

Lista de secuencias

<110> JSC "BIOCAD"

<120> Promotor inducible, vector y célula huésped basada en él

<160> 16

<170> BiSSAP 1.3.6

<210> 1

<211> 17

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción STAT3

<400> 1

agggttcctg gaaggga

17

<210> 2

<211> 17

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción STAT3

<400> 2

cagattccgg gaatccc

17

<210> 3

<211> 17

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción STAT3

<400> 3

atccttctgg gaattct

17

<210> 4

<211> 17

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción STAT5

<400> 4

attattctga gaaaagg

17

<210> 5

<211> 17

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción STAT5

<400> 5

tactttctta gaaaatt

17

<210> 6

<211> 17

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción STAT5

<400> 6

ggtgttccta gaagagg

17

<210> 7

<211> 27

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción AP-1

<400> 7

agcttagcta tgactcatcc ggaagct 27

<210> 8

<211> 24

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción AP-1

<400> 8

gtattagtca tcgctattac catg 24

<210> 9

<211> 24

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> sitio de unión del factor de transcripción AP-1

<400> 9

gatagcgggtt tgactcacgg ggat 24

<210> 10

<211> 61

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Combinación de sitios de unión de los factores de transcripción STAT3,
STAT5 y AP-1

<400> 10

agggttcctg gaagggaatt attctgagaa aaggagctta gctatgactc atccggaagc 60

t

61

<210> 11

<211> 58

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Combinación de sitios de unión de los factores de transcripción STAT3, STAT5 y AP-1

<400> 11

cagattccgg gaatccctac tttcttagaa aattgtatta gtcacgcta ttaccatg 58

<210> 12

<211> 58

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Combinación de sitios de unión de los factores de transcripción STAT3, STAT5 y AP-1

<400> 12

atccttctgg gaattctggt gttcctagaa gagggatagc ggtttgactc acggggat 58

<210> 13

<211> 177

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Combinación de sitios de unión de los factores de transcripción STAT3, STAT5 y AP-1

<400> 13

agggttcctg gaagggaatt attctgagaa aaggagctta gctatgactc atccggaagc 60

tcagattccg ggaatcccta cttcttaga aaattgtatt agtcatcgct attaccatga 120

tcctctggg aattctggtg ttcctagaag agggatagcg gtttgactca cggggat 177

<210> 14

<211> 31

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> promotor mínimo

<400> 14

agagggtata taatggaagc tcgacttcca g 31

<210> 15

<211> 1656

<212> ADN

<213> Secuencia natural

<220>

<223> gen de la proteína luciferasa de luciérnaga

<400> 15

atggaagatg ccaaaaacat taagaaaggc ccagcgccat tctaccact cgaagacggg 60

accgtggcg agcagctgca taaagccatg aagcgctacg ccctggtgcc cggcaccatc 120

gcctttaccg acgcacatat cgaggtggac attacctacg ccgagtactt cgagatgagc 180

gttcggctgg cagaagctat gaagcgctat gggctgaata caaaccatcg gatcgtggtg 240

tgtagcgaga atagcttgca gttcttcacg cccgtgttgg gtgccctgtt catcggtgtg 300

gctgtggccc cagctaacga catctacaac gagcgcgagc tgctgaacag catgggcatc 360

agccagccca ccgtcgtatt cgtgagcaag aaagggtgc aaaagatcct caacgtgcaa 420

aagaagctac cgatcataca aaagatcatc atcatggata gcaagaccga ctaccagggc 480

ttccaaagca tgtacacctt cgtgacttcc catttgccac ccggcttcaa cgagtacgac 540

ttcgtgcccg agagcttcga ccgggacaaa accatcgccc tgatcatgaa cagtagtggc 600

agtaccggat tgcccaaggg cgtagcccta ccgcaccgca ccgcttgtgt ccgattcagt 660

catgcccgcg acccatctt cggcaaccag atcatccccg acaccgctat cctgagcgtg 720

gtgccatttc accacggctt cggcatgttc accacgctgg gctacttgat ctgcggcttt 780

cgggtcgtgc tcatgtaccg cttcgaggaa gagctattct tgcgcagctt gcaagactat 840

aagattcaat ctgccctgct ggtgcccaca ctatttagct tcttcgctaa gagcactctc 900

atcgacaagt acgacctaag caacttgac gagatcgcca gcggcggggc gccgctcagc 960

aaggaggtag gtgaggccgt ggccaaacgc ttccacctac caggcatccg ccagggtac 1020

ggcctgacag aaacaaccag cgccattctg atcaccccg aaggggacga caagcctggc 1080

gcagtaggca aggtggtgcc cttcttcgag gctaaggtag tggacttga caccgtaag 1140

acactgggtg tgaaccagcg cggcgagctg tgcgtccgtg gcccctgat catgagcggc 1200

tacgttaaca acccgaggc taaaacgct ctcatgaca aggacggctg gctgcatagc 1260

ggcgacatcg cctactggga cgaggacgag cacttttca tcgtggaccg gctgaagagc 1320

ctgatcaaat acaagggtta ccaggtagcc ccagccgaac tggagagcat cctgctgcaa 1380

cacccaaca tcttcgacgc cggggtcgcc ggctgccc acgacgatgc cggcgagctg 1440

cccgccgag tcgtcgtgct ggaacacggt aaaacctga ccgagaagga gatcgtggac 1500

tatgtggcca gccaggttac aaccgccaag aagctgcgcg gtggtgttgt gttcgtggac 1560

gaggtgccta aaggactgac cggcaagttg gacgcccga agatccgcga gattctcatt 1620

aaggccaaga agggcggcaa gatcgccgtc tgataa 1656

<210> 16

<211> 1951

<212> ADN

<213> Secuencia artificial

<220>

<223> Construcción genética que comprende el gen de la proteína luciferasa de luciérnaga bajo el control de un promotor inducible que comprende sitios de unión de los factores de transcripción STAT3, STAT5 y AP-1 y el promotor mínimo

<400> 16

agggttcctg gaaggaatt attctgagaa aaggagctta gctatgactc atccggaagc 60

tcagattccg ggaatcccta ctttctaga aaattgtatt agtcatcgct attaccatga 120

tccttctggg aattctggtg ttctagaag agggatagcg gtttgactca cggggatgat 180

atcaagatct agactctaga gggtatataa tggaagctcg acttcagct tggcattccg 240

gtactgttgg taaaagctt ggcaatccgg tactgttggt aaactcgagg ccaccatgga 300

agatgcaaaa aacattaaga aaggcccagc gccattctac ccactcgaag acgggaccgc 360

tggcgagcag ctgcataaag ccatgaagcg ctacgccctg gtgcccggca ccatcgcctt 420

taccgacgca catatcgagg tggacattac ctacgccgag tacttcgaga tgagcgttcg 480

gctggcagaa gctatgaagc gctatgggct gaatacaaac catcggatcg tgggtgttag 540

cgagaatagc ttgcagttct tcatgcccggt gttgggtgcc ctgttcatcg gtgtggctgt 600

ggccccagct aacgacatct acaacgagcg cgagctgctg aacagcatgg gcatcagcca 660

gccccaccgtc gtattcgtga gcaagaaagg gctgcaaaag atcctcaacg tgcaaaagaa 720

gctaccgatc atacaaaaga tcatcatcat ggatagcaag accgactacc agggcttcca 780

aagcatgtac accttcgtga cttccattt gccacccggc ttcaacgagt acgacttcgt 840

gcccgagagc ttcgaccggg acaaaacat cgccctgatc atgaacagta gtggcagtac 900

cggtattgcc aagggcgtag ccctaccgca ccgcaccgct tgtgtccgat tcagtcatgc 960

ccgcgacccc atcttcggca accagatcat ccccgacacc gctatcctga gcgtggtgcc 1020

atttcaccac ggcttcggca tgttcaccac gctgggctac ttgatctgcg gctttcgggt 1080

cgctctcatg taccgcttcg aggaagagct attcttcgcg agcttgcaag actataagat 1140

tcaatctgcc ctgctgggtc ccacactatt tagcttcttc gctaagagca ctctcatcga 1200

caagtacgac ctaagcaact tgcacgagat cgccagcggc ggggcgccgc tcagcaagga 1260

ggtaggtag gccgtggcca aacgcttcca cctaccaggc atccgccagg gctacggcct 1320

gacagaaaca accagcgcca ttctgatcac cccgaaggg gacgacaagc ctggcgagc 1380

aggcaaggtag gtgcccttct tcgaggctaa ggtggtggac ttggacaccg gtaagacact 1440

gggtgtgaac cagcgcggcg agctgtgcgt ccgtggcccc atgatcatga gcggctacgt 1500

taacaacccc gaggtacaaa acgtctcat cgacaaggac ggctggctgc atagcggcga 1560

catcgctac tgggacgagg acgagcactt cttcatcgtg gaccggctga agagcctgat 1620

caaatacaag ggctaccagg tagccccagc cgaactggag agcatcctgc tgcaacaccc 1680

caacatcttc gacgccgggg tcgccggcct gcccgacgac gatgccggcg agtgccccgc 1740

cgagtcgtc gtgctggaac acggtaaaac catgaccgag aaggagatcg tggactatgt 1800

ggccagccag gttacaaccg ccaagaagct gcgcggtggt gttgtgttcg tggacgaggt 1860

gcctaaagga ctgaccggca agttggacgc ccgcaagatc cgcgagattc tcattaaggc 1920

caagaagggc ggcaagatcg ccgtctgata a 1951