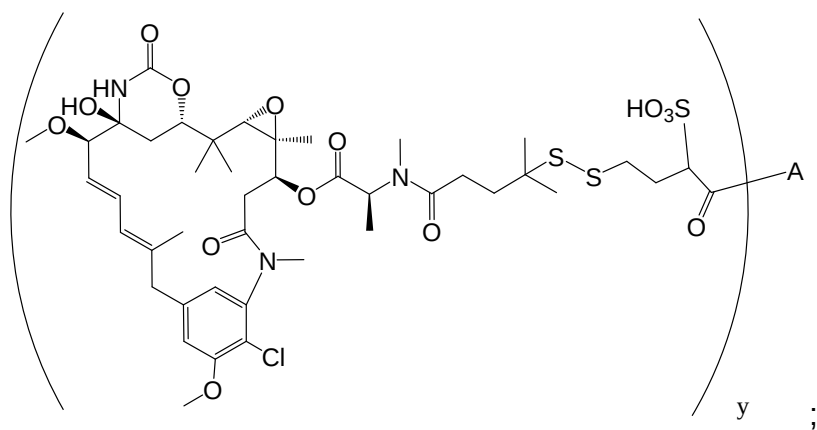
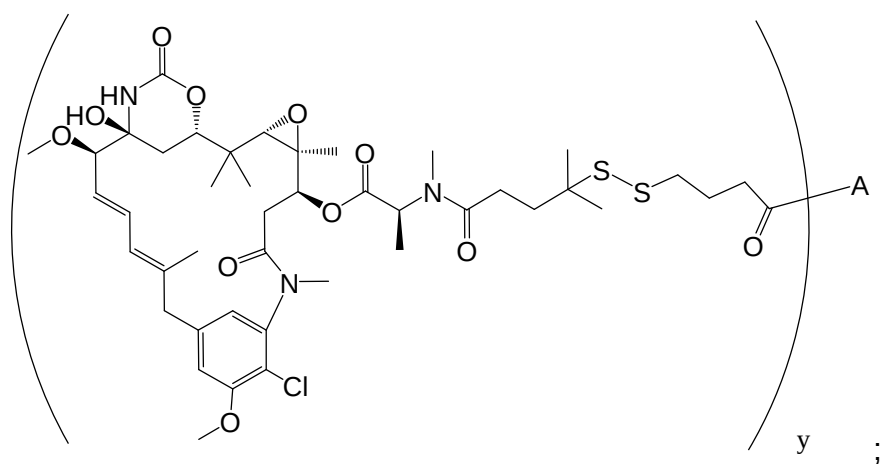
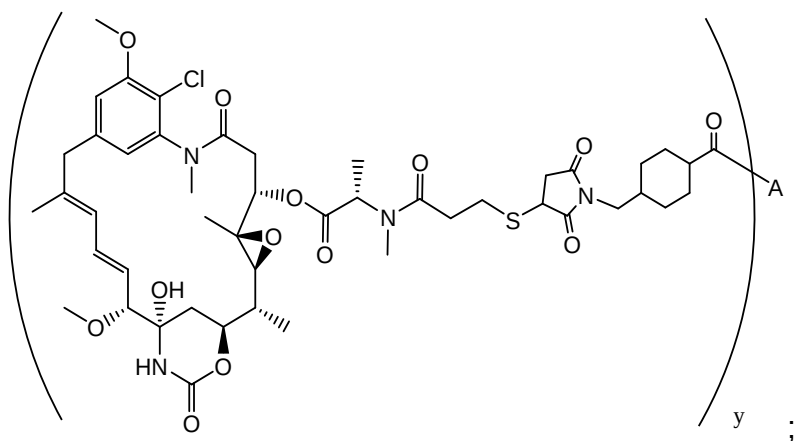


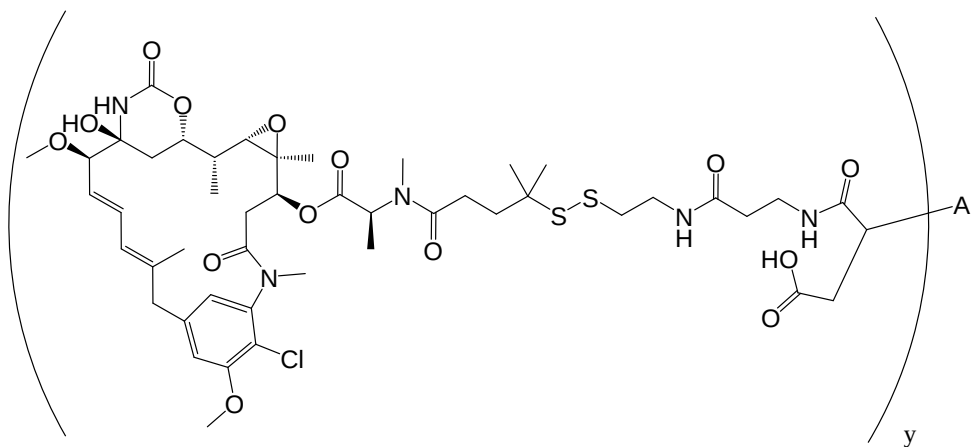
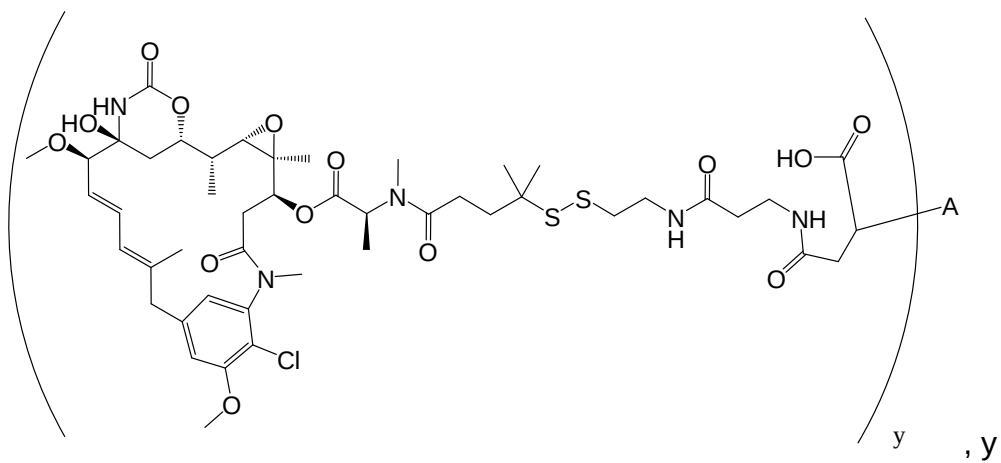
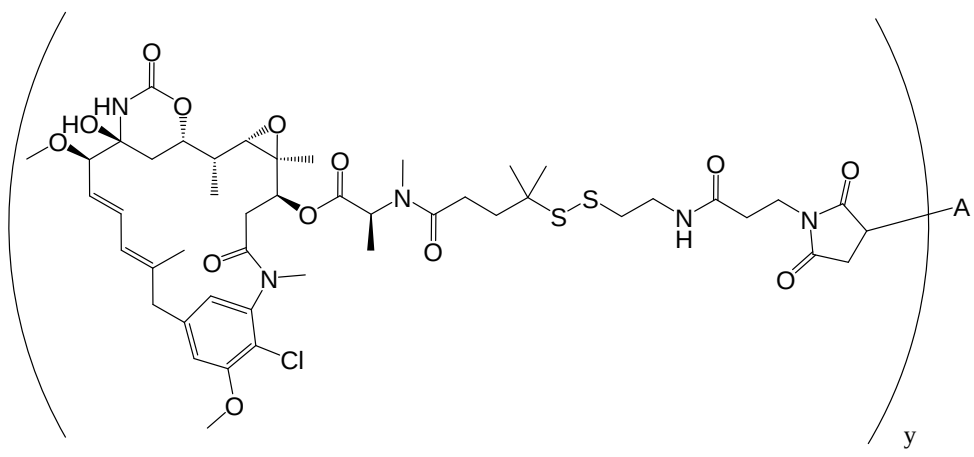
y





15.El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 7, que se selecciona entre:





16. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 15, donde el fragmento de anticuerpo se une específicamente al dominio extracelular de cKIT humano (SEQ ID NO: 112).
17. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 15, donde el fragmento de anticuerpo se une específicamente a un epítipo en dominios 1–3 de cKIT humano (SEQ ID NO: 113).
18. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 7, donde el fragmento de anticuerpo es un Fab' y el enlazador (L_B) se adhiere a un residuo cisteína nativo en la región bisagra del Fab'.
19. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 7, donde el fragmento de anticuerpo comprende una cisteína no nativa introducida dentro de una región constante, y el enlazador (L_B) se adhiere a la cisteína no–nativa.
20. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 8-9 o reivindicaciones 12–13, donde el fragmento de anticuerpo es un Fab' y L_{20} se adhiere a un residuo cisteína nativo en la región bisagra del Fab'.
21. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 8-9 o reivindicaciones 12–13, donde el fragmento de anticuerpo comprende una cisteína no nativa introducida dentro de una región constante, y L_{20} es adherido a la cisteína no nativa.
22. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 10 a 111, donde el fragmento de anticuerpo es un Fab' y L_{30} se adhiere a un residuo cisteína nativo en la región bisagra del Fab'.
23. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 10 a 11, donde el fragmento de anticuerpo comprende una cisteína no nativa introducida dentro de una región constante, y L_{30} se adhiere a la cisteína no–nativa.

24. El conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 23, donde la semi-vida del conjugado es entre 0 y 48 horas.
25. Una composición farmacéutica que comprende el conjugado de cualquiera de las reivindicaciones 1 a 24 y un portador farmacéuticamente aceptable.
26. La composición farmacéutica de la reivindicación 25, donde la composición es un liofilizado.