

CAPÍTULO REIVINDICATORIO MODIFICADO

(Primer Examen de Fondo)

1. Una composición bacteriana que comprende una cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*, en donde la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* es una cepa que tiene no menos que un 99% de identidad de secuencia genómica con *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* (número de depósito ATCC PTA-125097), en donde *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* comprende en su genoma uno o más de: una C en la posición que corresponde a la posición 301 de un gen *glcU*, una C en la posición 814 de un gen *glcU*, una C en la posición 574 de un gen *nnr*, una C en la posición 533 de un gen *ykoE_1*, una G en la posición 49 de un gen *tcrY*, una delección de la base en la posición 199 de un gen *dac*, una A en la posición 547 de un gen *rdgB*, y una delección de las bases en las posiciones 183-184 de un gen *oxc_1*.
2. La composición bacteriana de la Reivindicación 1, que comprende adicionalmente un vehículo farmacéuticamente aceptable.
3. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 2, donde la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* es una cepa que comprende no menos que un 99,9 % de identidad de secuencia con la secuencia de nucleótidos de la *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* (Número de depósito ATCC PTA-125097).
4. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 3, donde la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* es la *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* (número de depósito ATCC PTA-125097).
5. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 4, donde la composición bacteriana está formulada como una cápsula y/o un comprimido.
6. La composición bacteriana de la Reivindicación 5, en donde la composición bacteriana comprende un recubrimiento entérico.

7. La composición bacteriana de la Reivindicación 6, en donde la composición bacteriana comprende un recubrimiento entérico, opcionalmente en donde el recubrimiento entérico es un recubrimiento para la liberación duodenal a un pH de aproximadamente 5,5-6,2.
8. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 7, donde no menos que el 50 % de las bacterias en la composición bacteriana son la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*.
9. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 7, donde no menos que el 90 % de las bacterias en la composición bacteriana son la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*.
10. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 7, donde sustancialmente todas las bacterias en la composición bacteriana son la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*.
11. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 10, donde la composición bacteriana comprende no menos que 1×10^6 unidades formadoras de colonias (UFC) de la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*.
12. La composición bacteriana de la Reivindicación 11, donde la composición bacteriana comprende no menos que 1×10^7 UFC de la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*.
13. La composición bacteriana de la Reivindicación 11, donde la composición bacteriana comprende no menos que 1×10^8 UFC de la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*.
14. La composición bacteriana de una cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 13, donde la composición bacteriana comprende bacterias vivas.

15. La composición bacteriana de una cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 13, donde la composición bacteriana comprende bacterias atenuadas.
16. La composición bacteriana de una cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 13, donde la composición bacteriana comprende bacterias muertas.
17. La composición bacteriana de cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 16, donde la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* está formulado con un recubrimiento entérico o microencapsulación.
18. Un inóculo de biorreactor que comprende una cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis*, en donde la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* es una cepa que tiene no menos que un 99% de identidad de secuencia genómica con *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* (número de depósito ATCC PTA-125097), en donde *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* comprende en su genoma uno o más de: una C en la posición que corresponde a la posición 301 de un gen *glcU*, una C en la posición 814 de un gen *glcU*, una C en la posición 574 de un gen *nnr*, una C en la posición 533 de un gen *ykoE_1*, una G en la posición 49 de un gen *tcrY*, una delección de la base en la posición 199 de un gen *dac*, una A en la posición 547 de un gen *rdgB*, y una delección de las bases en las posiciones 183-184 de un gen *oxc_1*.
19. El inóculo de biorreactor de la Reivindicación 18, donde la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* es una cepa que comprende no menos que un 99,9 % de identidad de secuencia con la secuencia de nucleótidos de la *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* (número de depósito ATCC PTA-125097).
20. El inóculo de biorreactor de la Reivindicación 18, donde la cepa de *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* es la *Bifidobacterium animalis ssp. lactis* (número de depósito ATCC PTA-125097).
