

REIVINDICACIONES

1. Un vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante CARACTERIZADO PORQUE comprende un primer polinucleótido heterólogo que codifica y expresa un antígeno de la glicoproteína D (gD) del virus de la laringotraqueítis infecciosa (ILTV), en donde el antígeno ILTV gD tiene la secuencia de SEQ ID NO: 13, o el primer polinucleótido heterólogo tiene la secuencia de SEQ ID NO: 12, o ambos; y

un segundo polinucleótido heterólogo que codifica y expresa un antígeno VP2 del virus de la enfermedad de bursitis infecciosa (IBDV), un antígeno de la glicoproteína D (gD) del virus de la laringotraqueítis infecciosa (ILTV) o un antígeno F del virus de la enfermedad de Newcastle (NDV-F).

2. El vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante de la Reivindicación 1 CARACTERIZADO PORQUE el antígeno VP2 del virus de la enfermedad de bursitis infecciosa (IBDV) comprende la secuencia de aminoácidos que se muestra en la SEQ ID NO: 2.

3. El vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante de las Reivindicación 1, CARACTERIZADO PORQUE el antígeno F del virus de la enfermedad de Newcastle (NDV-F) comprende la secuencia de aminoácidos que se muestra en la SEQ ID NO: 5 o 22.

4. El vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante de la Reivindicación 1, CARACTERIZADO PORQUE el polinucleótido está ligado operativamente a un promotor seleccionado del grupo que consiste en un promotor IE del mCMV, un promotor SV40, un promotor HHV3gB y un promotor HHV3gB inverso.

5. El vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante de la Reivindicación 1, CARACTERIZADO PORQUE los dos polinucleótidos heterólogos están unidos por un IRES o P2A.

6. El vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante de la Reivindicación 1, CARACTERIZADO PORQUE los polinucleótidos heterólogos se insertan en el locus IG1 y/o en el locus SORF3-US2 del genoma del HVT.

7. El vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante de la Reivindicación 1, CARACTERIZADO PORQUE el primer polinucleótido está ligado operativamente a un

promotor IE del mCMV o un promotor SV40 en el extremo 5', y un IRES o P2A en el extremo 3'.

8. Una composición o vacuna que comprende un vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante de acuerdo con la Reivindicación 1, CARACTERIZADA PORQUE además comprende un transportador, excipiente, vehículo o adyuvante farmacéuticamente o veterinariamente aceptable.

9. Una composición o vacuna que comprende un vector herpesvirus de pavos (HVT) recombinante CARACTERIZADO PORQUE comprende

un primer polinucleótido heterólogo que codifica y expresa un antígeno de la glicoproteína D (gD) del virus de la laringotraqueítis infecciosa (ILTV), en donde el antígeno ILTV gD codificado por el primer polinucleótido heterólogo tiene la secuencia de SEQ ID NO: 13, o el primer polinucleótido heterólogo tiene la secuencia de SEQ ID NO: 12, o ambos; y

un segundo polinucleótido heterólogo que codifica y expresa un antígeno VP2 del virus de la enfermedad de bursitis infecciosa (IBDV), un antígeno de la glicoproteína D (gD) del virus de la laringotraqueítis infecciosa (ILTV) o un antígeno F del virus de la enfermedad de Newcastle (NDV-F).

10. La composición o vacuna de la Reivindicación 9, en donde el antígeno VP2 del virus de la enfermedad de bursitis infecciosa (IBDV) comprende la secuencia de aminoácidos que se muestra en la SEQ ID NO: 2.

11. La composición o vacuna de la Reivindicación 9 CARACTERIZADA PORQUE el antígeno F del virus de la enfermedad de Newcastle (NDV-F) comprende la secuencia de aminoácidos que se muestra en la SEQ ID NO: 5 o 22.

12. La composición o vacuna de la Reivindicación 9 CARACTERIZADA PORQUE el polinucleótido está ligado operativamente a un promotor seleccionado del grupo que consiste en un promotor IE del mCMV, un promotor SV40, un promotor HHV3gB y un promotor HHV3gB inverso.

13. La composición o vacuna de la Reivindicación 9 CARACTERIZADA PORQUE los dos polinucleótidos heterólogos están unidos por un IRES o P2A.

14. La composición o vacuna de la Reivindicación 9 CARACTERIZADA PORQUE los polinucleótidos heterólogos se insertan en el locus IG1 y/o en el locus SORF3-US2 del genoma del HVT.
15. La composición o vacuna de la Reivindicación 9 CARACTERIZADA PORQUE el primer polinucleótido está ligado operativamente a un promotor IE del mCMV o un promotor SV40 en el extremo 5', y un IRES o P2A en el extremo 3'.
16. La composición o vacuna de acuerdo con cualquiera de las Reivindicaciones 9 a 15, CARACTERIZADA PORQUE además comprende un transportador, excipiente, vehículo o adyuvante farmacéuticamente o veterinariamente aceptable.