

REIVINDICACIONES

1. Un método para seleccionar un donante a partir de un valor calculado de compatibilidad del HLA, que comprende:
 - a. recibir los valores de entrada de donantes en una estructura matricial;
 - b. seleccionar un modo para realizar el análisis;
 - c. ingresar los datos del receptor, en forma de pares de información genética para cada loci a analizar;
 - d. determinar la presencia de homocigotos y heterocigotos para cada loci;
 - e. inicializar el arreglo de compatibilidad con valor cero;
 - f. iniciar el ciclo FOR comparando la información encontrada en las filas de la estructura matricial (donantes) y el arreglo de compatibilidad;
 - g. ejecutar las comparaciones de acuerdo con la presencia de homocigotos y heterocigotos:
 - g1.realizar una comparación simplificada en caso de homocigoto, en caso de igualdad incrementar en uno (1) el campo actual del arreglo de compatibilidad o
 - g2.realizar una comparación exhaustiva en caso de heterocigoto, en caso de igualdad incrementar en uno (1) el campo actual del arreglo de compatibilidad
 - h. finalizar ciclo FOR
 - i. ordenar los resultados del arreglo de compatibilidad de acuerdo con los valores de celularidad asociados a cada fila del banco de donantes;
 - j. proporcionar los resultados al usuario.
2. El método de la reivindicación 1 en donde el modo seleccionado implica la búsqueda en HLA-A, HLA-B y HLA-DR β 1.
3. El método de la reivindicación 1 en donde el modo seleccionado implica la búsqueda en HLA-A, HLA-B, HLA-C y HLA-DR β 1.
4. El método de la reivindicación 1 en donde el modo seleccionado implica la búsqueda en HLA-A, HLA-B, HLA-C, HLA-DR β 1 y HLA-DQ β 1.

5. El método de cualquiera de las reivindicaciones 2 a 4 en donde el modo seleccionado implica que las búsquedas para los genes de clase I se realiza en baja resolución (2 dígitos).
6. El método de cualquiera de las reivindicaciones 2 a 4 en donde el modo seleccionado implica que las búsquedas para los genes de clase II se realiza en alta resolución (4 dígitos).
7. El método de cualquiera de las reivindicaciones anteriores en donde la determinación de la compatibilidad se relaciona con la secuencia del péptido líder.
8. El método de la reivindicación 7, en donde la compatibilidad se determina teniendo en cuenta la el dimorfismo de M o T del péptido líder.
9. Un medio de almacenamiento legible por computador no transitorio que contiene instrucciones almacenadas que, cuando se ejecutan por uno o más procesadores, hacen que se realice el método de las reivindicaciones 1 a 8.
- 10.El medio de almacenamiento legible por computador no transitorio de la reivindicación 9, en el que el computador es un dispositivo móvil.
- 11.El medio de almacenamiento legible por computador no transitorio de la reivindicación 9, en el que el computador es computación en la nube y se accede a las instrucciones de forma remota.
- 12.El medio de almacenamiento legible por computador no transitorio de la reivindicación 9, en el que las instrucciones de ejecución están encriptadas y se accede remotamente.
- 13.El medio de almacenamiento legible por computador no transitorio de la reivindicación 9, en el que las instrucciones se implementan como una aplicación en un dispositivo móvil.