

Figura 5 continuación

Residuo de epítipo	Predicción de mAbSilico	Anti-HA	Anti-LPAR1	Ab de control negativo
hLPAR1_N194A	Región de interacción 3 – Altamente probable			
hLPAR1_E193A_N194A	Región de interacción 3			
hLPAR1_Q286A	Región de interacción 3 - Muy altamente probable			
hLPAR1_V289A	Región de interacción 4 - Posible			
hLPAR1_Q286A_V289A	Región de interacción 4			