

MÉTODO PARA LA IDENTIFICACIÓN Y CARACTERIZACIÓN FUNCIONAL DE GENES DE INTERÉS PARA EL MEJORAMIENTO AGRONÓMICO DE ESPECIES

RESUMEN

La presente solicitud de patente describe un novedoso procedimiento que permite la identificación y caracterización funcional de genes o secuencias génicas con un alto potencial de implementación en procesos de mejoramiento agronómico para la producción de nuevas variedades vegetales. El método de la invención permite, a partir de miles de genes candidatos y la implementación causal de distintos filtros sucesivos, identificar y caracterizar aquellos genes con un mayor potencial de implementación exitosa en procesos de mejoramiento agronómico de especies de interés, acoplando distintas herramientas de caracterización ómica y análisis bioinformáticos para retener aquellos genes con un mayor potencial de implementación exitosa en procesos de mejoramiento agronómico de especies. El método de la presente invención involucra, directamente, el desarrollo de etapas de identificación y caracterización funcional de la expresión del gen con el fenotipo de interés, asociando los datos de expresión con mecanismos de regulación epigenética, obteniendo una relación de causalidad en donde mecanismos epigenéticos controlan la expresión de los genes postulados como candidatos.