

evento de múltiples años que implicaba la evaluación y el análisis de características moleculares, eficacia, expresión de proteínas y propiedades agronómicas en una diversidad de contextos genéticos; y (4) se retiró el casete de selección de glifosato en el evento de maíz MON 95379 a través de la escisión de Cre *in vivo* para crear un evento MON 95379 final «libre de marcadores». De este modo, se produjo y se seleccionó el evento de maíz MON 95379 como un evento superior de manera única útil para fines agronómicos de amplia escala.

[59] Se caracterizó el ADN plasmídico insertado en el genoma del evento de maíz MON 95379 mediante análisis molecular detallado. Este análisis incluyó: el número del inserto (número de los sitios de integración dentro del genoma de maíz), la ubicación del inserto genómico (el sitio específico en el genoma de maíz donde se produjo la inserción), la cantidad de copias (la cantidad de copias del ADN-T dentro de un locus) y la integridad del ADN transgénico insertado. El análisis molecular detallado demostró que el ADN-T integrado que contenía los casetes de expresión Cry1B.868 y Cry1Da_7 permaneció intacto luego de la integración y la escisión de Cre del casete de selección de glifosato (CP4). Tal como se usa en la presente, un «casete de expresión» o «casete» es una molécula de ADN recombinante que comprende una combinación de elementos distintos que se serán expresados por una célula transformada. La Tabla 1 provee una lista de los elementos contenidos en la SEQ ID NO:10, la secuencia de ADN que corresponde al evento de maíz MON 95379

Tabla 1. Descripción del evento de maíz MON 95379

Elemento	Posición en SEQ ID NO: 10	Descripción
ADN flanqueante 5'	1-862	Secuencia de ADN que flanquea el extremo 5' del inserto transgénico.
Región del límite izquierdo	863-1044	Región de ADN de <i>Agrobacterium tumefaciens</i> que contiene la secuencia del límite izquierdo
LoxP	1080-1114	Una secuencia de reconocimiento para una recombinasa específica del sitio de fago P1 de <i>Enterobacteria</i> .
T-Os.LTP:1	1225-1524	La región no traducida 3' para un gen tipo proteína de transferencia de lípidos (LTP)