

FIGURA 1

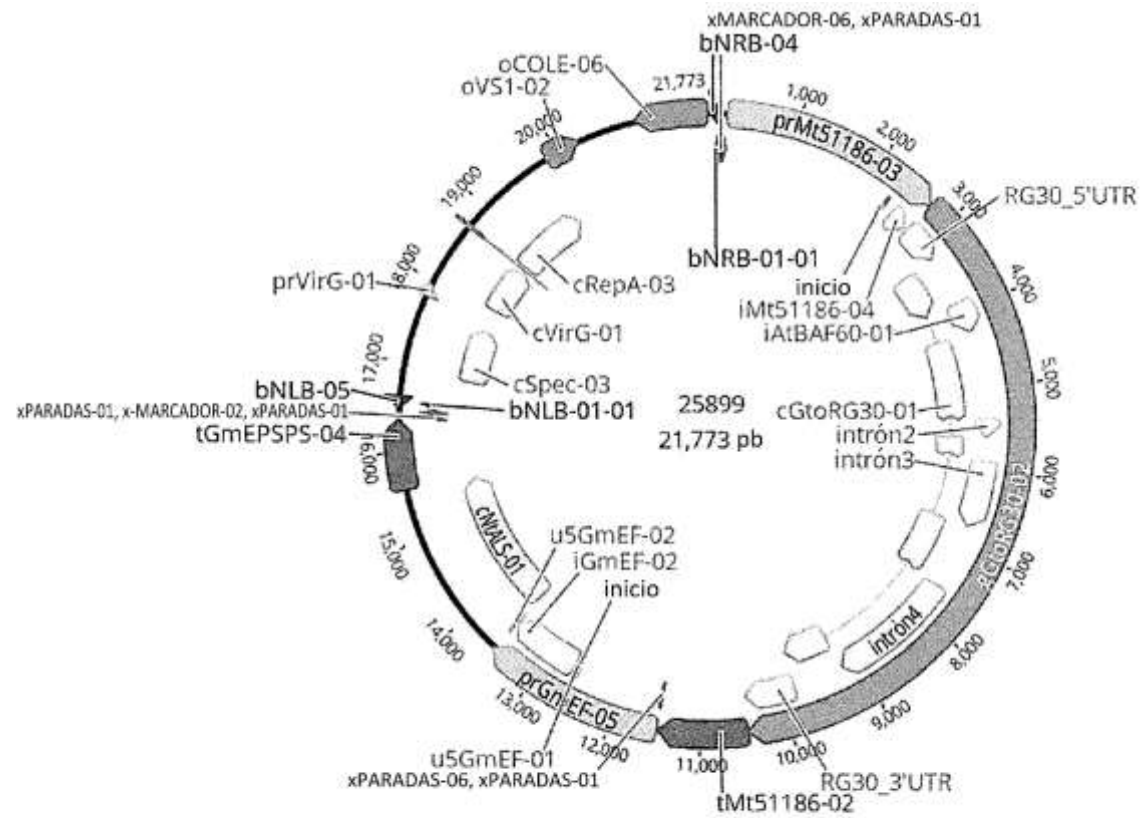


FIGURA 2

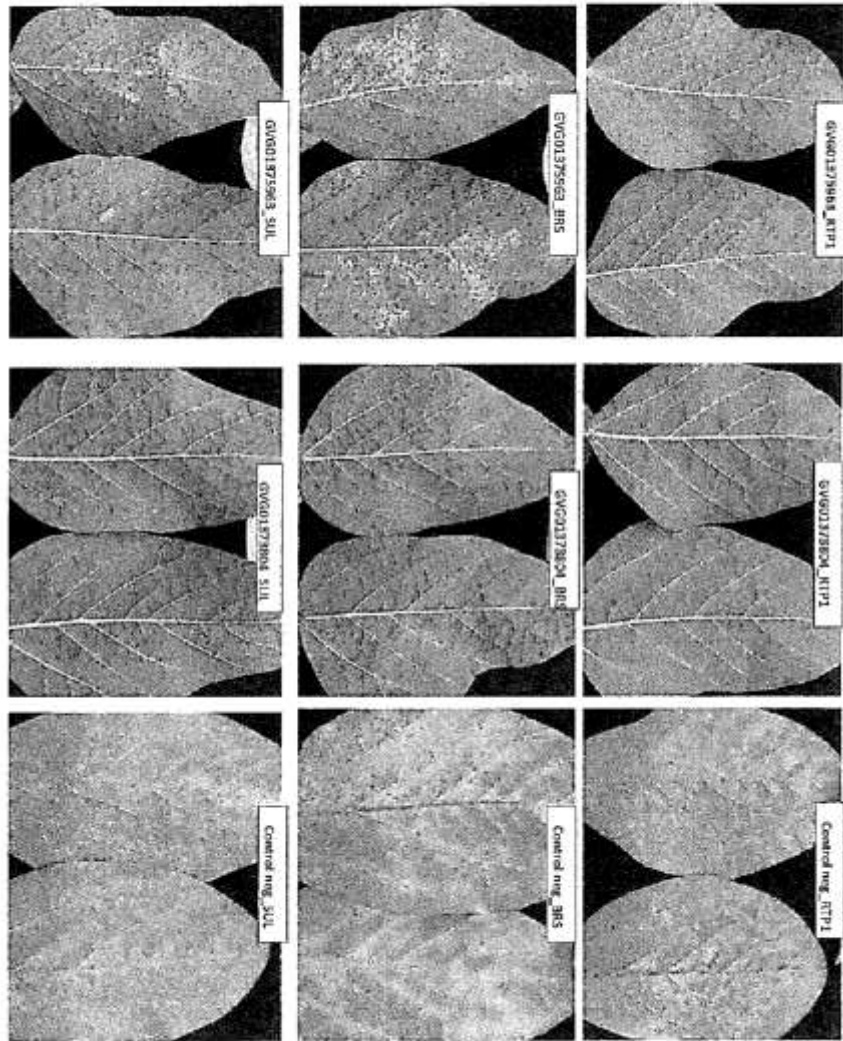


FIGURA 3

Eventos	Construcción	Numeros de copias				Clasificación de la roya de la soja							
		SM presente	SM	TG presente	TG	RTP1	RTP1	BRS	BRS	SUL	SUL		
GVG013	25845	prM1234A_	2.67>2	2.5>2	RB1/2- NSP	RB1/2- NSP	RB2-SPL	RB2-NSP	NSP	RB1/2- NSP	RB2-NSP		
75963		25845.ctnl_Ch3b											
GVG013		prM151186	0.75	1	0.92	1RB1-SPL	RB1-SPL	NSP	RB1/2- NSP	RB1/2- NSP	RB1-NSP	RB2-NSP	
73804		25899.ctnl_Ch3b											
Control neg	Soja		0	0	0	0Tan3-sp	Tan3-sp	Tan3-sp	Tan3-sp	Tan3-sp	Tan3-sp	Tan3-sp	

FIGURA 4

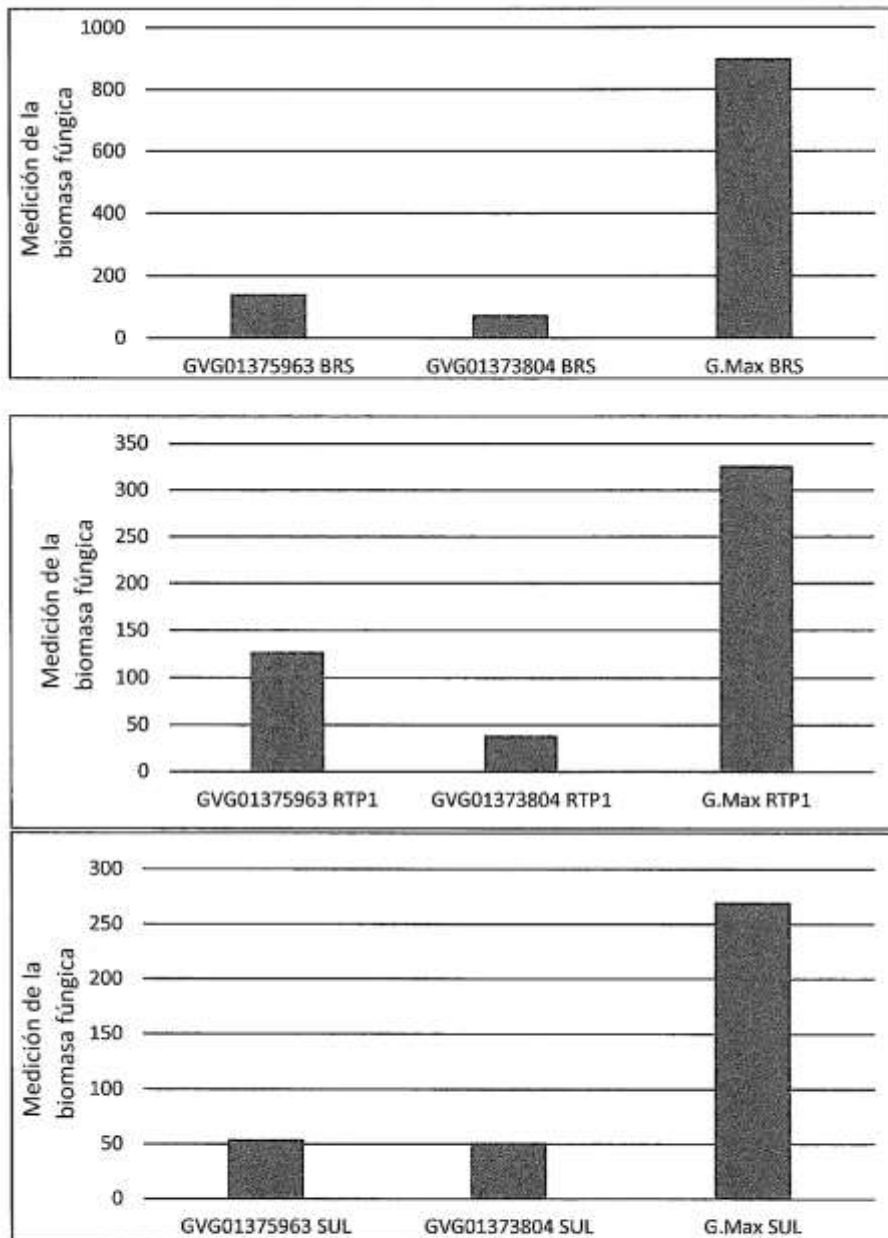


Figura 5. Expresión relativa (eje y) del gen de la β -tubulina de la roya de la soja en dos eventos a partir de vector binario 25845 y 25899 14 días después de la inoculación con 3 royas: SUL, BRS y RTP1. El nivel de resistencia se midió molecularmente con β -tubulina fúngica a través de qRT-PCR en los eventos GVG01375963, GVG013773804 y el control. La medición cuantitativa es coherente con las observaciones fenotípicas de que los eventos mostraron un nivel elevado de resistencia.

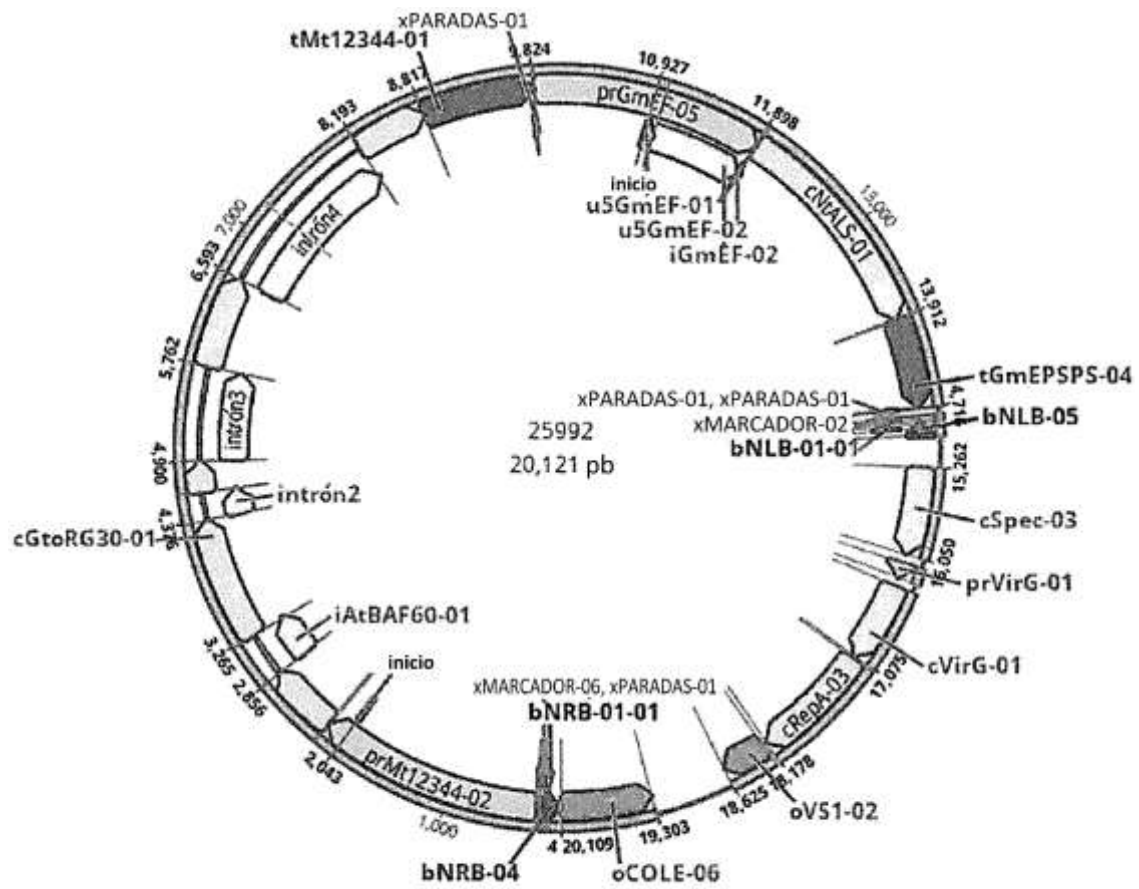


FIGURA 6

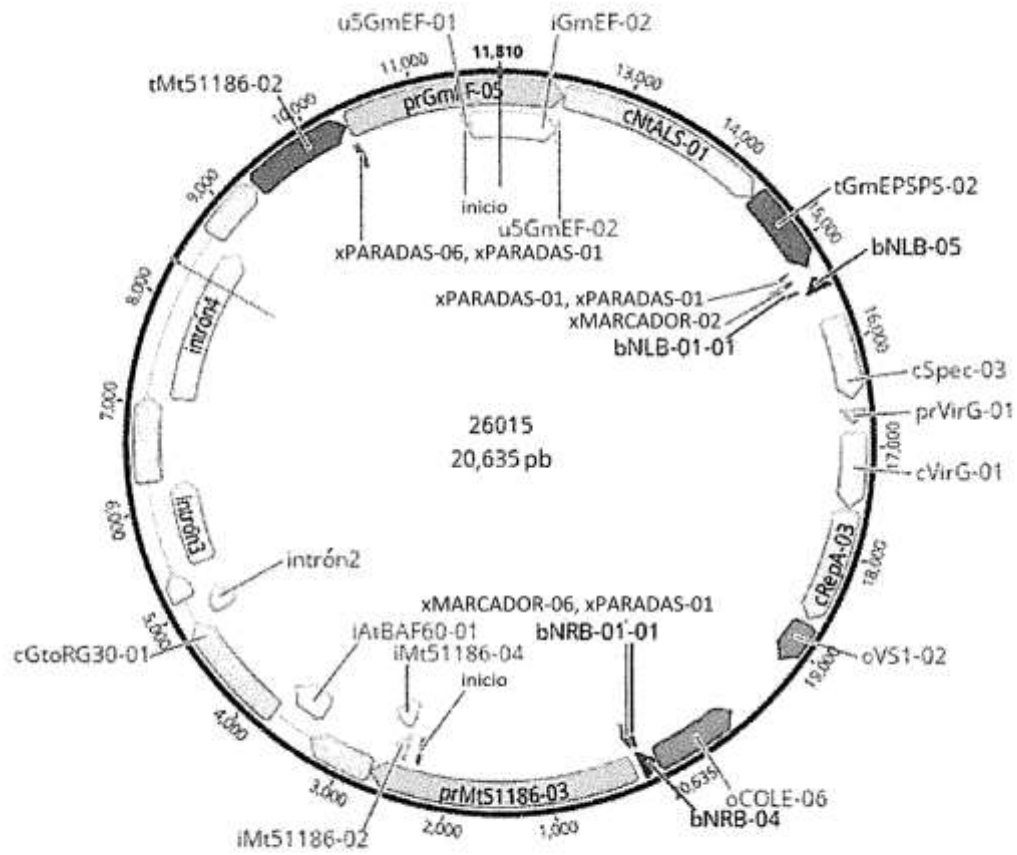


FIGURA 7

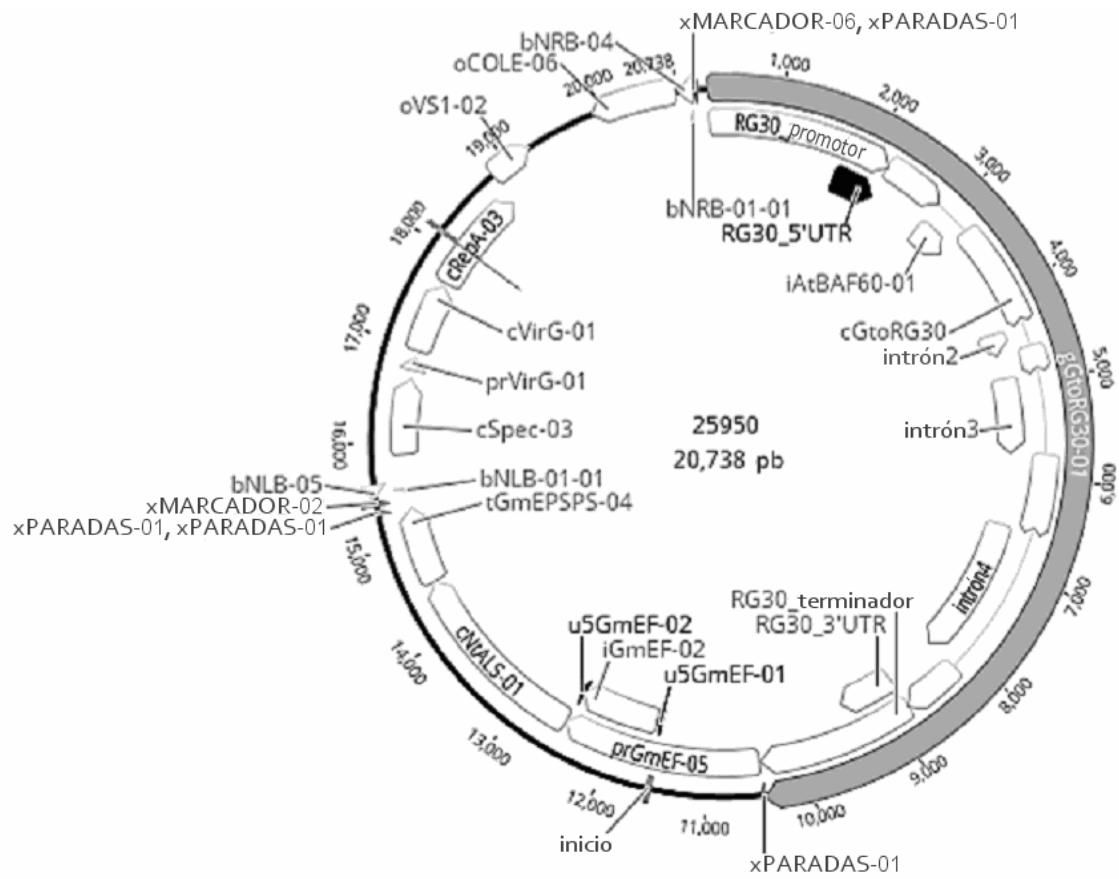


FIGURA 8

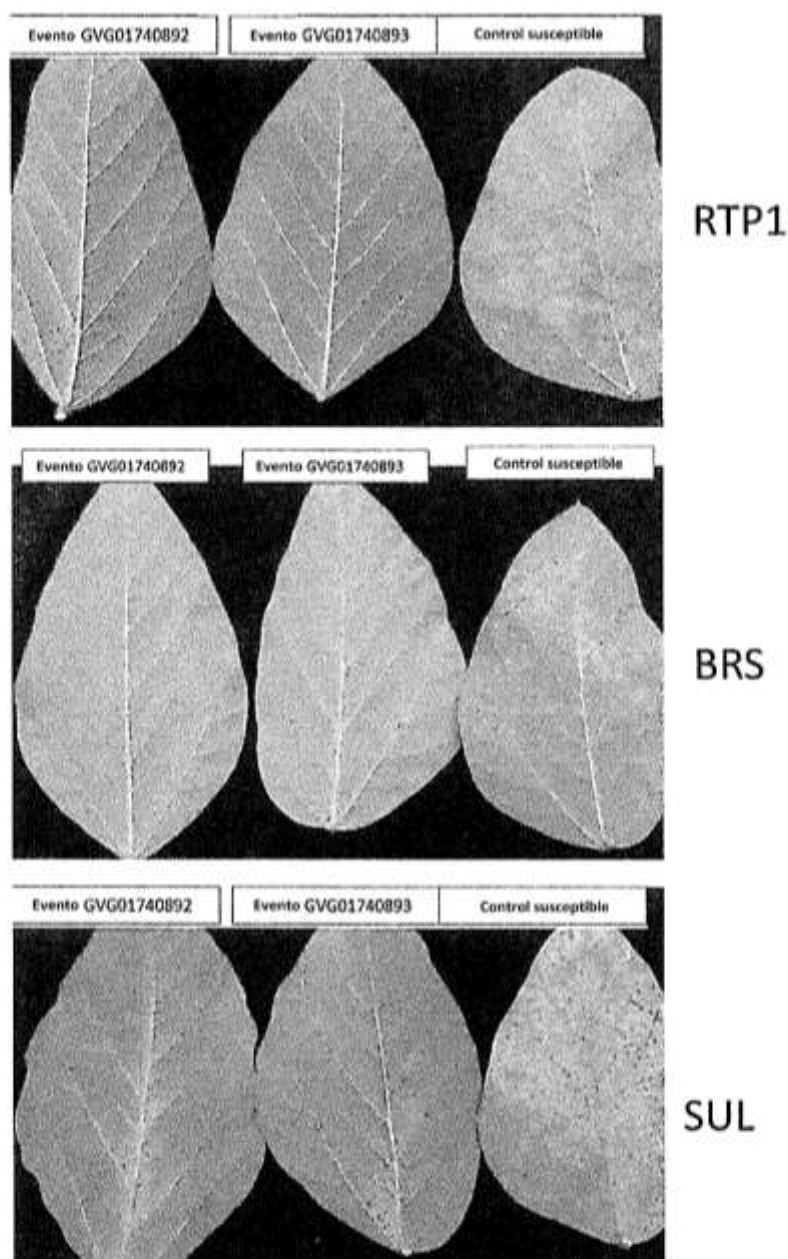


Figura 9. Fotografías de experimentos de bioensayos de roya realizados en hojas recogidas de eventos primarios de soja generados a partir del vector binario 25950. Las hojas de los eventos T0 (GVG01740892 y GVG01740893) muestran lesiones de color marrón rojizo frente a las tres poblaciones de roya sometidas a ensayo (RTP1, BRS y SUL), mientras que las hojas del control muestran una reacción de color castaño y una fuerte esporulación.

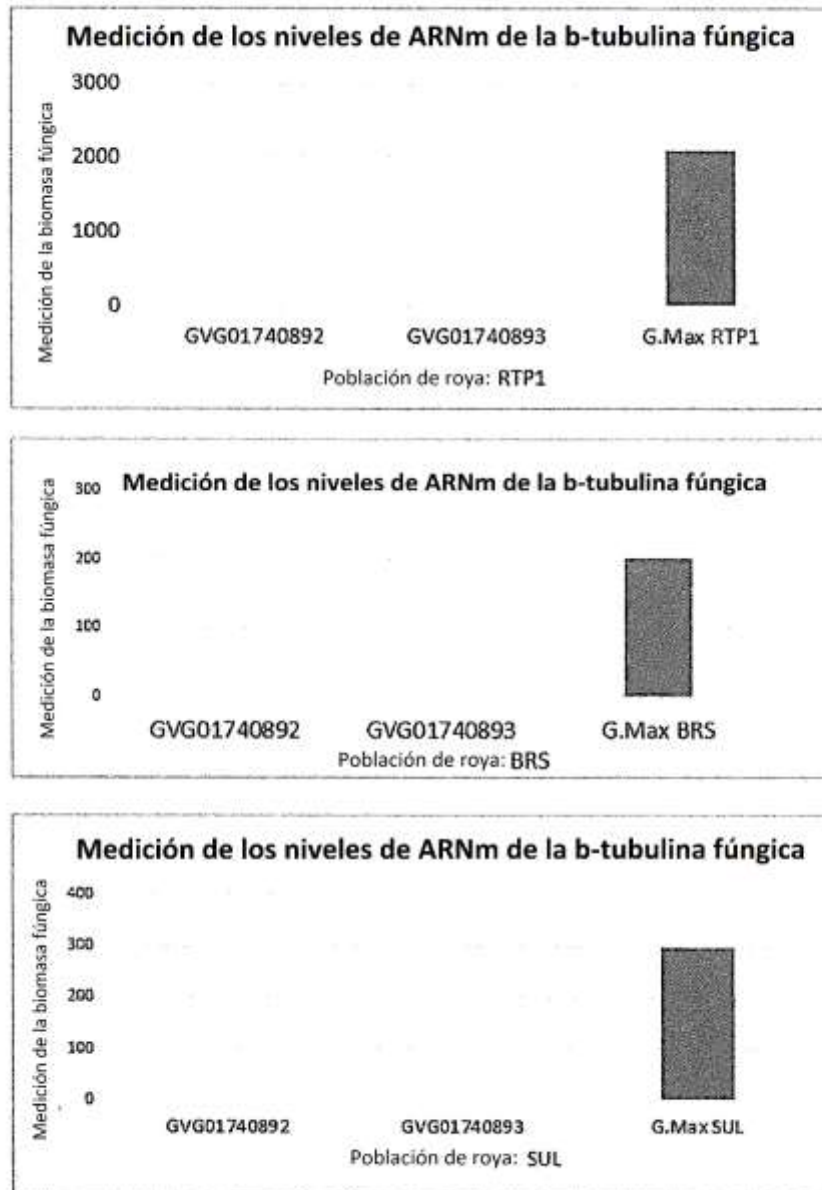


FIGURA 10

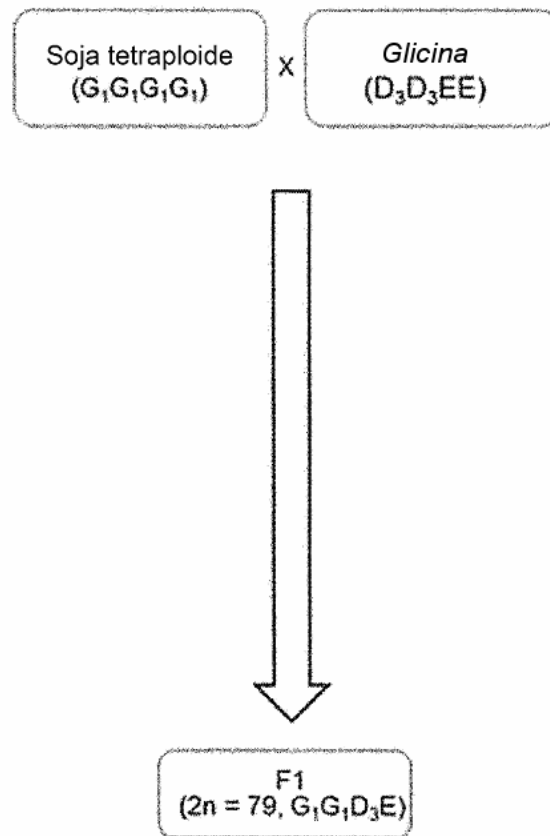


FIGURA 11