

85, 87, 89, 91, 93, 95, 97 y 99; o (b) esa proteína pesticida contiene una secuencia de aminoácidos de por lo menos 62 %, 65 %, 70 %, 75 %, 80 %, 85 %, 90 %, 95 % o 100 % de identidad de una secuencia de aminoácidos seleccionados del grupo que consiste en lo siguiente: SEQ ID NO:23, 25, 27, 29, 31, 33, 36, 39, 42, 47, 49, 51, 53, 55, 57, 59, 61, 63, 65, 67, 69, 71, 81, 83, 85, 87, 89, 91, 93, 95, 97 y 99; o (c) ese segmento polinucleótido hibrida bajo condiciones de hibridación exigente para el cumplimiento de una secuencia de nucleótidos seleccionada del grupo que consiste en lo siguiente: SEQ ID NO:43, 44, 45, 46, 48, 50, 52; o (d) esa planta exhibe una cantidad detectable de dicha proteína pesticida, en la que la proteína pesticida se selecciona del grupo que consiste en: SEQ ID NO:23, 25, 27, 29, 31, 33, 36, 39, 42, 47, 49, 51, 53, 55, 57, 59, 61, 63, 65, 67, 69, 71, 81, 83, 85, 87, 89, 91, 93, 95, 97, y 99. En una representación, la planta es monocotiledónea o dicotiledónea. En otra representación, la planta se selecciona del grupo que incluye alfalfa, banana, cebada, judía, brócoli, repollo, brassica, zanahoria, mandioca, ricino, coliflor, apio, garbanzo, repollo chino, citrus, coco, café, maíz, trébol, algodón, cucurbitácea, pepino, abeto de Douglas, berenjena, eucalipto, lino, ajo, uva, lúpulo, puerro, lechuga, pino de incienso, mijo, melón, nuez, avena, aceituna, cebolla, ornamental, palmera, pasto, guisante, maní, pimienta, arvejas, pino, papa, álamo, calabaza, pino Radiata, rábano, colza, arroz, rizoma, centeno, cártamo, arbusto, sorgo, pino sureño, soja, espinaca, calabacín, frutilla, remolacha, caña de azúcar, girasol, maíz dulce, dulce, batata, pasto varilla, té, tabaco, tomate, triticale, césped, sandía y trigo.

[020] En otras representaciones, se muestran semillas que constan de moléculas de ácido nucleico recombinante.

[021] En otra representación, se contempla una composición inhibitoria de insectos que consta de moléculas de ácido nucleico recombinante revelada en esta solicitud. La composición inhibitoria de insectos además puede contener una secuencia de nucleótidos que codifica al menos un agente pesticida más que la proteína pesticida mencionada. Ese otro agente pesticida se selecciona del grupo que consiste en una proteína inhibitoria de insectos, una molécula dsARN inhibitoria de insectos, y una proteína secundaria. Ese otro agente pesticida en la composición inhibitoria de insectos muestra actividad contra una o más plagas de los órdenes de Lepidópteros, Hemípteros y Tisanópteros. El otro agente pesticida en la composición inhibitoria de insectos se selecciona del grupo que consiste en variantes Cry1A, Cry1Ab, Cry1Ac, Cry1A.105, Cry1Ae, Cry1B, Cry1C, Cry1C, variantes Cry1D, Cry1E, Cry1F, Cry1A/F, quimeras Cry1G, Cry1H, Cry1I, Cry1J, Cry1K, Cry1L, Cry2A, Cry2Ab, Cry2Ae, Cry3, Cry3A variantes, Cry3B, Cry4B, Cry6, Cry7, Cry8, Cry9, Cry15, Cry34, Cry35, Cry43A, Cry43B, Cry51Aa1, ET29, ET33, ET34, ET35, ET66, ET70, TIC400, TIC407, TIC417, TIC431, TIC800,