

Información de listado de secuencias:

Versión DTD: V1_3

Nombre de archivo: PC072772A_Sequence Listing.xml

Nombre de Software: Secuencia WIPO

Versión de Software: 2.1.2

Fecha de producción: 27-09-2022

Información general:

Solicitud actual / IP de oficina: IB

Solicitud actual / Referencia de archivo del solicitante: PC072772A

Solicitud de prioridad más temprana / IP de oficina: US

Solicitud de prioridad más temprana / Número de solicitud: 63256283

Solicitud de prioridad más temprana / Fecha de presentación: 15-10-2021

Nombre del solicitante: Pfizer Inc.

Nombre del solicitante / Idioma: en

Nombre del inventor: Eric Matthew Bennett

Nombre del inventor / Idioma: inglés

Título de la invención: Moléculas de ARN

Cantidad total de secuencias: 318

Secuencias:

Número de secuencias (ID): 1

Longitud: 623

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.623

> mol_type, proteína

> organismo: virus de varicela zóster

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDTNSV
YEPYYHSDHA 60
ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLRL
TEKQYLGVIY 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGLILHDGG TTLKFVDTP
SLSGLYVFVV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAYR VDKSPYNQSM YYAGLPVDDF
EDSESTDTEE 600

EFGNAIGGSH GGSSYTVYID KTR 623

Número de secuencias (ID): 2

Longitud: 546

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.546

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDNTSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLRL
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGLILHDGG TTLKFVDTP
SLSGLYVFV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLA 546

Número de secuencias (ID): 3

Longitud: 623

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.623

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDITNSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLRL
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGILHDGG TTLKFVDTPPE
SLSGLYVFVV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAYR VDKSPYNQSM YAAGLPVDDF
EDSESTDTEE 600

EFGNAIGGSH GGSSYTVYID KTR 623

Número de secuencias (ID): 4

Longitud: 581

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.581

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDNTSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGGKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLR
TEKQYLGVIYI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGILHDGG TTLKFVDTP
SLSGLYVFVV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAYR VDKSPYNQSM Y 581

Número de secuencias (ID): 5

Longitud: 538

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.538

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDNTSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVL
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGILHDGG TTLKFVDTP
SLSGLYVFVV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRY 538

Número de secuencias (ID): 6

Longitud: 608

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.608

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDNTSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLRL
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGLILHDGG TTLKFVDTP
SLSGLYVFFV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAYR VDKSPYNQSM YYAGLPVGNA
IGGSHGGSSY 600

TVYIDKTR

608

Número de secuencias (ID): 7

Longitud: 608

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.608

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDTNSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVITLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELEDPPE IEPGVLKVLRL
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGLILHDGG TTLKFVDTP
SLSGLYVFVV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAAR VDKSPYNQSM YYAGLPVGNA
IGGSHGGSSY 600

TVYIDKTR

608

Número de secuencias (ID): 8

Longitud: 573

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.573

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDTNSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLK
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGLILHDGG TTLKFVDTPE
SLSGLYVFVV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAAR VDK 573

Número de secuencias (ID): 9

Longitud: 623

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.623

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDTNSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVITLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDC AENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLRL
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGILHDGG TTLKFVDTP
E SGLYVFV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAAR VDKSPYNQSM YAAGLPVDDF
EDSESTDTEE 600

EFGNAIGGSH GGSSYTVYID KTR 623

Número de secuencias (ID): 10

Longitud: 581

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.581

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDTNSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
GERLMQPTQM 120

SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
LIEVSVEENH 180

PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
VVDVDCAENT 240

KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELELDPPE IEPGVLKVLR
TEKQYLGVI 300

WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
FSVGDTFSLA 360

MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
SGCTFTSPHL 420

AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGLILHDGG TTLKFVDTP
SLSGLYVFVV 480

YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
GTSPLIRYAA 540

WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAAR VDKSPYNQSM Y 581

Número de secuencias (ID): 11

Longitud: 1246

Tipo de molécula: AA

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1246

> mol_type, proteína

> organismo: constructo sintético

Residuos:

MGTVNKPVVG VLMGFGIITG TLRITNPVRA SVLRYDDFHI DEDKLDTNSV
YEPYYHSDHA 60

ESSWVNRGES SRKAYDHNSP YIWPRNDYDG FLENAHEHHG VYNQGRGIDS
 GERLMQPTQM 120
 SAQEDLGDDT GIHVIPTLNG DDRHKIVNVD QRQYGDVFKG DLNPKPQGQR
 LIEVSVEENH 180
 PFTLRAPIQR IYGVRYTETW SFLPSLTCTG DAAPAIQHIC LKHTTCFQDV
 VVDVDCAENT 240
 KEDQLAEISY RFQGKKEADQ PWIVVNTSTL FDELEDPPE IEPGVLKVLR
 TEKQYLGVIYI 300
 WNMRGSDGTS TYATFLVTWK GDEKTRNPTP AVTPQPRGAE FHMWNYHSHV
 FSVGDTFSLA 360
 MHLQYKIHEA PFDLLLEWLY VPIDPTCQPM RLYSTCLYHP NAPQCLSHMN
 SGCTFTSPHL 420
 AQRVASTVYQ NCEHADNYTA YCLGISHMEP SFGLILHDGG TTLKFVDTPPE
 SLSGLYVFVV 480
 YFNGHVEAVA YTVVSTVDHF VNAIEERGFP PTAGQPPATT KPKEITPVNP
 GTSPLIRYAA 540
 WTGGLAAVVL LCLVIFLICT AKRMRVKAYR VDKSPYNQSM YYAGLPVDDF
 EDSESTDTEE 600
 EFGNAIGGSH GGSSYTVYID KTRMGTVNKP VVGVLMGFGI ITGTLRITNP
 VRASVLRYYDD 660
 FHIDEDKLDT NSVYEPYYHS DHAESSWVNR GESSRKAYDH NSPYIWPRND
 YDGFLANAHE 720
 HHGVYNQGRG IDSGERLMQP TQMSAQEDLG DDTGIHVIPT LNGDDRHKIV
 NVDQRQYGDV 780
 FKGDLNPKPQ GQRLIEVSVE ENHPFTLRAP IQRIYGVRYT ETWSFLPSLT
 CTGDAAPAIQ 840
 HICLKHTTCF QDVVVDVDCA ENTKEDQLAE ISYRFQGKKE ADQPWIVVNT
 STLFDELELD 900
 PPEIEPGVLK VLRTEKQYLG VYIWNMRGSD GTSTYATFLV TWKGDEKTRN
 PTPAVTPQPR 960
 GAEFHMWNYH SHVFSVGDTF SLAMHLQYKI HEAPFDLLLE WLYVPIDPTC
 QPMRLYSTCL 1020

YHPNAPQCLS HMNSGCTFTS PHLAQRVAST VYQNCEHADN YTAYCLGISH
 MEPSFGLILH 1080
 DGGTTLKFVD TPESLSGLYV FVVYFNGHVE AVAYTVVSTV DHFVNAIEER
 GFPPTAGQPP 1140
 ATTKPKEITP VNPGTSPLIR YAAWTGGLAA VLLCLVIFL ICTAKRMRVK
 AYRVDKSPYN 1200
 QSMYYAGLPV DDFEDSESTD TEEFNGAIG GSHGGSSYTV YIDKTR 1246

Número de secuencias (ID): 12

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, ADN genómico

> organismo: Virus de varicela zóster

Residuos:

atggggacag ttaataaacc tgtggtgggg gtattgatgg ggttcggaat tatcacggga 60
 acgttgcgta taacgaatcc ggtcagagca tccgtcttgc gatacgaatg tttcacatc 120
 gatgaagaca aactggatac aaactccgta tatgagcctt actaccattc agatcatgcg 180
 gagtcttcat gggtaaactg gggagagtct tcgcgaaaag cgtacgatca taactcacct 240
 tatatatggc cacgtaatga ttatgatgga ttttagaga acgcacacga acacatggg 300
 gtgtataatc agggccgtgg tatcagatgc ggggaacggt taatgaacc cacacaaatg 360
 tctgcacagg aggatcttgg ggacgatacg ggcattcacg ttatccctac gttaaacggc 420
 gatgacagac ataaaattgt aatgtggac caacgtcaat acggtgacgt gtttaaagga 480
 gatcttaatc caaaaccca aggccaaaga ctattgagg tgcagtgga agaaaatcac 540
 ccgtttactt tacgcgacc gattcagcgg atttatggag tccggtacac cgagacttgg 600
 agcttttgc cgtcattaac ctgtacggga gacgcagcgc ccgcatcca gcatatatgc 660
 ttaaaacata caacatgctt tcaagacgtg gtggtggatg tggattgcgc ggaaaatact 720
 aaagaggatc agttggccga aatcagttac cgtttcaag gtaagaagga agcggaccaa 780
 ccgtggattg ttgtaaacac gagcactg tttgatgaac tcgaattaga ccccccgag 840
 attgaaccgg gtgtcttgaa agtactcgg acagaaaaac aatactggg tgtgtacatt 900
 tgaacatgc gcggctccga tggtagctt acctacgcca cgtttttggg cacctggaaa 960

```

gggatgaaa aaacaagaaa ccctacgccc gcagtaactc ctcaaccaag aggggctgag 1020
tttcatatgt ggaattacca ctgcatgta ttttcagttg gtgatacgtt tagcttgga 1080
atgcattctc agtataagat acatgaagcg ccatttgatt tgctgttaga gtggtgtat 1140
gtcccatcg atcctacatg tcaaccaatg cgggtatatt ctacgtgttt gtatcatccc 1200
aacgcacccc aatgcctctc tcatatgaat tccggttgta catttacctc gccacattta 1260
gccagcgtg ttgaagcac agtgtatcaa aattgtgaac atgcagataa ctacaccgca 1320
tattgtctgg gaatatctca tatggagcct agctttggtc taatcttaca cgacgggggc 1380
accacgttaa agttgttaga tacaccgag agttgtcgg gattatacgt tttgtggtg 1440
tattttaacg ggcatttgta agccgtagca tacactgttg tatccacagt agatcattt 1500
gtaaacgcaa ttgaagagcg tggatttccg ccaacggccg gtcagccacc ggcgactact 1560
aaaccaagg aaattacccc cgtaaacccc ggaacgtcac cacttatacg atatgccgca 1620
tggaccggag ggcttcgagc agtagtactt ttatgtctcg taatattttt aatctgtacg 1680
gctaaacgaa tgagggttaa agcctatagg gtagacaagt cccgtataa ccaaagcatg 1740
tattacgtg gcctccagt ggacgattc gaggactcgg aatctacgga tacggaagaa 1800
gagtttgga acgcgattgg agggagtcac ggggggtcga gttacacggg gtatatagat 1860
aagacccgg                                     1869

```

Número de secuencias (ID): 13

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga ctccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420

```

gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 ccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtgggtggatg tggactgcmc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccttcctgag 840
 attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgccgag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcactgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgccatcg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatacccc 1200
 aacgtcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccttcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaaag aggcctccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgt 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctctc gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca cagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcggca acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 14

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
 gaggaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacggc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttctggaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattcacg tgatcccac cctgaacggc 420
 gagcaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 cccttcccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgtacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgcccggc ccgcatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgtgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaaatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
 accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaac gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccggc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacggcgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgcgcgtgaa ggcttaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tactacggcg gcctgcccgt ggacgacttc gaggacagcg agagcaccga caccgaggag 1800

gagttcggca acgccatcgg cggcagccac ggcggcagca gctacaccgt gtacatcgac 1860
aagacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 15

Longitud: 1638

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1638

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccacg tgatccccac actgaacggc 420
gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttg 660
ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgagc cgagaacacc 720
aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
attgaacccg ggggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
tttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260

gctcagcgag tggccagcac agtgaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggct 1638

Número de secuencias (ID): 16

Longitud: 1638

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1638

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattcacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg ttagcgtgga ggagaaccac 540
 ccttcaccc tgcgcgccc catccagcgc atctacggcg tgcgtacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960

ggcgacgaaa agacccgcaa cccacacccc gccgtgaccc cccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgctgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacgc accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgcctgag ccacatgaac agcgggtgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccg gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggcc 1638

Número de secuencias (ID): 17

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtcgggct agcgtgctga gatacgacga cttcacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcggccaag aggacctggg agatgatacc ggcacccacg tgatccccc actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660

ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttggatcg tggtaaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttacacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgccatcg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgtcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agctcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcctccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggcttacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tacgccgccc gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcgga acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagaccggg 1869

Número de secuencias (ID): 18

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120

gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgagg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccac tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 ccctcaccg tcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tcgctacac cgagacctg 600
 agcttctgc ccagctgac ctgcaccggc gacgcccgc cgcctacca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgagc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgctccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcacctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgtgagc accgagaagc agtacctggg cgtgtacac 900
 tggaaatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gcctgaccc cccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacct cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgcttag ccacatgaac agcggctgca cctcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctg gcatcagcca catggagccc agcttcggc tgatctgca cgacggcggc 1380
 accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttaacg gccacgtgga ggccgtggc tacaccgtg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttccc cccaccgccc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagccaagg agatcaccac cgtgaacccc ggcaccagcc cctgatccg ctacgcccgc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgctg tgatcttct gatctgacc 1680
 gccaaagcga tcgctgtgaa ggcctaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tacgcccgc gcctgcccgt ggacgacttc gaggacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcggca acgcatcgg cggcagccac ggcggcagca gctacaccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgc

1869

Número de secuencias (ID): 19

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccac tgatccccac actgaacggc 420
gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttg 660
ctgaagcaca ccactgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttgacgagc tggaaactgga ccctcctgag 840
attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
ttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggg 1440
tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
```

gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgt 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatttctct gatctgcacc 1680
 gccaaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tac 1743

Número de secuencias (ID): 20

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcgcgccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattcacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 cccttcccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgtacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgcccgc cgcctacca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agaccgcaa cccaccccc gccgtgacc cccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacct cagcctggcc 1080

atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgctgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacgc accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgccctgag ccacatgaac agcgggtgca ccttcaccag ccccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcacctg ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccg gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc cctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgca tgcgcgtgaa ggccctaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tac 1743

Número de secuencias (ID): 21

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacccgc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcacccacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 cccttcccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgtacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660

ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgctc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tgggaacac cagcaccctg ttcagcagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgtctgct accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaaatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacct cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacgc accccacctg ccagcccatg cgcctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaac gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgcc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc cctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatttcct aatatgcacc 1680
 gccaaagcga tgcgcgtgaa ggctaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tac 1743

Número de secuencias (ID): 22

Longitud: 1614

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1614

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 acctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240

tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgctc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgtcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gtctgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggctccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atac 1614

Número de secuencias (ID): 23

Longitud: 1614

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1614

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttggaaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcgcgccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 ccctcaccg tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctcgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgcccgc cgcctatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgctccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgtcgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tgaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca cctcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccgaca ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcaccgc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctac 1614

Número de secuencias (ID): 24

Longitud: 1824

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1824

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccag tgatccccac actgaacggc 420
gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga agagaatcac 540
cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
ttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
gctcagcgag tggccagcac agtgctaccag aattgcgagc acgcccacaa ttacaccgcc 1320
tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
gtgaacgcca tcgaggaaag aggcctccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatttctct gatctgcacc 1680

```

gccaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt gggaaatgcc atcgaggat ctacggcgg cagcagctat 1800
 accgtgtaca tcgacaagac ccgg 1824

Número de secuencias (ID): 25

Longitud: 1824

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1824

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcacccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga agagaatcac 540
 ccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tccttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgcatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccttctgag 840
 attgaacccg gggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca ccttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgccgag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacct tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200

aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gtctgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggccgacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt gggaaatgcc atcggaggat ctacggcgg cagcagctat 1800
 accgtgtaca tcgacaagac ccgg 1824

Número de secuencias (ID): 26

Longitud: 1824

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1824

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgctg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccac tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 ccttcaccc tgcgcgccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720

aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
ccctggatcg tgggaacac cagcaccctg ttcagcagc tggagctgga ccccccgag 840
atcgagcccg gctgtctgaa ggtgtctgcg accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
tggaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttcttgt gacctggaag 960
ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcgggtgca ccttcaccag cccccacctg 1260
gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccgaaa ctacaccgcc 1320
tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccactt 1500
gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgcc gccagcccc cgccaccacc 1560
aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
gccaagcgca tgcgctgaa ggccgcccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
tactacgccg gcctgcccgt gggcaacgcc atcgggcgca gccacggcgg cagcagctac 1800
accgtgtaca tcgacaagac ccgc 1824

Número de secuencias (ID): 27

Longitud: 1719

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1719

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
acctgcgga tcaccaatcc tgtcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240

tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgctc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgtcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggctccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggccgccaga gtggacaag 1719

Número de secuencias (ID): 28

Longitud: 1719

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1719

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
acctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
agcgcccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattcacg tgatcccac cctgaacggc 420
gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
cccttcccc tgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgtacac cgagacctgg 600
agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgcccgc cgcctacca gcacatctgc 660
ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
atcgagcccg gctgctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
tggaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
gtgcccacg accccacctg ccagccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
aacgcccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttaccag cccccacctg 1260
gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgaaa ctacaccgcc 1320
tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
tacttcaac gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccc gccagcccc cgccaccacc 1560
aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
gccaagcgca tgcgctgaa ggccgcccgc gtggacaag 1719

```


Número de secuencias (ID): 29

Longitud: 1719

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1719

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc cgtcgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggcc agcgtgtgta gatacgacga ctccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
gagagcagct gggtaaacag aggcgagtcc agccggaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgacggc ttcttggaat atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaacc agggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc caccagatg 360
agcggccagg aagatctggg cgacgacacc ggcacccacg tgatccctac cctgaacggc 420
gacgaccggc acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaacc ccaagcccca gggacagcgg ctgattgagg tgtcgtgga agagaaccac 540
cccttcccc tgagagcccc tatccagcgg atctacggcg tgcgtatac cgagacttgg 600
agcttctcgc ccagcctgac ctgtactggc gacgccgctc ctgccatcca gcacatctgc 660
ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaagaggacc agctggccga gatcagctac cggttcagg gcaagaaaga ggccgaccag 780
ccctggatcg tcgtgaacac cagcaccctg ttcgacgagc tggaactgga cctcccgag 840
atcgaaccgg ggggtctgaa ggtgctgcgg accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatgc ggggcagcga cggcacctct acctacgcca ccttctcgt gacctggaag 960
ggcgacgaga aaaccggaa cctaccct gccgtgacc ctacgcctag aggcgccgag 1020
ttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacctt ctccctggcc 1080
atgcacatgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
gtgcccacg accctacctg ccagcccatg cggctgtact ccacctgtgt gtaccacccc 1200
aacgcccctc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcaccag ccctcacctg 1260
gctcagaggg tggccagcac cgtgtaccag aattgcgagc acgccgaaa ctacaccgcc 1320
tactgcctgg gcatcagcca catggaaccc agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
accaccctga agttcgtgga caccctgag tcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440

```

tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtccaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaacg gggcttccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcccaaag aaatcacccc tgtgaacccc ggcaccagcc cactgctgcg ctatgtgtct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtggtgctg ctgtgcctcg tgatttcct gatctgcacc 1680
 gccaaagcgga tgagagtga ggcgcgcca gttgacaag 1719

Número de secuencias (ID): 30

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
 tticacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080

atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgctaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtgggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgt 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgtctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggccgcccaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tacgccgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcgga acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 31

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttctggaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcacccacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540

cccttcaccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgccatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttcagcagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgtgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaaatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacc cccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacct cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgccatcg accccacctg ccagccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcacctg ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgcc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgcgcgtgaa ggccgcccgc gtggacaaga gcccctacaa ccagagcatg 1740
 tacgccgccc gcctgcccgt ggacgacttc gaggacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcggca acgcatcgg cggcagccac ggccgagca gctacaccgt gtacatcgac 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 32

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccag tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttg 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcg cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tgaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgccgag 1020
 ttacatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgaccag aattgcgagc acgcccagaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggccgccaga gtggacaaga gcccttacia ccagagcatg 1740
 tac

1743

Número de secuencias (ID): 33

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccac tgatccccac cctgaacggc 420
gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
cccttcccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgcccgcc ccgcatcca gcacatctgc 660
ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
tggaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacc cccagccccg cggcgccgag 1020
ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgctgga gtggctgtac 1140
gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcgggtgca ccttcaccag cccccacctg 1260
gcccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacacctgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500

```

```

gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccc gccagcccc cgccaccacc 1560
aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
tggaccggcg gcttgccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttcct gatctgcacc 1680
gccaagcgca tgcgcgtgaa ggccgcccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
tac                                     1743

```

Número de secuencias (ID): 34

Longitud: 4331

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.4331

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
acctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga ctccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420
gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
ctgaagcaca ccactgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgccgag 1020
ttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080

```

atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgctaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtgggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgtctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca cagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcggca acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccggt gatgaccctt ctccctcccc cccccctaac gttactggcc gaagccgctt 1920
 ggaataaggc cgggtgctgt ttgtctatat gttatttcc accatattgc cgtcttttg 1980
 caatgtgagg gcccggaac ctggccctgt cttctgacg agcattccta ggggtcttc 2040
 ccctctgcc aaaggaatgc aaggctgtt gaatgtcgtg aaggaagcag ttctctgga 2100
 agcttctga agacaaaca cgtctgtagc gacccttgc aggcagcgga accccacc 2160
 tggcgacagg tgcctctgcg gccaaaagcc acgtgtataa gatacacctg caaaggcggc 2220
 acaaccacag tgccacgtg tgagttggat agttgtggaa agagtcaaat ggctctctc 2280
 aagcgtattc aacaaggggc tgaaggatgc ccagaaggta cccattgta tgggatctga 2340
 tctggggcct cgggtcacat gctttacatg tgttagtcg aggttaaaaa aacgtctagg 2400
 cccccgaac cacggggacg tggtttctt ttgaaaaa cgatgataag cttgccaca 2460
 ccatgggcac tgtcaacaag ccggtgttg ggggtgctcat ggggttcggc atcatcaccg 2520
 gtacactcag gattacaaat cctgtacgcg cgagtgtctt gcggtacgac gatttcata 2580
 tcgatgaaga taagctcgac acgaactccg tgtacgagcc ttattatcat tctgatcatg 2640
 cggagtcgtc atgggtgaat cggggtgagt ctccaggaa ggcttatgat cataacagcc 2700
 catacatatg gcctcgtaat gattatgacg gcttcctgga gaacgcccac gagcaccacg 2760
 gtgtctataa ccaaggctga gggatagact ctggggaaag gctgatgcag cctaccaga 2820
 tgtcggcaca ggaggaccta ggggatgaca ctggcatcca tgtcatcccc acgtcaatg 2880
 gcgacgaccg ccataagatc gtgaatgtgg accagcggca gtacggggat gtctcaaaag 2940
 gagacctaa ccctaagccc caagggcagc gggtgataga ggctccgtt gaagaaaaatc 3000

atccctttac tctgcgggct ccattcaac gcatttatgg ggtccgctat actgagacgt 3060
 ggtccttctt gccgtccctg acctgtacag gtgatgtgc ccccgctatt cagcatatat 3120
 gcctcaagca tactacttgc ttccaggacg ttgtggcgca tgcgattgc gctgagaaca 3180
 cgaaggagga tcagttagct gagatttcct atcgggtcca gggtaaaaag gaggccgac 3240
 agccgtggat agtgggaac actcaaccc tattcgacga gcttgaattg gaccctccc 3300
 agatgaacc cggcgctcctg aagggtctga gaacagagaa gcagtatctt ggggtatata 3360
 tctggaatat gcggggcagc gacggcacgt ccacctatgc aacctcttg gtgacatgga 3420
 agggcgatga gaagacacgt aacccactc cggctgtgac accacagccg cgaggcgctg 3480
 agttccacat gtggaattat cattccatg tattcagtgt tggggatacg ttctctctgg 3540
 ccatgcacct ccagtacaag atacacgagg cgcccttga tctttactg gagggtgtgt 3600
 atgtgccaat cgatctaca tgcaaccga tgaggttga ttccactgt ttatatcacc 3660
 caaacgctcc tcagtgttg agtcatatga acagtggatg taccttaca tcacccatc 3720
 tggcacagag ggtggcctcc acggtctatc agaattgtga acacgcagac aactatacag 3780
 cctactgtct ggggatcagc cacatggagc ctacttcgg gctgatactc cagcaggtg 3840
 ggaccacctt aaagttcgtg gatactccc agtctttgag tggctgtat gtgtttgtg 3900
 ttattttaa tggacacgtg gaggcggtg cgtacacggt ggtcagcaca gttgaccact 3960
 tctggaatgc catcgaggag cgggggttcc cgctacggc tgggcaacca cccgtacca 4020
 cgaagcccaa ggagattact cctgtgaatc ctgggacatc acctctatc aggtacgccg 4080
 cgtggaccgg tggccttgcc gcagtgttc ttctgtgtc ggtgatttc ttgatctga 4140
 ccgcaaagcg gatgcgggtc aaggcttacc gggtcgacaa gagtcttac aatcagagta 4200
 tgtactacgc gggcctccc gtagacgact ttgaggactc tgagtcgacc gacacagaag 4260
 aagaattcgg caacgccatc ggggggagcc atggtggctc ctctacacg gtgtatattg 4320
 ataagaccag g 4331

Número de secuencias (ID): 35

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccag tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga agagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttg 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgagc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tgaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgcccag 1020
 tticacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggaa 1800
 gagttcggca acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgg

Número de secuencias (ID): 36

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcactg tcaacaagcc cgtagtgggg gtcctgatgg gggtcgggat catcacgggg 60
actctgcgga tcactaatcc ggtaggggcc tctgtgctgc gctatgacga ctccacatt 120
gatgaggata agctggacac aaatagcgta tatgagccat attaccatag cgatcatgct 180
gagtcttctt gggagaatag gggtagtctt tccgcaagg cttatgatca caatagtcca 240
tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcatcatggt 300
gtttacaacc aggggcgcgg aattgacagt ggagagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
tccgctcagg aggatctggg cgacgacact ggtatccatg tgattccgac cttaaaccgt 420
gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atggtgatgt gttaagggg 480
gatcttaac cttaacctca aggacagagg ttgattgagg tctctgtgga ggaaaatcat 540
cctttcactc tgcgtgcgcc catacagaga atctatggag ttcgatacac cgaaacctgg 600
tctttctgct ctagctgac atgcactggg gacgccgccc cggcgattca gcacatatgc 660
ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggatg tggattgtgc cgagaatacc 720
aaggaggatc aactcgccga aatctcatc aggttccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctt ttgacgagc tggagctcga tccacctgag 840
atcgagccag gtgtgctgaa agtgttcgt actgaaaaac agtatctcgg agtttatatt 900
tggaacatga ggggctctga tggataaagc acatacgcaa cctttctggt gacatggaaa 960
ggcgacgaga aaactcgtaa cccaccctt gctgtgactc cacagcctcg gggggccgag 1020
ttcacatgt ggaactacca ttctacgtg ttagtgtgg gtgacacatt ttcctcgt 1080
atgcacctgc agtacaagat ccatgaagcc cctttgatc ttctgtgga gtggctctac 1140
gtgccgatag atccaactg tcagcccatg aggtgtaca gtacgtgctt gtaccacccc 1200
aacgcccccc aatgtctgag ccatatgaac tccgggtgca cattcacgtc acccatctt 1260
gcccagcgtg ttgcgtccac ggtgtatcag aactgcgagc acgcagataa ttacaccgcc 1320
tattgccttg gcattcaca catggaacct agtttggcc tgatctcca tgacggcgga 1380

```

actactctca aattcgtgga taccctgag tctctgtccg gcctgtacgt gttgttgta 1440
 tacttcaacg gccatgtgga ggctgtggcg tacactgttg tgagcactgt cgatcacttt 1500
 gtgaatgcta tcgaggaaag aggccttcct ccgacagctg gacagccgcc tgccaccact 1560
 aagcccaagg agatcacacc tgtcaatccc ggaacctcgc cactgataag gtatgccgcc 1620
 tggaccggcg gcttggccgc tgtggtgctt ttgtgttag ttatTTTTT gatttgact 1680
 gcgaaacgca tgcgagtaa ggcataccgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg ggctccccgt ggacgatttt gaggactcag agagcacgga cacagaggag 1800
 gagtcggga acgcgatagg ggggtccac ggggggtcct cctacaccgt gtacatagac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 37

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc gggtgttggg gtgtcatgg ggttcggcat catcacccgt 60
 aactcagga ttacaaatcc tgtacgcgcg agtgtcttgc ggtacgacga ttccatatac 120
 gatgaagata agctcgacac gaactccgtg tacgagcctt attatcattc tgatcatgcg 180
 gagtcgtcat ggggtgaatcg gggtagtct tccaggaagg cttatgatca taacagccca 240
 tacatatggc ctgtaatga ttatgacggc ttcttgaga acgcccata gacaccgggt 300
 gtctataacc aaggctgagg gatagactct ggggaaaggc tgatgcagcc taccagatg 360
 tcggcacagg aggacctagg ggatgacact ggcattcatg tcatccccac gctcaatggc 420
 gacgaccgcc ataagatcgt gaatgtggac cagcggcagt acggggatgt cttcaaagga 480
 gaccttaacc ctaagcccca agggcagcgg ttgatagagg tctccgttga agaaaatcat 540
 cctttactc tgcgggctcc cattcaacgc atctatgggg tccgtatac tgagacgtgg 600
 tccttcttgc cgtccctgac ctgtacaggt gatgtgccc ccgctattca gcatatatgc 660
 ctcaagcata ctactgctt tcaggacgtt gtggtcgatg tcgattgcg tgagaacacg 720
 aaggaggatc agttagctga gatttcctat cgggtccagg gtaaaaagga ggccgatcag 780
 ccgtggatag tggatgaacac ttcaacccta ttgcacgagc ttgaattgga ccctcccgag 840

atcgaacccg gcgctctgaa ggttctgaga acagagaagc agtatcttg ggtatatatc 900
 tggaatatgc ggggcagcga cggcacgtcc acctatgcaa ccttcttgg gacatggaag 960
 ggcatgaga agacacgtaa cccactccg gctgtgacac cacagccgcg aggcgctgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttccatgta ttcatgttg gggatacgtt ctctctggcc 1080
 atgcacctcc agtacaagat acacgaggcg cctttgatc ttttactgga gtggctgtat 1140
 gtgccaatcg atcctacatg tcaaccgatg aggtgtatt ccactgttt ataccacca 1200
 aacgctcctc agtgttgag tcatatgaac agtggatga cctttacatc acccatctg 1260
 gcacagaggg tggcctccac ggtctatcag aattgtgaac acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggatcagcca catggagcct agctcgggc tgatactcca cgacgggtggg 1380
 accacctaa agttcgtgga tactcccag tcttgagtg gtctgtatgt gttgtggtt 1440
 tattttaatg gacacgtgga ggcggtggcg tacacggtg tcagcacagt tgaccactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccacc cgctaccacg 1560
 aagcccaagg agattactcc tgtgaatcct gggacatcac ctctatcag gtacgccgcg 1620
 tggaccggtg gccttgccgc agttgttct ctgtgtctg tgatttctt gatctgcacc 1680
 gcaaagcgga tgcgggtcaa ggcttaccg gtcgacaaga gtccttaca tcagagtatg 1740
 tactacgcg gcctcccgt agacgactt gaggactct agtcgaccga cacagaagaa 1800
 gaattcgga acgcatcgg ggggagccat ggtggctcct cctacacggt gtatattgat 1860
 aagaccagg 1869

Número de secuencias (ID): 38

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacag ttaataaacc tgtggtggg gtattgatg ggtcggat taccacgga 60
 acgttgcgta taacgaatcc ggtcagagca tccgtctgc gatacgtga tttcacatc 120
 gatgaagaca aactggatac aaactccgta tatgagcctt actaccattc agatcatgcg 180
 gagtcttcat gggtaaactc gggagagtct tcgcgaaaag cgtacgatca taactcacct 240
 tatatatggc cacgtaatga ttatgatgga ttttagaga acgcacacga acaccatggg 300

gtgtataatc agggccgtgg tatcgatagc ggggaacggt taatgcaacc cacacaaatg 360
 tctgcacagg aggatcttgg ggacgatacg ggcacccacg ttatccctac gttaaaccggc 420
 gatgacagac ataaaattgt aaatgtggac caacgtcaat acggtgacgt gtttaaagga 480
 gatcttaatc caaaacccca aggccaaaga ctattgagg tgctagtga agaaaatcac 540
 ccgtttactt tacgcgcacc gattcagcgg atttatggag tccggtacac cgagacttgg 600
 agcttttgc cgtcattaac ctgtacggga gacgcagcgc ccgcatcca gcatatatgc 660
 ttaaaacata caacatgctt tcaagacgtg gtggtggatg tggattgcgc ggaaaatact 720
 aaagaggatc agttggccga aatcagttac cgtttcaag gtaagaagga agcggaccaa 780
 ccgtggattg ttgtaaacac gagcacactg ttgatgaac tcgaattaga ccccccgag 840
 attgaaccgg gtgtcttgaa agtacttcgg acagaaaaac aatacttggg tgtgtacatt 900
 tggaaatgc gcggctccga tggtagctt acctacgcca cgtttttgg cacctggaag 960
 ggggatgaaa aaacaagaaa ccctacgccc gcagtaactc ctcaaccaag aggggctgag 1020
 ttcatatgt ggaattacca ctgcatgta tttcagttg gtgatacgt tagcttgga 1080
 atgcatctc agtataagat acatgaagcg ccatttgatt tgctgttaga gtggtgtat 1140
 gtccccatcg atcctacatg tcaaccaatg cggttatatt ctacgtgtt gtatcatccc 1200
 aacgcacccc aatgcctctc tcatatgaat tccggttga catttacct gccacattta 1260
 gccagcgtg ttgcaagcac agtgtatcaa aattgtgaac atgcagataa ctacaccgca 1320
 tattgtctgg gaatatctca tatggagcct agctttggtc taatcttaca cgacgggggc 1380
 accacgttaa agttttaga tacaccgag agtttgcgg gattatacgt tttgtggtg 1440
 tattttaacg ggcatgtga agccgtagca tacactgtt tatccacagt agatcattt 1500
 gtaaaccgaa ttgaggaacg tggatttccg ccaacggccg gtcagccacc ggcgactact 1560
 aaaccaagg aaattacccc cgtaaaccgc ggaacgtcac cacttatagc atatgccgca 1620
 tggaccggag ggcttcagc agtagtactt ttatgtctcg taatatttt aatctgtacg 1680
 gctaaacgaa tgagggttaa agcctatagg gtagacaagt ccccgataa ccaaagcatg 1740
 tattacgctg gcctccagt ggacgatttc gaggactcgg aatctacgga tacggaagaa 1800
 gagtttgga acgcgattgg agggagtcac ggggggtcga gttacacggt gtatatagat 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 39

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcactg tcaacaagcc gggtgttggg gtgctcatgg ggttcggcat catcaccggt 60
acactcagga ttacaaatcc tgtacgcgcg agtgtcttgc ggtacgacga ttccatatac 120
gatgaagata agctcgacac gaactccgtg tacgagcctt attatcattc tgatcatgcg 180
gagtcgtcat ggggtgaatcg gggtagtct tccaggaagg cttatgatca taacagccca 240
tacatatggc ctgtaatga ttatgacggc ttcttgaga acgcccata gacaccggt 300
gtctataacc aaggtcgagg gatagactct ggggaaaggc tgatgcagcc taccagatg 360
tcggcacagg aggacctagg gtagacact ggcacatg tcacccac gctcaatggc 420
gacgaccgcc ataagatcgt gaatgtggac cagcggcagt acggggatgt cttcaaagga 480
gaccttaacc ctaagccca agggcagcgg ttgatagagg tctcgttga agaaaatcat 540
cccttactc tgcgggctcc cattcaacgc atctatgggg tccgtatac tgagacgtgg 600
tccttctgc cgtccctgac ctgtacagg gatgtgccc ccgtattca gcatatatgc 660
ctcaagcata ctactgctt tcaggacgtt gtggtcgatg tcgattgcgc tgagaacacg 720
aaggaggatc agttagctga gatttcctat cggttccagg gtaaaaagga ggccgatcag 780
ccgtggatag tggatgaacac ttcaacccta ttgacgagc ttgaattgga ccctcccgag 840
atcgaaccgc gctcctgaa ggttctgaga acagagaagc agtatcttgg ggtatatatc 900
tggaatatgc ggggcagcga cggcacgtcc acctatgcaa ccttcttgg gacatggaag 960
ggcgatgaga agacacgtaa cccactccg gctgtgacac cacagccgcg aggcgctgag 1020
ttccacatgt ggaattatca ttccatgta ttacgtgtt gggatagctt ctctctggcc 1080
atgcacctcc agtacaagat acacgaggcg cccttgatc ttctactgga gtggctgtat 1140
gtgccaatcg atcctacatg tcaaccgatg aggtgtatt ccactgttt ataccacca 1200
aacgctcctc agtgtttgag tcatatgaac agtggatgta cctttacac acccatctg 1260
gcacagaggg tggcctccac ggtctatcag aattgtgaac acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggtacagcca catggagcct agcttcgggc tgatactcca cgacggtggg 1380
accaccttaa agttcgtgga tactcccgag tcttgagtg gtctgtatgt gttgtggtt 1440
tattttaatg gacacgtgga ggcggtggcg tacacggtgg tcagcacagt tgaccacttc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaaccacc cgctaccag 1560
aagcccaagg agattactcc tgtgaatcct gggacatcac ctctatcag gtacgccgcg 1620
tggaccggtg gcctgccgc agtgttctt ctgtgtctgg tgatttctt gatctgcacc 1680

```

gcaaagcggg tgcgggtcaa ggcttaccgg gtcgacaaga gtccttaca tcagagtatg 1740
 tactacgagg gcctcccggg agacgacttt gaggactctg agtcgaccga cacagaagaa 1800
 gaattcggca acgccatcgg ggggagccat ggtggctcct cctacacggg gtatattgat 1860
 aagaccagg 1869

Número de secuencias (ID): 40

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtactg tgaataagcc tgtgtggggg gttctaattg ggttcgggat catcactgga 60
 aactgagga ttaccaatcc cgtagggcc tccgtgctgc gttacgatga ctccacatc 120
 gacgaggata agctggatac caattcagtt tatgagcctt actaccactc tgatcacgcc 180
 gagagctctt ggggtaatcg gggggagtc tctagaaag cctatgatca taattctcca 240
 tatatatggc caagaaatga ttatgatggt ttcttgaga atgcacacga acatcacggc 300
 gtttaatacc aaggtcgtgg gattgactcg ggcgagcgtc tgatgcaacc cactcagatg 360
 tccgtcagg aagacctggg cgatgacact gggattcatg tgattccaac tctaatggc 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaatgtggat cagagacagt atggagatgt gtttaagggc 480
 gatctgaatc cgaagcccca gggtcagaga ctcatcgaag tgagtgtgga ggaaaacat 540
 cccttactc tgagggctcc gattcagcgc atctacggtg tgcgctacac tgagacttgg 600
 agtttctgc cgtcttgac ttgcacaggt gacgctgcc cgcctattca gcatatttgc 660
 ctcaagcaca caacatgctt ccaggatgtt gtggttgacg tggattgcgc agagaacacc 720
 aaagaggatc aattggccga aatctcctat cgtttccaag gaaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgattg tggtaatac ctctaccttg ttcgatgagc tggagctcga tctcctgag 840
 atcgagcccg gcgtgttgaa ggttctcagg actgagaagc agtatttggg ggtgtacatc 900
 tggaaatgc ggggtagtga cggaacgtcc acctacgcca ctttcttgt gacctggaaa 960
 ggcgatgaga agacacgtaa cctaccctt gctgtgactc cacagccaag ggtgcggag 1020
 ttccacatgt ggaattatca cagtcacgtg tttagcgttg gcgatacgtt cagtctggca 1080
 atgcactcgc agtataagat acacgaggcg cccttgatc ttctgctaga atgggtgtat 1140

gtccaattg atccaacctg tcagcctatg aggctgtaca gcacttgtct gtaccatcct 1200
 aacgctcctc aatgtcttc gcacatgaac agtgggtgca ccttcacatc tccgcatctg 1260
 gcgcagaggg tggcctccac cgtctatcag aattgcgaac acgccgataa ctataccgct 1320
 tattgtctgg ggattagcca catggagccc agctttgggc tgatcctgca cgacggtggg 1380
 acgactctga agtttgtgga cactccagag tctctagcg gttgtacgt gttcgtggg 1440
 ttttcaatg ggcatgtcga ggccgtggcc tacaccgttg taagtactgt ggatcacttt 1500
 gtgaatgcta tcgaggagcg tggcttcccg cccacggcgg gacagccgcc tgccacgacg 1560
 aagccaagg agatcactcc agtgaatcct ggtacatcgc cttgatacg gtacgcagcc 1620
 tggactggg gtctggctgc tctcgtctc ttatgtctgg tgatcttct gattgtact 1680
 gctaagcgg tgcgagtga ggcttatcgg gtcgataaga gcccatacaa tcagagcatg 1740
 tactatgctg gtctccctgt ggatgatttt gaagatagtg agagcacaga cactgaggag 1800
 gagttggca atgccatcgg tggtagccac ggcggatctt ctactactgt ctatatcgac 1860
 aagactcgt 1869

Número de secuencias (ID): 41

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600

tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatac 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 42

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60

acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agtggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg tgggtggatg ttgattgcgc tgagaatac 720
 aaggaagatc agcttgccga aattcttac agattcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggcga cggcaccagt acctatgcca ctctctgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccg gctgtgacc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctgttg gcgacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagc cctttgatc ttctgtcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctc gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctga tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagc ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcattga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt gatcattt 1500
 gtgaaccca ttaggagcg ggggtccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacac agtgaaccct ggcacaagc cctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtgc cgtggtgt ctgtgtctag tcatcttt gatctgcact 1680
 gccaagcga tcgggtcaa ggctatcgg gttgacaagt ctccgataa tcagtcgat 1740
 tattacgag gcctcctgt ggatgattt gaggactct agtcacaga caccaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac gggggctc catatacag gtatcgcac 1860
 aagactcg

Número de secuencias (ID): 43

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgagga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatac 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
```

tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcaact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 44

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatott ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctoca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 ccccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900

tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cggtcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtagcgacc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 45

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360

agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggg gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tgaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatctt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggctgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgta atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 46

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccggccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
```


tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 47

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttcga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgaggag 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200

aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca ctttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgttga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgta atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 48

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggtcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaaactgg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgtattca acatatctgt 660

ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcc ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctgttg gcgacagctt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattact ctacgtgtt atatcatca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccag tcttaagt ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctt cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagc 1620
 tggaccgggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgt 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 49

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120

gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagagt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttga agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggaatgttt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 50

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaaa ctatacggca 1320
tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgtg tcagcactgt tgatcattt 1500
```

gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcattctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 51

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctgggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caacttggtt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgaggatg ttgtaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960

ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgccc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccacgccc tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgcca atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatcgcg 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 52

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtcgcgagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420

gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acgggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgggt gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtgggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcggtga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtctc cgtgggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 53

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgtt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgctac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgccc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtacctgg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctctgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttggcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtagcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800

gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 54

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
cccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactggt gacgctgcc ctgctattca gcatatagc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agattcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260

gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 55

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agtcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag ggtgagagt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720

aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatcggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacgggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatttga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt tgatcat 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 56

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180

gagtcgtcat gggtaaata gggtagaggt tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggg 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggg 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctt acatatgcca cttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctgttg ggcacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgcctc gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt tgatcat 1500
 gtgaaccca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtgct cgtggtgtt ctgtgtctag tcatcttt gatctgact 1680
 gccaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactct agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacgt gtatcgcac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 57

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggcggg gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgtgagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttcca cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgcggag 1020
ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg ttcccgtag gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
tattcaatg gtcattgga ggcagtggct tataccgtg tcagcactgt tgatcattt 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560

```

aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattctttt gatctgact 1680
 gccaaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 58

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg gggtagtgtc tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttcttgagga atgcccataa gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
 tggaaatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca cctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccgggaa cccaccctct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020

ttccacatgt ggaattacca ttcccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 59

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgtcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtgagagt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480

gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgtgagg actgagaaac agtacctgg agtgatatc 900
 tggaaatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agacccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg ttcccggtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggct tataccgtg tcagcactgt tgatcatctt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtgggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcggg tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 60

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagat tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgccccatga gcatcatggg 300
 gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctgggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tcttttctgc cgtcacttac ttgactggg gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttgg ggtgtatata 900
 tggaaatagc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccgggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gaggttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860

aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 61

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc tgtggcggga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatgg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac tgcactggt gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg tgggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggcggga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
tttcatatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagttggcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgac ttctgctcga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
```

tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatttt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 62

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag ggtgagagt tccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780

ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagctggct 1080
 atgcacccc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctcac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 63

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgaagg cttatgatca taatttcca 240

tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agattcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgtcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacccc agtataagat acacgaagct ctttctac ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctga tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgtt tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc cctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtctc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcga tgcgggtcaa ggcttatcg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 64

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtc tgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccatga gcatcatggc 300
gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgcc ctgctattca gcataatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcattc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
```

tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt g gatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 65

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg tttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
 tggaaatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtcggct 1080

atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca ctttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgtctgc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattcttt gatctgca 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggctatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgta atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 66

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540

ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tcttttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgttagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtacctgg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctctgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagttggcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtgggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 67

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtctcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacct gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tgaatatga gaggtccga cgggacctt acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tccacgcgc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 tticacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atcatcca 1200
 aatgctcac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctc gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgtt tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgattttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg

Número de secuencias (ID): 68

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaaactgg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agacccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtgga 1380
```

actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcagtgtga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 69

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtc tgcgcaagg ctatgatca taattctoca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840

atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 70

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tataatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgga atgcccata gcatcatggt 300

gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggg gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtgggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgttatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 71

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatott ggtgaaccg ggtgagtc tgcgcgaagg cttatgatca taattctoca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tcgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaaccat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgctggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg ttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
tattcaatg gtcattgga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatttt 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtagcagcc 1620
tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680

```


gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 72

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgctgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg ggggtagctc tcgcgcaagg cttatgatca taatttcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gtttaataac aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140

gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 ttttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcaact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 73

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcacggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg gggtagtct tcgcgaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600

tcttttctgc cgtcacttac ttgcactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 cttaagcata caacttggtt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatata 900
 tggaaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctctgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcaact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtcg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 74

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60

acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taatttcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgtt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatgg 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tcggggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggg gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggcga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgagg 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacccc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacacta agttcgtgga cactcccgag tcttaagt ggtgtatgt tttgtggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tcggtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtgtgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatcgtat 1860
 aagacgagg

Número de secuencias (ID): 75

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg gggttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatcct ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tcgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgctggag 1020
ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg ttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaca ctatacgga 1320
tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
```

tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 76

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag ggtgagagt tccgcaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatactctgc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 ccccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatac 900

tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc ccttttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttlaagtg ggttgatgt ttttggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc cctgattag gtatgtctcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 77

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtctcat gggtaaatag gggtagagag tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgaacc gacccaaatg 360

agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaaatga gaggttccga cgggacctt acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacc cagacccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctc gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgtt tcagcactgt tgatcat 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgattttc gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactt caggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 78

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatcct ggggtgaaccg ggggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctoca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttcctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
tcattctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatac 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctctgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacactg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgtcga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgtgcc 1620
tggacaggcg ggctgtctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740

```

tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 79

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtctcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacctc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200

aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca ctttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgtcc 1620
 tggacaggcg ggctgtctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 80

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tcttttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660

ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgac ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcatttga ggcagtggt tataccgtt tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtcgtgctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 81

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120

gatgaggata agtggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagagg aggcctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggg 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 ccccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgcactggg gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aattcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca cttctctgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgcc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctgttg ggcacacgt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagc cctttgatc ttctgtcga atggctgtat 1140
 gtccaattg acccgacgtg tcagccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggc tactgttg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagc cctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtctc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgat 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag ggtgagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctgttg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaca ctatacggca 1320
tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500

```

gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattctttt gatctgcaact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 83

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctgggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caacttggtt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960

ggtgacgaga agacccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtctgc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatctgcac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 84

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420

gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acgggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgggt gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtgggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgttg tcagactgt tgatcat 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggctgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg 1869

Número de secuencias (ID): 85

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttcatcatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt ttttggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800

gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 86

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgctacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtgatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agattcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
tttcatatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260

gccacgctggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtgggttg ctgtgtctag tcattcttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 87

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcacggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtc tgcgcaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggcagggg gattgattt ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcaggg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720

aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atgggtgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtga cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagt ggtgtatgt tttgtggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 88

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180

gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagagt tcccgaagc cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggg 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggg 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggg gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtgggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agattcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca ctctctctg gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgcc gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctgttg ggcacacgt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgcctg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctga tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagc ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagc ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgtg gtctggctg agtcgtgcta ctatgcctg tgatttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 89

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggcggga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgtgagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca cttctctgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgaa tccacgccg gctgtgacc cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agcgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560

```

aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 90

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg ggggtagctc tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttcttgagga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgtatgatac gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020

ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttggcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttccct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcacttttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 91

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtgagagt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tcttaattgt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480

gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgagggtacac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttggaatg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agcgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcattc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
tggaaccgtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 92

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaacccg ggggtgagctc tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgtatgatac gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttggaattg ttgtaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccgggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctcac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtgtgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860

aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 93

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgagga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tcttaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agacccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca ctttaccag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacgga 1320
```

tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggttgtagct gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatttt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 94

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780

ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtcggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctcac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 95

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgcaagg ctatgatca taacagtcct 240

tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggctgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaaac agtaccttgg agtgtatatc 900
 tggaaatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agacccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg gttgtatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg

1869

Número de secuencias (ID): 96

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869
- > mol_type, otro ADN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagagat tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaaa ctatacggca 1320
tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
tatttcaatg gtcatttga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtagctgcc 1620

```


tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt g gatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 97

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatacttgcc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgactggg gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg tgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 tticacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtg gcgacacgt cagtttgcc 1080

atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc ccttttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 98

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgagga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540

ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tcttttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgctg tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcggttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggctgga cggcaccagt acctatgcca ctttctctg gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tccacgccc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttcatatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 ggcgagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 99

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agtgggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg ggggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttcttgagga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tcttaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgccc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacccc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

Número de secuencias (ID): 100

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca cttctctgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
```

accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtgggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcaact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 101

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869
- > mol_type, otro ADN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagat tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tcttttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840

atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgtt tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 102

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300

gttataacc aaggctgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggg 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggg gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtgggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatatc 900
 tggaaatgc gggggctgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgttatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 103

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatott gggagaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctoca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggttga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cttttctagt aacctggaag 960
ggtagcaga agacccggaa cccaccctc gctgtgactc cgcagcctag gggtagcagg 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg ttcccggtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
tattcaatg gacacgtgga agcctgggt tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc ctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtagctgcc 1620
tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtt ctgtgtctag tcattcttt gatctgact 1680
```

gccaagcggg tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 104

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttcacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140

gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtggttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgtg tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagccccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcaact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 105

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc cgtagtgggg gtctgatgg ggttcgggat catcacgggg 60
 actctgcgga tcactaatcc ggtaggggcc tctgtgctgc gctatgacga ctccacatt 120
 gatgaggata agctggacac aaatagcgta tatgagccat attaccatag cgatcatgct 180
 gagtcttctt ggggtgaatag gggtagtct tcccgaagg cttatgatca caatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcatcatggt 300
 gtttacaacc aggggcgcgg aattgacagt ggagagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgtcagg aggatctggg cgacgacact ggtatccatg tgattccgac cttaaagggt 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atggtgatgt gtttaagggg 480
 gatcttaatc cttaacctca aggacagagg ttgattgagg tctctgtgga ggaaaatcat 540
 cctttcactc tgcgtgcgcc catacagaga atctatggag ttcgatacac cgaaacctgg 600

tcttttctgc ctagtctgac atgcactggg gacgccgccc cggcgattca gcacatatgc 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggatg tggattgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgccga aatctcatalc aggttccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctt ttgacgagc tggagctcga tccacctgag 840
 atcgagccag gtgtgctgaa agtgttgcgt actgaaaaac agtatctcgg agtttatatt 900
 tggaacatga ggggctctga tggtaacgc acatacgcaa cctttctggt gacatggaaa 960
 ggcgacgaga aaactcgtaa ccccccctt gctgtgactc cacagcctcg gggggccgag 1020
 ttacacatgt ggaactacca ttctcacgtg ttagtggtg gtgacacatt ttccctcgct 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccatgaagcc cctttgac ttctgtcgtg gtggctctac 1140
 gtgccgatag atccaactg tcagcccatg aggttgta gtacgtgctt gtaccacccc 1200
 aacgcccccc aatgtctgag ccatatgaac tccgggtgca cattcacgtc acccatctt 1260
 gccagcgtg ttgcgtccac ggtgtatcag aactgcgagc acgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgccttg gcattcaca catggaacct agtttggcc tgatcctcca tgacggcgga 1380
 actactctca aattcgtgga taccctgag tctctgtccg gcctgtacgt gttgtgtgta 1440
 tacttcaacg gccatgtgga ggctgtggcg tacactgtt tgagcactgt cgatcacttt 1500
 gtgaatgcta tcgaggaaag aggccttctt ccgacagctg gacagccgcc tgccaccact 1560
 aagcccaagg agatcacacc tgtcaatccc ggaacctcgc cactgataag gtatgccgcc 1620
 tggaccggcg gcttggccgc tgtgtgctt ttgtgttag ttatTTTTT gatttgact 1680
 gcgaaacgca tgcgagttaa ggcataccgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg ggctccccgt ggacgatttt gaggactcag agagcacgga cacagaggag 1800
 gagtccggga acgcgatagg ggggtccac ggggggtcct cctacaccgt gtacatagac 1860
 aagactcgg

1869

Número de secuencias (ID): 106

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc cgtagtgggg gtctgatgg ggttcgggat catcacgggg 60

actctgcgga tcactaatcc ggtagggcc tctgtgctgc gctatgacga ctccacatt 120
 gatgaggata agctggacac aaatagcgta tatgagccat attaccatag cgatcatgct 180
 gagtcttctt gggtagatg gggtagtct tcccgaagg ctatgatca caatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcatcatggt 300
 gtttacaacc aggggcgagg aattgacagt ggagagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgctcagg aggatctggg cgacgacact ggtatccatg tgattccgac cttaaagggt 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atgggtgatgt gtttaagggg 480
 gatcttaac cttaacctca aggacagagg ttgattgagg tctctgtgga ggaaatcat 540
 cctttcactc tgcgtgcgcc catacagaga atctatggag ttcgatacac cgaaacctgg 600
 tctttctgc ctagtctgac atgcactggg gacgccgcgc cggcgattca gcacatatgc 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtgggtggatg tggattgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgccga aatctcatalc aggtccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctt ttgacgagc tggagctcga tccacctgag 840
 atcgagccag gtgtgctgaa agtgttgcgt actgaaaaac agtatctcgg agtttatatt 900
 tgaacatga ggggctctga tggtagaagc acatacgcaa cctttctggt gacatggaaa 960
 ggcgacgaga aaactcgtaa ccccccctt gctgtgactc cacagcctcg gggggccgag 1020
 ttacatgtt ggaactacca ttctacgtg tttagtgtgg gtgacacatt ttccctgct 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccatgaagcc cccttgatc ttctgtgga gtggctctac 1140
 gtgccgatag atccaacttg tcagcccatg aggtgtgaca gtacgtgctt gtaccacccc 1200
 aacgcccccc aatgtctgag ccatatgaac tccgggtgca cattcacgtc acccatctt 1260
 gccagcgtg ttgcgtccac ggtgtatcag aactgcgagc acgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgccttg gcatctcaca catggaacct agttttggcc tgatcctcca tgacggcgga 1380
 actactctca aattcgtgga taccctgag tctctgtccg gcctgtacgt gttgttgta 1440
 tacttcaacg gccatgtgga ggctgtggcg tacactgttg tgagcactgt cgatcacttt 1500
 gtgaatgcta tcgaggaaag aggcttctt cgcacagctg gacagccgcc tgccaccact 1560
 aagcccaagg agatcacacc tgtcaatccc ggaacctgc cactgataag gtatgccgcc 1620
 tggaccggcg gcttgccgc tgtgtgctt ttgtgttag ttatTTTT gatttgact 1680
 gcgaaacgca tgcgagttaa ggcataccgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg ggctccccgt ggacgatttt gaggactcag agagcacgga cacagaggag 1800
 gagttcggga acgcgatagg ggggtccac ggggggtcct cctacaccgt gtacatagac 1860
 aagactcgg

Número de secuencias (ID): 107

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggaaccg tcaacaagcc tgtggtggga gtctaattgg ggttcggtat tatcacgggt 60
accctgagga tcaccaaccc cgtaggggct tctgtcctac gctatgacga ctccatatac 120
gatgaagata aactagatac taatagcgtg tatgaaccgt actaccacag cgaccatgct 180
gagtcgtcgt gggtaaaccc gggatgaatct tctaggaagg cttacgatca taattctcca 240
tacatctggc caaggaatga ctatgatggg ttctcgaga acgcgcacga acatcacggc 300
gtttacaacc aggggcgcgg aattgatagt ggtgagaggt tgatgaacc aactcagatg 360
tccgctcaag aagatttagg cgacgatact gggattcatg tgattccgac cttgaatggc 420
gatgaccgcc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat acggtgatgt gtttaaagga 480
gatcttaac caaagcctca aggtcagagg ctgattgagg tctctgtgga ggagaaccac 540
cccttactc tgcgcgcgcc tattcagagg atatatggcg ttcggtatac cgaaacttgg 600
tcgttctcgc ccagttaac atgcaccggg gatgcggctc ccgcaatcca gcatatttgt 660
ctgaagcata caacctgctt ccaggatgtg tgggtggatg ttgactgtgc agagaacact 720
aaggaggacc agcttgctga aatttcttat agatttcagg gcaagaaaga ggcggaccag 780
ccttgattg tcgttaacac gagtactttg ttgatgagt tggagctgga tccgcttag 840
attgaacctg ggggtctgaa agtgctcgc actgaaaagc agtatcttg agtctatata 900
tggaacatga ggggcagcga tgggacaagc acgtatgcca cgtttctggt gacttggaag 960
ggcgacgaaa agaccagaaa cccgaccctt gctgtgacac cacagccgag aggggcggag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctcatgtg ttagttagt gggacacctt ctccctcgt 1080
atgcacttg agtataagat ccacgaagcc ccattcgatc tgttgctgga gtggctttac 1140
gtgcccattg acccgacttg tcagcccatg agactgtaca gtacctgtt gtaccatccc 1200
aatgcacccc aatgtctctc gcatatgaac tctggatgca cttcacctc accccacctt 1260
gcccagcggg tggcctcgac cgtgtaccag aactgcgagc acgcagataa ctacaccgcc 1320
tattgcctag ggatctccca tatggaacct tcgttggat taattctcca tgatggcggg 1380
actactctta agttgtcga caccctgaa agtctgtcag gcctctacgt gttcgtggg 1440
```

tacttcaacg ggcattgtgga ggccgtggct tacaccgttg tgagcaccgt tgatcacttc 1500
 gtgaacgcta tcgaggagag aggctttccg ccaacggctg gtcagcccc tgcaacaacc 1560
 aagccaaagg agatcacacc cgtgaacccc ggcaccagcc ctttgatccg ttacgcagca 1620
 tggaccgggg ggttggcagc tgtggtgctg ttgtgtctgg ttatcttct tatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcgtaccgg gttgataaga gtccttaca tcaagtcaatg 1740
 tactatgccg gacttcctgt cgacgacttt gaggattcag agtcaaccga cacagaggag 1800
 gaattcgga atgcgatagg tggctcacac ggtggctcat cctataccgt gtatatggac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 108

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc tgtggttga gtgctgatgg ggtttggtat aatcacaggt 60
 acctgagga taaccaatcc tgtagggcc tctgtgctgc gctatgatga ctccacatt 120
 gatgaggata aactagacac taacagcgtg tacgaacct attaccatag cgacctgcc 180
 gagtctctct gggatgaatg gggatgagct tccaggaagg cctacgatca caatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcacacga gcatcacggt 300
 gttataacc agggtcgcgg aattgacagt ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgctcagg aggactggg cgacgatact gggatccatg tcatcccgac cctgaacggt 420
 gatgacagac ataagattgt gaatgtggac cagaggcagt atggcgatgt gtttaaagg 480
 gacctgaatc caaagcctca gggacagagg ctgattgagg tctctgtgga ggagaatcat 540
 cccttcactc tgcgtgctcc cattcagaga atttacggcg ttcggtacac tgaaacttg 600
 tctttctgc ctagtcttac atgtaccgga gacgccgctc cggccatcca gcacatatgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggatgtg gtggtggacg tggactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaagacc aacttgctga aatcagctac cggtttcagg gcaagaagga agcagaccaa 780
 ccgtggattg tcgtcaacac atccacttg ttgacgagc tggagctgga tctcccgag 840
 atcgaacccg gcgtgctgaa agtgcttcgt actgaaaagc agtatctcg agtttatatt 900

tggaacatga ggggtagtga cggtagaagc acgtatgcta cctttctggt gacttggaag 960
 ggcgacgaga agacgcggaa ccctaccct gctgtgacgc cacagcctag gggagccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca ttctacgtg ttagtggtg gagatacgtt ttccctggct 1080
 atgcacctcc agtacaagat ccacgaagcg ccctcgatc ttctgctgga gtggctctac 1140
 gtgcccatag atccaactg tcagcccatg agattgtaca gtacatgcct gtaccatcca 1200
 aatgcccctc aatgtctgag ccataatgaac tctggatgca ctttcacgtc accccatctt 1260
 gccagcggg ttgcgtctac ggtgtaccag aactgtgaac acgtgataa ttacaccgcc 1320
 tactgcctag ggatctcca tatggaacct agtttcggtc taatctcca tgacggcggc 1380
 accactctca agttcgtgga tacacctgaa agcctgagcg gtctctacgt gttgtgtgc 1440
 tactttaacg ggcacgtaga ggccgtggct tacactgttg tgcgaccgt cgatcatttt 1500
 gtgaatgcga tcgaggagcg cgggtttcct ccgacagccg gacagcccc tgccacgact 1560
 aagcctaagg agattacccc tgtgaatcca ggaaccagtc ccctgattcg gtatgctgcg 1620
 tggaccggcg gtctggccgc tgtggtgctg ttgtgtctgg taatcttct tatttgact 1680
 gccaaacgca tgcgagtcaa ggcttatcgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg gacttcccgt ggacgatttt gaggactcag aatctacgga cacagaggag 1800
 gagtttggga acgcgatagg aggatcccat gggggctcct cctatactgt gtatatagat 1860
 aagactcgt 1869

Número de secuencias (ID): 109

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaactg tcaataagcc tgtggtggga gtgctgatgg gattcggtat catcactgga 60
 accctgagga tcaccaatcc cgttcgctgct tctgtgcttc gctatgacga ttccacatc 120
 gacgaagata agctagacac taacagcgtg tacgaaccgt actaccacag cgaccacgct 180
 gagtctctt gggatgaaccg gggatgaatc tctaggaagg cttacgacca taatagtctt 240
 tacatctggc cacggaacga ctatgatggg ttctcgaga acgcacacga gcatcatggc 300
 gtttacaacc aggggcgcgg aattgacagc ggtgagaggt tcatgcagcc tacccaaatg 360

tccgctcagg aggatctggg agacgacacg ggtattcatg tgattccgac cttaaattggc 420
 gacgatcgcc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atggtgatgt gtttaaaggt 480
 gatcttaac cgaaaccgca agggcagagg ttgattgagg tctctgttga ggagaaccac 540
 cccttcactc tgcgcgctcc aattcagcgg atttacggag ttcggtacac ggagacttgg 600
 tctttctgc ccagtctcac atgcacaggg gatgccgctc ctgccattca gcacatatgt 660
 ctgaagcata caacatgctt tcaggatgtg gtggtggatg tggattgtgc agagaacact 720
 aaggaagatc agcttgaca gatttcatac aggttcagg gcaagaaaga ggcagaccag 780
 ccctggattg tcgtcaacac aagtacattg ttcgacgagc tggagctgga tccgcccga 840
 atcgagccag ggggtctgaa agtgctgcgc acagaaaagc agtatctggg tgttatata 900
 tgaacatga ggggtagcga tggtagcagc acctatgcaa catttctggt gacctggaaa 960
 ggtgacgaaa agaccagaaa cccactccc gctgtgacct cacagccacg gggagcggag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttccatgtg ttagttagt gggacacttt ctccctcgct 1080
 atgcattcc agtataagat ccatgaagca ccgttgact tgttctgga gtggctttac 1140
 gtgcccattg atccaactg tcagcccatg agattgtata gtacgtgctt gtaccatccc 1200
 aatgcacccc agtgtcttc acatatgaac tccggatgta ctttcacgct acctcacctt 1260
 gccagcggg tggcttcgac cgtgtaccag aattgtgagc acgcggataa ctacaccgcc 1320
 tattgcctcg gtatctccca catggaacct agtttcggct tgattctcca tgatggcgga 1380
 actaccctta aattcgtgga caccctgag agtctgtctg gcctctatgt attcgtggtg 1440
 tacttcaacg gacatgtgga ggccgtggcg tacactgttg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaatgcga ttgaggaacg tggcttccc cctactgctg gtcagcccc tgctaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacgcc cgtaaaccga ggaaccagcc ctctgattcg gtacgctgca 1620
 tggaccggag gattggccgc agtgggtctg ctgtgtctgg ttatttcct tatttgcact 1680
 gccaagcgga tgcgagtaa ggcctatcgg gttgataaat caccatacaa tcagtcaatg 1740
 tactatgccg gactccccgt ggatgatttt gaggattcag agtcaaccga cacagaggag 1800
 gagttggga atgcgatagg agggagtcac ggtggctcct cctataccgt gtatattgac 1860
 aagactagg

1869

Número de secuencias (ID): 110

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcactg tcaataagcc tgtttagggg gtgttaatgg ggttcggtat catcacggga 60
acattgcgga ttactaaccc tgttagggct tctgtgctgc gctatgatga ctttcacatc 120
gatgaagata aactagacac caacagcgtg tatgagccat actaccatag cgatcatgcc 180
gagtcaagtt ggggtgaacag gggtgagtct tcccgaaagg cttacgatca taatagtcca 240
tatactctggc cacggaatga ctatgacggc ttttggaga acgcacacga gcatcacggt 300
gtttacaacc agggccgcgg cattgacagc ggtgagaggt tgatgcagcc aactcagatg 360
tccgctcagg aggatttggg cgacgacact gggatccatg tgattccgac cttaaattgg 420
gatgaccgcc ataagattgt gaatgtggac cagagacagt acggcgacgt tttaagggc 480
gacctcaatc caaagcctca aggacagagg ctgattgagg tgtctgtgga ggagaaccac 540
cctttcactc tgcgtgctcc catccagaga atctatggcg ttcggtatac cgaaacttgg 600
tctttctgc ctagtctgac atgtaccgga gacgcagcgc ctgcgattca gcacatatgc 660
ctaaagcaca ccactgctt tcaggatgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaatacc 720
aaggaagacc aactcgctga gatctcttat aggtttcagg gcaagaaaga ggccgaccaa 780
ccgtggatcg tcgtcaacac aagtactttg ttgacgagc tggagctgga tccacctgag 840
atcgagcccg gcgtgctgaa agtgctccgt actgaaaaac agtaccttgg agtttatatt 900
tggaacatga gggggtcaga cgggacaagc acgtacgcta catttctggt gacttggaag 960
ggggatgaaa aaactcgaac cccaccccg gctgtgactc cacagcctag gggggccgag 1020
tttcacatgt ggaactacca ttctcacgtg ttagtgtgg gagatacatt ttccctcgct 1080
atgcacctcc agtataagat tcacgaagcc cctttgatc tctgtctgga atggctctat 1140
gtgcccatac accccacttg ccagcccatg aggctgtact caacgtgctt ataccatccc 1200
aatgcccccc agtgtctcag ccacatgaac tctggatgca ctttacgtc acccatctt 1260
gccagcggg ttgctcaac ggtgtaccag aattgtgagc acgccgataa ttacaccgcc 1320
tactgtctcg gaatttccca catggaaccc agtttggcc tgatcctgca tgatggtgga 1380
acaacgctca agttcgtgga taccctgag tcgtgtccg gcctatacgt gttgtgtg 1440
tacttcaacg gacatgtgga ggccgtggca tacactgttg tgagcaccgt cgaccatttc 1500
gtgaatgcga tcgaggagag aggtttcct ccaaccgccg gacaaccccc tgccacaacc 1560
aagcctaagg agatcacacc tgtgaatcct ggcacctccc cactgattcg gtacgtgct 1620
tggacaggcg gtcggccgc tgggtgctc ttgtgttag ttatttctc tatttgcaact 1680
gcgaagcgca tgcgggtgaa agcatatcgg gtggataagt cgccttaca ccagagtatg 1740

```

tactatgccg gactccctgt ggacgatttt gaggactcag aatccacgga caccgaggag 1800
 gagtttggga acgctatagg aggggtccac gggggctcct cctataccgt ttacatagac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 111

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc agtgggtggg gtgctaattg ggttcggtat catcacggga 60
 acgttgagga tcacaaaccc tgttcgcgct tctgtgctgc gctatgatga cttccatata 120
 gatgaggata aactagatac aaatagcgtg tatgagccat actaccacag cgacctatgt 180
 gagtcaagtt ggggtcaatag ggggtgagtct tcccgtaagg catatgacca caatagtcca 240
 tacatctggc ctcggaatga ctatgatggg ttcttggaat atgcccacga gcatcatggt 300
 gtttacaacc aggggtcgcg tattgacagt ggtgagaggc tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgtcaag aggatctggg cgatgacacc ggcattcatg tgattccgac ctgaacggt 420
 gatgaccggc acaagatcgt gaatgtggac cagaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
 gaccttaatc ccaagcctca aggccagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaacct 540
 ccattcaccc tgcgtgctcc cattcagaga atctatggag ttcggtatac cgaaacttg 600
 tctttctgc ctagtctgac atgtacgggt gatgccgctc cggccattca gcacatatgc 660
 ctgaagcata ccacgtgttt tcaggacgta gtggttgatg tagactgtgc ggagaatacc 720
 aaggaggacc agctcgccga gattagctat aggtttcagg gcaagaagga agcggaccaa 780
 ccgtggattg tcgtcaatac cagtacactg ttgacgagc tggagtggga ccccccgag 840
 atcgaaccgg gcgtgttaaa agtgcttcgt actgaaaagc agtatctcgg agtgtatata 900
 tggaatatga ggggctccga tggtaacgc acatacgcta catttctggt gacatggaag 960
 ggcgacgaga agaccagaaa cccaccacct gctgtgacct cacagccaag gggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttctcatgtg tttagtgtgg gggatacctt ctctctcgct 1080
 atgcaccttc agtacaagat tcacgaggcc cctttgatc tcttactgga gtggctctac 1140
 gtgcccatag atccgacttg tcagcccatg agattgtaca gtacctgctt gtaccatccg 1200

aacgcccc aatgtctgtc tcatatgaac tctgggtgca ctttcacgtc accacatctt 1260
 gccagcggg ttgcgtccac ggtgtaccag aactgcgagc atgcagataa ttacactgcc 1320
 tactgtctag gcatcagcca catggagcct agtttcggtc tgattctgca tgatgggggc 1380
 accactctca agttcgtgga tacgcctgag agcctaagcg gtctttacgt gtttgttgtt 1440
 tactttaacg gacacgtgga ggccgtggcc tacactgttg tgagcaccgt ggtcatttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaaag aggccttcct ccaaccgctg gacagcccc tgccacaacc 1560
 aagcctaagg agatcacccc tgtgaatccc gggacctccc cactgattcg gtatgccgca 1620
 tggacagggg gtttagcggc tgtggtgctg ttgtgtctag taattttct tatttgact 1680
 gccaagcgga tgcgagtga ggcttatcgg gtggataaaa gtcctacaa tcagtctatg 1740
 tactatgccg gacttcctgt tgacgacttt gaggactcag agtcgaccga cacagaggag 1800
 gaatttgga acgcaatagg agggctcac ggaggctcct cctatactgt gtatatagac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 112

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg tcaataagcc tgtggtggg gtttaatgg ggtttggtat cattactggg 60
 aactcagga tcaccaatcc tgtagggcc tcagtgtgc gctatgatga cttcacatc 120
 gatgaggata aactagatac caacagcgtg tatgaaccgt actaccacag cgacctgct 180
 gagagttcct gggtaaactg cggatgaatc agccgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tatatctggc cacggaatga ttatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacgga 300
 gtctacaacc agggccgagg aattgacagt ggtgaacgtt tgatgcagcc cactcaaatg 360
 tccgccagg aggatctggg cgacgacact gggatccatg tgattccgac cttgaacggt 420
 gacgaccggc ataagattgt gaatgtggat cagaggcagt atggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctaatc ctaagcctca gggacagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggaaaaccat 540
 ccttcacac tgcgggctcc cattcagaga atctatggtg ttcggtatac cgaaactgg 600
 agcttctgc ccagtctgac atgtaccggg gacgccgccc cggccattca gcacatctgc 660

ctgaagcata cgacatgctt ccaggatgtg gtggtggatg tcgactgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgctga gatcagctat cgatttcagg gcaagaagga ggctgaccaa 780
 ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctg ttgacgagc tggagctcga tccacccgag 840
 attgagcccc gcgtgttgaa agtccttctg acggagaagc agtacctcgg agtgtatata 900
 tggaacatgc gggggagcga cgggtacaagt acgtacgcta ccttcctggt gacatggaaa 960
 ggtgacgaga aaacaagaaa ccccaccct gctgttactc cacagcctag ggggtctgag 1020
 ttacatgtt ggaattacca cagccacgtg ttagtgtgg gagatacctt ctccctggct 1080
 atgcatctcc agtacaagat ccacgaggct cccttcgatt tactgctgga gtggctctac 1140
 gtgcctattg atccaacgtg tcaaccaatg agattgtaca gtacgtgctt gtatcacccc 1200
 aacgcacccc aatgtctgtc tcatatgaat tctgggtgca ctttcacatc tccccatctt 1260
 gccagcggg ttgcctaac ggtataccag aactgcgagc acgcagacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gtatctcaca tatggaacct agtttcggcc tgattctcca tgacggcggc 1380
 actactctca aattcgtgga tacgcctgag agcctgagcg gtctctacgt gttgtgtg 1440
 tactttaacg gacacgtgga ggccgttgc tacaccgttg tgagcacctg ggaccacttc 1500
 gtgaacgca ttgaggaaag aggtttcct ccgaccgctg gacagcccc tgccaccacc 1560
 aagcctaagg agattacacc cgtgaacccg ggaacctccc cactgattcg gtatgctgct 1620
 tggaccgggg ggctggccgc cgtgggtcgt ttgtgtctgg taattttct tatttgact 1680
 gccaaacgca tgcgagtga ggcttatcga gtggataagt cgccttaca tcagtcgatg 1740
 tactatgctg gtctccctgt ggacgatttt gaggattcag aatccactga tacagaggag 1800
 gaattcggga acgcgatagg agggcccac ggggggtcgt cctataccgt gtacatagat 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 113

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaataagcc agtagtgggg gtctgatgg gggttggtat tattactggc 60
 acgctcagga taactaaccc tgtgagggcc tctgtgctgc gctatgacga ctttcacatc 120

gatgaggaca aactagatac caacagcgtg tatgagccat actaccattc tgaccatgcg 180
 gagagtagtt ggggtaatag gggtagtct tccgcaagg cttatgacca caatagtcca 240
 tatactggc ccagaaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccata gcatcacggt 300
 gttacaacc agggccgagg gattgacagt ggtgaaagg tgatgcagcc taccagatg 360
 tctgccagg aggacctgg cgacgacact gggatccatg ttattccgac tctaatggc 420
 gacgatcgtc acaagatcgt gaatgtggat cagaggcagt atggcgatgt gtttaagggt 480
 gacctaatc caaagcctca gggacagagg ttgattgagg tgctgggga ggaaccat 540
 ccattcactc tccgtgccc cattcagaga atctatggag tacggtatac cgagacttg 600
 tctttctgc ccagtctac gtgtaccggg gacgccgccc cggccatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcata caacatgctc tcaggatgtg gtggtggacg tggattgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc aactcgtga aatctctac aggttcagg gcaagaagga agcagaccaa 780
 ccttgattg tcgtgaatac gactactctg ttcgacgagc tggagctcga tctcccgag 840
 atcgagcccg gctgctgaa ggtgctacgt actgaaaaac agtatctcg agtatatt 900
 tgaacatga gggggtcaga tggtagtca acgtacgcta ctttctggt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactgaaa tccactccg gcagtgactc cacagcctag gggagccgag 1020
 ttacatgt ggaactacca tagccacgtg tttagtgtg gagatacgtt ttcctggct 1080
 atgcacctc agtataagat tcacaggcc ccttcgac tttactgga gtggctctac 1140
 gtgcccattg atccactg tcagcctatg agactgtatt ctacgtgcct gtatcatcct 1200
 aacgcccctc aatgtctcag ccatatgaat tctggatgca cttcacgtc acccatctt 1260
 gccagcggg ttgcgtccac ggtgtaccag aactgtgagc acgagataa ttacaccgcc 1320
 tattgcctag gcatctcaca catggaacct tcattcggcc tgatcctgca tgatggggc 1380
 actacctca agttcgtgga taccctgag agcctgagt gcctatacgt gtctgtgtc 1440
 tactcaatg gacatgtcga ggccgtggc tacacagtg tgagaccgt cgaccattc 1500
 gtgaatgcga tcgaggaaag agggttct ccaaccgctg gacaaccccc tgcgacaact 1560
 aagcctaagg agatcacacc cgtgaatccc ggaacctgc cctgattcg ctacggggc 1620
 tggaccggcg gtctggccgc ggtggtctg ctgtgttag taattttct catctgcacc 1680
 gccaaagcga tgcgggtgaa ggctaccgg gtggacaagt cgccttaca ccagtctatg 1740
 tactatgccg gattgcctgt ggacgattt gaggactcag agtctacgga cacagaggag 1800
 gagttggga acgcgatagg agggcccat gggggtcct cctacaccgt gtacatagat 1860
 aagactagg

1869

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggcactg tcaacaaacc agtggggtgg gtcctgatgg ggttcggtat catcacggga 60
acgttaagga taactaacc cgtcagggcc tctgttctgc gatatgatga ctccatattc 120
gacgaggata aactagatac caacagcgtg tatgagccat actaccacag cgtatcatgt 180
gagtcattct ggggtgaacag ggggtgaatct agccgcaagg cttatgatca taatagtccc 240
tatatttggc cacggaatga ctacgatggg ttctttgaga atgcccacga gcatcacggt 300
gtttacaacc agggccgagg gattgacagc ggagagaggc tgatgcagcc tactcagatg 360
agtgtcagg aggatctggg cgacgacact gggattcatg ttattccgac cttaaaccgt 420
gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
gacctaatc ccaaacctca ggggcagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaaccac 540
cctttcacac tgcgggctcc cattcagaga atctatggag ttcggtacac cgaaacttgg 600
tcttttctgc ccagttctgac atgcactgga gatgccgctc cagccattca gcacatctgc 660
ctgaagcaca ccacctgttt ccaagacgtg gtggtggatg tagactgtgc cgagaatacc 720
aaggaggatc aacttgccga gatctcttac aggtttcagg gcaagaaaga ggccgaccaa 780
ccttgatcgc tcgtgaacac gagtacttta ttcatgaac tggagctgga tccccctgag 840
attgagcccc ggggttctgaa agtgcttaga actgaaaagc agtatctggg agtttatatc 900
tggaacatga ggggggtccga tggtagagc acgtacgcca cattctggt gacatggaag 960
ggcgacgaga agaccagaaa cccacccct gctgtgacct cgcagcctag gggggcgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctcacgtg tttagcgtgg gagacacatt ttcctggct 1080
atgcaccttc agtacaagat tcacgaagcc ccttttgatc tctgctgga atggctctac 1140
gtgcccatag atccaacttg tcagccgatg agactgtaca gtacgtgcct gtatcatccc 1200
aacgtcccc agtgtcttc tcatatgaac tccggatgca ctttcacgag tctcatctt 1260
gcccagcggg ttgcctccac ggtgtaccag aactgtgagc acgcagataa ttacttgcc 1320
tactgccttg gcatctccca catggaacct agtttgggc tcatctcca tgatggcggc 1380
acaacttta agttcgtcga tccccggag agcctcagcg gtctctacgt gttgtgtc 1440
tacttcaacg ggcattgtga ggctgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt cgtacatttc 1500
```

gtgaacgcga tcgaggaaag aggccttcct ccgaccgctg ggcagcccc tgccacaacc 1560
 aaacctaagg agattacacc tgtgaacca gggacctctc cattgattcg gtatgctgct 1620
 tggaccggag gtctggcggc tgtggctctg ttgtgttag tgatattct tattgcaca 1680
 gccaaacgca tgcgagtga ggcatacgc gtggataagt cgccttaca ccagtctatg 1740
 tactatgccg gcctccccgt ggacgattt gaggactcag aatccacgga cacggaggag 1800
 gaggttggca atgctatagg agggctcac gggggctcct cctataccgt ctatatagac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 115

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869
- > mol_type, otro ADN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaataagcc ggttgtggc gtgtgatgg ggttcggtat catcactgga 60
 acattgagga taacgaaccc tgcagagcg tctgtgctgc gctatgacga ctccatatac 120
 gatgaggata agctagatac taacagcgtc tatgagcctt attaccatag cgatcatgct 180
 gagtcatcat ggggtgaacag gggtagtct tccgcaagg cttatgatca taatagtcca 240
 tacatctggc cacggaatga ctatgatggc ttctggaga atgcccacga gcatcacggt 300
 gttataacc agggcccgcg aattgacagt ggtgagaggc ttatgcagcc tactcaaagt 360
 tccgctcagg aggatctggg cgacgacact ggaatccatg tgattccgac tttaaagtgt 420
 gatgaccgcc ataagatcgt gaatgtggat cagaggcagt acggcgatgt atttaagggc 480
 gaccttaacc ctaagccaca gggccagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggaaaatcat 540
 ccttcactc tgcgagctcc gattcagaga atctatggcg ttcgttacac cgaaacttgg 600
 tccttcctc ctagtctgac ctgcactggg gacgctgctc ctgcatcca gcacatatgc 660
 ctgaagcaca cgacatgctt ccaggacgtg gtggtggatg tagattgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc aactggctga gatctcatat aggttcagg gaaagaagga ggcagatcag 780
 ccttgatag tcgtcaacac gagtactctc ttgacgaac tcgagctgga tcctcccgag 840
 atcgaaccgg gcgtgctgaa agtgcttctg actgagaagc agtatctcgg agtttatatc 900
 tggaaatga gggggctcga tggaccagc acgtacgcaa ccttctggt gacatggaag 960

ggcgacgaga agactagaaa cccactcct gctgtgactc ctcagcctag gggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttcccacgtg ttagtggtg gagatacatt tagtctcgct 1080
 atgcacctcc agtacaagat tcacgaggcc ccccttgact tgctgctgga gtggctttac 1140
 gtgcccatag accccacttg tcaacccatg aggtgtgata gtacctgct gtatcatcca 1200
 aacgcccccc aatgcctgag ccatatgaac tctggatgta cttttacaag tcctcatctt 1260
 gccagcggg ttgcgagtac ggtgtatcag aactgcgagc atgcagataa ttactgccc 1320
 tattgcctag gaatctcca catggaacct agttcggcc tgatcctgca tgacggtgga 1380
 actactctta agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctctatgt gttcgtgtc 1440
 tactttaacg gacacgtgga ggccgtggct tatacagttg tgagcacctg tgaccattc 1500
 gtgaacgca tcgaggagag aggccttcct ccgaccgctg ggcagcccc tgcacaacc 1560
 aagcctaagg agatcactcc tgtgaacccg gggaccagcc cactgatccg atatgctgcc 1620
 tggaccggcg gtctggcagc cgtggtgctg ttgtgttag ttatcttct catttgact 1680
 gcgaagcgca tgcgagtga ggcatacgg gtggacaagt cgcctacaa tcagtctatg 1740
 tactatgctg gactccctgt cgatgattt gaggactcag aatctacaga cacagaggag 1800
 gagttcgga acgcatagg tggatccac ggggggtcta gctataccgt ttacatagat 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 116

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869
- > mol_type, otro ADN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtacgg tcaacaagcc tgggtcggg gtgctgatgg gggtcggtat catcacggga 60
 acctgagga tcacgaaccc tgtagggcc tctgtgctgc ggtatgatga ctccacatc 120
 gatgaagata agctggacac caacagtgtg tatgagccat attaccatag cgaccatgcc 180
 gattcatcct ggggtgaatag gggcgaatct tccaggaagg cctatgatca taatagtcca 240
 tatatctggc ccagaaatga ctatgatggc ttttggaga acgcccacga gcatcacggt 300
 gtttacaacc agggccgagg aattgactcc ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgcccagg aggatctggg cgacgataca ggaatccatg ttattctac cttaaaccgt 420

gacgaccggc ataagatagt gaatgtggat cagaggcagt acggcgatgt ttttaagggc 480
 gaccttaatc caaaacctca gggtcagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaacct 540
 cctttcactc tgcgagctcc catccagcgg atctatgggg ttccgtatac cgagacttg 600
 tctttttgc ctagtctgac atgtactggc gacgccgccc cggccattca acacatatgt 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtgggtggatg tagactgctc agagaatact 720
 aaggaggatc aactcgtga gatctcttac aggtttcagg gtaagaagga ggctgatcaa 780
 ccgtggatag tcgtcaacac gactactctg ttgacgaac tggagctgga tccccggag 840
 atcgagcccg ggggtctgaa agtgcttctg actgagaaac agtacctcgg agtttatatt 900
 tgaacatga gggggctga tggtaacgc acgtacgcta ctttctggt tacatggaag 960
 ggcgacgaga agactagaaa tcccaccct gctgtgactc cacagcctag gggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg tttagtggtg gagatacatt tagtctggct 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccatgaagcc ccttcgatt tactgctgga gtggctctac 1140
 gtgccatcg atccaactg tcagccaatg agattgtaca gtacgtgctt gtaccatccc 1200
 aacgcccctc agtgtttgag ccatatgaat tctggatgta cttttacgtc ccccatctc 1260
 gccagcgag ttgcgtccac ggtgtaccag aactgtgagc acgcagataa ttataccgcc 1320
 tactgtctgg gcatctcaca catggagcct agtttcgggc tgatcctca tgatggtgga 1380
 accacactca agttcgtaga taccctcgaa tccttgagcg gctgtacgt gttcgttga 1440
 tacttcaacg gacatgtcga ggccgtggcc tacactgtcg tgagcacctg tgatcatttc 1500
 gtgaacgca tcgaggagag ggggtttcct ccgacggctg gacagcccc cgccacaacc 1560
 aagcctaagg agatcacgcc tgtcaatcca ggaacctgc ccctgatac gtatgccgct 1620
 tggaccggcg ggctcgccgc cgtgggtgtg ttgtgttag ttatctttt gattgtact 1680
 gccaagcgga tgcgagtaa ggcatatcgg gtggataagt cgccctacaa tcagtctatg 1740
 tattatgccg gactgcctgt ggacgatttt gaggactcag agtctaccga tacggaggag 1800
 gagttcggga acgcatagg aggggccat gggggctcca gttataccgt gtatatagat 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 117

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc tgtggtgggg gtctgatgg ggttcgggat catcacaggg 60
acattgagga ttactaacc tggtcgggcc tctgtctgc gctatgatga ctccatatt 120
gatgaggata aactggatac caacagcgtg tatgagccat attaccatag cgaccatgcc 180
gaatcatcct ggggtgaatcg cggggagtca tctgtaagg cttatgatca taatagtccg 240
tacatctggc ccagaaacga ttatgatggc ttcttgaga atgccacga gcatcacggg 300
gtttacaacc agggccgcgg aattgacagt ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
tccgtcagg aggatctggg cgacgacact gggattcatg tgattccgac ttgaacggg 420
gatgaccggc ataaaatcgt gaatgtggat cagaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
gatcttaac caaagcctca gggacagagg ttgattgagg tgcctgga ggagaacat 540
cccttacgc tgcgtgctcc catacagaga atctatgggg ttcggtatac cgaaacttg 600
agctttctcc ctagtctgac atgtacgggc gacgtgctc ccgctacca gcacatatg 660
ctgaagcaca caacgtgctt ccaggacgtg gtggtggatg ttgactgtgc cgagaatacc 720
aaggaggacc aactgcaga gatcagctac aggttcagg gcaagaaaga ggcagaccag 780
ccgtggattg tcgtcaacac atctacgtg ttgacgaac tggagctcga tcctctgag 840
attgagcccg gcgtctgaa agtgcgtcgt actgaaaagc agtacctcg agtttatatt 900
tggaacatga ggggtagtga tggtagcagc acgtacgcta cgtttctggt gacatggaaa 960
ggcgacgaga agacacgaaa cccacccct gctgtgactc cacagccaag gggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg tttagtggtg gcgatacatt ttctctgct 1080
atgcacctcc agtataagat ccatgaagca ctttcgatc tactactgga gtggctctac 1140
gtgcccatag atccaacctg tcagcccatg agattgtaca gtacgtgtct gtaccatccc 1200
aacgtcccc aatgtctgag tcatatgaac tctggttga ctttcacgtc tccccatctc 1260
gccagcggg ttgcctccac ggtgtaccag aactgcgagc atgcagacaa ctacactgcc 1320
tattgcctcg ggatctcca tatggagcct agtttcgggc tcatctcca tgatggcggc 1380
accactctca aattcgtgga tactctgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtagtc 1440
tactttaacg gccatgtgga ggctgtggc tactctgtg taagtactgt cgaccatttc 1500
gttaacgcaa tcgaggaaag gggctttccg ccgactgccg gacagcccc cgccacaaca 1560
aagcctaagg agatcacccc tgtgaacccc ggtactccc cactgattcg gtatgtgct 1620
tggactggcg gtctggccgc agtcgtctg ttgtgttag taattttct gattgtaca 1680
gccaaaagga tgcgagtga agcttatcga gtggacaagt cgccttaca ccagtcaatg 1740
tactatgccg gactccctgt tgatgattt gaggactcag aatctaccga caccgaggag 1800

gagtttggga acgcgatagg aggctctcac ggggggtcat cctacactgt gtacatagat 1860
aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 118

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg tcaacaaacc cgtggtcgga gtgctgatgg ggttcggtat tatcacgggg 60
actctccgga taactaacc tggtcgcgcc tccgtgctgc gttatgatga ctccacatc 120
gatgaggaca aactagacac caactctgtg tatgagccat actaccacag cgacctgct 180
gagtcattt gggtaatat gggagagtct tccagaaagg cttatgatca taacagtcca 240
tatatctggc cccggaatga ttatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcatcacggt 300
gtttacaacc agggccgagg aattgacagt ggtgagagat tgatgcagcc tactcaatg 360
tccgccagg aggatctggg cgatgacacg gggatccatg tgattccgac cctgaatggt 420
gacgaccgcc ataagatcgt gaatgtggat cagaggcaat acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctaatc cgaagcctca gggccagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaacct 540
ccttctactc tgcgtgctcc catccagaga atctatggag ttcggtatac cgaaacttg 600
tctttctgc ctagtctgac ctgtaccggg gatgccgccc ccgcatcca gcacatatgc 660
ctgaagcaca ccacgtgctt tcaggacgtg gtggtggatg tagattgtgc agagaatacc 720
aaggaggatc agctcgctga gatctcttat aggttcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
ccttgatcg tcgtcaacac gtccactctg ttgacgagc tggagctgga tcctcccgag 840
atcgagcctg gcgtgctgaa ggtgctcgt actgagaaac agtatctcgg agtctatc 900
tggaacatga gggggtcgga cgttacaagc acgtacgcta catttctggt gacatggaag 960
ggcgacgaga agactagaaa cccgactccc gctgtgactc cacagcccag ggtgcccag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg tttagtgtgg gagatacatt tagtctcgt 1080
atgcacctcc agtacaagat tcacgaagcc ccttcgac tgctactgga gtggctctac 1140
gtgcccattg atccaactg tcagccgatg agactgtaca gtacgtgcct gtatcaccca 1200
aacgtcccc agtgtctaag ccatatgaac tctggatgca ccttcacatc ccccatctt 1260

gccacgagg ttgctctac ggtgtatcag aactgtgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tattgcctag gcatcagcca catggaaccc tcgttcggac tgatcctcca tgatggtgga 1380
 actactctca aattcgtgga cacgcctgag agcctgagcg gcctgtacgt gttgtgtg 1440
 tactttaacg gacatgtgga ggccgtagct tacaccgttg tgagcacctg cgatcatttc 1500
 gtgaacgcga tcgaggagag aggatttccc ccgaccgctg gacagccccc tgccaccaca 1560
 aagcctaagg agatcacacc cgtgaatcca ggcacatccc cattgattcg gtatgctgca 1620
 tggaccggcg gtcaggccgc cgtggtgctg cttgtctgg taatttctct gattgtact 1680
 gctaagcgca tgcgagtaa ggcataccgg gttgacaagt cccatacaa tcagtctatg 1740
 tactatgccg ggcttcctgt cgacgatttt gaggactcag aatcgaccga cacagaggag 1800
 gagtcggga acgcatagg tgggtccac gggggctcct cctacaccgt gtacatagat 1860
 aagactcga 1869

Número de secuencias (ID): 119

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tcaacaagcc cgtggtggga gtctgatgg gattcggtat tatcactggc 60
 accctcagga tcaccaatcc cgtcagggtc tctgtcctac gctatgacga ttccacatc 120
 gatgaagaca agctggacac taatagcgtg tatgaacct actaccacag cgacctgcg 180
 gagtcatcat gggtaaccg gggcgagtct tctaggaaag cctacgatca taatagtcca 240
 tacatctggc cacggaatga ctatgatgg ttttggaac acgctcatga gcatcacggc 300
 gtttacaacc aggggcgggg aattgacagt ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgctcagg aggatctggg cgacgacact ggcattcatg tgattccgac ctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaatgtggac caacggcaat atggtgatgt gtttaaaggg 480
 gatctgaatc caaagcctca aggacagagg ctgattgagg tctctgtgga ggagaacct 540
 ccttctactc tgcgcgtcc aattcagagg atctacggag ttcggtatac cgaaacttg 600
 tcgttctgc ccagtctcac atgcaccggg gatgctgctc cagcgatcca gcacattgc 660
 ctcaagcata caacttgctt ccaggatgtg gttgtggatg tggactgtgc agagaacacc 720

aaagaggacc agctggctga gatctcttac agatttcagg gcaagaagga ggctgaccag 780
 ccatggatcg tggtaacac ctctaccctg ttcgatgaac tggagcttga tctcccga 840
 atcgaaccag ggggtctgaa agtgctgcga acagaaaagc agtatctcgg ggtatacata 900
 tggaaatga ggggtagcga tgggaccagc acgtatgcaa cgttcctggg gacttggaag 960
 ggcgacgaaa agacacggaa cccacgcct gctgtgaccc cacagcctag aggcgcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttctcatgtc ttagcgtag gggacacatt ctactggct 1080
 atgcacttac agtataagat ccatgaagcc ccattcgatc tctgctgga gtggcttac 1140
 gtgcccattg acccaacttg ccagcccatg cgtctgtata gcacctgctt gtaccacccc 1200
 aatgcacccc aatgtttgtc ccatatgaac tctggatgca ccttcacttc accacacctt 1260
 gccagcggg tcgcctctac cgtgtaccag aactgcgagc atgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgcctag gcactccca tatggaacct agtttcggcc tgatcctgca tgacggcgga 1380
 accactctta agttcgtcga taccctgaa agcctgagcg gcctctatgt gttgtgtg 1440
 tattttaacg gacatgtgga ggccgtggct tacaccgttg tgagcaccgt tgatcacttc 1500
 gtgaacgca tcgaagaacg tggtttcct cctacggctg gtcagcccc agctaccacc 1560
 aagcccaagg agattacccc cgtgaaccct gggacgtccc cctgatccg gtatgtgcc 1620
 tggaccgggg gcttggccgc agtgggtctg ttgtgtctgg ttatcttct gattgcacc 1680
 gctaagcgca tgcgagtcaa ggcctatcgg gttgataaga gtccttaca ccagtcaatg 1740
 tactatgccg gactccctgt ggaatgattt gaagattcag agtcaacgga cacagaggag 1800
 gaattcggca atgcaatagg agggctctcat ggaggctcct ctataccgt gtacattgac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 120

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaataagcc agtcgtgggt gtgctcatgg ggttcggtat tatcacggga 60
 aactgcgca taacaaaccc tgtaggggca tctgtgctgc gctatgacga ctccacatc 120
 gacgaggata aactagatac caacagcgtg tatgaacat attaccatag cgaccatgct 180

gagtcaagtt ggggtgaatag ggggtgagtct tcccgcaagg cttatgatca taatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga atgctcacga gcatcacggg 300
 gtttacaatc aaggccgcgg gattgacagt ggcgagcgtc tgatgcagcc aactcagatg 360
 tccgctcagg aggatctggg cgacgacact gggattcatg ttatcccgac attaaacggg 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaacgtggat cagaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
 gaccttaatc ctaagcctca gggacagagg ctgattgagg tgtctgtgga ggaaaacat 540
 cctttcactc tgcgtgctcc cattcagaga atatattgtg ttcggtatac tgaaacttg 600
 tctttctgc ctagtctgac atgcactgga gacgccgctc cggccattca gcacatatgc 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggatgtg gtggttgatg tcgactgtgc agagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgccga gatctctac aggtttcagg gcaagaagga ggcagaccag 780
 ccgtggattg tcgtcaacac aagtaccttg ttgacgagc tggagctcga tcctctgag 840
 attgagcccg gcgtgttgaa agtgctcgt acagagaagc agtatctcgg agtgtatc 900
 tggaaatga ggggttccga tggacttct acgtacgcca catttctggt gacatggaag 960
 ggcgacgaga aaactcga aa tcccacacct gctgtgactc cacagcctag gggggctgag 1020
 ttcatatgt ggaattacca ttctcatgtg ttagtgtgg gagatacctt ttccctcgt 1080
 atgcacctcc agtacaagat tcacgaggcc ccttcgac ttctactgga gtggctctac 1140
 gtgccattg atccaacttg tcagcccatg agactgtaca gtacgtgcct gtatcatccg 1200
 aacgcccctc aatgtttatc acatatgaat tctggatgca ctttacttc tcccactc 1260
 gccagcggg ttgcatccac ggtgtatcag aactgcgagc atgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgcctgg ggtatctgca catggaaccc agtttcggcc tgatcctcca tgatggcgga 1380
 actacactca agttcgtgga cactcctgag agcctgtcgg gcctatacgt gtttgtgtc 1440
 tactttaacg ggcatgtaga ggccgtggcc tatactgtcg tgagcaccgt agatcattt 1500
 gtgaatgcga tcgaggaaag aggtttccc ccgaccgcag gccagcccc tgccacaacc 1560
 aagcctaagg agattactcc tgtgaacccc ggtacatcac cactgattcg gtatgtgcc 1620
 tggaccggag gtctggccgc cgtggtgctg ttatgttag tgatctttt gattgcacc 1680
 gcaaagcgga tgcgagtga agcgtatcgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg gactccctgt ggatgattt gaggattcag aatccaccga cacagaggag 1800
 gagttggga acgcgatcgg aggggtccac gggggctcct cctataccgt gtacatagat 1860
 aagactcgg

1869

Número de secuencias (ID): 121

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcacag tgaacaagcc agtggtaggc gtgctgatgg gcttcggcat catcactgga 60
acctgcgga tcacaaaccc cgtgagggcc agcgtcctgc gttacgatga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac taacagtga tacgagccat attaccactc cgatcatgca 180
gagagttcct ggggtgaatcg cggggagagc agccggaagg cttatgacca caactctccc 240
tacatctggc cccggaacga ctatgatggc ttcttgagga acgcccacga gcaccacggg 300
gtgtataacc aggggcgtgg catagattcc ggggagaggc tgatgcagcc taccagatg 360
tcgcccagg aagatctcgg ggatgatact ggaatccacg tgattccaac cctgaacggg 420
gacgaccggc acaagatcgt caacgtggat cagcgccaat atggcgacgt ttttaagggg 480
gacctgaacc ccaagcctca gggccagaga ctattgagg tgctagtga gaaaaccac 540
ccctcacc tccgcgcacc tatccagcgt atttatggg tgcggtacac cgagacttg 600
agctttctgc caagtctcac ctgcacaggc gacgccgcc cagctataca gcatattgt 660
ctgaagcata caacatgctt ccaagacgtg gtggtggacg tcgactgtgc agaaaacacc 720
aaggaggatc agcttgctga aatctcttac cgatttcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
ccttgattg tggtaacac gagcacccta ttgatgagc tggagctgga ccctcccgag 840
atcgagcccg ggggtctgaa agttctccgc acggagaagc agtacctcgg ggtctatc 900
tggaatatga gaggtctga cgggacctct acatacgcta cgttctctg cacctggaaa 960
ggtgacgaga agactcgga cccacccca gctgtgactc cacagcccag gggtcggag 1020
ttccatgtt ggaattacca ttcacacgtg ttctctgtgg gggacacatt cagccttgcc 1080
atgcatctgc agtataaaat tcacgaggcc cccttgacc tgctgctgga gtggtgtat 1140
gtgcccatag acccgacctg tcagcccatg agactgtact caacatgcct ctaccatcca 1200
aacgcaccac agtcctgag ccacatgaat tcgggctgca ctttaccag ccctcacctg 1260
gctcagaggg tggcctcaac agtgtaccag aactgcgagc acgcagataa ttacactgcg 1320
tattgtttg gtatcagtca tatggagccc agttcgggc tcattctgca tgacggaggc 1380
actacctca agttcgtgga tactcccgag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttgtt 1440
tacttcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacaccgtag tgtccacagt ggatcacttc 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg gggcttccc cccaccgcc gccagcctcc ggcaaccacg 1560

```


aagccgaagg agataactcc cgtaatccc gggacgtccc ctttgataag gtatgcagcg 1620
 tggaccggag gtctggccgc ggtggtgctc ctctgtctgg tgattttctt gatttgcacc 1680
 gccaaagcggg tgcgagtcaa ggcatacagg gtggacaagt caccctacaa tcagagtatg 1740
 tactacgccg ggctccctgt ggatgacttt gaggactccg aatcaaccga cactgaggag 1800
 gaggttcggca acgccatcgg agggagccac ggcggctcgt catacactgt gtacatcgac 1860
 aaaactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 122

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtaccg tgaataagcc cgtggtaggc gtgctcatgg gctttggtat aattaccggc 60
 aactgcgga ttacaaatcc tgtgcgtgcc agcgtcctga gatacgatga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggatac aaacagcgtc tatgagccat attaccacag cgatcatgcc 180
 gaatcctcct ggggtgaatag gggggagtca agccgaagg cgtacgacca taactcccc 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgacggg ttcttgagga acgcccata gcacatgga 300
 gtgtacaacc agggacgcgg catagattct ggggagaggc tgatgcagcc tacacagatg 360
 tccgccagg aggatttggg agatgatacc gggattcacg tgatccccac tttaaaggc 420
 gacgatgcc acaagatcgt caacgtggat caaagacaat acggtgacgt cttaagggg 480
 gactgaatc ccaagcctca gggccagcgg ctgatcgagg taagcgtgga ggagaacat 540
 ccctcacct tgcgggctcc catccagcgg atctacggg tacgatacac cgagacttg 600
 agttttctgc caagtctac atgcacaggc gacgccgccc ccgcatcca gcataattgc 660
 ttgaagcata caacatgtt ccaggatgtg gtggtggacg tcgactgtgc agaaaatacc 720
 aaggaagatc agctggctga gatttcttac cgctccagg gtaagaaaga ggccgatcag 780
 ccttgatcg ttgtcaacac gattaccctg ttgacgagc tggaactga tccgccagag 840
 atagagccc ggggtctgaa ggttctccg acggaaaaac agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaacatga ggggttccga cgggacctg acctatgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggggacgaga agacgcggaa cccaccccc gctgtcacc cgcagcccc gggagcggag 1020

ttccacatgt ggaactacca ctcccacgtg tttccgtgg gggatacctt ctctcttgct 1080
 atgcatttgc agtacaagat acacgaggcc cccttcgac tgctgctgga gtggctgtat 1140
 gtgcccattg atcctacttg tcagccgatg cggtgtata gcacctgcct ttaccacccc 1200
 aacgccccac agtgtctgag ccatatgaac tcgggctgta cttttactag cccgcacttg 1260
 gctcagaggg tggccagtac agtgtaccaa aactgtgaac acgctgacaa ctacaccgcg 1320
 tattgtctgg gcatcagcca catggagccc agttttgggc tcattcttca cgatgggggc 1380
 accaccctca aatttggtga taccctgag agcttgagcg gcctgtatgt gttcgttgtg 1440
 tacttcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tcagcacagt tgaccacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg tgggttcccg cccaccgccc gccagcctcc tgcgaccacg 1560
 aagccgaagg agatcacccc tgtgaacca gggacgtctc cactgattcg ctatgctgcg 1620
 tggacaggag gcctggccgc ggtggtgctc ctctgccttg tgatttttt gatttgcacc 1680
 gcaaagcgga tgcgagtcaa agcttatagg gtggataagt ccccctacaa tcaatccatg 1740
 tattacgccg ggctgcccg cgtgacttt gaggattccg agtccacaga cactgaggag 1800
 gagttcggca acgcatcgg cggcagccac ggtgggtcat cttatactgt ttacattgac 1860
 aaaacaaga 1869

Número de secuencias (ID): 123

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaataagcc agtggttagga gtgtgatgg gcttcggcat tatcactggc 60
 accttgcgca tcacaaaccc tgtcgagcc agcgtcctgc gttacgatga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggatac gaatagcgtg tatgagccat attaccactc cgatcatgca 180
 gagtcctcct ggggtgaacag gggggagtct agccggaagg cttacgacca caattcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ttatgacggg ttctggaga acgcccata gcatcatgga 300
 gtgtataacc agggacgagg catcgattcc ggggagcggc tcatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctcg ggtatgatac gggatccacg tgattccaac cctgaatggg 420
 gacgatcggc acaagatcgt caacgtggat caacgccaat atggcgatgt ttcaaaggg 480

gatcttaacc ctaagcccca gggccagcgg ctaatcgagg tgagtgtgga ggagaacccat 540
ccattcacct tgagagcccc gatccagcgt atctatgggg tgcgttatac tgagacttgg 600
tcattcctgc cgagtcttac ctgcaccggt gatgccgccc cagctataca acacatatgt 660
ctcaagcata ccacatgctt tcaggacgtg gtgggtgatg ttgactgtgc agagaacacc 720
aaggaggatc agcttgacaga gatttcttac cgcttccagg gtaagaagga ggctgatcag 780
ccttgatcg tgggaacac gagcaccctg ttgatgagc tggagctgga ccctccggag 840
attgaacccg ggggttgaa ggtgctgccc accgagaaac aatacctcgg ggtgtatgc 900
tggaaatga gggggtccga cgggacctcc acatatgcca ctttctcgt cacctggaaa 960
ggtgacgaga agaccggaa ccctaccccc gctgtgacct cacagccgcg ggtgaggag 1020
ttcacatgt ggaactatca tagccacgtg ttctcgttg gcgatacct cagcctggca 1080
atgcacctgc agtacaagat acacgaggcc cccttgatc tctgttgga gtggctgtat 1140
gtgcccacg accccacatg ccagcctatg cgggtgtact ccacctgcct gtaccatcct 1200
aacgcaccac agtgcttgag ccatatgaat tgggctgca cttcaccag ccctcatctg 1260
gcccagaggg tggcctcaac agtgtaccaa aactgtgaac acgctgacaa ttactgctg 1320
tattgcctgg gtattagcca tatggagcct agtttgggc tcattctgca tgacggtggc 1380
acaaccctca agttcgtgga ccccccgag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttg 1440
tacttcaatg gacacgtgga ggccgtggcg tataccgtag tgtcaactgt agaccacttc 1500
gttaacgcca tagaggagcg cggcttcccg cccaccgccc gccagcctcc tgccaccaca 1560
aagccgaagg agatcacccc agttaatcct gggacgtctc ccctcattcg gtacgcccgc 1620
tggacaggag gcttgccgc ggtggtgctc ctctgtctgg ttatatttt gatctgcacc 1680
gccaagcgga tgcgggtcaa ggcatacagg gtggacaagt caccctacaa ccagtccatg 1740
tactacgccg ggctccctgt tgatgacttt gaggactccg aatctaccga cactgaggag 1800
gagttcggga atgccatcgg cgggagccac ggcggcagta gttatactgt ctacatcgat 1860
aagacacgg

1869

Número de secuencias (ID): 124

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacgg tgaataagcc ggtggtaggc gtgctcatgg gcttcggtat cattaccggg 60
 accctgcgca tcactaatcc tgtgcgggcc agcgtgctgc gttacgatga cttccacatc 120
 gacgaggata agctggacac aaatagcgtc tatgagccgt actaccacag tgatcatgcc 180
 gaatcctcct ggggtgaatag gggagagtca tctcgtaagg cgtacgacca taactctccc 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgacggg ttcttgagga acgcccata gacccatgga 300
 gtgtataacc aggggacgag catagattcc ggggagaggc tgatgcagcc tacacaaatg 360
 tcagcccagg aggatttggg agatgacact gggattcacg tgatccctac cctcaatggc 420
 gacgatcggc ataagatcgt caacgtcgac cagcgccaat atggcgacgt ttttaagggg 480
 gactgaacc ccaagcctca ggggcagcgc ctgattgagg tgagcgtgga ggagaacat 540
 cctttcacgc tgcgggcccc catccagcgg atctacgggg tacggtacac tgagacttgg 600
 agttttctgc caagtctcac ctgcacaggc gacgccgcac ctgccattca gcacatatgc 660
 ctgaagcaca ccacgtgctt tcaggatgtg gtggtggacg tcgattgtgc agagaatacc 720
 aaggaggatc agctcgccga gatttcttac cgcttcagg gtaagaaaga ggctgatcaa 780
 ccttgatcgc tggtaaacac gaggaccctg ttgacgagt tggagcttga tccacccgag 840
 atcgagccgg ggggtgtgaa ggtgctccgc acggagaagc agtactggg cgtgtacatc 900
 tggaaatga ggggggtccg cgggacctct acttatgcaa cttttctcgt cacctggaag 960
 ggtgacgaga aaacgcggaa tcccacgcc gcggtgacct cccaaccccg gggggcggag 1020
 ttccacatgt ggaactacca ctacatgtg ttctcggtgg gggatacctt ttctctggcc 1080
 atgcacctcc agtacaagat ccacgaggca cctttgatc tgctgctgga gtggctgtac 1140
 gtccccattg accccacttg tcagcctatg aggtgtaca gtacatgtct gtatcaccac 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac tcgggctgta cattacaag cccgcacctg 1260
 gccagagggg tggcctcgac agtgtacaa aactgcgagc acgcagacaa ctacactgcg 1320
 tactgccttg ggatctcca catggagccc agtttcgggc tcattcttca cgatggagga 1380
 accaccctca aattcgtgga caccctgag agcttgtccg gtctctacgt gttcgttgtg 1440
 tacttcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tctctacagt ggaccatttt 1500
 gtgaacgcca tagaggagcg tggttttcca cccaccgccg gccagcctcc tgccaccacg 1560
 aagccgaagg agatcaccac tgtgaatcca ggcacatctc ctctgatccg ctacgctgcg 1620
 tggacaggag gcttggccgc ggtggtgctc ctctgcctag tgatctttct tatctgtacc 1680
 gcaaagcgga tgcgggtgaa agcttacagg gtagacaagt cccctacaa tcagtccatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt cgatgacttc gaggattctg aaagcacaga caccgaggag 1800
 gaggtcggca atgcgattgg gggtagccac ggggggtcca gttatactgt ctacatagac 1860

aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 125

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggcggc gtgctcatgg gcttcggtat cattaccggc 60
 acgctgagga tcactaacc ttgctgtgcc agcgtctgc gatgatga cttcatatc 120
 gacgaggaca agctggatac aaacagcgtc tatgagccat attaccattc cgatcatgcc 180
 gaatcttctt gggatgaatcg gggggagtca agccgcaagg catacgacca caactcccc 240
 tacatttggc cccggaatga ctacgacggg ttcttgaga atgcccata acatcatggg 300
 gtgtacaacc aggggcgcgg catcgattcc ggggagaggc tgatgcagcc tacacaaatg 360
 tccgcccagg aggatttggg cgatgatac gggatccacg tgatccccac cctgaatggg 420
 gacgatcgac acaagatcgt caacgtggat cagcgccaat acggcgacgt attcaagggg 480
 gatttgaatc ccaaaccgca gggcagcgg ctgatcgagg ttagcgttga ggagaacat 540
 ccttttacc tgccggcgcc catccagcgg atttacgggg tgcgatatac tgagacttgg 600
 agtttctcc caagtctcac ctgcacaggc gacgcccgc cagccatcca gcatatctgc 660
 ctgaagcata caacttctt ccaggatgtg gtgtgggacg tcgactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaggatc agctcgctga gatctctac cgctccaag gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcaccctg ttgatgagc tggagctga tctcccgag 840
 atcgagccc ggggtgtgaa ggtgctccg accgagaaac agtatctggg cgtctatata 900
 tggaaatga ggggttccga cgggacgtct acctacgcaa catttctgt cacctggaag 960
 ggagatgaga aaacgcgtaa tccgactccc gctgtgacct cacagcccag aggggctgag 1020
 ttccatgtt ggaactacca ttcatgtt ttctcgttg gggacacct ctcttggca 1080
 atgcacctcc agtacaagat ccacgaggcc cctttgatc tgctgtgga atggctgtac 1140
 gtgccgatcg acccgacatg tcagccgatg aggtgtact ctacatgtt ttaccatcca 1200
 aatgtcccc agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgta cttcacaag cccgatctg 1260
 gctcagaggg tggcgagcac agtctacaa aactgcgaac acgcagataa ttacacagcg 1320

tactgcctcg gcatcagcca tatggagccc agttcgggc tcattctcca cgatggaggg 1380
 accaccctca agttcgtgga cactccagag agtctctcag gtctctacgt gttcgttggtg 1440
 tactttaatg gacacgtgga ggccgtggcg tatacagtgg tctctacggt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccca cctacagccg gccagcctcc ggccaccacg 1560
 aagccgaagg agattacccc tgtgaatcca gggacgtctc cactgatccg ctacgaggct 1620
 tggaccggag gcttggccgc tgtgtgctc ctctgccttg tgatctttt gatttgcacc 1680
 gcgaagcgga tgcgggtcaa agcttacagg gtggacaagt cccctacaa ccagtcgatg 1740
 tactacgccg ggctgccagt cgatgacttt gaggactccg agtcacaga cactgaggag 1800
 gagttcgga acgcgatcgg cggtagccac ggcggtcta gctatacagt gtacatcgac 1860
 aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 126

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tcaacaaacc agtggtagga gtgctgatgg gattcggcat tatcactggg 60
 accctgcgca tcacaaacc ggtgcgcgcc tctgttctga ggtacgatga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctcgacac taattctgtg tatgagccat actatcactc tgatcatgca 180
 gaatcctcct ggggtgaatag gggggagtct agccggaagg catatgacca caattcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgacggg ttcttgagga acgcccata gcatcatggc 300
 gtgtacaacc aggggcgcgg catcgattcc ggggaacggc tgatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctcg ggacgatacc ggaatccacg ttatccccc actgaatggg 420
 gacgatcgcc acaagatcgt taacgtggat cagcgccaat atggcgacgt atttaagggg 480
 gatctgaacc ccaaacctca gggccagcgg ctaattgagg tgagtgtgga ggagaatcac 540
 ccttcacct tgagggctcc catccagcgt atctatgggg tgcgttacac cgagacttgg 600
 tctttctgc caagtctac ctgcacaggc gatgccgccc ccgcatcca gcatatttgt 660
 ctgaagcata ccacatgctt ccaagacgtg gtggtggacg tcgactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaggatc agcttgccga gatttcttac cgcttcagg gtaagaagga agcagatcaa 780

ccttgatcg tggtaaacac gagcaccctt ttgatgagc tggagctgga tcctcccgaa 840
 atcgaacctg ggggtctgaa ggtgctccgc actgagaagc aatacctggg ggtgtacatc 900
 tggaaatga gaggttccga tgggacctct acatacgcca cttttctcgt cacctggaaa 960
 ggtgacgaga agacgaggaa cccaccccct gctgttactc cacagccaag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagtcatgtt ttctcgggtg gggacacctt cagcctggcg 1080
 atgcacctgc aatacaaaat ccatgaggcc cctttgatc tcctgctgga gtggctttat 1140
 gtacctatag acccgacatg ccagcccattg agattgtaca gcactgtct gtatcatcca 1200
 aacgcacctc agtgctgag ccacatgaat tcgggctgca cctttaccag cccgcatctg 1260
 gctcagaggg ttgcctcaac ggtgtatcag aactgtgagc acgcagataa ttacaccgcg 1320
 tattgcttgg gcatcagcca catggagccg tcattcgggc tcattctgca tgacgggggg 1380
 actacctca agttgtgga caccacagaa agcttgagcg gcctctacgt gtctgtgtt 1440
 tacttcaacg gacatgtgga ggctgtggcg tacaccgtag tgtccacggt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg cgggttcccg cccaccgccc gccagcctcc tgccaccacc 1560
 aagccgaaag aatcacccc agtgaatcct gggacgagcc cactgattcg gtacgtcgcg 1620
 tggacaggag gcctggctgc ggtggtgctc ctctgtctgg taatatttt gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tcggggtcaa agcatatagg gtggacaaga gtcctacaa ccagtcgatg 1740
 tattacgccg ggctccctgt cgatgacttt gaagactccg agtctaccga cacggaggag 1800
 gagttcggca acgcatcgg cggaagtcatt ggtggcagtt cttacactgt atacatcgac 1860
 aagacacgg 1869

Número de secuencias (ID): 127

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtacgg ttaataagcc ggtggtcggg gtgctgatgg ggttcgggat catcaccggg 60
 acgtgcgca ttacaaatcc agtgcgcgcg tccgtctgc gttacgatga ctttcacatc 120
 gacgaggaca agctggatac aaacagcgtg tacgagccat attaccactc tgatcacgcc 180
 gagtctcct ggggtgaatag gggggaatcg agtcgcaaag cgtacgacca caattctccc 240

tatatctggc cccggaacga ctatgacggg ttctggaga acgcccata gcatcatgga 300
 gtgtataacc aggggagcgg catagattcg ggggagagc tgatgcagc gaccagatg 360
 tctgccagg aggacctgg cgacgacct ggcaccacg tgatccgac cctcaacggg 420
 gacgatcgt acaagatcgt caacgtggac cagcggcagt acggtgacgt gttcaaggg 480
 gacctcaacc cgaagcccca ggggagcgg ctattgagg tgcagtga gaaaaatcat 540
 ccattcacc tccgagcccc aattcagcgg atctatggg ttcggtacac ggagacgtg 600
 agtttctgc caagtctgac ctgcacggc gatgccgcc ctgcaatca gcatatttc 660
 ttgaaacaca ctacatgctt tcaggatgt gtggtgatg tcgactgtc agagaacct 720
 aaggaggatc agcttgcca gatttctac cgctccagg gcaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgatcg tggtaacac gtccacctg ttgatgagc tcgagctga tctcccgag 840
 atcgagccc ggggtctgaa ggtgctccg accgagaagc agtacctgg ggtgtacatc 900
 tgaacatgc gggggtcga cgggactct acgtacgca ccttcctgt gacctggaag 960
 ggcgacgaga agaccgtaa tccgacccc gactgacac ccagcctcg gggggcggaa 1020
 ttcatatgt ggaactatca ctccacgtg ttctcgttg gggacacct cagtctgca 1080
 atgcacctc agtataagat ccacaggct cctttgatc tctgtgga gtggctgtat 1140
 gtgcctattg accccatg ccagccaatg agactgtatt ctacgtgtc ctatcatcc 1200
 aacgtcctc aatgctgtc ccatgaac agtgggtga cctttacat cccacactg 1260
 gccagcgtg ttgtagcac ggtgtaccag aattgtgaac acgccgata ctatagcgc 1320
 tattgcctg gcattagcca catggagccc tcttcggc tgattctga cgacggaggc 1380
 acgacgtca agtctgtga taccctgag agcttgagc gcctctacgt gttcgtggtg 1440
 tattttaacg gacacgtga ggccgtggc tacacagtg tcagcacggt cgaccactt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagc tgggttcca ccaccgcag gccagcccc tgccaccacg 1560
 aagccaaagg agattacccc agtaaacct gggactagc cttgatccg ctacgtgcg 1620
 tggacaggc ggtggccg ggtggtgct ctgtgtctg tcattttct tatctgcacg 1680
 gctaagcga tgcgggtga ggctaccg gttgacaagt cccctataa tcagagcatg 1740
 tactacgcc gtctgccgt cgatgactt gaagatagt agtccactga cactgaggag 1800
 gagttcggc atgccatcg cgggtcacac ggcggctcct cgtatactg ctatctgac 1860
 aagaccgc

1869

Número de secuencias (ID): 128

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggaccg tgaataagcc ggtggtaggg gtgctcatgg ggttcggtat cattaccggt 60
actctgcgca ttactaacc ttgtcgtgct agtgtcctcc ggtacgatga cttcacatc 120
gacgaggaca agctggacac taacagcgta tatgagccct actaccactc cgatcacgcc 180
gagtctctct ggggtgaatag gggggagtca tcccgaagg cctatgacca taactctccc 240
tatatctggc cccggaatga ctatgacgga ttctggaga acgcccata gcatcatggg 300
gtgtataacc aggggagcgg aatagactcc ggggagaggc tgatgcagcc taccagatg 360
tccgcccagg aggatcttgg cgatgatacc ggcattcacg tcatccccc cctcaatggc 420
gacgatcgtc acaagatcgt caatgtggac cagcgccaat atggcgatgt ttcaagggg 480
gacctcaatc ccaagcccca aggacagcgg ctgattgagg tcagcgtgga ggaaaacat 540
cccttcccc ttggggtccc catccagcgg atctacggtg tacgatatac tgagacttgg 600
tcattctcgc caagtctcac atgcacaggc gacgccgcc cagccatcca gcacatatgc 660
ctgaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtggtggacg tggactgtgc agaaaacacc 720
aaggaggatc agctcgccga gatttcttac cgcttcaag gtaagaagga agctgatcag 780
ccttggatcg tggtaacac gagtacactg ttgacgagc tggagctgga ccccccgaa 840
atcgagccag ggggtctgaa ggtactccgc accgagaaaac agtacctggg agtctacatt 900
tgaacatga gggggagcga cgggacgtcg acttacgcaa cattctcgt gacctggaag 960
ggtgacgaga agacgcggaa tccgactccc gcggtacccc ctacgcctcg tggcgagag 1020
ttccatatgt ggaactacca ctgcgatgtg ttctcgttgg gggatacctt cagtctcgt 1080
atgcacctcc agtacaagat ccacgaggca cccttcgatc tgctgctgga gtggctgtac 1140
gtgccgatag acccgacatg tcagcctatg aggctgtatt ctacatgcct ctaccacca 1200
aatgcccac agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgta ctttaccag cccgcatctg 1260
gctcagaggg tggctagcac agtttaccag aactgtgagc acgcagataa ttactgcg 1320
tactgccttg gcatcagcca tatggagccc agtttcgggc tcatactcca cgatggaggg 1380
accacctca agttcgtgga tacacctgag agctgtccg gcctctacgt gttcgttga 1440
tacttcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tctctacagt ggaccacttc 1500
gtgaacgcca ttgaagaaag ggggttcccc cccaccgccc gccagcctcc tgccaccacg 1560
aagcctaagg agatcacccc tgtgaacca gggacgtctc cacttatccg ctacgctgcg 1620

```

tggacaggag gtctggcggc ggtggtattg ctctgcctcg tgatctttt gatttgcacc 1680
 gccaaagcga tgccgggtcaa ggcttataga gtggacaagt ctccctacaa tcaatccatg 1740
 tactacgctg ggctgccagt ggatgacttt gaggactccg aatccacaga tacggaggag 1800
 gaggttcggca atgcgatcgg cggcagccac ggagggttct cctatactgt ctacattgac 1860
 aagacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 129

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggaccg tgaataagcc cgtggtaggc gtgctcatgg gcttcggtat catcacaggt 60
 actctgcgca ttacaaaccc tgtacgcgca agtgtcctac gctacgatga tttcacatc 120
 gatgaggaca agttggacac caactcagtc tatgagccgt attaccactc cgatcacgcc 180
 gagtcttctt ggggtgaacag gggggagtct agtaggaagg cctacgatca caactcccc 240
 tacatctggc cccggaatga ctacgacggg ttcttggaaga acgcacatga gcatcatggc 300
 gtgtataacc aggggcgccg tattgattcc ggggagaggg tgatgcagcc cacgcagatg 360
 tctgccaggg aggacctcgg cgatgatagc ggcatcatg ttatccccac cctaaatggc 420
 gatgaccgcc acaagatcgt gaacgtggat cagcgccaat atggggacgt ttttaagggg 480
 gacttgaacc ccaagcctca gggccagcgg ctgatcgagg tcagtgtgga ggaaaaccac 540
 cccttcccc tgaggcgcc catccagcga attacgggg tacgatatac tgagacttgg 600
 agctttctac cctcgctcac ctgcacaggc gacgccgccc ccgccattca gcatatatgc 660
 ctgaagcata caacatgctt ccaggatgtg gtgggtggacg tcgactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaggatc agctcgccga aatttctac cgtttccagg gtaagaagga ggctgatcaa 780
 ccttgatcgt tggtaaacc gagtaccctg ttgacgagc tggagctcga tctccagag 840
 atcgagcctg ggtgttgaa ggttctccg accgagaagc agtacctggg agtgtatatt 900
 tggacatga gggggctgga cgggacctt acttatgcca ccttctcgt cacctggaag 960
 ggtgacgaga agacccggaa cccgaccca gctgtaaccc cacagccccg gggagcagag 1020
 ttccatatgt ggaactacca ctccatgtc ttctcggtgg gggatacctt ctctctagct 1080

atgcatctcc agtacaagat ccatgaggct cccttcgac ttctgctgga gtggctgtat 1140
 gtgcccacg acccgacatg tcagccaatg agactgtact ctacatgtct ctaccatcca 1200
 aacgccccac aatgtctgag ccacatgaat tggggctgta cttttaccag ccctcacctg 1260
 gctcagaggg tggcctcaac agtgtatcag aactgcgagc acgcagataa ttacactgcc 1320
 tactgcctcg gcatcagcca tatggagccc tcatttgggc tcaccttca cgatggagga 1380
 accacgtga agttcgtgga cacacctgag agcttgagcg gcctctacgt gtctgttgtt 1440
 tacttcaacg gacacgtaga ggccgtggcg tacactgtgg ttccacggt ggaccacttc 1500
 gtcaacgcca tcgaggagag aggatttct cccaccgccg gccagcctcc tgccacaacg 1560
 aaaccgaagg agatcacacc tgtcaatcca ggcacgtctc cttgatccg atacgtgcg 1620
 tggacaggag gcttggccgc ggtggactg ctctgccttg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttacagg gtagacaagt cccctataa tcagtccatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt ggatgacttt gaggactccg aatccactga cacagaggag 1800
 gagttcgga acgctatcgg cggcagccac ggcggatcat cttatactgt ctacatagac 1860
 aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 130

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggaccg tgaataagcc tgtgtggggc gtgctcatgg gcttgggtat aatcaccggg 60
 aactgagga ttaccaaccc tgtgcgagcc agcgtcctga ggtacgatga cttcacatc 120
 gacgaggaca agctggatac taacagcgtc tatgagccgt actaccactc cgaccagcc 180
 gaatcctcct ggggtgaacag gggggagtca agccgcaagg catatgacca taactcccc 240
 tacatctggc cccggaatga ttacgacggc ttctgggaga acgcccata gcatcatggg 300
 gtctataacc agggccgcgg catcgattcc ggggagaggc tgatgcagcc tacacagatg 360
 tccgcccagg aggatttggg cgatgacacc ggaattcacg taatccccac tctcaatggt 420
 gatgatcgcc acaagatcgt caacgtggac cagcgccaat atggcgacgt gttaagggg 480
 gacttgaacc ccaagcctca ggggcagcgg ctgattgagg tgagcgtgga ggagaacat 540

cccttcacgc ttggggcacc gatccagcgc atttatgggg tacgatacac tgagacctgg 600
 tcttttctgc caagtctcac ctgcacagga gacgccgccc cagccattca gcatatatgc 660
 ctgaagcaca caacctgctt ccaggatgtg gtggtggacg tcgactgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc agcttgccga gatttcttac cgcttcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccgtggatcg tcgtgaacac gattaccctg tttgatgagc tggagcttga tcctcctgag 840
 atcgagcccc gcgtgttgaa ggtactccgc accgagaagc agtacttggg agtgtacatt 900
 tggaaatga ggggttccga tgggacctct acatatgca cttttctgt cacctggaaa 960
 ggtgacgaga aaacgcggaa tcccaccccc gctgtcacc cgcagccgcg cggggctgag 1020
 ttcatatgt ggaactatca ttcccacgtc ttctcgggtg gagatacct ctcacttgca 1080
 atgcactcc agtacaagat ccacgaggcc cccttgatc tgctgctgga gtggtgtac 1140
 gtgccattg acccaacatg tcagccgatg agactgtact ctacatgtct ctaccaccct 1200
 aacgcccctc agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgta cattaccag cccgcactcg 1260
 gctcagaggg tggccagcac agtgtatcag aactgcgaac acgcagacaa ttactgagc 1320
 tactgccttg gcatcagcca tatggagccc tcgtttgggc tcctcctca cgtggaggg 1380
 actaccctca agttcgtgga caccctgag agcttgcctg gtctctacgt gttgtgtgt 1440
 tacttcaacg gacatgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tatctactgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggtttccc cccaccgccg gccagcccc tgccaccacg 1560
 aagcccaagg agattacccc tgtgaatcca gggacgtctc cactcatccg ctacgtgagc 1620
 tggacagggg gccttgcggc ggtggtgctg ctttgccttg tgatctttt gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa agcttatagg gtggacaagt ccccataa tcagtccatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt cgatgattt gaggattccg aatcgacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga acgcatcgg cggcagccac ggtgggtcat cctacactgt ttacattgac 1860
 aagacgaga 1869

Número de secuencias (ID): 131

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc agtgggtgggc gtcctgatgg gcttcgggat tatcactggc 60
 acgttgcgca taacgaaccc tgtgcgcgct agcgtcctgc gttacgatga ctttcacatc 120
 gacgaggata agctcgatac caacagtgtg tatgagccct attaccacag tgatcacgct 180
 gaatcctcct ggggtgaacag gggggagtc agccggaagg cttatgacca caattccccc 240
 tacatctggc cccggaatga ttatgatggg ttcttggaaga atgcccata acaccatgga 300
 gtgtataacc aggggagcgg gatcgattcc ggggaacggc tgatcgagcc aaccagatg 360
 tccgcccagg aagatctcgg ggacgatacc ggaatccatg tgatccctac cctgaatggg 420
 gacgatcgac acaagatcgt caacgtggat caacgccaat atggcgatgt atttaagggg 480
 gatctcaacc ccaagccgca gggccagcgg ctcatcgagg tgagcgtgga ggagaatcac 540
 ccttcacct tgagggctcc gatccagcgc atctatgggg tgcgttacac tgagacttgg 600
 tccttctgca caagtctac ctgcacaggc gatcgagccc ctgctattca gcacatttgt 660
 ctcaagcata ccacatgctt ccaagacgtc gtgggtgatg tcgactgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc agcttgccga gataagctac cgcttcagg gcaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgatcg tgggaacac gagcacctg ttcatgagc tggaaactgga ccccccgag 840
 atcgagcccc ggggtctgaa ggtgctccgc actgagaagc agtacctcgg ggtgtacatc 900
 tggaaatgc gggggtcga cgggacctcc acatacgcca ctttctcgt cacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccgggaa ccctacaccg gccgtgactc cacagccccg ggggtcagag 1020
 ttccacatgt ggaattacca tagccacgtg ttctcggtgg gggacactt cagcctggca 1080
 atgcactgc aatacaagat ccacgaggcc cctttgatc tgctgctgga gtggctgtat 1140
 gtgccaatag acccaacatg tcagccaatg agactgtact ctacatgtct ctatcatcca 1200
 aacgctcctc agtgcctgag ccacatgaac tcgggctgca catttactag cccgcatctg 1260
 gcacaaaggg tggcctcaac agtgaccag aactgcgagc acgcagataa ttactatgag 1320
 tattgcttgg gcattagcca catggagccc tcttcgggc tcatcctcca tgacgggggc 1380
 acaacgtca agttcgtgga ccccccgag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttga 1440
 tacttcaacg gacacgtaga ggccgtggcg tatacggtag tgtctacagt ggatcactc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg cggctttccg cccaccgccg gccagcccc tgctaccacg 1560
 aagccgaaag aaataacacc ggtgaatccg gggacctccc cactcatccg gtacgccgag 1620
 tggacagggg gcttgccgc ggtgggtgctg ctctgtctgg tgatttctt gatctgcacc 1680
 gcaaagcggg tgcgggttaa ggcatatagg gtggacaaaa gtcctataa ccagtcaatg 1740
 tactacgccg ggctccctgt tgacgactc gaggactccg agtccaccga cacggaggag 1800
 gagttcggaa acgcatcgg cgggtcacac gggggctcat catacactgt atatatcgac 1860
 aaaacacgg

Número de secuencias (ID): 132

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggcactg tgaataaacc agtggtcgga gtgctgatgg gcttcggcat cattactggt 60
accctgcgca taaccaaccc tgtgcgcgcc agcgtcctgc gttatgatga ctttcacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagtgtc tatgagccat attatcattc cgatcatgca 180
gaatcttctt ggggtgaacag gggggagtct agccggaagg catacgacca caactcccc 240
tacatctggc ccaggaacga ctacgacggg ttcttgaga acgcccacga acaccacggg 300
gtgtataacc aggggcgtgg gatcgattct ggcgaacggc tgatgcagcc gacccagatg 360
tccgccagg aggacctcgg ggatgatacc ggcattccag tgattccaac cctgaatggg 420
gacgatcggc ataagatcgt caacgtggat caacgccagt atggcgacgt gtttaagggg 480
gatctgaacc ctaagccaca gggccagcgg ctatcgagg tgtctgtgga ggagaaccac 540
ccattcacct tgagagctcc gatccagcgt atttatgggg tgcgttatac tgagacttgg 600
tcttctctgc caagtcttac ctgcacaggc gatgccgccc cagccattca gcatatatgt 660
ctgaagcata cgacctgctt ccaagacgtg gtggtggacg tcgactgtgc agagaatacc 720
aaggaggacc agcttgccga gatttcttac cggtttcagg gtaagaagga agctgatcag 780
ccttgatcgt tggtaaacac gagcaccctg ttcgatgagc tggagctgga ccctcccgag 840
atcgaacccg ggggtctgaa ggttctccgc accgagaaac aatacctggg ggtgtacatt 900
tggaatatga gaggtccga tgggacctct acatacgcca ccttctcgt cacctggaaa 960
ggtgacgaga agaccaggaa cccgactccg gctgtgactc cacagcccag ggtgctggag 1020
ttccacatgt ggaattatca ttccatgtg ttctcggtgg gggatacctt cagcctggct 1080
atgcacctgc agtacaaaat ccacgaggcg cctttgatc tcctgttga atggctgtac 1140
gtgcctattg acccaacatg tcagcctatg agattgtaca gtacatgtct gtatcatccc 1200
aacgcgcctc agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgca ctttaccag ccccatctg 1260
gctcagaggg ttgcgtcaac agtgtaccaa aactgcgaac acgcagacaa ctacactgcg 1320
tattgcctgg gcattagcca catggagcct agtttcgggc tcattctgca tgatgggggg 1380
```

actacgctca agttcgtgga caccacagag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttg 1440
 tatttcaatg gacacgtgga ggccgtggcg tacacggtag tgcgacagt ggaccacttt 1500
 gtgaacgcca tagaggagcg cgggtttccg cccaccgagg gtcagcctcc tgcaaccacg 1560
 aagccaaagg agatcacgcc agtgaatccg ggcacgagcc cactgattcg ctacgtgct 1620
 tggacaggag gcttggccgc ggtggtgctc ctctgcctgg taatctttt gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgcgggtgaa agcttaccgg gtagacaagt cccctacaa ccagtcgatg 1740
 tactacgccg ggctccccgt tgacgacttt gaggactcag agtctaccga cacagaggag 1800
 gagtcggca acgcatcgg ggggtccac ggtggcagca gttacacggt atacatcgac 1860
 aaaacacgg 1869

Número de secuencias (ID): 133

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggaccg tgaataagcc cgtggtgggt gtgctcatgg gctttggtat tattaccggt 60
 actctcagga ttaccaatcc tgtcgtgcc tcagtctgc gttacgatga cttcacatc 120
 gacgaggaca agctggacac aacacagcgtc tatgagccct actaccacag tgatcacgcc 180
 gaatcctct ggggtaatcg gggggagtcc agccgcaagg cttatgacca caactcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctatgacggc ttctggaga acgcccata gcacatggc 300
 gtgtataacc agggtcgcgg tattgattcc ggggagaggc tgatgcagcc tacacagatg 360
 tccgccagg aggattggg tgatgacact ggcattcacg taatccccac tctgaatggg 420
 gacgatcgcc ataagattgt caatgtggat cagcgccaat atggtgatgt gtttaagggg 480
 gattgaatc ctaagcctca ggggcagcgg ctgattgagg tgcagtga ggagaatcac 540
 ccattcacc tccgggcacc catccagcgc attacgggg tgcgatacac tgagacttg 600
 agttcctc caagtctcac ctgcacaggc gatgccgccc ccgcatcca gcatatatgc 660
 ctgaagcaca ctacatgct ccaggatgtg gtggtggacg ttgactgtgc agaaaacaca 720
 aaggaggatc agctcgccga aattcttac cgctccagg gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccttggatcg tggtaaacac gagcacctg tttgatgagc tggagctga tctctctgag 840

atcgagcctg ggggtgctgaa ggtgttgcgc accgagaagc agtacctagg ggtctacatt 900
 tggaatatga ggggggtccga cgggacctct acatatgccca cttttctggt cacctggaag 960
 ggagacgaga agaccccgaa tccaaccccc gctgtgacac cacagccacg gggggctgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca ttacacgtg ttctcggtgg gcgacacctt ctctcttgca 1080
 atgcatctgc agtataagat ccacgaggcc cccttcgacc tcctgctgga gtgggtgtac 1140
 gtgccaatag accctacatg tcagccgatg agactgtact ctacatgtct ctaccacccc 1200
 aacgctccac agtgtctgag ccacatgaac tggggctgta cttttactag cccgcatctg 1260
 gcgcagaggg tggccagcac ggtgtaccag aactgcgagc acgcagataa ctataccgct 1320
 tactgcttgg ggatcagcca tatggagccc tccttcgggc tgatctcca cgtggggggc 1380
 acaaccctca aattcgtcga caccctgag agcttgagcg gtctgtatgt gttcgttgta 1440
 tacttcaacg gacacgtgga ggccgttcg tacacagtgg tcagcacagt ggatcacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg tgggtttcca cccaccgctg gccagcctcc tgccaccacc 1560
 aagccgaagg agatcacccc cgtgaacccg gggacgtctc cactaattcg gtatgtctcg 1620
 tggacaggag gcttgccgc ggtggtgctc ctctgccttg tgatatttt gatttgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa agcttacagg gtggacaagt cccctacaa ccagagcatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt cgtgacttt gaggattccg aatccacaga cactgaggag 1800
 gaattcggca acgcgatcgg tggtagtcac ggtgggtcat cttatactgt ctacattgac 1860
 aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 134

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaacag tcaataaacc cgtagtaggt gtgctgatgg gcttcggaat catcactggt 60
 acattgagga tcaataatcc agtccgagct tccgttctgc ggtatgatga tttcacatc 120
 gatgaggaca agctggatac aaactcgggt tatgagccgt actatcacag cgatcacgct 180
 gagtcatctt ggggtgaacag gggagagtct tcccggaagg ctacgacca taactccccg 240
 tacatctggc caagaaatga ctatgatggc tttctggaga acgctcacga acatcacggt 300

gtgtataacc agggcagagg catcgattca ggcgagaggc tgatgcagcc aacgcagatg 360
 tctgcgcagg aggacctggg agatgacact ggtatacatg tcatccccac ccttaacggg 420
 gatgatcggc acaagatcgt taacgttgat cagcgccaat acggcgacgt gtttaaaggc 480
 gatctgaacc cgaaacccca agggcagagg ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcat 540
 ccccttacct tgcgcgcacc catccagagg atctatgggtg tcaggtacac cgagacatgg 600
 tctttctgc catctctgac ctgcaccgga gacgctgccc cggccatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcata cgacatgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tagattgcgc cgagaacacg 720
 aaggaggacc aactcgctga aatttcttac agattccagg gaaagaaaga agcagatcag 780
 ccatggatcg tggtaaacac ctctactctt ttgacgagc ttgagctcga tctctctgag 840
 atcgagcccg gagttctcaa agtgctaagg acagagaaac agtacttggg tgtgtatatt 900
 tggaaatcgc gtggcagcga cggtagatct acctatgcca ctttctggt cacatggaag 960
 ggggatgaaa agacccgaaa ccctaccccc gctgtgactc cacagcctcg cggcgagag 1020
 tttcatatgt ggaattacca ttcacacgta ttcagcgtag gagacacctt ctactagcg 1080
 atgcatctac agtataagat ccacgaggct ccattcgatc tactctgga gtggttgat 1140
 gttcccatcg atctacttg tcagccgatg agactgtatt ccacatgtct ttaccatcct 1200
 aatgccccgc agtgtctgag ccatatgaac agtggctgta cttcacaag tccccatctg 1260
 gcgcagaggg tggctagcac agtatatcag aactgtgaac acgctgataa ctataccgcc 1320
 tattgtcttg gtatatcaca catggaacct tcttcggggc tgatattgca cgacggaggc 1380
 actacgttga aatttgttga cactcccgaa agtcttagtg gactctacgt gtttgtggtt 1440
 tatttcaacg gacacgtcga ggctgtggca tatacagtgg tgtccacggt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcta tagaggagcg tggcttcct cctacggcgg ggcagcccc tgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcactcc cgtgaaccct ggaaccagcc ctttgattcg gtatgctgca 1620
 tggaccgggg gcttagcagc tgcgtgctg ttatgcctgg ttatattttt aatctgtacc 1680
 gccaagcgga tgcgggtgaa agcgtatagg gtggacaaga gtccttataa tcaatcaatg 1740
 tattacgccg ggctccccgt tgatgatttc gaggacagcg agagtaccga caccgaggag 1800
 gagtttgga acgccattgg cggttcacac ggcgggtctt ctatacagt gtatatcgac 1860
 aaaacccgc

1869

Número de secuencias (ID): 135

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggaacag tcaataaacc tgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat cattaccggt 60
acactgcgca ttactaacc agtccgagct agtgtgtga gatgatga tttcacata 120
gatgaggata agctggacac aaactcgggt tacgagcctt actatcacag cgaccatgct 180
gaatcatcct ggtgaacag gggagagtct tcacggaagg ctatgatca caactccct 240
tatattggc caagaaatga ttacgacggc tttctggaga atgccacga acatcacggt 300
gtgtataacc agggccgagg catcgattca ggagagaggc tgatgcagcc aaccagatg 360
tctgcacagg aggatctggg agatgacact ggaatccatg tgatccctac cctcaacggt 420
gacgaccggc acaagatcgt taacgttgat cagcgtcaat acggggacgt ctcaaaggc 480
gaccttaacc cgaagccaca ggggcagagg ctgatcgaag tatccgtgga ggaaaacat 540
ccatttacct tgcgggcacc gattcagaga atctatggag tgaggtagac ggaaacttg 600
tctttctgc ctagtctgac ctgcaccggg gacgtgctc ctgccataca gcacatctg 660
ctcaaacata caacctgctt ccaggacgtc gttgtcgatg tagactgctc cgaaaataca 720
aaggaggatc agctggctga gattagctac aggttcagg ggaaaaaaga ggctgaccaa 780
ccatggatcg tggtaacac ttctactctc ttgacgaac ttgagctcga tcctcctgag 840
atcgagcccg gagtttcaa ggtgctgca acagagaagc agtacttggg ggtttatatc 900
tggaatatgc gtggcagcga cggtagatcc acctacgcaa ctttctggt cacatggaag 960
ggggacgaaa aaacccggaa tcctaccccg gctgtgactc cacagcctag aggggcagag 1020
ttcacatgt ggaattacca ttctacgtg ttctctgtag gggatacctt ttogctagct 1080
atgcatctcc aatataagat tcacgaggcc ccattgatc ttctgctgga gtggtgtac 1140
gttccgatcg accccacgtg tcagccgatg agattgtatt ctacctgtct ttatcatccg 1200
aatgctcccc agtgtttatc tcacatgaac tccgggtgta ctttactag tccacatctg 1260
gccagagag tggccagtac agtatatcag aactgcgagc atgctgacaa ttacacagct 1320
tactgccttg gtatctcaca catggagcct tcattcgggc tcattctgca cgatggaggc 1380
accacgctga agtttgtga cactcccgaa agcctttctg gcctttacgt gtttgtgtg 1440
tatttcaatg gacacgtgga ggcagtggca tacacagtgg tcagcacggt tgatcattt 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg tggtttctc ctacggcag ggcagcctcc tgcaactacc 1560
aagccaaagg agattacacc ggtcaaccca ggaaccagcc cattgatccg gtatgccgct 1620
tggaccgggg ggttggcagc ttagttctg ctttgctgg ttatattttt gatttgcacc 1680

```

gcaaagcgaa tgcgggttaa agcctacagg gtggacaaaa gtcctataa ccagtcaatg 1740
 tattatgcgg gcctcccggg gtagtattc gaagatagcg agagcaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcaatagg gggttccac ggcggaagct cttatacagt gtatattgac 1860
 aaaaccagg 1869

Número de secuencias (ID): 136

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaacag tgaataaacc cgtcgtcgga gtgcttatgg gtttcgggat catcactggt 60
 acctgagga ttaccaaccc tgtccgtgct tcggtcttaa gatatgatga ttccatatt 120
 gacgaggata agctggatac gaactcgggt tacgagccat actaccacag cgatcacgct 180
 gagtcatcct gggttaacag gggtagtca tcccggaagg cttacgacca taactctcca 240
 tacatatggc ccagaaatga ttatgacggc tttctgaaa atgcacacga acatcacggt 300
 gtgtataacc agggcagggg gatcgatagc ggcgaacggc tgatgcagcc taccagatg 360
 agtgctcagg aggacctggg agatgacacc ggtatccatg tcatccctac cctcaacggg 420
 gacgaccggc acaaaattgt gaacgttgac cagcgccaat acggagatgt attcaaaggc 480
 gatctgaacc ccaagccaca agggcagagg ctgatcgagg tctcggtgga ggagaacat 540
 ccttttacac tgcgtgcccc aatccagcgg atatatggcg tgcgatacac ggagacatgg 600
 tctttctgc cttactgac atgcacaggg gacgctgccc cggccattca gcacatttgt 660
 ctgaagcata cgacctgctt ccaggacgtg gtcgtggacg tagattgcgc cgaaaacaca 720
 aaggaggatc agctggctga aatcagctac aggttcagg ggaagaagga agccgaccaa 780
 ccatggatcg ttgttaacac ttctacactc tttgatgaac ttgagctcga cctcctgag 840
 atcgagcccc gagtgctcaa agtgctgaga acagagaagc agtatttggg cgtgtatata 900
 tggaaatgc gtggcagcga tggaaatcc acctacgcca cctttctggt gacatggaaa 960
 ggcgatgaaa agacgcggaa ccctactcca gctgtgactc cacagccacg tggcgctgag 1020
 ttacatgtt ggaactacca ttctcatgtg ttacagcgtg gggatacctt cagtctagcg 1080
 atgcatctcc aatataagat tcacgaggcc ccatttgatc tcctcctgga gtggttgtat 1140

gtgccaatcg atccaacttg tcagccgatg agactgtatt ccacgtgtct ttatcacccc 1200
 aatgccccac agtgtttatc ccacatgaac tccggatgta ctttactag tccacatctc 1260
 gccagagag tggccagcac agtataccag aattgtgagc atgctgacaa ctataccgcc 1320
 tactgtcttg gtatatcaca catggagcct tcattcgggt taatattgca cgatggaggc 1380
 actacgttga agtttgtga cactccggag agcctgtctg gcctctacgt tttgttgtg 1440
 ttttcaatg gacacgtcga ggccgtggca tacacagtcg tgcgacggc cgatcattt 1500
 gtgaatgcta tcgaggagcg tggttccct cctaccgctg ggcagcctcc tgcaacgacc 1560
 aagccgaagg agatcacacc cgtgaacccc ggaaccagcc cattgatccg gtatgccgct 1620
 tggaccgggg ggttggtgc cgtggtgctg ttgtgcctgg ttattttct tattgttacg 1680
 gcgaaaagga tgcgggtgaa agcctacaga gtggacaaga gtccctataa ccagtcaatg 1740
 tattacgagg gcttaccagt agatgattc gaggattcag agagcacgga tactgaagaa 1800
 gaattcggtg atgcatagg tggttcacac gggggatctt ctatacagt gtatattgac 1860
 aaaacccga 1869

Número de secuencias (ID): 137

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacag tacaacagcc cgtggtgggc gtacttatgg ggttcgggat tattactggt 60
 acattgagga ttactaatcc agttcgagct tctgtcctcc gctacgatga ttccacatt 120
 gacgaggaca agctggacac taactcgggtc tatgagccat actatcacag cgatcacgct 180
 gagtcatctt ggtgaacag gggagagtca tcaaggaagg cctatgatca caactccccg 240
 tacatatggc cgagaaatga ctacgatggc tttctggaga atgctcacga acatcacggt 300
 gtgtataacc agggccgggg cattgatagc ggagaacgcc tgatgcagcc aaccagatg 360
 tctgcgcagg aggatctggg tgatgataca ggtatccatg ttatccctac ccttaatggg 420
 gatgacaggc aaaaaatcgt taacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gtttaaaggc 480
 gatctgaatc cgaagcccca gggacagagg ctgatcgagg tgtccgttga ggagaaccac 540
 ccttttacct tgcgtgcacc gattcagcgg atctatggcg tgaggtagac ggagacttgg 600

tcattcctgc ctagcctgac ctgcacaggg gacgccgccc ctgctatcca gcacatctgc 660
 ttgaagcata cgacctgttt tcaggacgtg gtggtggatg tagactgcgc cgagaacacg 720
 aaggaggatc agctggccga aataagctat aggttccagg gaaagaagga agctgaccag 780
 ccatggatcg tggtaaacac ttctactctc tttgatgagc ttgagctcga tccaccagag 840
 atcgagccag gagtccctcaa ggtgctgcgc acagagaagc agtacctgg agtgtatc 900
 tggaaatgc gtggcagtga cggtagctcc acctacgcaa cctttctggg gacctggaag 960
 ggagacgaga agacccgaaa tcctacgccg gcagtgaccc cacagccccg cggggcagaa 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctacgtg ttcagcgtgg gagacacttt cagcctagcc 1080
 atgcacctcc aatacaagat ccacgaagcc ccttcgac tactcctga gtggctgtat 1140
 gttctatcg atcctactg tcagccgatg aggctgtaca gtactgcct ataccatccc 1200
 aatgtccgc agtgtttatc tcatatgaac tccggatga cgttcaccag cccacatctc 1260
 gccagagag tggctagcac ggtatacaa aactgcgagc atgtgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctg gtatatcaca catggagcct tcattcgggc taatactga tgacggagga 1380
 accacgtga aattgttga cacacccgag agcctgtctg gttgtacgt gttgtggtc 1440
 tatttcaatg gacacgtaga ggccgtggca tacacagtgg taagcacctg tgatcacttt 1500
 gttaatgcaa tcgaggagcg tggttccct cctacggctg ggcagcctcc tgccactaca 1560
 aagccaaagg agatcacacc cgtgaatccc ggaaccagcc cattgattcg gtatgcagct 1620
 tggaccgggg gcttggcagc tgcgtgctg ctctgcttgg ttattttct gatctgcact 1680
 gccaagcgca tgcgggttaa agcctacagg gtggacaaaa gtcctataa tcagtcaatg 1740
 tattatgcgg gctgcctgt agatgattc gaagacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgcatagg tggctcacac ggcgggtcat catatacagt gtatatgat 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 138

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacag tgaacaaacc cgtagtgggc gtacttatgg ggttcgggat catcacgggt 60

acattgagga taactaatcc ggtgcgggct tccgtcctgc gctatgatga tttcacata 120
 gacgaggaca agctcgatac aaactcgggt tatgagccat actatcacag cgatcatgct 180
 gagtcaagct gggatgaatag gggagagtct agccggaagg cctacgacca caactccccg 240
 tatatatggc ccagaaatga ctatgatggc ttcttgaga atgctcacga acatcacggt 300
 gttataacc agggccgagg catcgattcc ggcgagaggc tgatgcagcc cagcgagatg 360
 tctgcgcagg aagacctagg agatgacact ggtatccatg taatccctac ctgaacggg 420
 gacgacagac acaaaattgt gaatgtgat cagcgccaat acggtgacgt gttcaagggc 480
 gatctgaacc caaagcctca ggggcagagg ctgatcgagg tgagcgtcga ggaaatcac 540
 ccgtttacct tgcgggcacc tattcagcga atctatggag taaggtagac ggagacatgg 600
 tctttctgc ctctctgac ctgcacaggg gatgccgcgc cggccatcca gcacatctgc 660
 ctaagcata ccacatgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tggattgtgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggctga aataagttac aggtccagg gaaaaaagga agctgatcaa 780
 ccatggatag tggatgaatc ttctaccctc ttgacgaac ttgagctgga tccacctgag 840
 atcgagcccc gagtgctcaa ggtgctgcgc acagagaagc agtacctggg ggtgtatatc 900
 tggaaatgc gtggctctga cggactctg acttacgcta ctctctggt gacatggaaa 960
 ggggacgaaa agacaagaaa tcccaccccg gctgtgactc cacagcctcg ggtgcggag 1020
 ttccatatgt ggaattacca ttcacatgtg tttagcgtgg gcgatacctt tagcctagcc 1080
 atgcacctcc agtacaagat tcacgaggcc ccattcgatt tgctcctgga atggttgtat 1140
 gttcctatcg accctacttg tcagccgatg agactgtata gtacatgtct ttaccatcct 1200
 aatgctcctc agtgtttatc tcacatgaac tccgatgta catttactag tccacatctc 1260
 gccagagag tggctagcac agtataccag aactgcgagc atgtgacaa ctataccgcc 1320
 tactgccttg gtatatcaca catggagcct agcttcgggc tcatcctgca tgacggcggc 1380
 actacgtga aattgtcga cactcccgaa agcctgtctg gcctctacgt tttgtgtc 1440
 tatttaacg gccatgtcga ggcagtggca tacactgtgg ttgcactgt ggatcacttt 1500
 gtgaatgcca ttgaggagcg tggttccct cctaccgagg ggcagcccc ggctactacc 1560
 aagccaaagg agatcacacc cgtgaacccg ggaaccagcc cttgatccg gtatgccgca 1620
 tggaccggcg gcttggcagc ggtcgtgctg ctatgcctgg ttatatattt aattgcacc 1680
 gccaagcgaa tgcgggttaa ggcctacagg gtggacaaga gtcctataa ccagtcaatg 1740
 tactatgctg gcctcccagt ggacgattc gaggacagcg agagcaccga cacggaggag 1800
 gagtttgga atgctatcgg aggatcacat ggcgggtcta gttatacagt ttatatcgac 1860
 aaaacccgc

Número de secuencias (ID): 139

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggaactg tgaacaaacc agtggtcggc gtgcttatgg gggtcggaat catcacaggc 60
actttgcgga ttactaacc agttagagct tccgtcctga gatacgatga ctttcatata 120
gatgaggaca aactggacac aaattcggtt tacgagccct actatcacag cgatcacgct 180
gagtcactct gggatgaatcg cggtagagtct tccaggaagg cttatgacca caactccccg 240
tacatctggc caagaaacga ttacgacggg ttctggaga acgctcacga acatcacggt 300
gtgtataacc agggccgagg catcgatagc ggagagaggc tgatgcagcc aacgcagatg 360
tctgcgcagg aggaccttgg ggatgacact ggtatccacg tcatccaac cctgaacggg 420
gacgatcggc aaaaaatcgt taacgttgat cagcgccaat atggtgacgt gttcaaggga 480
gacctgaatc cgaagccaca agggcagaga ctgatcgagg ttccgctga ggaatacac 540
ccatttacct tgcgggctcc gattcagcga atctatgggg ttcatatac ggagacatgg 600
tcatttctgc cctcacttac ttgcaccggg gacgccgctc ctgctataca gcacatttgt 660
ctgaagcaca ccacgtgctt ccaggacgtg gttgtggatg tagactgtgc cgagaataca 720
aaggaagatc agctggctga aataagctac aggtttcaag gaaagaagga ggccgatcaa 780
ccatggatcg tggatgaacac ttctactctg ttgacgagc ttgagctcga tccgcctgag 840
atcgagcccg gggttttgaa ggtgctgctc acagagaagc agtacctggg agtttatac 900
tggaacatgc gtggcagcga cgggacatct acctatgcta ctttcttggg gacatggaag 960
ggggacgaaa aaacccgaaa tctacccct gcagtgactc ctcagcctcg gggggcagag 1020
tttcatatgt ggaattacca ttctcatgtc tttagcgtag gagatacgtt cagcctagcc 1080
atgcatctcc agtataaaat tcacgaggcc ccattcgatc tgctcctgga atggctgtat 1140
gtgccaatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtata gtacatgtct ttaccatccc 1200
aatgctccac agtgcttgag ccacatgaat tccggatgta ctttactag ccctcacctc 1260
gctcagagag tggccagcac agtataccag aattgcgagc atgctgacaa ctatacagcc 1320
tactgtcttg gtatatcaca catggagcca tcttcgggc tcatactgca tgacggaggc 1380
actacgttga aattgttga cactcccgaa agcctgtctg gcctctacgt tttgtggtt 1440

```

tatttcaatg gacacgtcga agcagtggcc tacacggtgg tcagcaccgt tgaccacttt 1500
 gtgaatgcga tcgaggagcg tggtttcccg cccacggcgg ggcagcccc tgccacaacc 1560
 aagccaagg agatcacacc tgtgaacccc ggaacctcac ccttgatccg ttatgccgcg 1620
 tggaccggag gcttggctgc cgtgggtgctg ctttgccctgg ttatattttt aatctgcacc 1680
 gccaaacgga tgcgggttaa agcctacagg gtggacaaaa gtcctataa tcagtcaatg 1740
 tactatgctg gcttgccctgt ggatgatttt gaagacagcg aaagcaccga caccgaggaa 1800
 gaatttgga atgccattgg tggttctcac ggtgggagct catatacagt gtatatcgat 1860
 aaaacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 140

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcacag tgaataaacc cgtggtgggc gtacttatgg ggttcggaat cataacaggt 60
 acattgagga tcactaatcc agtccgcgct tctgtgttaa gatatgacga tttcatatc 120
 gacgaggaca agctggatac aaactcgggt tacgagccgt actaccacag cgatcacgct 180
 gaatcttctt gggccaatag gggagagtct tcccgaagg cttacgacca caattcccct 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggc ttctggaga acgcccacga gcatcacggt 300
 gtgtataacc agggacgagg tatcgattcc ggcgaaagac tgatgcagcc taccagatg 360
 tctgctcagg aggacctggg agatgacact ggtatccatg tcatccaac cctgaacggg 420
 gacgatcggc acaaaatcgt taatgttgat cagcgtcagt acggcgacgt gttcaaaggc 480
 gatctgaatc ccaaaccaca agggcagagg ctaatcgagg tgcagtga ggaaaatcat 540
 ccttttacct tgagagcacc gattcagcgg atctatggag taaggatatac tgaaacatgg 600
 tctttctgc ctacgtgac ttgtaccggg gacgcagccc cggctataca gcatatctgt 660
 ctaagcata cgacctgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tagactgcgc cgagaatata 720
 aaggaagatc agctggctga gatcagctat aggttccaag gaaagaagga ggcagaccaa 780
 ccctggatcg tggtaacac ttctactctc ttgacgagc ttgagctga cccaccggag 840
 atcgagcccc gagtcctcaa agtgcctcgc acagagaagc agtacttggg ggtgtatatc 900

tggaatatgc gtggcagcga cggtagctcc acctacgcta ctttctggt gacatggaag 960
 ggggatgaaa aaacccgaaa ccctaccct gctgtgactc cacagcctag aggggcagag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg ttagcgtgg gcgatacctt cagcttggcg 1080
 atgcactgc agtacaaaat tcacgaggcc ccctcgatc tcctctgga gtggtgtat 1140
 gtcccgatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtaca gtacatgtct ttaccatcct 1200
 aacgctcccc agtgtttata tcataagaac tcaggatgta ctttacttc tccacatctc 1260
 gccagagag tggcgagcac agtataccag aactgcgagc atgtgacaa ctatacagca 1320
 tactgccttg gtatatcaca catggagcct tcattcgggc ttatactgca tgacggaggc 1380
 actacgtga agttgttga tactccggag agcctgtctg gcctgtatgt tttgtgtg 1440
 tacttcaatg ggcacgtgga ggccgtggca tacacagtgg tcagcacggt cgatcacttt 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg cgggttcct cctacggcgg ggcagccgcc tgctaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacacc cgtgaatccc ggaaccagcc cctgatccg gtatgccgct 1620
 tggaccggtg gattggcagc tgcgtgttg cttgcctgg ttattttctt aatctgcacc 1680
 gctaagcgca tgcgggttaa agcctatagg gtggacaaaa gtcctataa ccagagcatg 1740
 tactatgccg gcctccctgt tgatgattc gaagatagcg agtctacgga caccgaagaa 1800
 gaattggga acgccatagg aggtccac ggccgatctt cttatacggg gtacatcgat 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 141

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaactg tcaataagcc tgtggtggc gtgcttatgg gcttcgggat catcacggg 60
 actttgagga ttactaatcc agtccgagct tccgtgctga gatatgatga ttccatata 120
 gatgaggaca agctggatac aaattcggtc tacgagccat actatcacag cgaccacgct 180
 gagtcatcct ggggtaacag gggagagtcg agtcggaagg cttatgacca taactccca 240
 tacatttggc ctcggaatga ttacgatggc tttctggaga atgcccacga acatcacggg 300
 gtgtataacc agggcagggg catcgatagc ggcgaaaggc tgatgcagcc caccctaatg 360

tcagcgagg aggatctggg agatgacact ggtatccatg tcatccctac actgaacggg 420
 gacgatcgac acaaaatcgt taacgtcgat cagcgccaat acgggggacgt cttcaaaggc 480
 gatctgaacc cgaagcctca agggcaaagg ctgatcgagg tgtccgttga ggagaatcac 540
 ccattcacct tgcgggcccc gattcaacgg atctacggag tgagggtatac cgaaacttgg 600
 tcttttctcc cttcactgac ctgtaccggg gacgctgcac cggccattca gcacatctgt 660
 ctgaagcata cgacctgctt ccaggacgtg gtcgtggacg tagactgtgc cgagaacacg 720
 aaggaggacc agctggctga gataagctac aggttcagg gaaagaaaga ggctgaccag 780
 ccgtggatcg tggtaatac ttctactctc ttgatgagc ttgagttgga tcctcctgag 840
 attgagcctg gagttctcaa ggtgctgcgg acagaaaagc agtaccttgg ggtgtatatc 900
 tgaacatgc ggggctctga cgttacctcc acctatgcta ctttctggt aacttgaaa 960
 ggggatgaaa aaactcgaaa cctacgcct gctgtgactc cacagcctcg tggggcagag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttcagcgtag gtgatacctt cagcctggca 1080
 atgcatttc agtataagat tcacgaggca ccttcgatt tgctcctgga gtggtgtat 1140
 gtccctatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtata gtacatgtct ttaccatccc 1200
 aatgtcccc agtgctgtc acacatgaac agcggatgta cttcacatc tccacatcta 1260
 gccagcgag tggcaagtac agtataccag aactgtgagc atgtgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgtcttg gtatatcaca catggagcct tcattcgggc tcatactgca cgacggaggc 1380
 actacgtga aatttgtgga cactcctgaa agcctgtctg gtctctatgt ttttgtgtg 1440
 tatttcaacg gccacgtgga ggccgtggca tacacagtgg tcagcaccgt ggatcacctt 1500
 gttaatgcaa tcgaggagcg tggtttctt cctacggcgg ggcagccacc tgccacgacc 1560
 aagcccaagg agatcacacc cgtgaacccg ggaaccagcc ccttgatccg gtatgccgct 1620
 tggaccgggg gtttggcagc cgtcgtgctg ctctgtctgg ttatatttt aatctgcacc 1680
 gccaagcgaa tgcgggttaa agcctatagg gtggacaaga gtccctataa ccaatcaatg 1740
 tattatgcag gtctcctgt agatgattc gaagactctg agagtaccga caccgaggag 1800
 gagttcgga atgcatagg aggctcacac ggggggtcct cttacacagt ttacatcgac 1860
 aagacaaga 1869

Número de secuencias (ID): 142

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggaccg tcaacaagcc cgtcgtgggc gtgcttatgg gggtcgggat catcaccggt 60
acactccgca ttactaatcc agtacgagct tcaagtctgc gttatgatga ttccacatt 120
gatgaggaca agctggacac aaacagcgtt tatgagccat attaccacag cgatcacgct 180
gagtcattct ggtcaatag gggcgagctc agccggaagg catacgacca taacagtcct 240
tacatttggc cgcggaatga ttatgatgga ttctggaga atgctcacga acatcacggt 300
gtgtataatc agggtcgagg cattgatagc ggggaaaggc tgatgcaacc aacgcagatg 360
tctgcgcagg aggacctggg cgatgatact ggcatacatg tcatccccac tctgaatggg 420
gacgacagac acaaaattgt taacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gtttaagggc 480
gatctgaacc ctaagccaca aggccagagg ctgatcgagg tgtctgtaga ggaaaatcac 540
ccgtttacc tgcgggcacc tattcagcgg atctacggag tgagggtatac ggaaacatgg 600
tctttctgc cttctctgac ctgcaccggg gacgctgccc cggctataca gcacatctgt 660
ctgaagcata caacctgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tcgattgcgc cgagaacaca 720
aaggaggatc agctggctga aataagctac aggttcagg gcaagaagga ggctgaccag 780
ccatggattg tgggaacac atccactctg ttcagcagagc ttgagctaga tccacctgag 840
atcgagcccg gagtttcaa ggtgctgcgg accgagaagc agtatcttgg ggtgtatc 900
tggaacatgc gtggctctga tggcacaagc acgtacgcta cgtttctgt gacatggaag 960
ggggacgaaa agacccggaa tccgaccctt gctgtgactc cccagcctcg tggcgagag 1020
ttccacatgt ggaattatca tagccatgtg ttcagcgtgg gagatacctt cagcctagcc 1080
atgcactccc aatacaagat tcacgaggcc ccattcgatc tactcctgga atggttgtat 1140
gttctatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtaca gtacctgtct gtaccatccc 1200
aatgtcccc agtgtttaag tcatatgaac tctggatgta ctttactag tccacatctc 1260
gcacagagag tggccagcac agtatatcag aactgcgagc atgctgacaa ctataccgcc 1320
tactgtctgg gtataagcca catggagcct tcattcgggc tcatacttca tgacggaggg 1380
actacattga agtttgtga cactccagag agcctgagtg gcttatacgt gtttgttg 1440
tattttaatg ggcacgttga ggccgtggct tacacagtgg tcagcacggt cgatcacttt 1500
gtcaatgcca tcgaggaacg tggttcccc cctacggcgg ggcaaccacc cgctacgacc 1560
aagccaagg agatcacacc cgtgaacccc ggaacaagcc cttgatccg ctatgccgcc 1620
tggacggggg gcttggcagc cgttgtctg cttgcctgg ttatattctt aattgcacc 1680
gccaaacgca tgcgagttaa agcttacaga gtggacaaga gtccatataa ccagagtatg 1740

```

tattatgcgg gcctcccggt agatgatttc gaggatagcg agtctaccga tacggaggag 1800
 gagtttgga atgctatagg cgggtcacac ggcgggtctt cttatacagt gtatatagac 1860
 aagactcgc 1869

Número de secuencias (ID): 143

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcacag tcaataaacc tgtggtgggc gtgctcatgg gcttcggaat catcaccggg 60
 acattaagga ttaccaatcc tgtccgagcc tccgttctgc gctatgatga cttcacata 120
 gatgaggaca agctggacac caactcgggt tacgagccat actatcatag cgatcatgcc 180
 gagtctctt gggatgaacag gggagagtct tcccgaaag cttatgacca caatagccc 240
 tacatttggc cgcgaaatga ctatgatggc ttctggaga atgctcatga acatcacgg 300
 gtgtataatc agggacgagg catagatagc ggcgaaaggc tcatgcagcc aacacagatg 360
 tctgcgcagg aggacctggg agatgacact gggatccatg tcatccctac cctgaacggg 420
 gacgaccggc ataaaatcgt taacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gttcaagggc 480
 gatctgaatc cgaagcccca ggggcagagg ctgattgagg tgtcgggtgga ggaaaatcat 540
 cccttcatat tgcgcgcacc catacagcgg atttacggag tgaggtatac ggagacatgg 600
 tcttttctgc cctctctgac ctgcaccggg gacgccgccc cggctatcca gcacatctgt 660
 ctgaagcaca ctacctgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tggactgctc cgagaacaca 720
 aaggaggacc agctggctga gataagctat aggttccaag gaaagaagga agctgaccaa 780
 ccttggatcg tggatgaacac ttctactctc ttgatgagc tcgagctgga ccacactgag 840
 atcgagcccc gagtttcaa ggtcctgctc acagaaaagc agtatttggg ggtgtatatc 900
 tggaacatgc gcggcagtga cgggacatcc acatacgcta ctttctggt cacctggaag 960
 ggggatgaaa aaaccgaaa tcctacccca gcagtgactc cacagcctcg tggcgagag 1020
 ttacatgtt ggaattatca ttccatgtg ttacgcgtgg gggatacatt cagcctggcg 1080
 atgcacctcc aatacaaaat ccacgaggcc ccatttgatc tactcctgga gtggtgtat 1140
 gtgcctatcg accccacatg tcagccgatg agactgtatt caacatgtct ttacatcca 1200

aatgctccac agtgtttatc ccatatgaac tcaggggtgta cttttaccag tccccatctc 1260
 gctcagcggg tggccagtac ggtataccag aactgcgagc atgctgacaa ctatacagcc 1320
 tactgtcttg gtatctcaca tatggagcct tcattcgggc tgatcctgca cgacggaggc 1380
 accacgttga agtttgttga cactcccag agcctctcag gtctgtatgt gtttgtgga 1440
 tatttcaatg gacacgttga agccgtggca tacacagtag tgtctacggt cgatcacttt 1500
 gtgaacgcta tcgaggagcg tggttccct cctacggcgg gccagcctcc agccacaacc 1560
 aagcctaagg agatcacacc cgtgaacccc ggaactagcc cttgatacg gtatgccgct 1620
 tggaccgggg gtctggcggc tgtggtgctg ttatgtctgg ttatatttt gatctgcacc 1680
 gctaagcga tgccgggtgaa ggcctatagg gtagacaaaa gtccatataa ccagtcaatg 1740
 tattatgccg gcctcccgt agatgatttt gaggacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcgga acgctatagg gggctctcat ggcgggagtt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgc 1869

Número de secuencias (ID): 144

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaacgg tcaacaagcc cgtggtgggg gtgcttatgg ggttcgggat catcaccggt 60
 aactgagga ttactaatcc agtccgagct tcagtcctga ggtacgatga tttcacatt 120
 gacgaggaca aactggacac aaatagcgtg tacgaacctt actatcacag cgaccacgct 180
 gagtcatcat gggtaacag gggagagagt agccggaagg cttatgacca taactcccc 240
 tacatttggc ccagaaatga ctatgacggc ttcttgaga acgctcacga acatcatggt 300
 gtgtataatc aggggcgagg gatcgattcg ggcgaaaggc tgatgcagcc aacacagatg 360
 tctgcgcagg aggacctggg cgatgataca ggtatccatg tcatccaac cctgaacggg 420
 gacgaccggc acaaaatcgt taacgtcgat cagcgccaat atggtgacgt gttcaagggc 480
 gatctgaatc cgaaaccaca ggggcagagg ctgatcgagg tatccgttga ggaaaatcac 540
 cctttcacc tgccgggcacc gattcagcgg atctatggag tgaggtagac agagacttgg 600
 tcctttctgc catctctgac ctgtaccggg gacgtgccc ccgctatcca acacatctgc 660

ctgaagcaca cgacctgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tagattgctg cgagaacaca 720
 aaggaggatc agctcgctga gatcagctac aggttcagg gaaagaagga agctgaccag 780
 ccatggatcg tggtaacac ttctactctc ttgatgaac ttgagctaga ccctcctgag 840
 atcgagcccg gagtttcaa ggtgctccgc acagagaagc agtacctggg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gtggaagcga tggtaacctc acatacgcta ctttctggt tacctggaag 960
 ggtgacgaaa agacccgaaa tcctaccct gcggtgactc cacagcccg cggggcagag 1020
 ttacatgtt ggaattatca ttctcatgtg ttacgctag gggatacctt ctctctagcc 1080
 atgcatctcc aatacaagat tcacgaggcc ccttcgatc tactcctgga gtggtgtat 1140
 gtaccaatcg atcctactg tcagccgatg agactgtatt cgacatgtct ctaccacct 1200
 aatgctctc agtgtttaag ccacatgaat tccggatgta cgttactag tccacatctg 1260
 gccagagag tggccagtac cgtataccag aattgcgagc atgctgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgttag ggatatccca catggaacct tcttcgggc tgatttgca tgacggaggc 1380
 actacttga agttgtga cactccgaa agcctgtcgg gcctatacgt tttgtggt 1440
 tactcaatg gacatgtcga ggcggtggct tacacggtg tgtctacgt agatcattt 1500
 gtgaatgcaa tcgaggagcg tggtttct cctacggcg ggcagcccc tgccaccaca 1560
 aagccaaagg agatcacacc cgtgaaccg ggaaccagcc ccttgatccg gtatgcagct 1620
 tggaccgggg gcttggcagc tgcgtcctg cttgtctgg tcatatttt aatctgacc 1680
 gccaagcgga tgcgggttaa agcataccga gtagataagt cccctacaa ccagtccatg 1740
 tactatgagg ggctgcctgt ggatgattt gaagactccg agagcacgga caccgaggag 1800
 gagtttgaa acgcatagg aggatcacat ggagggtctt ctatactgt ttatcgcac 1860
 aaaacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 145

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtaccg ttaataaacc cgtggtggga gtgcttatgg gtttgggat catcactggt 60
 acattgagga ttactaatcc agtgcgagct agtgtcctga gatacgatga ttccacatt 120

gatgaggata agctggatac aaactcgggt tatgagccat actatcacag cgatcacgct 180
 gaggatctt ggggtaacag gggagagtct agccggaagg cttacgacca taactccccg 240
 tatatatggc cccgaaatga ttatgatggg ttctggaaa acgctcacga acatcacggt 300
 gtgtataacc agggccgagg catcgatagc ggtgaaaggc tgatgcagcc taccagatg 360
 agtgcgcagg aggacctggg agatgacact ggtatccacg tcattcctac cctgaacggg 420
 gacgatcggc ataaaatcgt caacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gttcaagggc 480
 gatctgaacc ctaaaccaca agggcagagg ctgatcgaag tgtccgtga ggagaatcac 540
 ccgtttacct tgcgggcacc gattcagcgg atctacggag tcaggtatac ggagacttg 600
 tcttctcgc cttctcgc ctgcaccggg gacgcccgc cggtatata gcacatctgt 660
 ctgaagcata ctacctgtt ccaggacgtg gtcgtcgatg tagattgagc cgagaacact 720
 aaggaggatc agctggcaga gataagctac aggtccagg gaaagaagga agctgaccag 780
 ccatggatcg tggtaacac ttctactctc ttgacgagc ttgagctgga tctcctgag 840
 atcgagcccc gagtgctcaa ggtgtgagc acagagaagc agtacctggg ggtgtatatc 900
 tggaaatgc gtggctctga cgttacaagt acctacgcta cttcctggt gacatggaag 960
 ggggacgaga aaacccgaaa ccctaccccc gctgtcact cacagcctcg tggggcagag 1020
 ttccatctg ggaattatca ttctatgct ttagcgtag gagacacct tagcctagcg 1080
 atgcatctcc agtacaagat tcacgaggcc ccattcgatc tactcctgga atggcttat 1140
 gttcctatcg atcctactg tcagccgatg agactgtatt ctacatgtct gtaccatccc 1200
 aatgtcccc agtgtttatc tcacatgaac tccggttgta ctttactag tccacatctc 1260
 gccagagag tggccagcac agtataccag aactgcgagc acgcccagaa ctatcggcc 1320
 tattgtctgg gtatatcaca catggagccc agttcgggc tcactctgca tgacggagga 1380
 acaacgctga agttcgtaga tactccgga agcttatctg gcctctacgt ttctgtgga 1440
 tattcaatg gacacgtcga ggccgtagca tatacgtgg tgagcaccgt tgaccactc 1500
 gtgaatgcga tcgaggagcg tggattccct cctacggcgg ggcagcctcc tgccacgacc 1560
 aagcccaagg aatcacacc cgtgaacccc gggaccagcc cttgattcg gtatgctgct 1620
 tggaccggcg gcctgcagc tgtgtgtctg cttgtctgg ttatctctt gatctgcacc 1680
 gccaaacgca tgcgggttaa agcctacagg gtggataaaa gtcctataa ccagtcaatg 1740
 tactacgccg gactcccggt agatgattc gaagacagcg agagcaccga taccgaggag 1800
 gaggtcgga acgcatcgg aggtagccac ggcgggtctt cttatacagt gtatatagac 1860
 aagaccgc

1869

Número de secuencias (ID): 146

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, ARN genómico

> organismo: Virus de varicela zóster

Residuos:

```

atggggacag ttaataaacc tgtggtgggg gtattgatgg ggttcggaat tatcacggga 60
acgttgcgta taacgaatcc ggtcagagca tccgtcttgc gatacgatga tttcacatc 120
gatgaagaca aactggatac aaactccgta tatgagcctt actaccattc agatcatgcg 180
gagtcttcat gggtaaatcg gggagagtct tcgcgaaaag cgtacgatca taactcacct 240
tatatatggc cacgtaatga ttatgatgga ttttagaga acgcacacga acaccatggg 300
gtgtataatc agggccgtgg tatcgatagc ggggaacggt taatgcaacc cacacaaatg 360
tctgcacagg aggatcttgg ggacgatacg ggcattccacg ttatccctac gttaaacggc 420
gatgacagac ataaaattgt aaatgtggac caacgtcaat acggtgacgt gtttaaagga 480
gatcttaatc caaaacccca aggccaaaga ctattgagg tgctagtgga agaaaatcac 540
ccgtttactt tacgcgcacc gattcagcgg atttatggag tccggtacac cgagacttgg 600
agcttttgc cgtcattaac ctgtacggga gacgcagcgc ccgcatcca gcatatatgc 660
ttaaatacata caacatgctt tcaagacgtg gtggtggatg tggattgcgc ggaaaatact 720
aaagaggatc agttggccga aatcagttac cgttttcaag gtaagaagga agcggaccaa 780
ccgtggattg ttgtaaacac gagcacactg tttgatgaac tcgaattaga ccccccgag 840
attgaaccgg gtgtcttgaa agtacttcgg acagaaaaac aatacttggg tgtgtacatt 900
tggaacatgc gcggctccga tggtagctct acctacgcca cgtttttggc cacctggaaa 960
ggggatgaaa aaacaagaaa ccctacgccc gcagtaactc ctcaaccaag aggggctgag 1020
tttcatatgt ggaattacca ctgcgatgta tttcagttg gtgatacgtt tagcttgga 1080
atgcattctc agtataagat acatgaagcg ccatttgatt tgctgttaga gtggttgat 1140
gtcccatcg atcctacatg tcaaccaatg cggttatatt ctacgtgttt gtatcatccc 1200
aacgcacccc aatgcctctc tcatatgaat tccggttgta catttacctc gccacattta 1260
gcccagcgtg ttgcaagcac agtgtatcaa aattgtgaac atgcagataa ctacaccgca 1320
tattgtctgg gaatatctca tatggagcct agctttggc taattttaca cgacgggggc 1380
accacgttaa agttttaga tacacccgag agttgtcgg gattatacgt tttgtggtg 1440
tattttaacg ggcatgtga agccgtagca tacactgttg tatccacagt agatcatttt 1500

```


gtaaacgcaa ttgaagagcg tggatttccg ccaacggccg gtcagccacc ggcgactact 1560
 aaaccaagg aaattacccc cgtaaaccac ggaacgtcac cacttatacg atatgccgca 1620
 tggaccggag ggcttgcagc agtagtactt ttatgtctcg taatatTTTT aatctgtacg 1680
 gctaaacgaa tgaggggttaa agcctatagg gtagacaagt ccccgataa ccaaagcatg 1740
 tattacgtg gccttcaggt ggacgattc gaggactcg aatctacgga tacggaagaa 1800
 gagtttgga acgcgattgg agggagtcac ggggggtcga gttacacggt gtatatagat 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 147

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggagagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 ccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tccttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgcatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcactg ttgacgagc tggaactgga cctcctgag 840
 attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca ccttctggt cacatggaag 960

ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgccgag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgctcccc agtgccctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcggca acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 148

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttctggaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcatccacg tgatccccac cctgaacggc 420

gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 cccttcaccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctcgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgccatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttcagcagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gcgctgtgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacac 900
 tgaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agaccgcaa cccaccccc gccgtgacc ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtg gcgacacct cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaac gccacgtgga ggccgtggcc tacacctgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgcc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgca tgcgcgtgaa ggctaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcccgt ggacgacttc gaggacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcggca acgcatcgg cggcagccac ggcggcagca gctacaccgt gtacatcgac 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 149

Longitud: 1638

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1638

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
acctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgtga gatacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccag tgatccccac actgaacggc 420
gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaatc ctaagccta gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacattgc 660
ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga cctcctgag 840
attgaacccg ggtgtctgaa ggtgtgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgccgag 1020
ttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgtgga atggctgtac 1140
gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatacccc 1200
aacgctccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agctcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
aagcctaaag aatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
tggacaggcg gactggct

```

1638

Número de secuencias (ID): 150

Longitud: 1638

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1638

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccac tgatccccac cctgaacggc 420
gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
cccttcccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgcgcgcc ccgcatcca gcacatctgc 660
ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
tgaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacc cccagccccg cggcgccgag 1020
ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgctgga gtggctgtac 1140
gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcgggtgca ccttcaccag cccccacctg 1260
gcccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500

```

gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccg gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc cctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggcc 1638

Número de secuencias (ID): 151

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcacccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 ccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga cctcctgag 840
 attgaacccg gggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgccgag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200

aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctctg gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca cagagcatg 1740
 tacgccgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcggca acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 152

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccac tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 ccttcaccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgtacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660

ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgctc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttcagcagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgtctgct accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaaatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagctgg gcgacacct cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacgc accccacctg ccagccatg cgcctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaac gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgcc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcttgcccg cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgca tgcgcgtgaa ggctaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tacgccgccc gctgcccgt ggacgacttc gaggacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gagttcgga acgccatcg cggcagccac ggcggcagca gctacaccgt gtacatcgac 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 153

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120

gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacattgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgagc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggtgtctgaa ggtgtgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcaccac 1200
 aacgtcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgcccagaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agcctggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tac

1743

Número de secuencias (ID): 154

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccag tgatccccac cctgaacggc 420
gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
cccttcccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660
ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgctccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttcgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
tgaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttcttgt gacctggaag 960
ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacc cccagccccg cggcgccgag 1020
ttccatgtt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacct cagcctggcc 1080
atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgctgga gtggctgtac 1140
gtgccatcg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
gcccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccc gccagcccc cgccaccacc 1560
aagccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620

```

tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcgca tgcgcgtgaa ggcctaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tac 1743

Número de secuencias (ID): 155

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743
- > mol_type, otro ARN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcatccacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 ccttcaccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgctccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcacctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gcggtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacct cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200

aacgcccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccg gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc cctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgattttcct aatatgcacc 1680
 gccaagcgca tgcgcgtgaa ggctaccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tac 1743

Número de secuencias (ID): 156

Longitud: 1614

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1614

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggg 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttcacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcacccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 ccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780

ccttgatcg tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgtcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atac 1614

Número de secuencias (ID): 157

Longitud: 1614

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1614

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttctggaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcacccacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540

cccttcaccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctcgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgccatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttcgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccc gcgctctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagctggg gcgacacctt cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc cccttcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacgc accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcacagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcacctg ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgcc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctac 1614

Número de secuencias (ID): 158

Longitud: 1824

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1824

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 acctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgcccacga gcaccacggc 300

gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga agagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtgggtggatg tggactgcmc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcgt tggtaaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggggtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccatctgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacgt atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcccc 1200
 aacgtcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgcccacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaacctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtgggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt gggaaatgcc atcggaggat ctacggcgg cagcagctat 1800
 accgtgtaca tcgacaagac ccgg 1824

Número de secuencias (ID): 159

Longitud: 1824

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1824

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcatccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga agagaatcac 540
 ccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgtatac cgagacatgg 600
 tccttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgcatcca gcacattgc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtgggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcactg ttcgacgagc tggaactgga cctcctgag 840
 attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca ccttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacct tagcctggcc 1080
 atgcactgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatacccc 1200
 aacgctccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaac gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgt 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgtctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggccgcccaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740

tactacgccg gcctgcctgt gggaaatgcc atcggaggat ctacggcgg cagcagctat 1800
 accgtgtaca tcgacaagac ccgg 1824

Número de secuencias (ID): 160

Longitud: 1824

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1824

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcctggaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 cccttcccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggatgaacac cagcacctg ttcgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaaatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacct ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacctt cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtccttag ccacatgaac agcggctgca ccttaccag cccccacctg 1260

gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggttcccc cccaccgccg gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgca tgcgctgaa ggccgcccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcccgt gggcaacgcc atcggcggca gccacggcgg cagcagctac 1800
 accgtgtaca tcgacaagac ccgc 1824

Número de secuencias (ID): 161

Longitud: 1719

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1719

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccagggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccag tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
 cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780

ccttgatcg tggtaaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgaccc ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcacccc 1200
 aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtgggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaag aggcctccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggccgccaga gtggacaag 1719

Número de secuencias (ID): 162

Longitud: 1719

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1719

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacccgc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcatccacg tgatccccac cctgaacggc 420

gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 cccttcaccc tgcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctcgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgccatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgcttcagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gcgctgtgaa ggtgctgcgc accgagaagc agtacctggg cgtgtacac 900
 tgaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agaccgcaa cccaccccc gccgtgacc ccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacct cagctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccc agtgctgag ccacatgaac agcggctgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgaaa ctacaccgcc 1320
 tactgctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
 accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaac gccacgtgga ggccgtggcc tacacctgg tgagcaccgt ggaccactc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgcc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc ccctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgca tgcgctgaa ggccgcccgc gtggacaag 1719

Número de secuencias (ID): 163

Longitud: 1719

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1719

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtcgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60

accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggcc agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
 gagaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct gggtaacag aggcgagtc agccggaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgacggc ttcttgaaa atgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc caccagatg 360
 agcgcccagg aagatctggg cgacgacacc ggcattccacg tgatccctac cctgaacggc 420
 gagcaccggc acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggacagcgg ctgattgagg tgtccgtgga agagaaccac 540
 ccttcaccc tgagagcccc tatccagcgg atctacggcg tgcgtatac cgagacttg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgtactggc gacgccgctc ctgcatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgtt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgcgc cgagaacacc 720
 aaagaggacc agctggccga gatcagctac cggttcagg gcaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tcgtgaacac cagcaccctg ttcgacgagc tggaactgga cctcccgag 840
 atcgaacccg ggggtctgaa ggtgctgcgg accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaacatgc ggggcagcga cggcacctct acctacgcca ccttctcgt gacctggaag 960
 ggcgacgaga aaacccggaa cctaccct gccgtgacc ctcagcctag aggcgccgag 1020
 ttacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgacacct ctcctggcc 1080
 atgcatctgc agtacaagat ccagaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
 gtgcccacg acctacctg ccagccatg cggctgtact ccacctgtt gtaccacccc 1200
 aacgcccctc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcaccag cctcacctg 1260
 gctcagaggg tggccagcac cgtgtaccag aattgcgagc acgcccacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gcatcagcca catggaaccc agcttcggcc tgatctgca cgatggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga caccctgag tcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtccaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaacg gggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcccaaag aaatcacccc tgtgaacccc ggcaccagcc cactgctgcg ctatgctgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtggtgctg ctgtgcctcg tgatttcct gatctgcacc 1680
 gccaagcggg tgagagtga ggcggccaga gtggacaag 1719

Número de secuencias (ID): 164

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgtgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccac tgatccccac actgaacggc 420
gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
ccttgatcgc tggtaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaactgga ccctcctgag 840
attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
ttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
gtgccatcg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatacccc 1200
aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgcccacaa ttacaccgcc 1320
tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggg 1440
tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
gtgaacgcca tcgaggaaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620

```

tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggccgccaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tacgccgccg gctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gaggtcggca acgccattgg aggatctcac ggccggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 165

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgcgg catcgacagc ggccgagcgc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcgcaccag aggacctggg cgacgacacc ggcatccacg tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 ccctcacc ctcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tgcgctacac cgagacctgg 600
 agcttctgc ccagcctgac ctgcaccggc gacgccgccc ccgcatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgccc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgctccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcaccctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctgccc accgagaagc agtacctggg cgtgtacatc 900
 tggaaatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agacccgcaa cccaccccc gccgtgacc cccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacct cagcctggcc 1080

atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgctgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacgc accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgccctgag ccacatgaac agcgggtgca ccttcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatcctgca cgacggcggc 1380
 accaccctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggcc tacaccgtgg tgagcacctg ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttcccc cccaccgccg gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacccc cgtgaacccc ggcaccagcc cctgatccg ctacgccgcc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgcctgg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcgca tgcgcgtgaa ggccgcccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tacgccgccg gcctgcccgt ggacgacttc gaggacagcg agagcaccca caccgaggag 1800
 gagttcgga acgccatcg cggcagccac ggcggcagca gctacaccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 166

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttcacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcceaag aggacctggg agatgatacc ggcattccac tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540

cccctcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgctc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaaacac cagcacactg ttcgacgagc tggaaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg gggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
 atgcactgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgcctgctga atggctgtac 1140
 gtgccatcg atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatcccc 1200
 aacgctccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcgag tggccagcac agtgaccag aattgcgagc acgccgacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaaag aggcctccct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgagagtga ggccgcccga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tac 1743

Número de secuencias (ID): 167

Longitud: 1743

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1743

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcaccggc 60
 accctgcgca tcaccaaccc cgtgcgcgcc agcgtgctgc gctacgacga cttccacatc 120

gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgaccacgcc 180
 gagagcagct ggggtgaaccg cggcgagagc agccgcaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccgcaacga ctacgacggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaacc agggccgagg catcgacagc ggcgagcgcc tgatgcagcc caccagatg 360
 agcggccagg aggacctggg cgacgacacc ggcattccac tgatccccac cctgaacggc 420
 gacgaccgcc acaagatcgt gaacgtggac cagcgccagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaacc ccaagcccca gggccagcgc ctgatcgagg tgagcgtgga ggagaaccac 540
 ccctcaccg tcgcgcccc catccagcgc atctacggcg tcgctacac cgagacctg 600
 agcttctgc ccagctgac ctgcaccggc gacgcccgc cgcctacca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggacg tggactgagc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggccga gatcagctac cgctccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccctggatcg tggtaaacac cagcacctg ttgacgagc tggagctgga ccccccgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa ggtgctgagc accgagaagc agtacctggg cgtgtacac 900
 tgaacatgc gcggcagcga cggcaccagc acctacgcca ccttctggt gacctggaag 960
 ggcgacgaaa agaccgcaa cccaccccc gcctgaccc cccagccccg cggcgccgag 1020
 ttccacatgt ggaactacca cagccacgtg ttacgctgg gcgacacct cagcctggcc 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccacgaggcc ccctcgacc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgcccacg accccacctg ccagcccatg cgctgtaca gcacctgcct gtaccacccc 1200
 aacgcccccc agtgcttag ccacatgaac agcggctgca cctcaccag cccccacctg 1260
 gccagcgcg tggccagcac cgtgtaccag aactgcgagc acgccgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gcatcagcca catggagccc agcttcggcc tgatctgca cgacggcggc 1380
 accacctga agttcgtgga ccccccgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga ggccgtggc tacaccgtgg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggagcg cggcttccc cccaccgccc gccagcccc cgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcaccac cgtgaacccc ggcaccagcc cctgatccg ctacgcccgc 1620
 tggaccggcg gcctggccgc cgtggtgctg ctgtgctgg tgatcttct gatctgacc 1680
 gccaaagcga tcgctgtgaa ggccgcccgc gtggacaaga gccctacaa ccagagcatg 1740
 tac

1743

Número de secuencias (ID): 168

Longitud: 4331

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.4331

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgtgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttcttgaaa atgccacga gcaccacggc 300
gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
agcgcccaag aggacctggg agatgatacc ggcattccac tgatccccac actgaacggc 420
gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcac 540
cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
ctgaagcaca ccactgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcgc cgagaacacc 720
aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaga ggccgaccag 780
ccttgatcgc tggtaacac cagcactg ttcagcagc tggaactgga ccctcctgag 840
attgaacccg ggtgtctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
ttcacatgt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacctt tagcctggcc 1080
atgcatctgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgctgctgga atggctgtac 1140
gtgcccacgc atcctacctg ccagcctatg cggctgtact ccactgtct gtatcacccc 1200
aacgctcccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
gctcagcgag tggccagcac agtgtaccag aattgcgagc acgcccacaa ttacaccgcc 1320
tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggg 1440
tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
gtgaacgcca tcgaggaaaag aggcttcct ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
aagcctaaag aatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgct 1620

```

tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcatcttct gatctgcacc 1680
 gccaagcggg tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggag 1800
 gaggtcggca acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccggg gatgaccctt ctccctccc cccccctaac gttactggcc gaagccgctt 1920
 ggaataaggc cgggtgctgt ttgtctatat gttatttcc accatattgc cgtcttttg 1980
 caatgtgagg gcccggaac ctggccctgt ctcttgacg agcattccta ggggtcttc 2040
 ccctctgcc aaaggaatgc aaggctgtt gaatgtcgtg aaggaagcag ttcctctgga 2100
 agcttctga agacaaaca cgtcttagc gaccttgc aggcagcggg accccccacc 2160
 tggcgacagg tgcctctcg gccaaaagc acgtgtataa gatacacctg caaaggcggc 2220
 acaacccag tgccacgtg tgagttgat agttgtgga agagtcaa ggtctctc 2280
 aagcgtatt aacaagggg tgaaggatgc ccagaaggta cccattgta tgggatctga 2340
 tctggggcct cgggtcacat gctttacatg tgttagtcg aggttaaaaa aacgtctagg 2400
 cccccgaac cacggggacg tggtttctt ttgaaaaa cgaatgataa cttgccaca 2460
 ccatgggcac tgtcaacaag ccggtgttg ggtgctcat ggggttcggc atcatcaccg 2520
 gtacactcag gattacaaat cctgtacgc cgagtgtct gcggtacgac gattccata 2580
 tcatgaaga taagctcgc acgaactccg tgtacgagcc ttattatcat tctgatcatg 2640
 cggagtcgtc atgggtgaat cggggtgagt ctccaggaa ggcttatgat cataacagcc 2700
 catacatat gcctcgtaat gattatgac gcttctgga gaacgcccag gacaccacg 2760
 gtgtctata ccaaggtcga gggatagact ctggggaaag gctgatgcag cctaccaga 2820
 tgcggcaca ggaggacct ggggatgaca ctggcatcca tgcattccc acgtcaatg 2880
 gcgacgacc ccataagatc gtgaatgtg accagcggca gtacggggat gtttcaaag 2940
 gagacctaa ccctaagccc caagggcagc ggtgataga ggtctcgtt gaagaaaatc 3000
 atcccttac tctcgggct cccattcaac gcattatgg ggtccgctat actgagacgt 3060
 ggtccttct gccgtccctg acctgtacg gtgatgtgc cccgctatt cagcatatat 3120
 gcctcaagca tactacttc ttccaggac ttgtgtcga tgcgattgc gctgagaaca 3180
 cgaaggagga tcagttagc gagatttct atcggtcca gggtaaaaag gaggccgatc 3240
 agccgtggat agtggtaac actcaaccc tattcgacg gttgaattg gacctccg 3300
 agatcgaacc cggcgtcctg aaggttctga gaacagagaa gcagtatct ggggtatata 3360
 tctggaatat gcggggcagc gacggcacgt ccacctatg aaccttctg gtgacatgga 3420
 agggcgatga gaagacacgt aacccactc cggctgtgac accacagccg cgaggcgctg 3480
 agttccat gtggaattat cattccatg tattcagtg tggggatag ttctctctg 3540

ccatgcacct ccagtacaag atacacgagg cgcccttga tctttactg gagtggctgt 3600
 atgtccaat cgatcctaca tgtaaccga tgaggttga ttccactgt ttatatcacc 3660
 caaacgctcc tcagtgttg agtcatatga acagtggatg tacctttaca tcaccccatc 3720
 tggcacagag ggtggcctcc acggtctatc agaatttga acacgcagac aactatacag 3780
 cctactgtct ggggatcagc cacatggagc ctgcttcgg gctgatactc cacgacggtg 3840
 ggaccacctt aaagtctgtg gatactccc agtctttgag tggctgtat gtgtttgtgg 3900
 ttattttaa tggacacgtg gaggcgggtg cgtacacggt ggtcagcaca gttgaccact 3960
 tcgtgaatgc catcgaggag cgggggttcc cgcctacggc tgggcaacca cccgctacca 4020
 cgaagcccaa ggagattact cctgtgaatc ctgggacatc acctctatc aggtacgccg 4080
 cgtggaccgg tggcctgcc gcagtgttc ttctgtgtct ggtgatttc ttgatctgca 4140
 ccgcaaagcg gatgcgggtc aaggcttacc gggctgacaa gaggcttac aatcagagta 4200
 tgtactacgc gggcctcccg gtagacgact ttgaggactc tgagtcgacc gacacagaag 4260
 aagaattcgg caacgccatc ggggggagcc atggtggctc ctctacacg gtgtatattg 4320
 ataagaccag g 4331

Número de secuencias (ID): 169

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc tgtgtgggc gtgctgatgg gcttcggcat catcacaggc 60
 accctgcgga tcaccaatcc tgtgcgggct agcgtgctga gatacgacga cttccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagcgtg tacgagccct actaccacag cgatcacgcc 180
 gagtctagct gggtaacag aggcgagagc agcagaaagg cctacgacca caacagcccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctacgatggc ttctggaaa atgccacga gcaccacggc 300
 gtgtacaatc aaggcagagg catcgacagc ggcgagagac tgatgcagcc tacacagatg 360
 agcgcceaag aggacctggg agatgatacc ggcattccacg tgatccccac actgaacggc 420
 gacgacagac acaagatcgt gaacgtggac cagcggcagt acggcgacgt gttcaagggc 480
 gacctgaatc ctaagcctca gggccagcgc ctgatcgagg tgtccgtgga agagaatcac 540

cccttcacac tgagagcccc tatccagaga atctacggcg tgcgctatac cgagacatgg 600
 tcctttctgc ccagcctgac atgtaccggg gatgccgctc ctgccatcca gcacatttgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaggacgtg gtggtggatg tggactgcmc cgagaacacc 720
 aaagaggatc agctggccga gatcagctac cggttccagg gaaagaaaaga ggccgaccag 780
 ccttgatcg tggtaaacac cagcacactg ttcagcagc tggaaactgga ccctcctgag 840
 attgaacccg ggtgctgaa ggtgctgaga accgagaagc agtacctggg agtgtacatc 900
 tggaaatga gaggcagcga cggcacctct acctacgcca cctttctggt cacatggaag 960
 ggcgacgaga aaacacggaa cccacacca gctgtgacct ctcaacctag aggcgcccag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttcagcgtgg gcgatacct tagcctggcc 1080
 atgcactgc agtacaagat ccacgaggcc ccttcgacc tgcctgctga atggctgtac 1140
 gtgccatcg atcctactg ccagcctatg cggctgtact ccacctgtct gtatacccc 1200
 aacgctccc agtgctgag ccacatgaat agcggctgca ccttcacaag ccctcacctg 1260
 gctcagcag tggccagcac agtgaccag aattgcgagc acgcccacaa ttacaccgcc 1320
 tactgtctgg gcatcagcca catggaacct agcttcggcc tgatcctgca cgatggcggc 1380
 acaaccctga agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctgtatgt gttcgtggg 1440
 tacttcaacg gccacgtgga agccgtggcc tacaccgtgg tgtctaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca tcgaggaaaag aggttcctt ccaactgctg gacagcctcc tgccaccacc 1560
 aagcctaaag aaatcacacc cgtgaatccc ggcacaagcc cactgatcag atacgccgt 1620
 tggacaggcg gactggctgc tgtgttctg ctgtgcctgg tcattctct gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgagagtga ggcctacaga gtggacaaga gcccttaca ccagagcatg 1740
 tactacgccg gcctgcctgt ggacgacttc gaggatagcg agagcaccga caccgaggaa 1800
 gagtccgca acgccattgg aggatctcac ggcggcagca gctataccgt gtacatcgac 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 170

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc cgtagtgggg gtctgatgg gggtcgggat catcacgggg 60
 actctgcgga tcactaatcc ggtaggggcc tctgtgctgc gctatgacga ctccacatt 120
 gatgaggata agctggacac aaatagcgta tatgagccat attaccatag cgatcatgct 180
 gagtcttctt gggatgaatag gggtagtct tcccgcaagg cttatgatca caatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcatcatggt 300
 gtttacaacc aggggcgagg aattgacagt ggagagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgctcagg aggatctggg cgacgacact ggtatccatg tgattccgac cttaaacggt 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atggtgatgt gtttaagggg 480
 gatcttaac cttaacctca aggacagagg ttgattgagg tctctgtgga ggaaaatcat 540
 cctttactc tgcgtgcgcc catacagaga atctatggag ttcgatacac cgaaacctgg 600
 tctttctgc ctatctgac atgactggg gacgccggcc cggcgattca gcacatagc 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggatg tggattgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgccga aatctcatc aggtccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctt ttgacgagc tggagctcga tccacctgag 840
 atcgagccag gtgtgctgaa agtgttcgt actgaaaaac agtatctcgg agtttatatt 900
 tgaacatga ggggctctga tggacaagc acatacgcaa cctttctggt gacatggaaa 960
 ggcgacgaga aaactcgtaa cccaccctt gctgtgactc cacagcctcg gggggccgag 1020
 ttacatgtt ggaactacca ttctacgtg tttagtgtg gtgacacatt ttccctcgt 1080
 atgcactgc agtacaagat ccatgaagcc cccttgatc ttctgtgga gtggctctac 1140
 gtgccgatag atccaacttg tcagcccatg aggtgtaca gtacgtgctt gtaccacccc 1200
 aacgcccccc aatgtctgag ccatatgaac tccgggtgca cattcacgtc acccatctt 1260
 gccagcgtg ttgcgtccac ggtgtatcag aactgcgagc acgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgccttg gcattcaca catggaacct agttttggcc tgatcctcca tgacggcgga 1380
 actactctca aattcgtgga taccctgag tctctgtccg gcctgtacgt gttgtgtga 1440
 tacttaacg gccatgtgga ggctgtggcg tacactgtt tgagcactgt cgatcactt 1500
 gtgaatgcta tcgaggaaag aggccttctt ccgacagctg gacagccgcc tgccaccact 1560
 aagcccaagg agatcacacc tgcaatccc ggaacctcgc cactgataag gtatgccgcc 1620
 tggaccggcg gcttggccgc tgtggtgctt ttgtgttag ttattttt gatttgact 1680
 gcgaaacgca tgcgagttaa ggcataccgg gtggataagt cggcctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg ggctccccgt ggacgattt gaggactcag agagcacgga cacagaggag 1800
 gagttcggga acgcgatagg ggggtccac ggggggtcct cctacaccgt gtacatagac 1860
 aagactcg

Número de secuencias (ID): 171

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcactg tcaacaagcc ggtgttggg gtgctcatgg ggttcggcat catcacccgt 60
acactcagga ttacaaatcc tgtacgcgcg agtgtcttgc ggtacgacga ttccatatac 120
gatgaagata agctcgacac gaactccgtg tacgagcctt attatcattc tgatcatgcg 180
gagtcgtcat ggggtaatcg gggtagtct tccaggaagg cttatgatca taacagccca 240
tacatatggc ctgtaatga ttatgacggc ttcttgaga acgcccata gcaccacgg 300
gtctataacc aaggctgagg gatagactct ggggaaaggc tgatgcagcc taccagatg 360
tcggcacagg aggacctagg ggtgacact ggcacccatg tcatcccccac gctcaatggc 420
gacgaccgcc ataagatcgt gaatgtggac cagcggcagt acggggatgt cttcaaagga 480
gaccttaacc ctaagcccca agggcagcgg ttgatagagg tctccgttga agaaaatcat 540
cccttactc tgccggctcc cattcaacgc atctatgggg tccgctatac tgagacgtgg 600
tccttcttgc cgtccctgac ctgtacaggt gatgtgccc ccgctattca gcatatatgc 660
ctcaagcata ctacttgctt tcaggacgtt gtggtcgatg tcgattgcgc tgagaacacg 720
aaggaggatc agttagctga gatttcctat cgggtccagg gtaaaaagga ggccgatcag 780
ccgtggatag tggatgaacac ttcaacccta ttcgacgagc ttgaattgga ccctcccgag 840
atcgaacccg gcgtctgaa ggttctgaga acagagaagc agtatcttgg ggtatatatc 900
tggaatatgc ggggcagcga cggcacgtcc acctatgcaa ccttcttgg gacatggaag 960
ggcgatgaga agacacgtaa cccactccg gctgtgacac cacagccgcg aggcgctgag 1020
ttccacatgt ggaattatca ttccatgta ttcaagtgtt gggatacgtt ctctctggcc 1080
atgcacctcc agtacaagat acacgaggcg cctttgatc tttactgga gtggctgtat 1140
gtgccaatcg atcctacatg tcaaccgatg aggtgtatt ccactgttt ataccacca 1200
aacgtcctc agtgtttgag tcatatgaac agtggatgta cctttacatc acccatctg 1260
gcacagaggg tggcctccac ggtctatcag aattgtgaac acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggtacagcca catggagcct agcttcgggc tgatactcca cgacgggtgg 1380

```


accacctaa agttcgtgga tactcccag tcttgagtg gtctgtatgt gtttggtg 1440
 tttttaatg gacacgtgga ggcggtggcg tacacggtgg tcagcacagt tgaccacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccacc cgctaccacg 1560
 aagcccaagg agattactcc tgtgaatcct gggacatcac ctctatcag gtacgccgcg 1620
 tggaccggtg gccttgccgc agttgttctt ctgtgtctgg tgatttctt gatctgcacc 1680
 gcaaagcgga tgcgggtcaa ggcttaccgg gtcgacaaga gtccttaca tcagagtatg 1740
 tactacgchg gcctcccggt agacgacttt gaggactctg agtcgaccga cacagaagaa 1800
 gaattcggca acgcatcgg ggggagccat ggtggctcct cctacacggt gtatattgat 1860
 aagaccagg 1869

Número de secuencias (ID): 172

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacag ttaataaacc tgtggtgggg gtattgatgg ggttcggaat taccacggga 60
 acgttgcgta taacgaatcc ggtcagagca tccgtcttgc gatacgtatg tttcacatc 120
 gatgaagaca aactggatac aaactccgta tatgagcctt actaccattc agatcatgcg 180
 gagtcttcat gggtaaactg gggagagtct tcgcgaaaag cgtacgatca taactcacct 240
 tatatatggc cacgtaatga ttatgatgga ttttagaga acgcacacga acacatggg 300
 gtgtataatc agggccgtgg tatcगतacg ggggaacggt taatgcaacc cacacaaatg 360
 tctgcacagg aggatcttgg ggacगतacg ggcattcacg ttatccctac gttaaacggc 420
 gatgacagac ataaaattgt aaatgtggac caacgtcaat acggtgacgt gtttaaagga 480
 gatcttaatc caaaaccca aggccaaaga ctattgagg tgtcagtgga agaaaatcac 540
 ccgtttactt tacgcgcacc gattcagcg atttatggag tccggtacac cgagacttg 600
 agcttttgc cgtcattaac ctgtacggga gacgcagcg ccgcatcca gcatatatgc 660
 ttaaaacata caacatgctt tcaagacgtg gtggtggatg tggattgcgc ggaaaatact 720
 aaagaggatc agttggccga aatcagttac cgtttcaag gtaagaagga agcggaccaa 780
 ccgtggattg ttgtaaacac gagcacactg tttgatgaac tcgaattaga ccccccgag 840

attgaaccgg gtgtcttgaa agtacttcgg acagaaaaac aatacttggg tgtgtacatt 900
 tggaacatgc gcggctccga tggtagtct acctacgcca cgtttttggg cacctggaaa 960
 ggggatgaaa aaacaagaaa ccctacgccc gcagtaactc ctcaaccaag agggggctgag 1020
 ttcatatgt ggaattacca ctgcatgta ttttcagttg gtgatacgtt tagcttgga 1080
 atgcatcttc agtataagat acatgaagcg ccatttgatt tgctgttaga gtggttgat 1140
 gtcccatcg atcctacatg tcaaccaatg cgggtatatt ctacgtgtt gtatcatccc 1200
 aacgcacccc aatgcctctc tcatatgaat tccggttgta catttacctc gccacattta 1260
 gccagcgtg ttgcaagcac agtgtatcaa aattgtgaac atgcagataa ctacaccgca 1320
 tattgtctgg gaatatctca tatggagcct agctttggc taatcttaca cgacgggggc 1380
 accacgttaa agttttaga tacaccgag agttgtcgg gattatacgt tttgtggtg 1440
 tattttaacg ggcattgta agccgtagca tacactgtt tatccacagt agatcattt 1500
 gtaaacgcaa ttgaggaacg tggatttccg ccaacggccg gtcagccacc ggcgactact 1560
 aaaccaagg aaattacccc cgtaaacccc ggaacgtcac cacttatagc atatgccgca 1620
 tggaccggag ggcttcgagc agtagtactt ttatgtctcg taatatttt aatctgtacg 1680
 gctaaacgaa tgagggttaa agcctatagg gtagacaagt ccccgataa ccaaagcatg 1740
 tattacgtg gcctccagt ggacgattc gaggactcg aatctacgga tacggaagaa 1800
 gagtttgga acgcgattgg agggagtcac ggggggtcga gttacacggt gtatatagat 1860
 aagacccgg 1869

Número de secuencias (ID): 173

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc ggtgttggg gtgctcatgg ggttcggcat catcacgggt 60
 acactcagga ttacaaatcc gtacgcgcg agtgtctgc ggtacgacga ttccatatt 120
 gatgaagata agctcgacac gaactccgtg tacgagcctt attatcattc tgatcatgcg 180
 gagtcgtcat gggatgaatc gggtagtct tccaggaagg ctatgatca taacagccca 240
 tacatatggc ctgtaatga ttatgacggc ttctggaga acgcccata gcaccacggt 300

gtctataacc aaggctgagg gatagactct ggggaaaggc tgatgcagcc taccagatg 360
 tcggcacagg aggacctagg ggatgacact ggcacccatg tcatcccccac gctcaatggc 420
 gacgaccgcc ataagatcgt gaatgtggac cagcggcagt acgggggatgt cttcaaagga 480
 gaccttaacc ctaagcccca agggcagcgg ttgatagagg tctccgttga agaaaaatcat 540
 ccctttactc tgcgggctcc cattcaacgc atctatgggg tccgctatac tgagacgtgg 600
 tccttcttgc cgtccctgac ctgtacaggt gatgctgccc ccgctattca gcatatatgc 660
 ctcaagcata ctacttgctt tcaggacgtt gtggtcgtatg tcgattgcgc tgagaacacg 720
 aaggaggatc agttagctga gatttcctat cggttccagg gtaaaaagga ggccgatcag 780
 ccgtggatag tggatgaacac ttcaacccta ttcgacgagc ttgaattgga ccctcccgag 840
 atcgaacccg gcgtcctgaa ggttctgaga acagagaagc agtatcttgg ggtatatatc 900
 tggaaatgc ggggcagcga cggcacgtcc acctatgcaa ccttcttggg gatcgaag 960
 ggcatgaga agacacgtaa cccactccg gctgtgacac cacagccgcg aggcgctgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttccatgta ttacgtgtt gggatacgtt ctctctggcc 1080
 atgcacctcc agtacaagat acacgaggcg ccctttgatc ttttactgga gtggtgtat 1140
 gtgccaatcg atcctacatg tcaaccgatg aggtgtatt ccactgttt ataccacca 1200
 aacgtcctc agtgtttgag tcatatgaac agtggatgta cctttacatc acccatctg 1260
 gcacagaggg tggcctccac ggtctatcag aattgtgaac acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggcacagcca catggagcct agcttcgggc tgatactcca cgacggtggg 1380
 accaccttaa agttcgtgga tactcccgag tctttgagtg gtctgtatgt gttgtgggt 1440
 tattttaatg gacacgtgga ggcggtggcg tacacggtgg tcagcacagt tgaccactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccacc cgtaccacg 1560
 aagcccaagg agattactcc tgtgaatcct gggacatcac ctctatcag gtacgccgcg 1620
 tggaccggtg gccttgccgc agttgttctt ctgtgtctgg tgatttctt gatctgcacc 1680
 gcaaagcgga tgcgggtcaa ggcttaccgg gtcgacaaga gtccttaca tcagagtatg 1740
 tactacgagg gcctcccggt agacgacttt gaggactctg agtcgaccga cacagaagaa 1800
 gaattcggca acgccatcgg ggggagccat ggtggctcct cctacacggt gtatattgat 1860
 aagaccagg 1869

Número de secuencias (ID): 174

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggtactg tgaataagcc tgtggtgggg gttctaattg ggttcgggat catcactgga 60
acactgagga ttaccaatcc cgtagggcc tccgtgctgc gttacgatga ctccacatc 120
gacgaggata agctggatac caattcagtt tatgagcctt actaccactc tgatcacgcc 180
gagagctctt ggggtgaatcg gggggagtcc tctaggaaag cctatgatca taattctcca 240
tatatatggc caagaaatga ttatgatgtt ttctggaga atgcacacga acatcacggc 300
gtttataacc aaggctgtgg gattgactcg ggcgagcgtc tgatgcaacc cactcagatg 360
tccgctcagg aagacctggg cgatgacact gggattcatg tgattccaac tcttaatggc 420
gacgatcgcc ataagattgt gaatgtggat cagagacagt atggagatgt gtttaagggc 480
gatctgaatc cgaagcccca gggtcagaga ctcatcgaag tgagtgtgga ggaaaacccat 540
ccctttactc tgagggctcc gattcagcgc atctacggtg tgcgctacac tgagacttgg 600
agtttctgc cgtcttgac ttgcacaggt gacgctgccc ccgctattca gcatatttgc 660
ctcaagcaca caacatgctt ccaggatgtt gtggttgacg tggattgcgc agagaacacc 720
aaagaggatc aattggccga aatctcctat cgtttccaag gaaagaagga ggctgatcag 780
ccttgattg tggtaatac ctctaccttg ttcatgagc tggagctcga tctctctgag 840
atcgagcccg gcgtgttgaa ggttctcagg actgagaagc agtatttggg ggtgtacatc 900
tggaatatgc ggggtagtga cggaacgtcc acctacgcca ctttcttgt gacctggaaa 960
ggcgatgaga agacacgtaa ccctaccctt gctgtgactc cacagccaag ggtgctggag 1020
ttccacatgt ggaattatca cagtcacgtg tttagcgttg gcgatacgtt cagtctggca 1080
atgcatctgc agtataagat acacgaggcg ccctttgatc ttctgctaga atggttgtat 1140
gtcccaattg atccaacctg tcagcctatg aggcgtgaca gcacttgtct gtaccatcct 1200
aacgctcctc aatgtcttc gcacatgaac agtgggtgca ccttcacatc tccgcactctg 1260
gcgcagaggg tggcctccac cgtctatcag aattgcgaac acgccgataa ctataccgct 1320
tattgtctgg ggattagcca catggagccc agctttgggc tgatcctgca cgacggtggg 1380
acgactctga agtttgtgga cactccagag tctctcagcg gttgtacgt gttcgtggg 1440
tatttcaatg ggcattgca ggcctggcc tacaccgttg taagtactgt ggatcacttt 1500
gtgaatgcta tcgaggagcg tggctcccg ccacggcgg gacagccgcc tgccacgacg 1560
aagcccaagg agatcactcc agtgaatcct ggtacatcgc ctttgatacg gtacgcagcc 1620
tggactggg tcttggtgctc tctcgtgctc ttatgtctgg tgatctttct gatttgtact 1680
```

gctaagcgga tgcgagtga ggcttatcgg gtcgataaga gcccatacaa tcagagcatg 1740
 tactatgctg gtctccctgt ggatgatttt gaagatagtg agagcacaga cactgaggag 1800
 gagttggca atgccatcgg tggtagccac ggcggatctt cttaactgt ctatatcgac 1860
 aagactcgt 1869

Número de secuencias (ID): 175

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagaggt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccc gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140

gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 ttttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagccccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtagcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 176

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcacggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg gggtagtct tcgcgaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600

tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggg gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatatac 900
 tggaaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctgttg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgtcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggtcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtctgc cgtgggttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 177

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60

actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagat tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 tticacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatcgtat 1860
 aagacgagg

Número de secuencias (ID): 178

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatcct ggggtgaaccg ggggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tcgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttgg ggtgtatatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacgga 1320
tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
```

tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 179

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtcct tcgcaagg cttatgatca taattctoca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
 agtcgcagg aggacctagg cgtatgatac gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 cctttacac tccgtgctcc tattcagagg attacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtgatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgcga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900

tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca cctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaca ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgta atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg 1869

Número de secuencias (ID): 180

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gattcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg ctatgatca taacagtct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360

tccgcccagg aggacctggg tgaatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatg 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattg 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tgaatatgc gggggctgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccc gctgtgacct cacagccg 1020
 ttccatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgt cagttggc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatc 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 181

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggggtgaaccg ggggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttcctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg tttctgtgga ggagaacat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
tcattctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agacccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
tattcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagactgt tgatcattt 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgtgcc 1620
tggacaggcg ggctgtgctc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740

```

tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 182

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca cttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200

aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cggtcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgtg tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 183

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgccc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag ggtgagagt tccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tcttttctgc cgctacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660

ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtacctgg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct ctttctgac ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctt cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtgggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 184

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgccc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120

gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagagt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacct gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcaggg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgctac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatg 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgctg tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgcca aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tgaatatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca ccttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacctc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg acctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatcggca 1320
 tactgcctc gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagc ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgtt tcagactgt gatcattt 1500
 gtgaaccca ttgaggagc ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagccaaag agattacac agtgaacct ggcacaagc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggc ggctgtgct cgtggtgtg ctgtgtctag tcatcttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgat 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactct agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgta atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcg

1869

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagat tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactggg gacgctgcc ctgctattca gcataatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaaa ctatacggca 1320
tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctga tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500

```

gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 186

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg ggggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctgggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caacttggtt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgaggatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960

ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttggcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 187

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccgag aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420

gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaaccat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgataac 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctt acatatgcca ctttctctgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgtt tcagcactgt tgatcat 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtctgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgt 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 188

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactctggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctg tgatttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800

gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 189

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgctacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca cctttctagt aacctggaag 960
ggtagcgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtagcgag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260

gccacgagg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacgga 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgca atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 190

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag ggtgagagt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720

aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cttcctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagttggcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctga tgacggtgga 1380
actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttttagtg 1440
tattcaatg gtcatttga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
tggaagggcg ggcttctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
gagtttgga atgctattg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
aagactcg 1869

Número de secuencias (ID): 191

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180

gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttga agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca ctttaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgttga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt tgatcatctt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtt ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcggg tcgggtcaa ggcttatcg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg

1869

Número de secuencias (ID): 192

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tcgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaaccat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactgga gatgtgctc ccgtattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgtgagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgcggag 1020
ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg ttcccgtag gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agcgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcacttc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560

```

aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 193

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020

ttccacatgt ggaattacca ttcccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca ctttcaccag tccccaccta 1260
 gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatttt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcaact 1680
 gccaagcggg tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 194

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagagat tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480

gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatacttgg ggtgtatgc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agacccgaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatttt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcggg tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 195

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg ggggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgcc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cttttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgtctcac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctc gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctga tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggct tataccgtt tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtagcagcc 1620
 tggaccggtg gctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttaggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860

aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 196

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgccc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccagag aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
cccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaaacttg 600
tcattctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ccttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaca ctatacgga 1320
```


tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatttt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 197

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtc tgcgcaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 ccccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780

ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg ggtgatacgt cagctggct 1080
 atgcacccc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctcac agtggttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgtg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcattttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggtatgtt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcg 1869

Número de secuencias (ID): 198

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgaagg ctatgatca taatttcca 240

tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttacttga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacgtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg gttgtatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct ctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 199

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgct ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaaccat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttgg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620

```

tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggtatgtttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gaggttggta atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 200

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagcctt attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgtt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgtatgatac gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg attacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
 tggaaatga gaggtccga cgggacctt acatatgcca ctttctctg gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 tticacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttggcc 1080

atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgttga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcat 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgca 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 201

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag ggtgagagt tccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccatga gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagagg aggaacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540

ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttgg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgttagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatatc 900
 tggaaatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacgcca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcatttt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtagcgacc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 202

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtctcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggg 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
 tggaaatga gaggttccga cgggacctt acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccctt gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgtt tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtcg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg

Número de secuencias (ID): 203

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggcgga gtgtgatgg gggtgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgtcggtcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatcct ggtgaaccg ggtgagctc tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctgggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatc 900
tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca cttcctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380

```

actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcagtgtga ggcagtggt tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 204

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagat tccgcaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840

atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 205

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaacccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300

gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 ccccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaaactgg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggtccga cgggacctt acatatgcca ccttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgtt tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 206

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgttgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatott ggtgaaccg ggtgagtc tgcgcgaagg cttatgatca taattctoca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tcgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactgga gatgctgctc ccgtattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgctggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg ttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
gctgagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacgtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agcgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcactc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc ctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680

```

gccaagcggg tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 207

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgctcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccc gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taatttcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgtatgatac gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgcc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatgc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140

gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
 ttttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagccccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtagcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 208

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcacggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg gggtgagtct tcgcgaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600

tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggg gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 cttgaagcata caacttggtt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgatttg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagt ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtcg gccttctgt ggacgactc gaggatcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 209

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttggat catcaccggg 60

acattgagga tcacgaatcc tggtcgtgcc tcggtgttgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tcggggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aattcttac agattcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatatc 900
 tggaaatgc gggggcga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgagg 1020
 ttccatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgt cagtctggct 1080
 atgcacccc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttactgga atggtgtat 1140
 gtgccgattg acctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgaca ctatcggca 1320
 tactgcctg gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctga tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagc ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcattga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt gatcattt 1500
 gtgaaccca ttaggagcg ggggtccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctg tgatttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tcggtgcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gcctcctgt ggacgactt gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gatttgga atgcgacgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatcgtat 1860
 aagacgagg

Número de secuencias (ID): 210

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgagga atgcccatga gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatac 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttlaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
```

tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtgggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 211

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactctgc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatac 900

tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccacgctgg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctcttatcag gtagcgacc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 212

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360

tccgcccagg aggacctggg tgaatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgagc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtaatac gtctactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tgaatatga gaggtccga cgggacctt acatatgcca cttctctgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccc gctgtgacc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttcatatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcccaccta 1260
 gccagcggg tggctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctc gaattagcca catggagcca agctcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagc ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgtt tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagc ggggttccc cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggc ggctgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatcttt gatctgact 1680
 gccaagcga tgcgggtcaa ggctatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gcctcctgt ggaatgttt gaggactct agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 213

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagagag tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccggccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcattc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc cctgattag gtatgtgcc 1620
tggacaggcg ggctgtctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcattcttt gatctgact 1680
gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740

```

tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 214

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccatga gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgtatgatac gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgcactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtgatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ccttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgctggag 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200

aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca ctttcaccag tccccaccta 1260
 gccacgctgg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 215

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggtcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaaactgg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660

ctttaagcata caacttggtt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccag tcttaagt ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 216

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120

gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtctcat gggtaaataag gggtagagagt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacct gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcaggg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgctac ctgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatagc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcg tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgcca aatttctac agattcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgtgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tgaatatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca cttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctgttg gcgacacgt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagc cctttgatc ttctgtcga atggctgtat 1140
 gtccaattg acccgacgtg tcagccatg agattact ctacgtgtt atatcatca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatgaac agtgggtgta cgttacaag tcccaccta 1260
 gccagcggg tggcctgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgaca ctatacggca 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcggg tgattctga tgacggtgga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcgtg tcgcttagc ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcatgtga ggcagtggt tataccgtt tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaaccca ttgaggagc ggggttccg cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagccaaag agattacac agtgaacct ggcacaagc cctgattag gtatgctgc 1620
 tggacaggc ggctgtgc cgtggtgtg ctgtgttag tcatcttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggctatcgg gttgacaagt ctccgtata tcagtcgat 1740
 tattacgag gcctcctgt ggtatgtt gaggactct agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgta atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgac 1860
 aagactcg

1869

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagat tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgcc ctgctattca gcataatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg ttccggtg gtgatacgt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcacttc 1500

```

gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcattctttt gatctgcaact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 218

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869
- > mol_type, otro ARN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggtgaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caacttggtt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgaggatg ttgtaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatgc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960

ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgccc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tattcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 219

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420

gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgggt gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtgggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
 tggaaatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtctgtcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 220

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagagt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgct actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcga cggcaccagt acctatgcca ctttctctg gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gcatgttga ggcagtggct tataccgtt tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc cctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcattttt gatctgact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggaatgtt gaggactct agtccacaga caccgaggag 1800

gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 221

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggggaacccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
tccgccagcagg aggcactggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggg 420
gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
cccttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
tcatttctgc cctcgcttac ctgactggg gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgt cagttggcc 1080
atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260

gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 222

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agtcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag ggtgagagt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccaggg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720

aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggctcga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atgggtgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgctgaaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 223

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180

gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggctggg tctgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgtatgatac gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 cctttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcactac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaaatga gaggttcca cgggacctt acatatgcca cttcctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgtt atatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacacta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctc tgatttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 224

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc tgtggcggga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgttagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cttctctgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcgga tccacgccg gctgtgacc cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560

```

aagcccaaag agattacacc agtgaaccct ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattctttt gatctgcaact 1680
 gccaaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgatttt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 225

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagagt tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactctgc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540
 ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtacac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtacctgg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggtccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020

ttccacatgt ggaattacca ttcccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agcttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 226

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggttgggat catcacggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480

gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctactgt ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaaatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca cctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg ttcccggtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatttga ggcagtggt tataccgtg tcagcactgt tgatcatctt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atcgatcgg ggggagtcac gggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 227

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg gggtcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggg 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggg 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt tttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgcactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttggaattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggga cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgagg 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccacta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacgga 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcattgtga ggcagtggct tataccgttg tcagactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttaggagcg ggggttccc cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactct agtcacaga caccgaggag 1800
 gaggttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatcgcac 1860

aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 228

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc tgtggcggga gtgtgatgg ggttgggat catcaccggg 60
acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatgg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
gtttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac tgcactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggtgaggag 1020
ttccatgtt ggaattacca ttccatgtg ttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
```

tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccgggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 229

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agtcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag ggtgagagt tccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gtgttagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780

ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtcggct 1080
 atgcacccc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgctcac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcactc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttct gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagttggca atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcgat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 230

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgccc tctgtttac gctatgatga cttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tcccgaagg ctatgatca taacagtcct 240

tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggctgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttccggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg togattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatatc 900
 tggaaatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttccatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtg gcgacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tccccaccta 1260
 gccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
 tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacgggtga 1380
 actacacta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg gttgtacgt gttgtagt 1440
 tatttcaatg gtcatgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttccg cctacggctg ggcaacccc cgctacgact 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcggg tcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 231

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869
- > mol_type, otro ARN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaatag gggtagaggt tccgcaagg cttatgatca taacagtcct 240
 tatactggc caagaaatga ttacgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggt 300
 gtttacaacc agggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccggccagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaaccat 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggt gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttg ggtgtatatc 900
 tggaaatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttgcc 1080
 atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggtttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620

tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcattctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt g gatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 232

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
 actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
 gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
 gagtcgtcat gggtaaataag gggtagagag tcccgcaagg ctatgatca taacagtcct 240
 tatacttgcc caagaaatga ttacgatggg ttcttgaga atgccccatga gcatcatggt 300
 gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctgggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgcactggt gacgctgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgctg actgagaagc aatatcttgg ggtgtatatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcggaa tccacgccc gctgtgaccc cacagccgcg tggggccgag 1020
 tticacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttggcc 1080

atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgac ttctgctcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgatttt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgta atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 233

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgtcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccagcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtct tcgcgaagg ctatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagagg aggacctggg tgatgacact gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacat 540

ccctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtagac agaaacttg 600
 tcatttctgc cctcgcttac ctgcactggg gacgtgccc ctgctattca gcatatatgc 660
 cttgaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgctc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttcttac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctoga tcccccgaa 840
 atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatatc 900
 tggaaatagc gggggctcga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccgga cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggcgaggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggtgtatgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agcgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacct ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 234

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgttc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg ggggtagctc tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatgtt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataaacc aaggcagggg gattgattct ggagagcgtc ttatgcagcc taccagatg 360
 tccgccagg aggacctggg tgatgacct gggatccatg tgattccaac tctaatggt 420
 gacgatcgcc ataagattgt gaacgtggat cagaggcagt atggggacgt ttttaagggc 480
 gatctcaatc ctaagccgca gggacagagg ctgatcgagg ttctgtgga ggagaacct 540
 cctttacct tgcgggctcc aatccaaagg atctatggag tgaggtaac agaaacttg 600
 tcattctgc cctcgcttac ctgactgga gatgtgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgctccagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga cctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgtgaa agtgtgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatc 900
 tggaatatga gaggtccga cgggacctt acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgga tcccacgcc gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
 ttacatgtt ggaattatca ttctacgtg ttctgttg ggcacacgtt cagttggcc 1080
 atgcacctc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgtcga atggctgtat 1140
 gtgccaattg acccgacgtg tcagccatg agattatact ctacgtgtt atcatcca 1200
 aatgctcac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagc 1320
 tactgtctg ggattagcca catggagcca agctttggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacacta agttcgtgga cactcccgag tcttaagt ggttgatgt tttgtggt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tactgttg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctt cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc cctgattag gtatgctgcc 1620
 tggacaggcg ggctgtgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcattttt gatctgcact 1680
 gccaaagcga tgcgggtcaa ggctatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgat 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactct agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattg cggtatcac ggggggtcgt catatacagt gtatatgcac 1860
 aagactcg

Número de secuencias (ID): 235

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga cttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaataag ggtgagagat tcccgaagg cttatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccatga gcatcatggt 300
gtttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgttgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttctgggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgccc ctgctattca gcataatgc 660
cttaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
ccttgattg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840
atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctcgt actgagaagc aatatcttg ggtgtatc 900
tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca ctttctagt aacctggaag 960
ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag gggtcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca tcccatgtg tttccgtgg gtgatacgt cagtctggct 1080
atgcacctcc agtataagat acacgaagct cttttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tccccaccta 1260
gcccagcggg tggcctcgac ggtgtaccag aattgtgagc atgtgacaa ctatacggca 1320
tactgcctcg gaattagcca catggagcca agcttcgggc tgattctgca tgacggtgga 1380
```

actacactta aattcgtgga cactcctgag tcgcttagcg ggtgtacgt gttttagtg 1440
 tatttcaatg gtcagtgtga ggcagtggct tataccgttg tcagcactgt tgatcattt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcccg cctacggctg ggcaaccccc cgctacgact 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctcgc ctcttatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgattttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat ccccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgctg gccttcctgt ggacgacttc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 236

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggtgaaccg ggtgagtc tgcgcgaagg ctatgatca taattctoca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggg ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300
 gttataacc aaggtcgggg tatcgactct ggagagagat tgatgaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactggt gacgctgcc ctgctattca gcatatatgc 660
 ctaagcata caactgttt tcaggatgtg gtggtggatg ttgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaagatc agcttgccga aatttctac agatttcagg gcaaaaagga agctgatcaa 780
 ccttggaatg ttgtcaatac atccacgctt ttgacgagc tggagctcga tccccggaa 840

atcgagcctg gcgtgttgaa ggtgctgcgt actgagaagc aatatcttgg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gggggtcgga cggcaccagt acctatgcca cctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccggaa cccaccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccacatgt ggaattacca ttccatgtg tttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgtt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggctccac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
 tattcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtg tgagtactgt ggatcattc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctt cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcctaagg aaattacccc ggtgaatcca ggtacctgc ctctatcag gtatgcagcc 1620
 tggaccggtg gtctggctgc agtcgtgcta ctatgcctcg tgatttctt gatctgcact 1680
 gctaaacgca tgcgtgtcaa ggcttatagg gtggataaat cccctataa ccagtctatg 1740
 tactatgtg gccttctgt ggacgactc gaggattcgg agtcgaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcgatcgg ggggagtcac ggggtagta gctacactgt gtatatcat 1860
 aagacgagg 1869

Número de secuencias (ID): 237

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg ttaataagcc tgtggtcgga gtgtgatgg ggtttgggat catcaccggg 60
 acattgagga tcacgaatcc tgttcgtgcc tcggtgtgc ggtacgatga ttccacata 120
 gatgaggata agttggatac caattccgtt tatgagccct attaccactc tgaccacgcc 180
 gaatcatctt ggggaaccg gggtagtct tcgcgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tacatatggc caagaaatga ttatgatggt ttctggaga atgcccata gcatcatggc 300

gttataacc aaggctgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
 agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
 gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
 gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctcatgagg ttccggttga ggagaatcat 540
 ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
 tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
 ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
 aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
 ccttgattg ttgtaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
 atcgagccag gtgtgttga agtgttgagg actgagaaac agtaccttg agtgtatatc 900
 tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctagt aacctggaag 960
 ggtgacgaga agacccggaa cccacccct gctgtgactc cgcagcctag ggggtcggag 1020
 ttccatgt ggaattacca ttccatgtg ttccgtgg gtgatacgtt cagtctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat acacgaagct cctttgatc ttctactgga atggctgtat 1140
 gtgccgattg accctacgtg tcagcccatg agattgtatt cgacgtgttt gtatcatcca 1200
 aatgtccac agtgtttgag tcatatgaac agcggatgca cttcaccag tcctcatcta 1260
 gcgcagcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
 tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattcttca cgacggtggc 1380
 accacactta agttcgtgga cactcccgag tctttaagtg ggttgatgt tttgtgggt 1440
 tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttcct cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
 aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtatgtgcc 1620
 tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgttg ctgtgtctag tcatctttt gatctgcact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttcctgt ggatgattt gaggactctg agtcacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 238

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggactg ttaataagcc agttgtggga gttctgatgg ggttcggtat catcactggg 60
actctcagga ttaccaatcc tgttcgcgcc tctgttttac gctatgatga ctttcatatt 120
gatgaggata agctcgacac aaactctgtg tacgagcctt attatcatag cgatcatgca 180
gagtcgtcat gggtaaatag gggtagagag tcccgcgaagg ctatgatca taacagtcct 240
tatatctggc caagaaatga ttacgatggt ttcttgaga atgcccata gcatcatggt 300
gttacaacc agggtcgggg tatcgactct ggcgagagat tgatgcaacc gacccaaatg 360
agtgcgcagg aggacctagg cgatgatacc gggattcacg tgattcctac tctgaatggc 420
gacgacagac acaagattgt caatgtgat cagcggcagt acggggatgt gttcaagggt 480
gacctcaatc cgaagcctca ggggcagagg ctattgagg ttctggtga ggagaatcat 540
ccttttacac tccgtgctcc tattcagagg atttacgggg tccggtatac agagacctgg 600
tctttctgc cgtcacttac ttgactgga gatgctgctc ccgctattca acatatctgt 660
ctcaagcaca ccacgtgctt ccaggatgtg gttgtagacg tcgattgcgc tgagaatacc 720
aaggaggatc agctggctga gatcagttac cgcttcagg ggaagaagga agctgatcag 780
ccttgattg ttgtgaatac gtctacactg ttgacgagc ttgaactgga ccctccagaa 840
atcgagccag gtgtgttgaa agtgttgagg actgagaaac agtaccttgg agtgtatac 900
tggaatatga gaggttccga cgggacctct acatatgcca ctttctcgt gacgtggaag 960
ggcgacgaga agactcggaa tcccacgccg gctgtgacct cacagccgcg tggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattatca ttctacgtg ttctctgtgg gcgacacgtt cagtttggcc 1080
atgcaccttc agtacaagat acacgaagcc cctttgatc ttctgctga atggctgtat 1140
gtgccaattg acccgacgtg tcagcccatg agattatact ctacgtgttt atatcatcca 1200
aatgctccac agtgtttgag tcatatgaac agtgggtgta cgttcacaag tcctcatcta 1260
gcgacgcgcg tggcttcac tgtctatcag aactgtgagc acgcagacaa ctatacagcc 1320
tactgtctgg ggattagcca catggagcca agctttgggc tgattctca cgacggtggc 1380
accacactta agttcgtgga cactcccag tcttaagtg ggttgatgt tttgtggtt 1440
tatttcaatg gacacgtgga agccgtggct tacactgtgg tgagtactgt ggatcacttc 1500
gtgaatgcca tcgaggagcg ggggttctc cctacggcag gacagcccc cgcgaccaca 1560
aagcccaaag agattacacc agtgaacctt ggcacaagcc ccctgattag gtagctgcc 1620
tggacaggcg ggcttgctgc cgtggtgtg ctgtgtctag tcattcttt gatctgcact 1680

```

gccaagcggg tgcgggtcaa ggcttatcgg gttgacaagt ctccgtataa tcagtcgatg 1740
 tattacgcag gccttctgt ggatgattt gaggactctg agtccacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga atgctattgg cggtagtcac ggggggtcgt catatacagt gtatatcgac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 239

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc cgtagtgggg gtcctgatgg gggtcgggat catcacgggg 60
 actctgcgga tcactaatcc ggtagggccc tctgtgctgc gctatgacga ctccacatt 120
 gatgaggata agctggacac aaatagcgta tatgagccat attaccatag cgatcatgct 180
 gagtcttctt gggatgaatag gggtagtct tcccgaagg cttatgatca caatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcatcatggt 300
 gtttacaacc aggggcgagg aattgacagt ggagagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgtcagg aggatctggg cgacgacact ggtatccatg tgattccgac cttaaagggt 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atggatgatg gtttaagggg 480
 gatcttaac cttaacctca aggacagagg ttgattgagg tctctgtgga ggaaaatcat 540
 cctttcactc tgcgtgcgcc catacagaga atctatggag ttcgatacac cgaaacctgg 600
 tctttctgc ctatctgac atgactggg gacgccgcc cggcgattca gcacatagc 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggatg tggattgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgccga aatctcacc aggtccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctt ttgacgagc tggagctcga tccacctgag 840
 atcgagccag gtgtgctgaa agtggtgcgt actgaaaaac agtatctcgg agtttatatt 900
 tggaacatga ggggctctga tggacaagc acatacgcaa cctttctggt gacatggaaa 960
 ggcgacgaga aaactcgtaa cccaccctt gctgtgactc cacagcctcg gggggccgag 1020
 ttacatggt ggaactacca ttctacgtg tttagtgtgg gtgacacatt ttccctcgct 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccatgaagcc cctttgatc ttctgctgga gtggctctac 1140

gtgccgatag atccaacttg tcagcccatg aggtgtgaca gtacgtgctt gtaccacccc 1200
 aagccccccc aatgtctgag ccatatgaac tccgggtgca cattcacgtc accccatctt 1260
 gccagcgtg ttgcgtccac ggtgtatcag aactgcgagc acgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgccttg gcattcaca catggaacct agttttggcc tgatcctcca tgacggcgga 1380
 actactctca aattcgtgga taccctgag tctctgtccg gcctgtacgt gttgttgta 1440
 tacttcaacg gccatgtgga ggctgtggcg tacactgttg tgagcactgt cgatcacttt 1500
 gtgaatgcta tcgaggaaag aggctttcct ccgacagctg gacagccgcc tgccaccact 1560
 aagcccaagg agatcacacc tgcaatccc ggaacctcgc cactgataag gtatgccgcc 1620
 tggaccggcg gcttgccgc tgtggtgctt ttgtgttag ttatTTTT gatttgact 1680
 gcgaaacgca tgcgagtaa ggcataccgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg ggctccccgt ggacgatttt gaggactcag agagcacgga cacagaggag 1800
 gagttcggga acgcgatagg ggggtccac ggggggtcct cctacaccgt gtacatagac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 240

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc cgtagtgggg gtctgatgg ggttcgggat catcacgggg 60
 actctgcgga tcactaatcc ggtagggcc tctgtctgc gctatgacga ctccacatt 120
 gatgaggata agctggacac aaatagcgta tatgagccat attaccatag cgatcatgct 180
 gagtcttctt gggtagaatg gggtagtct tccgcaagg cttatgatca caatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcatcatggt 300
 gtttacaacc aggggcgcgg aattgacagt ggagagagggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgtcagg aggatctggg cgacgacact ggtatccatg tgattccgac cttaaaccgt 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atggtgatgt gtttaagggg 480
 gatcttaac cttaacctca aggacagagg ttgattgagg tctctgtgga ggaaaatcat 540
 cctttcactc tgcgtgcgcc catacagaga atctatggag ttcgatacac cgaaacctgg 600

tcttttctgc ctagtctgac atgcactggg gacgccgcgc cggcgattca gcacatatgc 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggatg tggattgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgccga aatctcatalc aggttccagg gcaagaagga ggccgaccag 780
 ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctt ttgacgagc tggagctcga tccacctgag 840
 atcgagccag gtgtgctgaa agtgttgcgt actgaaaaac agtatctcgg agtttatatt 900
 tggaacatga ggggctctga tggtaacgc acatacgcaa cctttctggt gacatggaaa 960
 ggcgacgaga aaactcgtaa ccccccctt gctgtgactc cacagcctcg gggggccgag 1020
 ttacacatgt ggaactacca ttctcacgtg ttagtggtg gtgacacatt ttccctcgct 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccatgaagcc cctttgac ttctgtcgtg gtggctctac 1140
 gtgccgatag atccaactg tcagcccatg aggttgta gtacgtgctt gtaccacccc 1200
 aacgcccccc aatgtctgag ccatatgaac tccgggtgca cattcacgtc acccatctt 1260
 gccagcgtg ttgcgtccac ggtgtatcag aactgcgagc acgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgccttg gcattcaca catggaacct agtttggcc tgatcctcca tgacggcgga 1380
 actactctca aattcgtgga taccctgag tctctgtccg gcctgtacgt gttgtgtgta 1440
 tacttcaacg gccatgtgga ggctgtggcg tactgttg tgagcactgt cgatcacttt 1500
 gtgaatgcta tcgaggaaag aggccttctt ccgacagctg gacagccgcc tgccaccact 1560
 aagcccaagg agatcacacc tgtcaatccc ggaacctcgc cactgataag gtagccgcc 1620
 tggaccggcg gcttggccgc tgtgtgctt ttgtgttag ttatTTTTT gatttgact 1680
 gcgaaacgca tgcgagttaa ggcataccgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg ggctccccgt ggacgatttt gaggactcag agagcacgga cacagaggag 1800
 gagtccggga acgcgatagg ggggtccac ggggggtcct cctacaccgt gtacatagac 1860
 aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 241

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaaccg tcaacaagcc tgtgtggga gtctaattgg ggttcggtat tatcacgggt 60

accctgagga tcaccaaccc cgttagggct tctgtcctac gctatgacga cttccatata 120
 gatgaagata aactagatac taatagcgtg tatgaaccgt actaccacag cgaccatgct 180
 gagtcgtcgt gggcaaccg ggggtgaatct tctaggaagg cttacgatca taattctcca 240
 tacatctggc caaggaatga ctatgatggt ttctcgaga acgcgcacga acatcacggc 300
 gtttacaacc aggggcgcg gaaatgatagt ggtgagaggt tgatgcaacc aactcagatg 360
 tccgctcaag aagatttagg cgacgatact gggattcatg tgattccgac cttgaatggc 420
 gatgaccgcc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat acggtgatgt gtttaaagga 480
 gatcttaac caaagcctca aggtcagagg ctgattgagg tctctgtgga ggagaaccac 540
 cctttactc tgcgcgcgcc tattcagagg atatatggcg ttcggtatac cgaaacttgg 600
 tegtctctgc ccagtctaac atgcaccggg gatgcggctc ccgcaatcca gcatatttgt 660
 ctgaagcata caacctgctt ccaggatgtg gtgggtggatg ttgactgtgc agagaacact 720
 aaggaggacc agcttgctga aatttctat agatttcagg gcaagaaaga ggccgaccag 780
 ccttggaatg tcgttaacac gactactttg ttgatgagt tggagctgga tccgcctgag 840
 attgaacctg ggggtgctgaa agtgctgcgc actgaaaagc agtatcttg agtctatata 900
 tggaaatga ggggcagcga tgggacaagc acgtatgcca cgtttctggt gacttgaag 960
 ggcgacgaaa agaccagaaa cccgaccctt gctgtgacac cacagccgag aggggcggag 1020
 ttacatgtt ggaattatca ttctcatgtg tttagttag gggacacctt ctccctcgt 1080
 atgcactgc agtataagat ccacgaagcc ccattcgatc tgttctgga gtggctttac 1140
 gtgcccattg acccgacttg tcagcccatg agactgtaca gtacctgtt gtaccatccc 1200
 aatgcacccc aatgtctctc gcatatgaac tctggatgca ctttcacctc accccacctt 1260
 gccagcggg tggcctcgac cgtgtaccag aactgcgagc acgcagataa ctacaccgcc 1320
 tattgcctag gcatctcca tatggaacct tcgttggat taattctcca tgatggcggg 1380
 actactctta agttgtcga caccctgaa agtctgtcag gcctctacgt gttcgtggtg 1440
 tacttcaacg ggcattgga ggccgtggct tacaccgtg tgagaccgt tgatcattc 1500
 gtgaacgcta tcgaggagag aggccttccg ccaacggctg gtcagcccc tgcaacaacc 1560
 aagccaaagg agatcacacc cgtgaacccc ggcaccagcc cttgatccg ttacgcagca 1620
 tggaccggg ggttggcagc tgtgtgctg ttgtgtctg ttatcttct tatctgcacc 1680
 gccaagcggg tgcgggtcaa ggcgtaccgg gttgataaga gtccttaca tcaagcaatg 1740
 tactatgccg gacttctgt cgacgactt gaggattcag agtcaaccga cacagaggag 1800
 gaattcggca atgcgatagg tggctcacac ggtggctcat cctataccgt gtatattgac 1860
 aagactagg

Número de secuencias (ID): 242

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggcactg tcaacaagcc tgtggtgga gtgctgatgg ggtttggtat aatcacaggt 60
acctgagga taaccaatcc tgtagggcc tctgtgctgc gctatgatga cttccacatt 120
gatgaggata aactagacac taacagcgtg tacgaacctat attaccatag cgaccatgcc 180
gagtcctcct ggggtgaatag ggggtgagtct tccaggaagg cctacgatca caatagtcca 240
tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcacacga gcatcacggt 300
gtttataacc agggtcgagg aattgacagt ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
tccgctcagg aggactggg cgacgatact gggatccatg tcatcccgac cctgaacggt 420
gatgacagac ataagattgt gaatgtggac cagaggcagt atggcgatgt gtttaaaggg 480
gacctgaatc caaagcctca gggacagagg ctgattgagg tctctgtgga ggagaatcat 540
cccttctcct tgcgtgctcc cattcagaga atttacggcg ttcggtacac tgaaacttgg 600
tcttttctgc ctagtcttac atgtaccgga gacgccgctc cggccatcca gcacatatgc 660
ctgaagcaca ccacctgctt ccaggatgtg gtgggtggacg tggactgtgc agaaaacacc 720
aaggaagacc aactgtctga aatcagctac cggtttcagg gcaagaagga agcagaccaa 780
ccgtggattg tcgtcaacac atccacttg ttgacgagc tggagctgga tcctcccgag 840
atcgaaccgg gcgtgctgaa agtgcttcgt actgaaaagc agtatctcgg agtttatatt 900
tggaacatga ggggtagtga cggtaaacg acgtatgcta ctttctggt gacttgaag 960
ggcgacgaga agacgcggaa ccctaccct gctgtgacgc cacagcctag gggagccgag 1020
ttcacatgt ggaactacca ttctcacgtg ttagtgtgg gagatacgtt ttcctggct 1080
atgcacctcc agtacaagat ccacgaagcg cccttcgac ttctgctgga gtggctctac 1140
gtgcccatag atccaacttg tcagcccatg agattgtaca gtacatgcct gtaccatcca 1200
aatgcccctc aatgtctgag ccatatgaac tctggatgca ctttcacgtc acccatctt 1260
gcccagcggg ttgcgtctac ggtgtaccag aactgtgaac acgctgataa ttacaccgcc 1320
tactgcctag ggatctccca tatggaacct agtttcggtc taatctcca tgacggcggc 1380
accactctca agttcgtgga tacacctgaa agcctgagcg gtctctacgt gtttgtgtgc 1440
```

tactttaacg ggcacgtaga ggccgtggct tacactgttg tgcgaccgt cgatcatttt 1500
 gtgaatgcga tcgaggagcg cgggtttcct ccgacagccg gacagccccc tgccacgact 1560
 aagcctaagg agattacccc tgtgaatcca ggaaccagtc ccttgattcg gtatgctgcg 1620
 tggaccggcg gtcctggccgc tgtggtgctg ttgtgtctgg taatctttct tatttgact 1680
 gccaaacgca tgcgagtcaa ggcttatcgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
 tactatgccg gacttcccgt ggacgatttt gaggactcag aatctacgga cacagaggag 1800
 gagtttgga acgcgatagg aggatcccat gggggctcct cctatactgt gtatatagat 1860
 aagactcgt 1869

Número de secuencias (ID): 243

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaactg tcaataagcc tgtggtggga gtgctgatgg gattcggtat catcactgga 60
 accctgagga tcaccaatcc cgttcgcgct tctgtgcttc gctatgacga ttccacatc 120
 gacgaagata agctagacac taacagcgtg tacgaaccgt actaccacag cgaccacgct 180
 gagtctctt ggggaaccg ggggaatct tctaggaagg ctacgacca taatagtcct 240
 tacatctggc cacggaacga ctatgatggt ttctcgaga acgcacacga gcatcatggc 300
 gttacaacc aggggcgcgg aattgacagc ggtgagaggt tgatgcagcc tacccaaatg 360
 tccgctcagg aggatctggg agacgacag ggtattcatg tgattccgac cttaaattggc 420
 gacgatcgcc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcaat atggtgatgt gtttaaaggt 480
 gatcttaac cgaaaccgca agggcagagg ttgattgagg tctctgtga ggagaaccac 540
 cccttactc tgcgcgctcc aattcagcgg atttacggag ttcggtacac ggagacttgg 600
 tctttctgc ccagtctac atgcacaggg gatgccgctc ctgccattca gcacatatgt 660
 ctgaagcata caacatgctt tcaggatgtg gtggtggatg tggattgtgc agagaacact 720
 aaggaagatc agcttcgaga gatttcatac aggtttcagg gcaagaaaga ggcagaccag 780
 ccctggattg tcgtcaacac aagtacattg ttcgacgagc tggagctgga tccgccgaa 840
 atcgagccag ggggtctgaa agtgctgcgc acagaaaagc agtatctggg tgttatata 900

tggaacatga ggggtagcga tggtagcagc acctatgcaa catttctggt gacctggaaa 960
 ggtgacgaaa agaccagaaa cccactccc gctgtgaccc cacagccacg gggagcggag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttcccatgtg ttagtgtag gggacacttt ctccctcgct 1080
 atgcactcc agtataagat ccatgaagca ccgttgact tgttgctgga gtggctttac 1140
 gtgcccattg atccaacttg tcagcccatg agattgtata gtacgtgctt gtaccatccc 1200
 aatgcacccc agtgtctctc acatatgaac tccggatgta ctttcacgtc acctcacctt 1260
 gccagcggg tggcttcgac cgtgtaccag aattgtgagc acgcggataa ctacaccgcc 1320
 tattgcctcg gtatctcca catggaacct agtttcggtc tgattctcca tgatggcgga 1380
 actaccctta aattcgtgga caccctgag agtctgtctg gcctctatgt attcgtggtg 1440
 tacttcaacg gacatgtgga ggccgtggcg tacactgttg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaatgcga ttgaggaacg tggctttccc cctactgctg gtcagcccc tgctaccacc 1560
 aagccaagg agatcacgcc cgtaaacca ggaaccagcc ctctgattcg gtacgtgca 1620
 tggaccggag gattggccgc agtggtgctg ctgtgtctgg ttatttcct tatttgcact 1680
 gccaaagcga tgcgagttaa ggctatcgg gttgataaat caccatacaa tcagtcaatg 1740
 tactatgccg gactccccgt ggatgatttt gaggattcag agtcaaccga cacagaggag 1800
 gagttggga atgcgatagg agggagtcac ggtggctcct cctataccgt gtatattgac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 244

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaataagcc tgttgtaggg gtgtaatgg ggttcggtat catcacggga 60
 acattgcgga ttactaacc tttagggct tctgtgctgc gctatgatga ctttcacatc 120
 gatgaagata aactagacac caacagcgtg tatgagccat actaccatag cgatcatgcc 180
 gagtcaagtt ggggtgaacag gggtagtct tccgaaagg cttacgatca taatagtcca 240
 tatactggc cacggaatga ctatgacggc ttttgaga acgcacacga gcatcacggt 300
 gtttacaacc agggccgagg cattgacagc ggtgagaggt tgatgcagcc aactcagatg 360

tccgctcagg aggattggg cgacgacact gggatccatg tgattccgac cttaaattggg 420
 gatgaccgcc ataagattgt gaatgtggac cagagacagt acggcgacgt ttttaagggc 480
 gacctcaatc caaagcctca aggacagagg ctgattgagg tgtctgtgga ggagaaccac 540
 cctttcactc tgcgtgctcc catccagaga atctatggcg ttcggtatac cgaaacttg 600
 tctttctgc ctagctgac atgtaccgga gacgcagcgc ctgcgattca gcacatatgc 660
 ctaaagcaca ccactgctt tcaggatgtg gtgggtgatg tggactgcmc cgagaatacc 720
 aaggaagacc aactcgtga gatctcttat aggtttcagg gcaagaaaga ggccgaccaa 780
 ccgtggatcg tcgtcaacac aagtacttg ttgacgagc tggagctgga tccacctgag 840
 atcgagcccg gctgtctgaa agtgctccgt actgaaaaac agtaccttg agtttatatt 900
 tgaacatga gggggtcaga cgggacaagc acgtacgcta catttctggt gacttgaag 960
 ggggatgaaa aaactcgaac cccaccccg gctgtgactc cacagcctag gggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaactacca ttctacgtg ttagtgtgg gagatacatt ttcctcgt 1080
 atgcacctcc agtataagat tcacgaagcc cctttgatc tctgtctgga atggctctat 1140
 gtgcccatac acccacttg ccagcccatg aggtgtact caacgtgctt ataccatccc 1200
 aatgcccccc agtgtctcag ccacatgaac tctggatgca ctttacgct acccactt 1260
 gccagcggg ttgctcaac ggtgtaccag aattgtgagc acgcccataa ttacaccgcc 1320
 tactgtctcg gaatttccca catggaaccc agttttggcc tgatcctgca tgatggtgga 1380
 acaacgtca agttcgtgga taccctgag tcgtgtccg gcctatacgt gttgtgtg 1440
 tacttcaacg gacatgtgga ggccgtggca tacactgttg tgagcacctg cgaccatttc 1500
 gtgaatgcga tcgaggagag aggtttcct ccaaccgccg gacaaccccc tgccacaacc 1560
 aagcctaagg agatcacacc tgtgaatcct ggcacctccc cactgattcg gtacgctgct 1620
 tggacaggcg gtctggccgc tgtggtgctc ttgtgttag ttatttcct tatttgact 1680
 gcgaagcgca tgcgggtgaa agcatatcgg gtggataagt cgccttaca ccagagtatg 1740
 tactatgccg gactccctgt ggacgattt gaggactcag aatccacgga caccgaggag 1800
 gagttggga acgctatagg aggtccac gggggctcct cctatacctg ttacatagac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 245

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcactg tcaacaagcc agtgggtggg gtgctaattg ggttcggtat catcacggga 60
acgttgagga tcacaaaccc tgttcgcgct tctgtgctgc gctatgatga ctccatattc 120
gatgaggata aactagatac aaatagcgtg tatgagccat actaccacag cgacctgct 180
gagtcaagtt gggtaaatag ggtgagctt tcccgtaagg catatgacca caatagtcca 240
tacatctggc ctcggaatga ctatgatggg ttcttgaaa atgcccacga gcatcatggt 300
gtttacaacc agggctcggg tattgacagt ggtgagaggc tgatgcagcc tactcagatg 360
tccgtcaag aggatctggg cgatgacacc ggcatcatg tgattccgac ctgaacggt 420
gatgaccggc acaagatcgt gaatgtggac cagaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
gacctaatc ccaagcctca aggcagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaacct 540
ccattcacc tgctgtctcc cattcagaga atctatggag ttccgtatac cgaaacttg 600
tctttctgc ctagtctgac atgtacgggt gatgccgctc cggccattca gcacatatgc 660
ctgaagcata ccacgtgtt tcaggacgta gtggttgatg tagactgtgc ggagaatacc 720
aaggaggacc agctcgccga gattagctat aggttcagg gcaagaagga agcggacca 780
ccgtggattg tcgtcaatac cagtacactg ttgacgagc tggagttgga ccccccgag 840
atcgaacccg gcgtgttaaa agtgcttct actgaaaagc agtatctcg agtgtatata 900
tggaatatga ggggctccga tggtaacgc acatacgcta catttctggt gacatggaag 960
ggcgacgaga agaccagaaa cccacccct gctgtgacct cacagccaag gggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattacca ttctatgtg tttagtgtg gggatacct ctctctcgct 1080
atgcacctc agtacaagat tcacgaggcc cctttgatc tctactgga gtggctctac 1140
gtgcccatag atccgacttg tcagcccatg agattgtaca gtacctgctt gtacctccg 1200
aacgcccccc aatgtctgtc tcatatgaac tctgggtgca cttcacgct accacattt 1260
gccagcggg ttgcgtccac ggtgtaccag aactgcgagc atgcagataa ttactgtcc 1320
tactgtctag gcatcagcca catggagcct agtttcggtc tgattctgca tgatgggggc 1380
accactctca agttcgtgga tacgcctgag agcctaagcg gtctttacgt gttgtgtt 1440
tactttaacg gacacgtgga ggccgtggc tacactgtg tgagcaccgt ggatcattc 1500
gtgaacgcca tcgaggaaa aggccttcct ccaaccgctg gacagcccc tgccacaacc 1560
aagcctaagg agatcaccct tgtgaatccc gggacctccc cactgattcg gtatgccga 1620
tggacagggg gtttagcggc tgggtgctg ttgtgtctag taattttct tattgcact 1680
gccaaagcga tgcgagtga ggcttatcgg gtggataaaa gtccctacaa tcagtctatg 1740

```

tactatgccg gacttcctgt tgacgacttt gaggactcag agtcgaccga cacagaggag 1800
 gaattggga acgcaatagg agggctcac ggaggtcct cctatactgt gtatatagac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 246

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg tcaataagcc tgggttggg gtttaatgg ggttggtat cattactggg 60
 acactcagga tcaccaatcc tgtagggcc tcagtgtgc gctatgatga cttcacatc 120
 gatgaggata aactagatac caacagcgtg tatgaaccgt actaccacag cgaccatgct 180
 gagagttcct gggtaaatcg cggtgaatct agccgcaagg cttatgatca taattctcca 240
 tatactggc cacggaatga ttatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacgga 300
 gtctacaacc agggccgagg aattgacagt ggtgaacgtt tgatgcagcc cactcaaatg 360
 tccgcccagg aggatctggg cgacgacact gggatccatg tgattccgac cttgaacggt 420
 gacgaccggc ataagattgt gaatgtggat cagaggcagt atggcgacgt gttcaagggc 480
 gaccttaatc ctaagcctca gggacagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggaaaaccat 540
 ccttcacac tgcgggctcc cattcagaga atctatggtg ttcggtatac cgaaacttg 600
 agctttctgc ccagtctgac atgtaccggg gacgccgccc cggccattca gcacatctgc 660
 ctgaagcata cgacatgctt ccaggatgtg gtggtggatg tcgactgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aactcgctga gatcagctat cgatttcagg gcaagaagga ggctgaccaa 780
 ccgtggatcg tcgtcaatac aagtactctg ttgacgagc tggagctcga tccacccgag 840
 attgagcccg gcgtgttgaa agtccttctg acggagaagc agtacctcgg agtgatatc 900
 tggaacatgc gggggagcga cggtaacaagt acgtacgcta ccttctggt gacatggaaa 960
 ggtgacgaga aaacaagaaa cccacccct gctgttactc cacagcctag ggtgctgag 1020
 ttccatgtt ggaattacca cagccacgtg ttagtgtgg gagatacctt ctccctggct 1080
 atgcatctcc agtacaagat ccacgaggct ccttcgatt tactgtgga gtggctctac 1140
 gtgcctattg atccaacgtg tcaaccaatg agattgtaca gtacgtgctt gtatcacccc 1200

aacgcacccc aatgtctgtc tcatatgaat tctgggtgca ctttcacatc tccccatctt 1260
 gccagcggg ttgcctcaac ggtataccag aactgcgagc acgcagacaa ctacaccgcc 1320
 tactgcctgg gtatctcaca tatggaacct agtttcggcc tgattctcca tgacggcggc 1380
 actactctca aattcgtgga tacgcctgag agcctgagcg gtctctacgt gtttggtgtg 1440
 tactttaacg gacacgtgga ggccgttgcc tacaccgttg tgagcaccgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcga ttgaggaaag aggccttcct ccgaccgctg gacagcccc tgccaccacc 1560
 aagcctaagg agattacacc cgtgaacccg ggaacctccc cactgattcg gtatgctgct 1620
 tggaccgggg ggctggccgc cgtggtgctg ttgtgtctgg taattttct tatttgact 1680
 gccaaacgca tgcgagtga ggcttatcga gtggataagt cgccttaca tcagtcgatg 1740
 tactatgctg gtctccctgt ggacgattt gaggattcag aatccactga tacagaggag 1800
 gaattcggga acgcatagg agggcccac ggggggtcgt cctataccgt gtacatagat 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 247

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaataagcc agtagtggg gtcctgatgg gggttggtat tattactggc 60
 acgctcagga taactaacc ttgagggcc tctgtgctgc gctatgacga ctttcacatc 120
 gatgaggaca aactagatac caacagcgtg tatgagccat actaccattc tgaccatgcg 180
 gagagtagtt gggatgaatg gggtagtct tccgcaagg cttatgacca caatagtcca 240
 tatatctggc ccagaaatga ctatgatggc ttcttgaga acgcccata gcatcacggt 300
 gttacaacc agggccgagg gattgacagt ggtgaaagg tgatgcagcc taccagatg 360
 tctgccagg aggacctggg cgacgacact gggatccatg ttattccgac tctaatggc 420
 gacgatctc acaagatcgt gaatgtggat cagaggcagt atggcgatgt gtttaagggt 480
 gacctaatc caaagcctca gggacagagg ttgattgagg tgcggtgga ggaaaacat 540
 ccattcactc tccgtgcccc cattcagaga atctatggag tacggtatac cgagacttgg 600
 tctttctgc ccagtcttac gtgtaccggg gacgccgcc cggccatcca gcacatctgc 660

ctgaagcata caacatgctt tcaggatgtg gtggtggacg tggattgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc aactcgctga aatctcttac aggtttcagg gcaagaagga agcagaccaa 780
 ccttgattg tcgtgaatac gagtactctg ttcgacgagc tggagctcga tcctcccgag 840
 atcgagcccg gcgtgctgaa ggtgctacgt actgaaaaac agtatctcgg agtatatatt 900
 tggaacatga gggggtcaga tggtagtca acgtacgcta ctttctggt gacgtggaag 960
 ggcgacgaga agactcgaaa tccactccg gcagtgaact cacagcctag gggagccgag 1020
 ttacacatgt ggaactacca tagccacgtg ttagtggtg gagatacgtt ttcctggct 1080
 atgcacctcc agtataagat tcacgaggcc cccttcgac tttactgga gtggctctac 1140
 gtgcccattg atcccattg tcagcctatg agactgtatt ctacgtgcct gtatcatcct 1200
 aacgcccctc aatgtctcag ccataatgaat tctggatgca cttcacgtc acccatctt 1260
 gccagccggg ttgcgtccac ggtgtaccag aactgtgagc acgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgcctag gcatctcaca catggaacct tcattcggcc tgatcctgca tgatggtggc 1380
 actaccctca agttcgtgga taccctgag agcctgagtg gcctatacgt gttcgtgtgc 1440
 tactcaatg gacatgtcga ggccgtggcc tacacagttg tgagcaccgt cgaccattc 1500
 gtgaatgcga tcgaggaaag agggtttct ccaaccgctg gacaaccccc tgcgacaact 1560
 aagcctaagg agatcacacc cgtgaatccc ggaacctcgc cctgattcg ctacgcggcc 1620
 tggaccggcg gtctggccgc ggtggttctg ctgtgttag taattttct catctgcacc 1680
 gccaaagcga tgcgggtgaa ggcttaccgg gtggacaagt cgccttaca ccagtctatg 1740
 tactatgccg gattgcctgt ggacgatttt gaggactcag agtctacgga cacagaggag 1800
 gagtttgga acgcgatagg aggggtccat gggggctcct cctacaccgt gtacatagat 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 248

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaaacc agtgggtggg gtctgatgg ggttcggtat catcacggga 60
 acgttaagga taactaacc cgtcagggcc tctgttctgc gatagatga ctccatatt 120

gacgaggata aactagatac caacagcgtg tatgagccat actaccacag cgatcatgct 180
 gagtcatcct ggggtgaacag ggggtgaatct agccgcaagg cttatgatca taatagtccc 240
 tatatttggc cacggaatga ctacgatggg ttcttgaga atgccacga gcatcacggt 300
 gtttacaacc agggccgagg gattgacagc ggagagaggc tgatgcagcc tactcagatg 360
 agtgctcagg aggatctggg cgacgacact gggattcatg ttattccgac cttaaaccgt 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaatgtggat caaaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
 gaccttaatc ccaaacctca ggggcagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaaccac 540
 cctttcacac tgcgggctcc cattcagaga atctatggag ttcggtacac cgaaacttg 600
 tctttctgc ccagtctgac atgcactgga gatgccgctc cagccattca gcacatctgc 660
 ctgaagcaca ccacctgttt ccaagacgtg gtggtggatg tagactgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggatc aacttgccga gatctctac aggtttcagg gcaagaaaga ggccgaccaa 780
 ccttgatcg tcgtgaacac gagtacttta ttcatgaac tggagctgga tccccctgag 840
 attgagcccc ggggtctgaa agtgcttaga actgaaaagc agtatctggg agtttatatc 900
 tggaaatga ggggggtccga tggtagagc acgtacgcca cattcctggt gacatggaag 960
 ggcgacgaga agaccagaaa ccccaccct gctgtgacct cgcagcctag gggggcgagg 1020
 ttccatgt ggaattatca ttctacgtg tttagcgtgg gagacacatt ttccctggct 1080
 atgcaccttc agtacaagat tcacgaagcc cttttgatc tctgctgga atggctctac 1140
 gtgcccatag atccaactg tcagccgatg agactgtaca gtacgtgcct gtatcatccc 1200
 aacgtcccc agtgtcttc tcatatgaac tccggatgca ctttcacgag tctcatctt 1260
 gccagcggg ttgcctccac ggtgtaccag aactgtgagc acgcagataa ttacactgcc 1320
 tactgccttg gcatctcca catggaacct agtttgggc tcatcctcca tgatggcggc 1380
 acaacttta agttcgtcga tccccggag agcctcagcg gtctctacgt gttgtgtgc 1440
 tacttaacg ggcatgtgga ggctgtggc tacaccgtgg tgagcaccgt cgatcattc 1500
 gtgaacgca tcgaggaaag aggctttcct ccgaccgctg ggcagcccc tgccacaacc 1560
 aaacctaagg agattacacc tgtgaacca gggaccttc cattgattcg gtatgctgct 1620
 tggaccggag gtctggcggc tgtgtcctg ttgtgttag tgatattct tatttgaca 1680
 gccaaacgca tgcgagtga ggcatacgc gtggataagt cgccttaca ccagtctatg 1740
 tactatgccg gctccccgt ggacgattt gaggactcag aatccacgga cacggaggag 1800
 gagtttgca atgctatagg aggtctcac gggggctcct cctataccgt ctatatagac 1860
 aagactcg

1869

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcactg tcaataagcc ggttggtggc gtgtgatgg ggttcggtat catcactgga 60
acattgagga taacgaaccc tgtacgagcg tctgtgctgc gctatgacga ctccatattc 120
gatgaggata agctagatac taacagcgtc tatgagcctt attacatag cgatcatgct 180
gagtcacatc ggggtgaacag ggggtgagtct tcccgcaagg cttatgatca taatagtcca 240
tacatctggc cacggaatga ctatgatggc ttctggaga atgcccacga gcatcacggt 300
gtttataacc agggccgagg aattgacagt ggtgagaggc ttatgcagcc tactcaaagt 360
tccgctcagg aggatctggg cgacgacact ggaatccatg tgattccgac tttaaagtgt 420
gatgaccgcc ataagatcgt gaatgtggat cagaggcagt acggcgatgt atttaagggc 480
gaccttaacc ctaagccaca gggccagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggaaaatcat 540
cctttcactc tgcgagctcc gattcagaga atctatggcg ttcgttacac cgaaacttgg 600
tccttccttc ctagtctgac ctgcactggg gacgctgctc ctgccatcca gcacatatgc 660
ctgaagcaca cgacatgctt ccaggacgtg gtggtggatg tagattgtgc agagaacacc 720
aaggaggatc aactggctga gatctcatat aggtttcagg gaaagaagga ggcagatcag 780
ccttgatagc tcgtcaacac gagtactctc ttgacgaac tcgagctgga tcctcccgag 840
atcgaaccgg gcgctctgaa agtgcttctg actgagaagc agtatctcgg agtttatatc 900
tggaatatga ggggggtccg tggtagcagc acgtacgcaa cctttctggt gacatggaag 960
ggcgacgaga agactagaaa cccactcct gctgtgactc ctacgcctag gggggccgag 1020
ttcacatgt ggaattacca ttcccacgtg ttagtgtgg gagatacatt tagtctcgct 1080
atgcacctcc agtacaagat tcacgaggcc cctttgact tgctgctgga gtggctttac 1140
gtgcccatac accccacttg tcaacccatg aggcgtgata gtacctgct gtatcatcca 1200
aacgcccccc aatgcctgag ccatatgaac tctggatgta cttttacaag tcctcatctt 1260
gcccagcggg ttgcgagtac ggtgtatcag aactgcgagc atgcagataa ttacttgcc 1320
tattgcctag gaatctcca catggaacct agtttcggcc tgatcctgca tgacggtgga 1380
actactctta agttcgtgga taccctgag agcctgagcg gcctctatgt gttcgtgtc 1440
tactttaacg gacacgtgga ggccgtggct tatacagttg tgagcaccgt tgaccatttc 1500

```

gtgaacgcga tcgaggagag aggccttcct ccgaccgctg ggcagcccc tgccacaacc 1560
 aagcctaagg agatcactcc tgtgaacccg gggaccagcc cactgatccg atatgtgcc 1620
 tggaccggcg gtctggcagc cgtgggtctg ttgtgttag ttatcttcct catttgact 1680
 gcgaagcgca tgcgagtga ggcataatcg gtggacaagt cgccctacaa tcagtctatg 1740
 tactatgtg gactccctgt cgatgattt gaggactcag aatctacaga cacagaggag 1800
 gagttcgga acgcgatagg tggatccac ggggggtcta gctataccgt ttacatagat 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 250

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtacgg tcaacaagcc tgtggtcggg gtgctgatgg ggttcggtat catcacggga 60
 acctgagga tcacgaaccc tgtagggcc tctgtgctgc ggtatgatga ctccacatc 120
 gatgaagata agctggacac caacagtgtg tatgagccat attaccatag cgaccatgcc 180
 gagtcatcct ggggtgaatag gggcgaatct tccaggaagg cctatgatca taatagtcca 240
 tatactggc ccagaaatga ctatgatggc ttttggaga acgcccacga gcatcacggt 300
 gttacaacc agggccgagg aattgactcc ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgccagg aggatctggg cgacgataca ggaatccatg ttattctac cttaaacggt 420
 gacgaccggc ataagatagt gaatgtggat cagaggcagt acggcgatgt ttttaagggc 480
 gaccttaac caaacctca ggtcagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaacat 540
 ccttcactc tgcgagctcc catccagcg atctatggg ttcggtatac cgagacttg 600
 tctttttgc ctagtctgac atgtactggc gacgccgccc cgccattca acacatatgt 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggacgtg gtggtggatg tagactgcgc agagaatact 720
 aaggaggatc aactcgctga gatctctac aggttcagg gtaagaagga ggctgatcaa 780
 ccgtggatag tcgtcaacac gactactctg ttgacgaac tggagctgga tccccggag 840
 atcgagcccg ggggtctgaa agtgcttctg actgagaaac agtacctcgg agtttatatt 900
 tggacatga ggggggtcta tggtaaacg acgtacgcta ccttctggt tacatggaag 960

ggcgacgaga agactagaaa tcccaccct gctgtgactc cacagcctag gggggccgag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg tttagtgtgg gagatacatt tagtctggct 1080
 atgcacctgc agtacaagat ccatgaagcc ccttcgatt tactgctgga gtggctctac 1140
 gtgcccacgc atccaacttg tcagccaatg agattgtaca gtacgtgcct gtaccatccc 1200
 aacgcccctc agtgtttgag ccatatgaat tctggatgta cttttacgtc ccccatctc 1260
 gccagcgag ttgcgtccac ggtgtaccag aactgtgagc acgcagataa ttataccgcc 1320
 tactgtctgg gcatctcaca catggagcct agtttcgggc tgatccttca tgatgggtga 1380
 accacactca agttcgtaga taccctcgaa tccttgagcg gctgtacgt gttcgttga 1440
 tacttcaacg gacatgtcga ggccgtggcc tacactgtcg tgagcaccgt tgatcattc 1500
 gtgaacgcga tcgaggagag ggggttctc cgcacggctg gacagcccc cgccacaacc 1560
 aagcctaagg agatcacgcc tgtcaatcca ggaacctgc cctgatacg gtatgccgct 1620
 tggaccggcg ggctcgccgc cgtggtgttg ttgtgttag ttatctttt gattgtact 1680
 gccaagcgga tgcgagtaa ggcatatcgg gtggataagt cgccctaaa tcagtctatg 1740
 tattatgccg gactgcctgt ggacgattt gaggactcag agtctaccga tacggaggag 1800
 gagttcggga acgcatagg agggctccat gggggctcca gttataccgt gtatatagat 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 251

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaacaagcc tgtggtgggg gtctgatgg ggttcgggat catcacaggg 60
 acattgagga ttactaacc ttctcgggcc tctgtctgc gctatgatga ctccatatt 120
 gatgaggata aactggatac caacagcgtg tatgagccat attaccatag cgaccatgcc 180
 gaatcatcct ggggtgaatcg cggggagtca tctcgtagg cttatgatca taatagtccg 240
 tacatctggc ccagaaacga ttatgatggc ttcttgaga atgccacga gcatcacggt 300
 gtttacaacc agggccgagg aattgacagt ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
 tccgtcagg aggatctggg cgacgacact gggattcatg tgattccgac ttgaacggt 420

gatgaccggc ataaaatcgt gaatgtggat cagaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
 gatcttaatc caaagcctca gggacagagg ttgattgagg tgtccgtgga ggagaaccat 540
 ccctttacgc tgcgtgctcc catacagaga atctatgggg ttcggtatac cgaaacttgg 600
 agcttttccc ctagtctgac atgtacgggc gacgctgctc ccgctatcca gcacatatgt 660
 ctgaagcaca caacgtgctt ccaggacgtg gtgggtggatg ttgactgtgc cgagaatacc 720
 aaggaggacc aactgcaga gatcagctac aggtttcagg gcaagaaaga ggcagaccag 780
 ccgtggattg tcgtcaacac atctacgctg ttgacgaac tggagctcga tctcctgag 840
 attgagcccg gcgtcctgaa agtgctgctg actgaaaagc agtacctcgg agtttatatt 900
 tggaaatga ggggtagtga tggtagcagc acgtacgcta cgtttctggt gacatgaaa 960
 ggcgacgaga agacacgaaa cccacccct gctgtgactc cacagccaag gggggccgag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg tttagtggtg gcgatacatt ttctctgct 1080
 atgcacctcc agtataagat ccatgaagca ccttcgatc tactactgga gtggctctac 1140
 gtgcccatag atccaacctg tcagcccatg agattgtaca gtacgtgtct gtaccatccc 1200
 aacgtcccc aatgtctgag tcatatgaac tctggttga ctttcacgtc tccccatctc 1260
 gccagcggg ttgcctccac ggtgtaccag aactgcgagc atgcagacaa ctacactgcc 1320
 tattgcctcg ggatctccca tatggagcct agtttcgggc tcatcctcca tgatggcggc 1380
 accactctca aattcgtgga tactcctgag agcctgagcg gcctgtacgt gttcgtagtc 1440
 tactttaacg gccatgtgga ggctgtggcc tacactgttg taagtactgt cgaccatttc 1500
 gttacgcaa tcgaggaaag gggctttccg ccgactgccg gacagcccc cgccacaaca 1560
 aagcctaagg agatcacccc tgtgaacccc ggtacttccc cactgattcg gtatgtctgt 1620
 tggactggcg gtctggccgc agtcgtgctg ttgtgttag taattttct gattgtaca 1680
 gccaaaagga tgcgagtga agcttatcga gtggacaagt cgccttaca ccagtcaatg 1740
 tactatgccg gactccctgt tgatgattt gaggactcag aatctaccga caccgaggag 1800
 gagtttgga acgcgatagg aggtctcac ggggggtcat cctacactgt gtacatagat 1860
 aagactcg 1869

Número de secuencias (ID): 252

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggactg tcaacaaacc cgtggcgga gtgctgatgg ggttcggtat tatcacgggg 60
 actctccgga taactaacc ttttcgccc tccgtgctgc gttatgatga ctccacatc 120
 gatgaggaca aactagacac caactctgtg tatgagccat actaccacag cgacctgct 180
 gagtcatctt gggcaatag gggagagtct tccagaaagg cttatgatca taacagtcca 240
 tatactggc cccggaatga ttatgatggc tttctggaga acgcccacga gcatcacggt 300
 gttacaacc agggccgagg aattgacagt ggtgagagat tgatgcagcc tactcaaag 360
 tccgcccagg aggatctggg cgatgacacg gggatccatg tgattccgac cctgaatggt 420
 gacgaccgcc ataagatcgt gaatgtggat cagaggcaat acggcgacgt gttcaagggc 480
 gaccttaac cgaagcctca gggccagagg ttgattgagg tgtctgtgga ggagaacct 540
 cctttcactc tgcgtgctcc catccagaga atctatggag ttcggtatac cgaaacttg 600
 tctttctgc ctgctgac ctgtaccggg gatgccgccc ccgcatcca gcacatatgc 660
 ctgaagcaca ccacgtgctt tcaggacgtg gtggtggatg tagattgtgc agagaatacc 720
 aaggaggatc agctcgctga gatctcttat aggtttcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgatcg tcgtcaacac gtccactctg ttgacgagc tggagctgga tctcccgag 840
 atcgagcctg gcgtgctgaa ggtgcttctg actgagaaac agtatctcgg agtctatc 900
 tggaaatga gggggcgga cgttacaagc acgtacgcta catttctggt gacatggaag 960
 ggcgacgaga agactagaaa cccgactccc gctgtgactc cacagcccag ggtgcccag 1020
 ttccatgtt ggaattatca ttctacgtg ttagtggtg gagatacatt tagtctcgt 1080
 atgcacctcc agtacaagat tcacgaagcc ccctcgatc tgctactgga gtggctctac 1140
 gtgcccattg atccaacttg tcagccgatg agactgtaca gtacgtgctt gtatcaccca 1200
 aacgtcccc agtgtctaag ccatatgaac tctggatgca cctcacatc ccccatctt 1260
 gccagcggg ttgctctac ggtgtatcag aactgtgagc acgcccagaa ttacaccgcc 1320
 tattgcctag gcatcagcca catggaacct tcttcggac tgatcctca tgatggtgga 1380
 actactctca aattcgtgga cagcctgag agcctgagcg gcctgtacgt gttgtgtg 1440
 tactttaacg gacatgtgga ggccgtagct tacaccgtt tgagcaccgt cgatcattc 1500
 gtgaacgca tcgaggagag aggatttccc ccgaccgctg gacagcccc tgccaccaca 1560
 aagcctaagg agatcacacc cgtgaatcca ggcacatccc cattgattcg gtatgctgca 1620
 tggaccggcg gtctggccgc cgtggtgctg cttgtctgg taatttctt gattgtact 1680
 gctaagcgca tgcgagttaa ggcataccgg gttgacaagt cccatacaa tcagtctatg 1740
 tactatgccg ggcttctgt cgacgatttt gaggactcag aatcgaccga cacagaggag 1800

gagttcggga acgcgatagg tgggtccac gggggctcct cctacaccgt gtacatagat 1860
aagactcga 1869

Número de secuencias (ID): 253

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tcaacaagcc cgtggtggga gtcctgatgg gattcggtat tatcactggc 60
accctcagga tcaccaatcc cgtcagggct tctgtcctac gctatgacga ttccacatc 120
gatgaagaca agctggacac taatagcgtg tatgaacat actaccacag cgaccatgcg 180
gagtcacat gggtaaccg gggcgagtct tctaggaaag cctacgatca taatagtcca 240
tacatctggc cacggaatga ctatgatgg ttttggaaa acgctcatga gcatcacggc 300
gtttacaacc aggggcgggg aattgacagt ggtgagaggt tgatgcagcc tactcagatg 360
tccgtcagg aggatctggg cgacgacact ggcattcatg tgattccgac ctgaacggc 420
gacgaccgcc acaagatcgt gaatgtggac caacggcaat atggtgatgt gtttaaaggg 480
gatctgaatc caaagcctca aggacagagg ctgattgagg tctctgtgga ggagaacat 540
ccttctactc tgcgcgtcc aattcagagg atctacggag ttcggtatac cgaaacttgg 600
tcgttctgc ccagtctcac atgcaccggg gatgctgctc cagcgatcca gcacatttgc 660
ctcaagcata caacttgctt ccaggatgtg gttgtggatg tggactgtgc agagaacacc 720
aaagaggacc agctggctga gatctcttac agattcagg gcaagaagga ggctgaccag 780
ccatggatcg tggtaacac ctctaccctg ttcgatgaac tggagcttga tctcccgaa 840
atcgaaccag ggggtctgaa agtgctgcga acagaaaagc agtatctcgg ggtatacata 900
tgaacatga ggggtagcga tgggaccagc acgtatgcaa cgttctggt gacttgaag 960
ggcgacgaaa agacacggaa cccacgcct gctgtgaccc cacagcctag aggcgcggag 1020
ttccacatgt ggaattacca ttctcatgtc tttagcgtag gggacacatt ctactggct 1080
atgcacttac agtataagat ccatgaagcc ccattcgatc tctgtctgga gtggctttac 1140
gtgcccattg acccaacttg ccagcccatg cgtctgtata gcacctgctt gtaccacccc 1200
aatgcacccc aatgtttgtc ccatatgaac tctggatgca ccttcacttc accacacctt 1260

gccacgagg tgcctctac cgtgtaccag aactgcgagc atgcagataa ttacaccgcc 1320
 tattgcctag gcatctccca tatggaacct agtttcggcc tgatcctgca tgacggcgga 1380
 accactctta agttcgtcga taccctgaa agcctgagcg gcctctatgt gttgtgtg 1440
 tatttaacg gacatgtgga ggccgtggct tacaccgttg tgagcaccgt tgatcacttc 1500
 gtgaacgcga tcgaagaacg tggtttcct cctacggctg gtcagccccc agctaccacc 1560
 aagcccaagg agattacccc cgtgaacctt gggacgtccc ccctgatccg gtatgctgcc 1620
 tggaccgggg gcttgccgc agtggtgctg ttgtgtctgg ttatcttct gatttgcacc 1680
 gctaagcgca tgcgagtcaa ggcctatcgg gttgataaga gtccttaca ccagtcaatg 1740
 tactatgccg gactccctgt gtagtattt gaagattcag agtcaacgga cacagaggag 1800
 gaattcggca atgcaatagg agggctctat ggaggctcct cttataccgt gtacattgac 1860
 aagactagg 1869

Número de secuencias (ID): 254

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tcaataagcc agtcgtgggt gtgctcatgg ggttcggtat tatcacggga 60
 aactgcgca taacaaaccc ttttagggca tctgtgctgc gctatgacga cttccacatc 120
 gacgaggata aactagatac caacagcgtg tatgaacat attaccatag cgaccatgct 180
 gagtcaagtt gggatgaatg gggtagtct tcccgcaagg cttatgatca taatagtcca 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgatggc ttcttgaga atgctcacga gcatcacggt 300
 gtttacaatc aagggcgagg gattgacagt ggcgagcgtc tgatgcagcc aactcagatg 360
 tccgctcagg aggatctggg cgacgacact gggattcatg ttatcccgac attaaacggt 420
 gatgaccggc ataagatcgt gaacgtggat cagaggcagt acggcgatgt gtttaagggc 480
 gacctaatc ctaagcctca gggacagagg ctgattgagg tgtctgtgga ggaaaacat 540
 cctttcactc tgcgtgctcc cattcagaga atatatggtg ttcggtatc tgaaacttgg 600
 tctttctgc ctagtctgac atgcactgga gacgccgctc cggccattca gcacatatgc 660
 ctgaagcata ccacctgctt ccaggatgtg gtggttgatg tcgactgtgc agagaatacc 720

aaggaggatc aactcgccga gatctcctac aggtttcagg gcaagaagga ggcagaccag 780
ccgtggattg tcgtcaacac aagtaccttg ttgacgagc tggagctcga tcctcctgag 840
attgagcccc gcgtgttgaa agtgcttctg acagagaagc agtatctcgg agtgtatatc 900
tggaacatga ggggttccga tggacttct acgtacgcca catttctggt gacatggaag 960
ggcgacgaga aaactcgaaa tcccacacct gctgtgactc cacagcctag gggggctgag 1020
tttcatatgt ggaattacca ttctcatgtg tttagtgtgg gagatacctt ttcctcgct 1080
atgcacctcc agtacaagat tcacgaggcc cccttcgac ttctactgga gtggctctac 1140
gtgcccattg atccaacttg tcagcccatg agactgtaca gtacgtgcct gtatcatccg 1200
aacgccccctc aatgtttatc acatatgaat tctggatgca ctttacttc tccccatctc 1260
gcccagcggg ttgcatccac ggtgtatcag aactgcgagc atgcagataa ttacaccgcc 1320
tattgcctgg ggtatctgca catggaaccc agtttcggcc tgatcctcca tgatggcgga 1380
actacactca agttcgtgga cactcctgag agcctgtcgg gcctatacgt gttgtgtgc 1440
tactttaacg ggcatgtaga ggccgtggcc tatactgtcg tgagcaccgt agatcatttt 1500
gtgaatgcga tcgaggaaag aggccttccc ccgaccgcag gccagcccc tgccacaacc 1560
aagcctaagg agattactcc tgtgaacccc ggtacatcac cactgattcg gtatgctgcc 1620
tggaccggag gtctggccgc cgtggtgctg ttatgtttag tgatctttt gattgcacc 1680
gcaaagcgga tgcgagtga agcgtatcgg gtggataagt cgccctacaa ccagtctatg 1740
tactatgccg gactccctgt ggtatgttt gaggattcag aatccaccga cacagaggag 1800
gagtttggga acgcgatcgg aggggtccac gggggctcct cctataccgt gtacatagat 1860
aagactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 255

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcacag tgaacaagcc agtggtaggc gtgctgatgg gcttcggcat catcactgga 60
accttgcgga tcacaaaccc cgtgagggcc agcgtctgc gttacgatga cttccacatc 120
gacgaggaca agctggacac taacagtgtg tacgagccat attaccactc cgatcatgca 180

gagagttcct gggatgaatcg cgaggagagc agccggaagg cttatgacca caactctccc 240
 tacatctggc cccggaacga ctatgatggc ttcttgaga acgcccacga gcaccacggg 300
 gtgtataacc aggggcgtgg catagattcc ggggagaggc tgatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aagatctcgg ggatgatact ggaatccacg tgattccaac cctgaacggg 420
 gacgaccggc acaagatcgt caacgtggat cagcgccaat atggcgacgt ttttaagggg 480
 gacctgaacc ccaagcctca gggccagaga ctattgagg tgcagtga ggaaaaccac 540
 ccttcaccc tccgcgcacc tatccagcgt atttatgggg tgcgttacac cgagacttg 600
 agctttctgc caagtctcac ctgcacaggc gacgccgcc cagctataca gcatattgt 660
 ctgaagcata caacatgctt ccaagacgtg gtgtggacg tcgactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaggatc agcttgctga aatctctac cgattcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccttggaattg tggatgaac gagcacccta ttgatgagc tggagctgga ccctcccgag 840
 atcgagcccg ggggtgctgaa agttctccg acggagaagc agtacctcg ggtctatc 900
 tggaatatga gaggctctga cgggacctt acatacgcta cgtttctgt cacctggaaa 960
 ggtgacgaga agactcgga cccacccca gctgtgact cacagcccag gggtcggag 1020
 ttccatgtt ggaattacca ttacacgtg ttctgttg gggacacatt cagccttgc 1080
 atgcatctgc agtataaaat tcacgaggcc cctttgacc tgcgtctga gtggtgtat 1140
 gtgccatag acccgacctg tcagccatg agactgtact caacatgcct ctaccatcca 1200
 aacgcaccac agtgctgag ccacatgaat tcgggtgca ctttaccag ccctcacctg 1260
 gctcagaggg tggcctaac agtgtaccag aactgcgagc acgagataa ttactgtcg 1320
 tattgtttg gtatcagtca tatggagccc agttcgggc tcattctgca tgacggaggc 1380
 actaccctca agttcgtgga tactcccag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttgt 1440
 tacttcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacaccgtg tgcacacagt ggatcattc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg gggcttccg cccaccgcc gccagcctcc ggcaaccacg 1560
 aagccgaagg agataactcc cgttaatccc gggacgtccc ctttgataag gtatgcagcg 1620
 tggaccggag gtctggccgc ggtggtgctc ctctgtctg tgattttct gattgcacc 1680
 gccaagcgga tgcgagtcaa ggcatacagg gtggacaagt caccctacaa tcagagtatg 1740
 tactacgccg ggctccctgt ggatgacttt gaggactccg aatcaaccga cactgaggag 1800
 gaggtcggca acgcatcgg agggagccac ggcggctcgt catacactgt gtacatcgac 1860
 aaaactcgg 1869

Número de secuencias (ID): 256

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggtaccg tgaataagcc cgtggtaggc gtgctcatgg gctttggtat aattaccggc 60
aactgcgga ttacaaatcc tgtgcgtgcc agcgtcctga gatacgatga ctccacatc 120
gacgaggaca agctggatac aaacagcgtc tatgagccat attaccacag cgatcatgcc 180
gaatcctcct ggggtgaatag gggggagtca agccgcaagg cgtacgacca taactcccc 240
tacatctggc cccggaatga ctatgacggg ttcttgagga acgcccata gcacatgga 300
gtgtacaacc agggacgcgg catagattct ggggagaggc tgatgcagcc tacacagatg 360
tccgccagg aggattggg agatgatacc gggattcacg tgatccccac tttaaaggc 420
gacgatcgcc acaagatcgt caacgtggat caaagacaat acggtgacgt ctcaagggg 480
gactgaatc ccaagcctca gggccagcgg ctgatcgagg taagcgtgga ggagaacct 540
ccctcacct tgcgggctcc catccagcgg atctacggg tacgatacac cgagacttg 600
agttttctgc caagtctcac atgcacaggc gacgccgccc ccgccatcca gcatatttg 660
ttgaagcata caacatgtt ccaggatgtg gtggtggacg tcgactgtgc agaaaatacc 720
aaggaagatc agctggctga gatttcttac cgcttcagg gtaagaaaga ggccgatcag 780
ccttgatcg ttgtcaacac gattaccctg ttgacgagc tggaacttga tccgccagag 840
atagagccc ggggtctgaa ggttctccgc acggaaaaac agtacctggg agtgtacatc 900
tggaacatga ggggttccga cgggacctcg acctatgcca cttcttggt gacctggaag 960
ggggacgaga agacgcggaa cccaccccg gctgtcacc cgagccccg gggagcggag 1020
ttcacatgt ggaactacca ctccacgtg tttccgtgg gggatacctt ctctctgt 1080
atgcatttg agtacaagat acacagggcc ccctcgatc tgctgctgga gtggctgtat 1140
gtgccattg atcctacttg tcagccgatg cggctgtata gcacctgcct ttaccacccc 1200
aacgccccac agtgtctgag ccatatgaac tcgggctgta ctttactag cccgcacttg 1260
gctcagaggg tggccagtac agtgtaccaa aactgtgaac acgctgacaa ctacaccg 1320
tattgtctgg gcatcagcca catggagccc agtttgggc tcattcttca cgatgggggc 1380
accacctca aattgtgga taccctgag agcttgagcg gcctgtatgt gttcgtgtg 1440
tactcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tcagcacagt tgaccacttc 1500
gtgaacgcca ttgaggagcg tgggttccc cccaccgcc gccagcctcc tgcgaccacg 1560

```

aagccgaagg agatcacccc tgtgaaccca gggacgtctc cactgattcg ctatgctgcg 1620
 tggacaggag gacctggccgc ggtggtgctc ctctgccttg tgatttttt gatttgcacc 1680
 gcaaagcggg tgcgagtcaa agcttatagg gtggataagt cccctacaa tcaatccatg 1740
 tattacgccg ggctgcccgt cgatgacttt gaggattccg agtccacaga cactgaggag 1800
 gagttcggca acgccatcgg cggcagccac ggtgggtcat cttatactgt ttacattgac 1860
 aaaacaaga 1869

Número de secuencias (ID): 257

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaataagcc agtggttaga gtgttgatgg gcttcggcat tatcactggc 60
 accttgcga tcacaaaccc tgtgcgagcc agcgtcctgc gttacgatga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggatac gaatagcgtg tatgagccat attaccactc cgatcatgca 180
 gagtcctcct ggggtgaacag gggggagtct agccggaagg cttacgacca caattccccc 240
 tacatctggc cccggaacga ttatgacggg ttcttgagga acgcccata gcatcatgga 300
 gtgtataacc agggacgcgg catcgattcc ggggagcggc tcatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggacctcgg ggatgatacc gggatccacg tgattccaac cctgaatggg 420
 gacgatcggc acaagatcgt caacgtggat caacgccaat atggcgatgt ttcaaaggg 480
 gatcttaacc ctaagcccca gggccagcgg ctaatcgagg tgagtgtgga ggagaacat 540
 ccattcacct tgagagcccc gatccagcgt atctatgggg tgcgttatac tgagacttgg 600
 tcattcctgc cgagtcttac ctgcaccggt gatgccgccc cagctataca acacatatgt 660
 ctcaagcata ccacatgctt tcaggacgtg gtggttgatg ttgactgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc agcttcgaga gatttcttac cgcttcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgatcgt tgggaacac gagcaccctg ttgatgagc tggagctgga cctccggag 840
 attgaacccg ggtgttgaa ggtgctgctc accgagaaac aatacctcgg ggtgtatatc 900
 tggaaataga gggggtccga cgggacctcc acatatgcca ctttctcgt cacctggaaa 960
 ggtgacgaga agaccgggaa ccctaccccc gctgtgaccc cacagccgcg ggggtcggag 1020

ttccacatgt ggaactatca tagccacgtg ttctcgttg gcgatacctt cagcctggca 1080
 atgcacctgc agtacaagat acacgaggcc cctttgatc tcctgttga gtggctgtat 1140
 gtgcccacgc accccacatg ccagcctatg cggttgtact ccacctgcct gtaccatcct 1200
 aacgcaccac agtgcttgag ccatatgaat tcgggctgca ctttcaccag cctcatctg 1260
 gcccagaggg tggcctcaac agtgtacaa aactgtgaac acgctgacaa ttacactgcg 1320
 tattgcctgg gtattagcca tatggagcct agttttgggc tcattctgca tgacggtggc 1380
 acaaccctca agttcgtgga ccccccgag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttg 1440
 tacttcaatg gacacgtgga ggccgtggcg tataccgtag tgtcaactgt agaccacttc 1500
 gttaacgcca tagaggagcg cggcttcccg cccaccgccg gccagcctcc tgccaccaca 1560
 aagccgaagg agatcacccc agttaatcct gggacgtctc cctcattcg gtacgccgcg 1620
 tggacaggag gcttgccgc ggtggtgctc ctctgtctgg ttatatttt gatctgcacc 1680
 gccaagcggg tcggggtcaa ggcatacagg gtggacaagt caccctacaa ccagtccatg 1740
 tactacgccg ggctccctgt tgatgacttt gaggactccg aatctaccga cactgaggag 1800
 gagttcggga atgccatcgg cgggagccac ggcggcagta gttatactgt ctacatcgat 1860
 aagacacgg 1869

Número de secuencias (ID): 258

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacgg tgaataagcc ggtggtaggc gtgctcatgg gcttcggtat cattaccggg 60
 accctgcgca tcactaatcc tgtcggggcc agcgtgctgc gttacgatga cttccacatc 120
 gacgaggata agctggacac aaatagcgtc tatgagccgt actaccacag tgatcatgcc 180
 gaatcctcct ggggtgaatag gggagagtca tctcgttaagg cgtacgacca taactctccc 240
 tacatctggc cccggaatga ctatgacggg ttctggaga acgcccata gcaccatgga 300
 gtgtataacc aggggcgcg catagattcc ggggagaggg tgatgcagcc tacacaaatg 360
 tcagcccagg aggatttggg agatgacact gggattcacg tgatccctac cctcaatggc 420
 gacgatcggc ataagatcgt caacgtcgac cagcgccaat atggcgacgt ttttaagggg 480

gacttgaacc ccaagcctca ggggcagcgc ctgattgagg tgagcgtgga ggagaaccat 540
 cctttcacgc tgcgggcccc catccagcgg atctacgggg tacggtacac tgagacttg 600
 agttttctgc caagtctcac ctgcacaggc gacgccgcac ctgccattca gcacatatgc 660
 ctgaagcaca ccacgtgctt tcaggatgtg gtggtggacg tcgattgtgc agagaatacc 720
 aaggaggatc agctcgccga gatttttac cgctccagg gtaagaaaga ggctgatcaa 780
 ccttggatcg tggtaaacac gagtaccctg ttgacgagt tggagcttga tccacccgag 840
 atcgagccgg ggggtgtgaa ggtgctccgc acggagaagc agtacttggg cgtgtacatc 900
 tgaacatga gggggtcgga cgggacctct acttatgcaa cttttctgt cacctggaag 960
 ggtgacgaga aaacgcggaa tcccacgcc gcggtgaccc cccaaccccg gggggcggag 1020
 ttccacatgt ggaactacca ctacatgtg ttctcggtag gggatacctt ttctctggcc 1080
 atgcacctcc agtacaagat ccacgaggca cctttgatc tgctgctgga gtggctgtac 1140
 gtccccattg accccacttg tcagcctatg aggtgtaca gtacatgtct gtatcacccc 1200
 aacgcccccc agtgctgag ccacatgaac tcgggtgta cattacaag cccgcacctg 1260
 gccagaggg tggcctcgac agtgtacca aactgcgagc acgcagacaa ctacactgcg 1320
 tactgccttg ggatctcca catggagccc agtttcgggc tcattctca cgatggagga 1380
 accaccctca aattcgtgga caccctgag agcttgtccg gtctctacgt gttcgttgtg 1440
 tacttcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tctctacagt ggaccatttt 1500
 gtgaacgcca tagaggagcg tggttttcca cccaccgccg gccagcctcc tgccaccacg 1560
 aagccgaagg agatcacccc tgtgaatcca ggcacatctc ctctgatccg ctacgctgcg 1620
 tggacaggag gcttggccgc ggtggtgctc ctctgcctag tgatctttct tatctgtacc 1680
 gcaaagcgga tgcgggtgaa agcttacagg gtagacaagt ccccctacaa tcagtccatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt cgatgacttc gaggattctg aaagcacaga caccgaggag 1800
 gagttcggca atgcgattgg gggtagccac ggggggtcca gttatactgt ctacatagac 1860
 aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 259

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc cgtggcggc gtgctcatgg gttcgggtat cattaccggc 60
 acgctgagga tcaactaacc tgtgcgtgcc agcgtcctgc gatgatga cttcatatc 120
 gacgaggaca agctggatac aaacagcgtc tatgagccat attaccattc cgatcatgcc 180
 gaatcttctt gggatgaatcg gggggagtc agccgcaagg catacgacca caactcccc 240
 tacatttggc cccggaatga ctacgacggg ttcctggaga atgcccatac acatcatggg 300
 gtgtacaacc aggggcgcgg catcgattcc ggggagaggc tgatgcagcc tacacaaatg 360
 tccgcccagg aggatttggg cgatgatacc gggatccacg tgatccccac cctgaatggg 420
 gacgatcgac acaagatcgt caacgtggat cagcgccaat acggcgacgt attcaagggg 480
 gatttgaatc ccaaaccgca gggcagcgg ctgatcgagg ttagcgttga ggagaacat 540
 ccttttacc tgccggcgcc catccagcgg atttacgggg tgcatatac tgagacttgg 600
 agtttctcc caagtctcac ctgcacaggc gacgcccgc cagccatcca gcatatctgc 660
 ctgaagcata caacttgctt ccaggatgtg gtggtggacg tcgactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaggatc agctcgctga gatctctac cgctccaag gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgatcg tggtaacac cagcaccctg ttgatgagc tggagctcga tctcccgag 840
 atcgagcccg ggggttgaa ggtgctccg accgagaaac agtatctggg cgtctatata 900
 tggaaatga ggggtccga cgggacgtct acctacgcaa catttctgt cacctggaag 960
 ggagatgaga aaacgcgtaa tccgactccc gctgtgacct cacagcccag aggggctgag 1020
 ttacatgtt ggaactacca ttacatgtt ttctcgggtg gggacacctt ctctctggca 1080
 atgcacctcc agtacaagat ccacgaggcc cctttgatc tgctgctgga atgggtgtac 1140
 gtgccgatcg acccgacatg tcagccgatg aggctgtact ctacatgtct ttaccatcca 1200
 aatgtctccc agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgta cttcacaag cccgcatctg 1260
 gctcagaggg tggcgagcac agtctaccaa aactgcgaac acgcagataa ttacacagcg 1320
 tactgcctcg gcatcagcca tatggagccc agtttcgggc tcattctcca cgatggaggg 1380
 accacctca agttcgtgga cactccagag agtctctcag gtctctacgt gttcgttgtg 1440
 tactttaatg gacacgtgga ggccgtggcg tatacagtgg tctctacggt ggaccattc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggttcca cctacagccg gccagcctcc ggccaccacg 1560
 aagccgaagg agattacccc tgtgaatcca gggacgtctc cactgatccg ctacgaggct 1620
 tggaccggag gcttggccgc tgtgtgctc ctctgccttg tgatctttt gatttgcacc 1680
 gcgaagcgga tgcgggtcaa agcttacagg gtggacaagt cccctacaa ccagtcgatg 1740
 tactacgccg ggctgccagt cgatgacttt gaggactccg agtcacaga cactgaggag 1800
 gaggtcggca acgcatcgcg cggtagccac ggccgggtcta gctatacagt gtacatcgac 1860

aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 260

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggcaccg tcaacaaacc agtggtagga gtgctgatgg gattcgccat tatcactggg 60
accctgcgca tcacaaaccc ggtgcgcgcc tctgttctga ggtacgatga ctccacatc 120
gacgaggaca agctcgacac taattctgtg tatgagccat actatcactc tgatcatgca 180
gaatcctcct ggggtgaatag gggggagtct agccggaagg catatgacca caattccccc 240
tacatctggc cccggaacga ctacgacggg ttcttgagga acgcccata gcatcatggc 300
gtgtacaacc aggggcgcgg catcgattcc ggggaacggc tgatgcagcc taccagatg 360
tccgcccagg aggacctcgg ggacgatacc ggaatccacg ttatcccccac actgaatggg 420
gacgatcgcc acaagatcgt taactgtgat cagcgccaat atggcgacgt atttaagggg 480
gatctgaacc ccaaacctca gggccagcgg ctaattgagg tgagtgtgga ggagaatcac 540
cccttcacct tgagggctcc catccagcgt atctatgggg tgcgttacac cgagacttg 600
tcctttctgc caagtctcac ctgcacaggc gatgccgccc ccgccatcca gcatatttgt 660
ctgaagcata ccatatgctt ccaagacgtg gtggtggacg tcgactgtgc agaaaacacc 720
aaggaggatc agcttgccga gatttcttac cgcttcagg gtaagaagga agcagatcaa 780
ccttgatcgt tggtaaaccac gagcaccctt ttgatgagc tggagctgga tcctcccgaa 840
atcgaacctg ggggtgctgaa ggtgctccgc actgagaagc aatacctggg ggtgtacatc 900
tggaatatga gaggttccga tgggacctct acatacgcca ctttctcgt cacctggaaa 960
ggtgacgaga agacgaggaa cccacccct gctgttactc cacagccaag gggtcggag 1020
ttccatgtt ggaactacca cagtcattgt ttctcggtgg gggacacctt cagcctggcg 1080
atgcacctgc aatacaaaat ccatgaggcc cccttgatc tctgctgga gtggctttat 1140
gtacccatag acccgacatg ccagcccatg agattgtaca gcaattgtct gtatcatcca 1200
aacgcacctc agtgccctgag ccacatgaat tcgggctgca ccttaccag cccgcatctg 1260
gctcagaggg ttgcctcaac ggtgtatcag aactgtgagc acgcagataa ttacaccgcg 1320
```

tattgcttgg gcatcagcca catggagccg tcattcgggc tcattctgca tgacgggggg 1380
 actaccctca agtttgtgga caccacagaa agcttgagcg gcctctacgt gttcgttgtt 1440
 tacttcaacg gacatgtgga ggctgtggcg tacaccgtag tgtccacggt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg cgggttcccg cccaccgccc gccagcctcc tgccaccacc 1560
 aagccgaaag aatcaccccc agtgaatcct gggacgagcc cactgattcg gtacgctgcg 1620
 tggacaggag gcctggctgc ggtgggtgctc ctctgtctgg taatattttt gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa agcatatagg gtggacaaga gtccctacaa ccagtcgatg 1740
 tattacgccg ggctccctgt cgaatgacttt gaagactccg agtctaccga cacggaggag 1800
 gagttcggca acgcatcgg cggaagtcatt ggtggcagtt cttactgt atacatcgac 1860
 aagacacgg 1869

Número de secuencias (ID): 261

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtacgg ttaataagcc ggtggtcggg gtgctgatgg ggttcgggat catcacccggg 60
 acgctgcgca ttacaaatcc agtgcgcgcg tccgtcctgc gttacgatga ctttcacatc 120
 gacgaggaca agctggatac aaacagcgtg tacgagccat attaccactc tgatcacgcc 180
 gagtcctcct ggggtgaatag gggggaatcg agtcgcaaag cgtacgacca caattctccc 240
 tatatctggc cccggaacga ctatgacggg ttcttgagga acgcccata gcatcatgga 300
 gtgtataacc aggggcgcgg catagattcg ggggagaggc tgatgcagcc gaccagatg 360
 tctgccagg aggacctggg cgacgacact ggcatccacg tgatcccgac cctcaacggg 420
 gacgatcgtc acaagatcgt caacgtggac cagcggcagt acggtgacgt gttcaagggg 480
 gacctcaacc cgaagcccca ggggcagcgg cttattgagg tgcagtgga ggaaaatcat 540
 ccattcacc tccgagcccc aattcagcgg atctatgggg ttcggtacac ggagacgtgg 600
 agttttctgc caagtctgac ctgcacgggc gatgccgcc ctgcaatcca gcatatttgc 660
 ttgaaacaca ctacatgctt tcaggatgtg gtgggtgatg tcgactgtgc agagaacact 720
 aaggaggatc agcttgccga gatttcttac cgcttcagg gcaagaagga ggctgatcag 780

ccttgatcg tgggaacac gtccaccctg ttgatgagc tcgagcttga tcctcccag 840
 atcgagcccg ggggtctgaa ggtgctccgc accgagaagc agtacctggg ggtgtacatc 900
 tggaacatgc gggggctgga cgggacttct acgtacgcga ccttccttgt gacctggaag 960
 ggcgacgaga agacccgtaa tccgaccccc gcagtgcacac cccagcctcg gggggcggaa 1020
 ttcatatgt ggaactatca ctcccacgtg ttctcgggtg gggacacctt cagtcttgca 1080
 atgcacctcc agtataagat ccacgaggct cctttgatc tctgtctgga gtggctgtat 1140
 gtgcctattg accccacatg ccagccaatg agactgtatt ctacgtgtct ctatcatccc 1200
 aacgctcctc aatgcctgtc ccatatgaac agtgggtgta cctttacatc cccccacctg 1260
 gccagcgtg ttgctagcac ggtgtaccag aattgtgaac acgccgataa ctatacggcg 1320
 tattgcctgg gcattagcca catggagccc tccttcggcc tgattctgca cgacggaggc 1380
 acgacgctca agttcgtgga taccctgag agcttgagcg gcctctacgt gtctgtggtg 1440
 tattttaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tcagcacggg cgaccacttt 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg tgggtttcca cccaccgcag gccagcccc tgccaccacg 1560
 aagccaaagg agattacccc agtaaaccct gggactagtc ccttgatccg ctacgtgcg 1620
 tggacaggcg ggctggccgc ggtggtgctg ctgtgtctgg tcattttct tatctgcacg 1680
 gctaagcgca tgcgggtgaa ggcttaccgg gttgacaagt ccccataa tcagagcatg 1740
 tactacgccg gtctgccggt cgatgacttt gaagatagtg agtccactga cactgaggag 1800
 gagttcggca atgccatcgg cgggtcacac ggccgctcct cgtatactgt ctatatcgac 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 262

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggaccg tgaataagcc ggtggtaggg gtgctcatgg ggttcggtat cattaccggt 60
 actctgcgca ttactaacc tgtcgtgct agtgtctcc ggtacgatga ctccacatc 120
 gacgaggaca agctggacac taacagcgta tatgagccct actaccactc cgatcacgcc 180
 gagtctcct ggggtgaatag gggggagtca tcccgcaagg cctatgacca taactctccc 240

tatatctggc cccggaatga ctatgacgga ttcttgaga acgcccata gcatcatggg 300
 gtgtataacc aggggagcgg aatagactcc ggggagaggc tgatgcagcc taccagatg 360
 tccgcccagg aggatcttgg cgatgatacc ggcattcacg tcatccccc cctcaatggc 420
 gacgatcgtc acaagatcgt caatgtggac cagcgccaat atggcgatgt tttaagggg 480
 gacctcaatc ccaagcccca aggacagcgg ctgattgagg tcagcgtgga ggaaaacat 540
 ccctcaccc ttcgggtcc catccagcgg atctacggtg tacgatatac tgagacttgg 600
 tcattctgc caagtctac atgcacaggc gacgccgcc cagccatcca gcacatatgc 660
 ctgaagcaca ccacgtgct ccaggatgtg gtggtggacg tggactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaggatc agctcgccga gattcttac cgcttcaag gtaagaagga agctgatcag 780
 ccttgatcg tggtaacac gactacactg ttgacgagc tggagctgga ccccccgaa 840
 atcgagccag ggggtgtgaa ggtactccgc accgagaaac agtacctggg agtctacatt 900
 tgaacatga gggggagcga cgggacgtcg acttacgcaa catttctgt gacctggaag 960
 ggtgacgaga agacgcggaa tccgactccc gcggtcacc ctcagcctcg tggcgagag 1020
 ttccatatgt ggaactacca ctgcattgt ttctcgttg gggatacctt cagtctcgt 1080
 atgcacctcc agtacaagat ccacgaggca ccctcgatc tgctgtgga gtggctgtac 1140
 gtgccgatag acccgacatg tcagcctatg aggtgtatt ctacgcct ctaccacca 1200
 aatccccac agtgtctgag ccacatgaac tggggtgta ctttaccag cccgatctg 1260
 gctcagaggg tggctagcac agttaccag aactgtgagc acgcagataa ttactgcg 1320
 tactgccttg gcatcagcca tatggagccc agtttcgggc tcatactcca cgatggaggg 1380
 accaccctca agttcgtgga tacacctgag agcttgcct gcctctacgt gttcgttga 1440
 tacttcaacg gacacgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tctctacagt ggaccattc 1500
 gtgaacgcca ttgaagaaag ggggttcccc cccaccgccc gccagcctcc tgccaccacg 1560
 aagcctaagg agatcacccc tgtgaacca gggacgtct cacttatccg ctacgtgcg 1620
 tggacaggag gtctggcggc ggtggtattg ctctgcctcg tgatctttt gattgcacc 1680
 gccaagcggg tgcgggtcaa ggcttataga gtggacaagt ctccctaaa tcaatccatg 1740
 tactacgtg ggctgccagt ggatgacttt gaggactccg aatccacaga tacggaggag 1800
 gagttcggca atgcgatcgg cggcagccac ggaggttcct cctatactgt ctacattgac 1860
 aagacccgc

1869

Número de secuencias (ID): 263

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggaccg tgaataagcc cgtggtaggc gtgctcatgg gcttcggtat catcacaggt 60
 actctgcgca ttacaaaccc tgtacgcgca agtgtcctac gctacgatga tttcacatc 120
 gatgaggaca agttggacac caactcagtc tatgagccgt attaccactc cgatcacgcc 180
 gagtcttctt ggggtgaacag gggggagtct agtaggaagg cctacgatca caactcccc 240
 tacatctggc cccggaatga ctacgacggg ttcttgaga acgcacatga gcatcatggc 300
 gtgtataacc aggggcgcgg tattgattcc ggggagaggc tgatgcagcc cagcagatg 360
 tctgccaggg aggacctcgg cgatgatacg ggcattcatg ttatccccac cctaaatggc 420
 gatgaccgcc acaagatcgt gaacgtggat cagcgccaat atggggacgt ttttaagggg 480
 gacttgaacc ccaagcctca gggccagcgg ctgatcgagg tcagtgtgga ggaaaaccac 540
 ccttcaccc tgaggcgcc catccagcga attacgggg tacgatatac tgagacttg 600
 agctttctac cctcgtcac ctgcacaggc gacgccgcc ccgccattca gcatatatgc 660
 ctgaagcata caacatgctt ccaggatgtg gtggtagcgc tcgactgtgc agaaaacacc 720
 aaggaggatc agctcgccga aatttcttac cgtttccagg gtaagaagga ggctgatcaa 780
 ccttgatcgc tggtaaacc gagtaccctg ttgacgagc tggagctcga tctccagag 840
 atcgagcctg ggtgttgaa ggttctccg accgagaagc agtacctggg agtgtatatt 900
 tgaacatga gggggtcgga cgggacctct acttatgcca ccttctcgt cacctggaag 960
 ggtgacgaga agacccgga cccgaccca gctgtaaccc cacagccccg gggagcagag 1020
 ttccatatgt ggaactacca ctccatgtc ttctcgttg gggatacctt ctcttagct 1080
 atgcattcc agtacaagat ccatgaggct ccttcgatc ttctcgttg gtggctgtat 1140
 gtgcccacgc acccgacatg tcagccaatg agactgtact ctacatgtct ctaccatcca 1200
 aacgccccac aatgtctgag ccacatgaat tcgggctgta ctttaccag cctcactcg 1260
 gctcagaggg tggcctcaac agtgtatcag aactcgcgac acgcagataa ttactgcc 1320
 tactgcctcg gcatcagcca tatggagccc tcattgggc tcaccttca cgatggagga 1380
 accacgctga agttcgtgga cacactgag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttgtt 1440
 tacttcaacg gacacgtaga ggccgtggcg tacactgttg ttccacggg ggaccacttc 1500
 gtcaacgcca tcgaggagag aggatttctt cccaccgccg gccagcctcc tgccacaacg 1560
 aaaccgaagg agatcacacc tgtcaatcca ggcacgtctc ctttgatccg atacgtgcg 1620

tggacaggag gcttggccgc ggtggtactg ctctgccttg tgatcttct gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgccgggtcaa ggcttacagg gtagacaagt cccctataa tcagtccatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt ggatgacttt gaggactccg aatccactga cacagaggag 1800
 gagttcggca acgctatcgg cggcagccac ggccgatcat ctatactgt ctacatagac 1860
 aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 264

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggaccg tgaataagcc tgtggtggc gtgctcatgg gctttggtat aatcaccggg 60
 aactgagga ttaccaacc ttgctgagcc agcgtctga ggtacgatga cttcacatc 120
 gacgaggaca agctggatac taacagcgtc tatgagccgt actaccactc cgaccacgcc 180
 gaatcctct ggggtgaacag gggggagtca agccgcaagg catatgacca taactcccc 240
 tacatctggc cccggaatga ttacgacggc ttcttgagga acgcccata gcatcatggg 300
 gtctataacc agggccgcgg catcgattcc ggggagaggc tgatgcagcc tacacagatg 360
 tccgcccagg aggatttggg cgatgacacc ggaattcacg taatccccac tctcaatggt 420
 gatgatcgcc acaagatcgt caacgtggac cagcgccaat atggcgacgt gtttaagggg 480
 gactgaacc ccaagcctca ggggcagcgg ctgattgagg tgagcgtgga ggagaacat 540
 cccttcacgc ttcgggcacc gatccagcgc atttatggg tacgatacac tgagacctgg 600
 tctttctgc caagtctac ctgcacagga gacgccgcc cagccattca gcatatatgc 660
 ctgaagcaca caacctgct ccaggatgtg gtggtggacg tcgactgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc agcttgccga gatttctac cgcttcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
 ccgtggatcg tcgtgaacac gattaccctg ttgatgagc tggagctga tctcctgag 840
 atcgagcccg gcgtgtgaa ggtactccg accgagaagc agtactggg agtgtacatt 900
 tggacatga ggggttccga tgggacctt acatatgca ctttctcgt cacctggaaa 960
 ggtgacgaga aaacgcggaa tccaccccc gctgtaccc cgagccgcg cggggctgag 1020
 ttcatatgt ggaactatca ttccacgtc ttctcgttg gagatacct ctcacttgca 1080

atgcatctcc agtacaagat ccacgaggcc ccccttgatc tgctgctgga gtggtgtac 1140
 gtgcccattg acccaacatg tcagccgatg agactgtact ctacatgtct ctaccaccct 1200
 aacgcccctc agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgta catttaccag cccgcatctg 1260
 gctcagaggg tggccagcac agtgtatcag aactgcgaac acgcagacaa ttactactgcg 1320
 tactgccttg gcatcagcca tatggagccc tcgtttgggc tcatccttca cgatggaggg 1380
 actaccctca agttcgtgga caccctgag agcttgctcg gtctctacgt gttgtgtt 1440
 tacttcaacg gacatgtgga ggccgtggcg tacacagtgg tatctactgt ggaccacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg ggggtttccc cccaccgccg gccagccccc tgcaccacg 1560
 aagcccaagg agattacccc tgtgaatcca gggacgtctc cactcatccg ctacgctgcg 1620
 tggacagggg gccttgcggc ggtggtgctg ctttgccttg tgatctttt gatctgcacc 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa agcttatagg gtggacaagt cccctataa tcagtccatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt cgatgatctt gaggattccg aatcgacaga caccgaggag 1800
 gagtttgga acgcatcgg cggcagccac ggtgggtcat cctacactgt ttacattgac 1860
 aagacgaga 1869

Número de secuencias (ID): 265

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcaccg tgaacaagcc agtgggtggc gtctgatgg gcttcgggag tatcactggc 60
 acgttgcgca taacgaaccc tgtgcgcgct agcgtcctgc gttacgatga ctttcacatc 120
 gacgaggata agctcgatac caacagtgtg tatgagccct attaccacag tgatcacgct 180
 gaatcctcct ggggtgaacag gggggagtcc agccggaagg ctatgacca caattcccc 240
 tacatctggc cccggaatga ttatgatggg ttctgggaga atgcccata acaccatgga 300
 gtgtataacc aggggcgcgg gatcgattcc ggggaacggc tgatgcagcc aaccagatg 360
 tccgccagag aagatctcgg ggacgatacc ggaatccatg tgatccctac cctgaatggg 420
 gacgatcgac acaagatcgt caacgtggat caacgccaat atggcgatgt atttaagggg 480
 gatctcaacc ccaagccgca gggccagcgg ctatcgagg tgagcgtgga ggagaatcac 540

cccttcacct tgagggctcc gatccagcgc atctatgggg tgcgttacac tgagacttg 600
 tccttcttgc caagtcttac ctgcacaggc gatgcagccc ctgctattca gcacatttgt 660
 ctcaagcata ccacatgctt ccaagacgtc gtgggtgatg tcgactgtgc agagaacacc 720
 aaggaggatc agcttgccga gataagctac cgctttcagg gcaagaagga ggctgatcag 780
 ccttgatcg tggatgaacac gagcaccctg ttcgatgagc tggaactgga ccccccgag 840
 atcgagcccc ggggtctgaa ggtgctccgc actgagaagc agtacctcgg ggtgtacatc 900
 tggaatatgc ggggggtccga cgggacctcc acatacgcca ctttctcgt cacctggaag 960
 ggtgacgaga agaccgggaa ccctacaccg gccgtgactc cacagccccg gggtcagag 1020
 ttccacatgt ggaattacca tagccacgtg ttctcgggtg gggacacttt cagcctggca 1080
 atgcactcgc aatacaagat ccacgaggcc cccttgatc tgctgctgga gtggctgtat 1140
 gtgccaatag acccaacatg tcagccaatg agactgtact ctacatgtct ctatcatcca 1200
 aacgctcctc agtgcctgag ccacatgaac tcgggctgca cattactag cccgcatctg 1260
 gcacaaaggg tggcctcaac agtgtaccag aactgcgagc acgcagataa ttactgctg 1320
 tattgcttgg gcattagcca catggagccc tcttcgggc tcatcctcca tgacgggggc 1380
 acaacgctca agttcgtgga ccccccgag agcttgagcg gcctctacgt gttcgttga 1440
 tacttcaacg gacacgtaga ggccgtggcg tatacggtag tgtctacagt ggatcacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg cggtttccg cccaccgccc gccagcccc tgctaccacg 1560
 aagccgaaag aaataacacc ggtgaatccg gggacctccc cactcatccg gtacgccg 1620
 tggacagggg gcttgccgc ggtggtgctg ctctgtctgg tgattttct gatctgcacc 1680
 gcaaagcgga tgcgggttaa ggcatatagg gtggacaaaa gtccctataa ccagtcaatg 1740
 tactacgccg ggctccctgt tgacgacttc gaggactccg agtccaccga cacggaggag 1800
 gagtccgaa acgccatcgg cgggtcacac gggggctcat catacactgt atatatcgac 1860
 aaaacacgg 1869

Número de secuencias (ID): 266

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggcactg tgaataaacc agtggtcgga gtgctgatgg gcttcggcat cattactggt 60
 accctgcgca taaccaaccc tgtgcgcgcc agcgtcctgc gttatgatga ctttcacatc 120
 gacgaggaca agctggacac caacagtgtc tatgagccat attatcattc cgatcatgca 180
 gaatcttcct ggggtgaacag gggggagtct agccggaagg catacgacca caactcccc 240
 tacatctggc ccaggaacga ctacgacggg ttcctggaga acgcccacga acaccacggg 300
 gtgtataacc aggggctgg gatcgattct ggcgaacggc tgatgcagcc gacccagatg 360
 tccgcccagg aggacctcg ggatgatacc ggcacccagc tgattccaac cctgaatggg 420
 gacgatcggc ataagatcgt caacgtggat caacgccagt atggcgacgt gtttaagggg 480
 gatctgaacc ctaagccaca gggccagcgg ctcatcgagg tgtctgtgga ggagaaccac 540
 ccattcacct tgagagctcc gatccagcgt atttatgggg tgcgttatac tgagacttgg 600
 tctttcctgc caagtctac ctgcacaggc gatgccgccc cagccattca gcatatatgt 660
 ctgaagcata cgacctgctt ccaagacgtg gtggtggacg tcgactgtgc agagaatacc 720
 aaggaggacc agcttgccga gatttctac cggtttcagg gtaagaagga agctgatcag 780
 ccttgatcg tggtaaaccac gagcaccctg ttcgatgagc tggagctgga ccctcccgag 840
 atcgaacccg ggggtctgaa ggttctccgc accgagaaac aatacctggg ggtgtacatt 900
 tggaatatga gaggtccga tgggacctct acatacgcca cctttctgt cacctggaaa 960
 ggtgacgaga agaccaggaa cccgactccg gctgtgactc cacagcccag gggtgccggag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttccatgtg ttctcggtgg gggatacctt cagcctggct 1080
 atgcacctgc agtataaaat ccacgaggcg cctttgatc tctgttgga atggctgtac 1140
 gtgcctattg acccaacatg tcagcctatg agattgtaca gtacatgtct gtatcatccc 1200
 aacgcgcctc agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgca ctttaccag ccccatctg 1260
 gctcagaggg ttgcgtcaac agtgtaccaa aactgcgaac acgcagacaa ctacactgcg 1320
 tattgcctgg gcattagcca catggagcct agtttcgggc tcattctgca tgatgggggg 1380
 actacgtca agttcgtgga cccccagag agcttgagcg gcctctacgt gttcgtgtg 1440
 tatttcaatg gacacgtgga ggccgtggcg tacacggtag tgcgacagt ggaccacttt 1500
 gtgaacgcca tagaggagcg cgggtttccg cccaccgagg gtcagcctcc tgcaaccacg 1560
 aagccaaagg agatcacgcc agtgaatccg ggcacgagcc cactgattcg ctacgtgtct 1620
 tggacaggag gcttgccgc ggtggtgctc ctctgcctgg taatctttt gatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgcgggtgaa agcttaccgg gtagacaagt cccctacaa ccagtcgatg 1740
 tactacgccg ggctccccgt tgacgacttt gaggactcag agtctaccga cacagaggag 1800
 gagttcggca acgcatcgg ggggtccac ggtggcagca gttacacggt atacatcgac 1860
 aaaacacgg

Número de secuencias (ID): 267

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atggggaccg tgaataagcc cgtggtgggt gtgctcatgg gcttggtat tattaccggt 60
actctcagga ttaccaatcc tgtgcgtgcc tcagtctgc gttacgatga cttcacatc 120
gacgaggaca agctggacac aaacagcgtc tatgagccct actaccacag tgatcacgcc 180
gaatcctcct ggggtgaatcg gggggagtcc agccgcaagg cttatgacca caactcccc 240
tacatctggc cccggaacga ctatgacggc ttctggaga acgcccata gcacatggc 300
gtgtataacc agggtcgcgg tattgattcc ggggagaggc tgatgcagcc tacacagatg 360
tccgcccagg aggatttggg tgatgacact ggcattcacg taatccccac tctgaatggg 420
gacgatcgcc ataagattgt caatgtggat cagcgccaat atggtgatgt gtttaagggg 480
gatttgaatc ctaagcctca ggggcagcgg ctgattgagg tgcagtga ggagaatcac 540
ccattcacc tccgggcacc catccagcgc atttacgggg tgcgatacac tgagacttg 600
agtttcctc caagtctcac ctgcacaggc gatgccgccc ccgcatcca gcatatatgc 660
ctgaagcaca ctacatgctt ccaggatgtg gtggtggacg ttgactgtgc agaaaacaca 720
aaggaggatc agctcgccga aattcttac cgcttcagg gtaagaagga ggctgatcag 780
ccttgatcg tggtaacac gagcaccctg ttgatgagc tggagcttga tctcctgag 840
atcgagcctg gggtgctgaa ggtgttcgc accgagaagc agtacctagg ggtctacatt 900
tggaatatga ggggggccga cgggacctct acatatgcca ctttctggt cacctggaag 960
ggagacgaga agaccggaa tccaaccccc gctgtgacac cacagccacg gggggctgag 1020
ttccacatgt ggaactacca ttcacacgtg ttctcggtgg gcgacacct ctctctgca 1080
atgcatctgc agtataagat ccacgaggcc ccctcgacc tctgctga gtggctgtac 1140
gtgccaatag accctacatg tcagccgatg agactgtact ctacatgtct ctaccacccc 1200
aacgctccac agtgtctgag ccacatgaac tcgggctgta ctttactag cccgcatctg 1260
gcgcagaggg tggccagcac ggtgtaccag aactgcgagc acgcagataa ctataccgct 1320
tactgcttgg ggatcagcca tatggagccc tcttcgggc tgatctcca cgatgggggc 1380

```

acaaccctca aattcgtcga caccctgag agcttgagcg gtctgtatgt gttcgttgta 1440
 tacttcaacg gacacgtgga ggccgttgcg tacacagtgg tcagcacagt ggatcacttc 1500
 gtgaacgcca ttgaggagcg tgggtttcca cccaccgctg gccagcctcc tgccaccacc 1560
 aagccgaagg agatcacccc cgtgaacccg gggacgtctc cactaattcg gtatgtgctg 1620
 tggacaggag gcttgccgc ggtgggtctc ctctgccttg tgatatttt gattgtact 1680
 gccaagcgga tgcgggtcaa agcttacagg gtggacaagt cccctacaa ccagagcatg 1740
 tattacgccg ggctgccagt cgatgacttt gaggattccg aatccacaga cactgaggag 1800
 gaattcggca acgcgatcgg tggtagtcac ggtgggtcat ctatactgt ctacattgac 1860
 aagaccaga 1869

Número de secuencias (ID): 268

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaacag tcaataaacc cgtagtaggt gtgctgatgg gcttcggaat catcactggt 60
 acattgagga tcactaatcc agtccgagct tccgttctgc ggtatgatga tttcacatc 120
 gatgaggaca agctggatac aaactcgggt tatgagccgt actatcacag cgatcacgct 180
 gagtcatctt ggtgaacag gggagagtct tccggaagg ctacgacca taactccccg 240
 tacatctggc caagaaatga ctatgatggc ttctggaga acgctcacga acatcacggt 300
 gtgtataacc agggcagagg catcgattca ggcgagaggc tgatgcagcc aacgcagatg 360
 tctgcgcagg aggacctggg agatgacact ggtatacatg tcatccccac ccttaacggg 420
 gatgatcggc acaagatcgt taacgttgat cagcgccaat acggcgacgt gtttaaaggc 480
 gatctgaacc cgaaacccca agggcagagg ctgatcgagg tgtccgtgga ggagaatcat 540
 ccccttacct tgcgcgcacc catccagagg atctatggtg tcaggtacac cgagacatgg 600
 tcctttctgc catctctgac ctgcaccgga gacgctgccc cggccatcca gcacatctgc 660
 ctgaagcata cgacatgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tagattgctc cgagaacacg 720
 aaggaggacc aactcgctga aattcttac agattccagg gaaagaaaga agcagatcag 780
 ccatggatcg tggtaaacac ctctactctt ttgacgagc ttgagctcga tcctctgag 840

atcgagcccg gagttctcaa agtgctaagg acagagaaac agtactggg tgtgtatatt 900
 tggaacatgc gtggcagcga cggtacatct acctatgcca ctttctggt cacatggaag 960
 ggggatgaaa agaccgaaa ccctaccccc gctgtgactc cacagcctcg cggcgagag 1020
 ttcatatgt ggaattacca ttcacacgta ttcagcgtag gagacacctt ctactagcg 1080
 atgcatctac agtataagat ccacgaggct ccattcgatc tactcctgga gtggtgtat 1140
 gttcccatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtatt ccacatgtct ttaccatcct 1200
 aatgccccgc agtgtctgag ccatatgaac agtggctgta cttcacaag tccccatctg 1260
 gcgcagaggg tggctagcac agtatatcag aactgtgaac acgctgataa ctataccgcc 1320
 tattgtcttg gtatatcaca catggaacct tcctcgggc tgatattgca cgacggaggc 1380
 actacgtga aattgtga cactccgaa agtcttagtg gactctacgt gttgtggtt 1440
 tattcaacg gacacgtcga ggctgtggca tatacagtg tgtccacggt ggatcacttc 1500
 gtgaatgcta tagaggagcg tggcttcct cctacggcgg ggcagcccc tgccaccacc 1560
 aagcccaagg agatcactcc cgtgaaccct ggaaccagcc ctttgattcg gtatgctgca 1620
 tggaccgggg gcttagcagc tgcgtgctg ttatgcctgg ttatatttt aatctgtacc 1680
 gccaagcgga tgcgggtgaa agcgtatagg gtggacaaga gtcctataa tcaatcaatg 1740
 tattacgccg ggctccccgt tgatgattc gaggacagcg agagtaccga caccgaggag 1800
 gagtttgga acgccattgg cggttcacac ggcgggtctt ctatacagt gtatatcgac 1860
 aaaacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 269

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaacag tcaataaacc tgtggtgggc gtgctgatgg gcttcggcat cattaccggt 60
 aactgcgca ttactaacc agtccgagct agtgtgtga gatatgatga ttccacata 120
 gatgaggata agctggacac aaactcgggt tacgagcctt actatcacag cgaccatgct 180
 gaatcatctt gggatgaacag gggagagtct tcacggaagg ctatgatca caactccct 240
 tatattggc caagaaatga ttacgacggc ttctggaga atgccacga acatcacggt 300

gtgtataacc agggccgagg catcgattca ggagagaggc tgatgcagcc aaccagatg 360
 tctgcacagg aggatctggg agatgacact ggaatccatg tgatccctac cctcaacggt 420
 gacgaccggc acaagatcgt taacgttgat cagcgtcaat acggggacgt cttcaaaggc 480
 gaccttaacc cgaagccaca ggggcagagg ctgatcgaag tatccgtgga ggaaaacat 540
 ccatttacct tgcgggcacc gattcagaga atctatggag tgaggtagac ggaaacttg 600
 tctttctgc ctagtctgac ctgcaccggg gacgtgctc ctgccataca gcacatctgt 660
 ctcaaacata caacctgctt ccaggacgtc gttgtcgatg tagactgcgc cgaaaataca 720
 aaggaggatc agctggctga gattagctac aggttcagg ggaaaaaaga ggctgaccaa 780
 ccatggatcg tggtaacac ttctactctc ttgacgaac ttgagctcga tctctctgag 840
 atcgagcccg gagttctcaa ggtgctgca acagagaagc agtacttggg ggttatatc 900
 tggaatatgc gtggcagcga cgttacatcc acctacgcaa ctttctggt cacatggaag 960
 ggggacgaaa aaaccggaa tctaccccg gctgtgactc cacagcctag aggggcagag 1020
 ttcatatgt ggaattacca ttctacgtg ttctctgtag gggatacctt ttgctagct 1080
 atgcatctcc aatataagat tcacgaggcc ccattgatc ttctgctgga gtggtgtac 1140
 gttccgatcg accccacgtg tcagccgatg agattgtatt ctacctgtct ttatcatccg 1200
 aatgctcccc agtgtttatc tcacatgaac tccgggtgta cttttactag tccacatctg 1260
 gccagagag tggccagtac agtatatcag aactgcgagc atgctgacaa ttacacagct 1320
 tactgccttg gtatctcaca catggagcct tcattcgggc tcattctgca cgatggaggc 1380
 accacgtga agtttgtga cactcccgaa agcctttctg gcctttacgt gtttgggtg 1440
 tattcaatg gacacgtgga ggcagtggca tacacagtgg tcagcacggt tgatcattt 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg tggtttctc cctacggcag ggcagcctcc tgcaactacc 1560
 aagccaaagg agattacacc ggtcaacca ggaaccagcc cattgatccg gtatgccgct 1620
 tggaccggg ggttggcagc ttagttctg ctttgcctgg ttatatttt gattgcacc 1680
 gcaaagcgaa tgcgggttaa agcctacagg gtggacaaaa gtcctataa ccagtcaatg 1740
 tattatcgg gcctcccggt ggatgattc gaagatagcg agagcaccga tacagaggag 1800
 gagtttgga atgcaatagg gggttccac ggcggaagct cttatacagt gtatattgac 1860
 aaaaccagg 1869

Número de secuencias (ID): 270

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggaacag tgaataaacc cgctgctgga gtgcttatgg gtttcgggat catcactggt 60
acctgagga ttaccaaccc tgtccgtgct tcggtcttaa gatatgatga ttccatatt 120
gacgaggata agctggatac gaactcgggt tacgagccat actaccacag cgatcacgct 180
gagtcactct gggttaacag gggtagtca tcccggaagg cttacgacca taactctcca 240
tacatatggc ccagaaatga ttatgacggc ttctggaaa atgcacacga acatcacggt 300
gtgtataacc agggcagggg gatcgatagc ggcgaacggc tgatgcagcc taccagatg 360
agtgtcagg aggacctggg agatgacacc ggtatccatg tcatccctac cctcaacggg 420
gacgaccggc acaaaattgt gaacgttgac cagcgccaat acggagatgt attcaaaggc 480
gatctgaacc ccaagccaca agggcagagg ctgatcgagg tctcggtgga ggagaacccat 540
ccttttacac tgcgtgcccc aatccagcgg atatatggcg tgcgatacac ggagacatgg 600
tcttctctgc cttcactgac atgcacaggg gacgtgccc cggccattca gcacatttgt 660
ctgaagcata cgacctgctt ccaggacgtg gtcgtggacg tagattgcgc cgaaaacaca 720
aaggaggatc agctggctga aatcagctac aggtttcagg ggaagaagga agccgaccaa 780
ccatggatcg ttgttaacac ttctacactc ttgatgaac ttgagctcga ccctcctgag 840
atcgagcccc gagtgctcaa agtgctgaga acagagaagc agtatttggg cgtgtatata 900
tggaacatgc ttggcagcga tggaacatcc acctacgcca cctttctggt gacatggaaa 960
ggcgatgaaa agacgcggaa ccctactcca gctgtgactc cacagccacg tggcgctgag 1020
ttcacatgt ggaactacca ttctcatgtg ttacgcgtgg gggatacctt cagtctagcg 1080
atgcatctcc aatataagat tcacgaggcc ccattgatc tctcctgga gtggttgat 1140
gtgccaatcg atccaacttg tcagccgatg agactgtatt ccacgtgtct ttatcacccc 1200
aatgccccac agtgtttatc ccacatgaac tccggatgta ctttactag tccacatctc 1260
gcccagagag tggccagcac agtataccag aattgtgagc atgctgacaa ctataccgcc 1320
tactgtcttg gtatatcaca catggagcct tcattcgggt taatattgca cgatggaggc 1380
actacgttga agtttgtga cactccggag agcctgtctg gcctctacgt ttttgttg 1440
tatttcaatg gacacgtcga ggccgtggca tacacagtcg tgtcgacggt cgatcatttt 1500
gtgaatgcta tcgaggagcg tggttccct cctaccgctg ggcagcctcc tgcaacgacc 1560
aagccgaagg agatcacacc cgtgaacccc ggaaccagcc cattgatccg gtatgccgct 1620
tggaccgggg ggttggtcgc cgtggtgctg ttgtgcctgg ttattttct tattgtacg 1680

```

gcgaaaagga tgcgggtgaa agcctacaga gtggacaaga gtcctataa ccagtcaatg 1740
 tattacgcgg gcttaccagt agatgatttc gaggattcag agagcacgga tactgaagaa 1800
 gaattcggta atgcatagg tggttcacac gggggatctt cttatacagt gtatattgac 1860
 aaaacccga 1869

Número de secuencias (ID): 271

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacag tcaacaagcc cgtggtgggc gtacttatgg ggttcgggat tattactggt 60
 acattgagga ttactaatcc agttcgagct tctgtcctcc gctacgatga ttccacatt 120
 gacgaggaca agctggacac taactcggtc tatgagccat actatcacag cgatcacgct 180
 gagtcatctt ggggtgaacag gggagagtca tcaaggaagg cctatgatca caactccccg 240
 tacatatggc cgagaaatga ctacgatggc ttctggaga atgctcacga acatcacggt 300
 gtgtataacc agggccgggg cattgatagc ggagaacgcc tgatgcagcc aaccagatg 360
 tctgcgcagg aggatctggg tgatgataca ggtatccatg ttatccctac ccttaatggg 420
 gatgacaggc aaaaaatcgt taacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gtttaaaggc 480
 gatctgaatc cgaagcccca gggacagagg ctgatcgagg tgtccgtga ggagaaccac 540
 cctttacct tgcgtgcacc gattcagcgg atctatggcg tgaggtacac ggagacttgg 600
 tcattcctgc ctacgtgac ctgcacaggg gacgccgcc ctgctatcca gcacatctgc 660
 ttgaagcata cgacctgtt tcaggacgtg gtggtggatg tagactgcgc cgagaacacg 720
 aaggaggatc agctggccga aataagctat aggttcagg gaaagaagga agctgaccag 780
 ccatggatcg tggtaaacac ttactctc ttgatgagc ttgagctcga tccaccagag 840
 atcgagccag gagtctcaa ggtgctgcgc acagagaagc agtaccttg agtgtatc 900
 tgaacatgc gtggcagtga cgttacctcc acctacgcaa ccttctggt gacctggaag 960
 ggagacgaga agacccgaaa tcctacgccg gcagtgacct cacagccccg cggggcagaa 1020
 ttcacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttcagcgtgg gagacactt cagcctagcc 1080
 atgcacctcc aatacaagat ccacgaagcc ccttcgac tactcctga gtggctgtat 1140

gttcctatcg atcctacttg tcagccgatg aggctgtaca gtacttgcct ataccatccc 1200
aatgtccgc agtgttatc tcatatgaac tccggatgca cgttcaccag cccacatctc 1260
gccagagag tggctagcac ggtataccaa aactgcgagc atgtgacaa ttacaccgcc 1320
tactgtcttg gtatatcaca catggagcct tcattcgggc taatactgca tgacggagga 1380
accacgttga aatttgttga cacacccgag agcctgtctg gttgtacgt gttgtggc 1440
tattcaatg gacacgtaga ggccgtggca tacacagtgg taagcaccgt tgatcactt 1500
gttaatgcaa tcgaggagcg tggttccct cctacggctg ggcagcctcc tgccactaca 1560
aagccaaagg agatcacacc cgtgaatccc ggaaccagcc cattgattcg gtatgcagct 1620
tggaccgggg gcctggcagc tgcgtgctg ctctgcttgg ttattttct gatctgcact 1680
gccaagcgca tgcgggtaa agcctacagg gtggacaaaa gtcctataa tcagtcaatg 1740
tattatgcgg gcctgcctgt agatgattc gaagacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
gagtttgga atgcatagg tggctcacac ggcgggtcat catatacagt gtatatcgat 1860
aagacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 272

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggacag tgaacaaacc cgtagtgggc gtacttatgg ggttcgggat catcaccggt 60
acattgagga taactaatcc ggtgcgggct tccgtcctgc gctatgatga tttcacata 120
gacgaggaca agctcgatac aaactcgggt tatgagccat actatcacag cgatcatgct 180
gagtcaagct gggatgaatg gggagagtct agccggaagg cctacgacca caactccccg 240
tatatatggc ccagaaatga ctatgatggc ttctggaga atgctcacga acatcacggt 300
gtttataacc agggccgagg catcgattcc ggcgagaggg tgatgcagcc cagcagatg 360
tctgcgcagg aagacctagg agatgacact ggtatccatg taatccctac ctgaacggg 420
gacgacagac acaaaattgt gaatgttgat cagcgccaat acggtgacgt gttaagggc 480
gatctgaacc caaagcctca ggggcagagg ctgatcgagg tgagcgtcga ggaaaatcac 540
ccgtttacct tgcgggcacc tattcagcga atctatggag taaggtagac ggagacatgg 600

tcttttctgc cttctctgac ctgcacaggg gatgccgcgc cggccatcca gcacatctgc 660
 ctcaagcata ccacatgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tggattgtgc cgagaacacc 720
 aaggaggacc agctggctga aataagttac aggttccagg gaaaaaagga agctgatcaa 780
 ccatggatag tgggtgaatac ttctaccctc ttgacgaac ttgagctgga tccacctgag 840
 atcgagcccg gagtgctcaa ggtgctgcgc acagagaagc agtacctggg ggtgtatac 900
 tggaaatgc gtggctctga cggctactcg acttacgcta ctttctggt gacatggaaa 960
 ggggacgaaa agacaagaaa tcccaccccg gctgtgactc cacagcctcg ggtgaggag 1020
 ttccatatgt ggaattacca ttacatgtg tttagcgtgg gcgatacctt tagcctagcc 1080
 atgcacctcc agtacaagat tcacgaggcc ccattcgatt tgctcctgga atggttgat 1140
 gttcctatcg accctacttg tcagccgatg agactgtata gtacatgtct ttaccatcct 1200
 aatgtcctc agtgttatc tcacatgaac tccggatgta catttactag tccacatctc 1260
 gccagagag tggctagcac agtataccag aactgcgagc atgctgaaa ctataccgcc 1320
 tactgccttg gtatatcaca catggagcct agcttcgggc tcctcctgca tgacggcggc 1380
 actacgtga aattgtcga cactcccgaa agcctgtctg gcctctacgt tttgttgc 1440
 tatttcaacg gccatgtcga ggcagtggca tacactgtgg ttctgactgt ggatcacttt 1500
 gtgaatgcca ttgaggagcg tggttccct cctaccgcg ggcagcccc ggctactacc 1560
 aagccaaagg agatcacacc cgtgaacccg ggaaccagcc ccttgatccg gtatgccga 1620
 tggaccggcg gcttggcagc ggtcgtgctg ctatgcctgg ttatatattt aattgcacc 1680
 gccaagcgaa tgcgggttaa ggcctacagg gtggacaaga gtccctataa ccagtcaatg 1740
 tactatgtcg gcctccagc ggacgatttc gaggacagcg agagcaccga cacggaggag 1800
 gagtttggca atgctatcgg aggatcacat ggcgggtcta gttatacagt ttatatcgac 1860
 aaaacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 273

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaactg tgaacaaacc agtggtcggc gtgcttatgg ggttcggaat catcacagc 60

actttgcgga ttactaacc agttagagct tccgtcctga gatacgaatg ctttcatata 120
 gatgaggaca aactggacac aaattcgggt tacgagccct actatcacag cgaacacgct 180
 gagtcatctt ggggtgaatcg cggtaggtct tccaggaagg ctatgacca caactccccg 240
 tacatctggc caagaaacga ttacgacggg ttctggaga acgctcacga acatcacggt 300
 gtgtataacc agggccgagg catcgatagc ggagagaggc tgatgcagcc aacgcagatg 360
 tctgcgcagg aggaccttgg ggatgacact ggtatccacg tcatccaac cctgaacggg 420
 gacgatcggc acaaaatcgt taacgttgat cagcgccaat atggtgacgt gttcaaggga 480
 gacctgaatc cgaagccaca agggcagaga ctgatcgagg ttccgtcga ggaaaatcac 540
 ccatttacct tgcgggctcc gattcagcga atctatgggg ttcatatac ggagacatgg 600
 tcatttctgc cctcacttac ttgacccggg gacgccgctc ctgctataca gcacatttgt 660
 ctgaagcaca ccacgtgctt ccaggacgtg gttgtggatg tagactgtgc cgagaatata 720
 aaggaagatc agctggctga aataagctac aggttcaag gaaagaagga ggccgatcaa 780
 ccatggatcg tgggaacac ttctactctg ttgacgagc ttgagctcga tccgcctgag 840
 atcgagcccc gggttttgaa ggtgctgcgc acagagaagc agtacctggg agtttatatc 900
 tggaaatcgc gtggcagcga cgggacatct acctatgcta ctttcttggg gacatggaag 960
 ggggacgaaa aaacccgaaa tctacccct gcagtactc ctacgctcg gggggcagag 1020
 ttacatgtt ggaattacca ttctatgtc tttagcgtag gagatacgtt cagcctagcc 1080
 atgcatctcc agtataaaat tcacgaggcc ccattcgatc tgctcctgga atggctgtat 1140
 gtgccaatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtata gtacatgtct ttaccatccc 1200
 aatgtccac agtgcttgag ccacatgaat tccggatgta ctttactag cctcacctc 1260
 gctcagagag tggccagcac agtataccag aattgcgagc atgctgacaa ctatacagcc 1320
 tactgtcttg gtatatcaca catggagcca tcttcgggc tcatactgca tgacggaggc 1380
 actacgttga aattgttga cactccgaa agcctgtctg gcctctacgt tttgtggtt 1440
 tatttcaatg gacacgtcga agcagtgccc tacacggtgg tcagcacctg tgaccattt 1500
 gtgaatgca tcgaggagcg tggtttccg ccacggcgg ggagcccc tgccacaacc 1560
 aagcccaagg agatcacacc tgtgaacccc ggaacctcac cttgatccg ttatgcccg 1620
 tggaccggag gcttggtgc cgtggtgctg cttgcctgg ttatatttt aatctgcacc 1680
 gccaaacgga tgcgggttaa agcctacagg gtggacaaaa gtcctataa tcagtcaatg 1740
 tactatgctg gcttgctgt ggatgattt gaagacagcg aaagcaccga caccgaggaa 1800
 gaatttgga atgccattgg tggttctcac ggtgggagct catatacagt gtatatcgat 1860
 aaaacccgc

Número de secuencias (ID): 274

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
atgggcacag tgaataaacc cgtggtgggc gtacttatgg gggtcggaat cataacaggt 60
acattgagga tcactaatcc agtccgcgct tctgtgttaa gatatgacga tttcatatc 120
gacgaggaca agctggatac aaactcgggt tacgagccgt actaccacag cgatcacgct 180
gaatcttctt gggtaaatag gggagagtct tcccgaagg cttacgacca caattcccct 240
tacatatggc caagaaatga ttatgatggc ttctggaga acgcccacga gcatcacggt 300
gtgtataacc agggacgagg tatcgattcc ggcgaaagac tgatgcagcc taccagatg 360
tctgtcagg aggacctggg agatgacact ggtatccatg tcatcccaac cctgaacggg 420
gacgatcggc aaaaaatcgt taatgttgat cagcgtcagt acggcgacgt gttcaaaggc 480
gatctgaatc ccaaaccaca agggcagagg ctaatcgagg tgcagtga ggaaatcat 540
ccttttacct tgagagcacc gattcagcgg atctatggag taaggatatac tgaacatgg 600
tctttctgc ctacgctgac ttgtaccggg gacgcagccc cggtataca gcatatctgt 660
cttaagcata cgacctgctt ccaggacgtg gtctgtgatg tagactgcgc cgagaataca 720
aaggaagatc agctggctga gatcagctat aggtccaag gaaagaagga ggcagaccaa 780
ccctggatcg tggtaacac ttactctc ttgacgagc ttgagctga cccaccggag 840
atcgagcccg gagtcctcaa agtgctccgc acagagaagc agtacttggg ggtgtatatc 900
tggaatatgc gtggcagcga cgttacgtcc acctacgcta ctttctggt gacatggaag 960
ggggatgaaa aaacccgaaa ccctaccct gctgtgactc cacagcctag aggggcagag 1020
ttcacatgt ggaattacca ttccatgtg tttagcgtgg gcgatacctt cagcttggcg 1080
atgcatctgc agtacaaaat tcacgaggcc ccctcgatc tcctctgga gtggttgat 1140
gtcccgatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtaca gtacatgtct ttaccatcct 1200
aacgctcccc agtgtttatc tcatatgaac tcaggatgta ctttacttc tccacatctc 1260
gccagagag tggcgagcac agtataccag aactgcgagc atgtgacaa ctatacagca 1320
tactgccttg gtatatcaca catggagcct tcattcgggc ttatactgca tgacggaggc 1380
actacgttga agttgttga tactccggag agcctgtctg gcctgtatgt tttgttgtg 1440
```

tacttcaatg ggcacgtgga ggccgtggca tacacagtgg tcagcacggt cgatcacttt 1500
 gtgaatgcca tcgaggagcg cgggttcctt cctacggcgg ggcagccgcc tgctaccacc 1560
 aagcccaagg agatcacacc cgtgaatccc ggaaccagcc ccttgatccg gtatgccgct 1620
 tggaccggtg gattggcagc tgcgtgttg ctttgccctg ttattttctt aatctgcacc 1680
 gctaagcgca tgcgggttaa agcctatagg gtggacaaaa gtccctataa ccagagcatg 1740
 tactatgccg gcctccctgt tgatgatttc gaagatagcg agtctacgga caccgaagaa 1800
 gaatttggga acgcatagg aggttccac ggcggatctt cttatacggg gtacatcgat 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 275

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaactg tcaataagcc tgggtgggc gtgcttatgg gcttcgggat catcacgggt 60
 actttgagga ttactaatcc agtccgagct tccgtgctga gatatgatga ttccatata 120
 gatgaggaca agctggatac aaattcggtc tacgagccat actatcacag cgaccacgct 180
 gagtcatcct gggatgaacag gggagagtcg agtcggaagg cttatgacca taactcccca 240
 tacatttggc ctcggaatga ttacgatggc ttcttgaga atgccacga acatcacgggt 300
 gtgtataacc agggcagggg catcgatagc ggcgaaaggc tgatgcagcc caccctaatg 360
 tcagcgaggc aggatctggg agatgacact ggatccatg tcatccctac actgaacggg 420
 gacgatcgac acaaaatcgt taacgtcgat cagcgccaat acggggacgt cttcaaaggc 480
 gatctgaacc cgaagcctca agggcaaagg ctgatcgagg tgcctgtga ggagaatcac 540
 ccattcacct tgcgggcccc gattcaacgg atctacggag tgaggatata cgaaacttgg 600
 tcttttctcc cttactgac ctgtaccggg gacgtgcac cggccattca gcacatctgt 660
 ctgaagcata cgacctgctt ccaggacgtg gtcgtggacg tagactgtgc cgagaacacg 720
 aaggaggacc agctggctga gataagctac aggttcagg gaaagaaaga ggctgaccag 780
 ccgtggatcg tggtaatac ttctactctc ttgatgagc ttgagttgga tctctctgag 840
 attgagcctg gagttctcaa ggtgctgcgg acagaaaagc agtaccttgg ggtgtatac 900

tggaacatgc ggggctctga cggatcatcc acctatgcta cctttctggt aacttgaaa 960
 ggggatgaaa aaactcgaaa ccctacgcct gctgtgactc cacagcctcg tggggcagag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcacgtg ttcagcgtag gtgatacctt cagcctggca 1080
 atgcattctc agtataagat tcacgaggca cctttcgatt tgctcctgga gtgggtgtat 1140
 gtccctatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtata gtacatgtct ttaccatccc 1200
 aatgctcccc agtgcttgtc acacatgaac agcggatgta cttcacatc tccacatcta 1260
 gccagcgag tggcaagtac agtataccag aactgtgagc atgctgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgtcttg gtatatcaca catggagcct tcattcgggc tcatactgca cgacggaggc 1380
 actacgtga aatttgtgga cactcctgaa agcctgtctg gtctctatgt tttgttgtg 1440
 tattcaacg gccacgtgga ggccgtggca tacacagtgg tcagcaccgt ggatcacttt 1500
 gttaatgcaa tcgaggagcg tggtttctc cctacggcgg ggcagccacc tgccacgacc 1560
 aagcccaagg agatcacacc cgtgaaccgg ggaaccagcc cttgatccg gtatgccgt 1620
 tggaccgggg gtttggcagc cgtcgtgctg ctctgtctgg ttatatattt aatctgcacc 1680
 gccaaagcga tgccgggttaa agcctatagg gtggacaaga gtccctataa ccaatcaatg 1740
 tattatgcag gtcttctgt agatgattc gaagactctg agagtaccga caccgaggag 1800
 gagttcgga atgccatagg aggctcacac ggggggtcct ctacacagt ttacatcgac 1860
 aagacaaga 1869

Número de secuencias (ID): 276

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atggggaccg tacaagcc cgtcgtgggc gtgcttatgg gggtcgggat catcaccggt 60
 aactccgca ttactaatcc agtacgagct tcagtctgc gttatgatga ttccacatt 120
 gatgaggaca agctggacac aaacagcgtt tatgagccat attaccacag cgatcacgct 180
 gagtcatctt ggtcaatag gggcgagtct agccggaagg catacgacca taacagtct 240
 tacatttggc cgcggaatga ttatgatgga ttctggaga atgctcacga acatcacggt 300
 gtgtataatc agggctgagg cattgatagc ggggaaaggc tgatgcaacc aacgcagatg 360

tctgcgagg aggacctggg cgatgatact ggcatacatg tcatccccac tctgaatggg 420
 gacgacagac acaaaattgt taacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gtttaagggc 480
 gatctgaacc ctaagccaca aggccagagg ctgatcgagg tgtctgtaga ggaaaatcac 540
 ccgtttaccc tgcgggcacc tattcagcgg atctacggag tgagggtatac ggaaacatgg 600
 tctttctgc cttctctgac ctgcaccggg gacgctgccc cggctataca gcacatctgt 660
 ctgaagcata caacctgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tcgattgcgc cgagaacaca 720
 aaggaggatc agctggctga aataagctac aggttcagg gcaagaagga ggctgaccag 780
 ccatggattg tgggaacac atccactctg ttcgacgagc ttgagctaga tccacctgag 840
 atcgagcccg gagttctcaa ggtgctgcgg accgagaagc agtatcttg ggtgtatc 900
 tggacatgc gtggctctga tggcacaagc acgtacgcta cgtttctgt gacatggaag 960
 ggggacgaaa agacccggaa tccgaccct gctgtgactc ccagcctcg tggcgagag 1020
 ttccacatgt ggaattatca tagccatgtg ttcagcgtgg gagatacctt cagcctagcc 1080
 atgcactcc aatacaagat tcacgaggcc ccattcgatc tactcctgga atggtgtat 1140
 gttcctatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtaca gtacctgtct gtaccatccc 1200
 aatgtcccc agtgtttaag tcatatgaac tctggatgta ctttactag tccacatctc 1260
 gcacagagag tggccagcac agtatatcag aactgcgagc atgctgacaa ctataccgcc 1320
 tactgtctgg gtataagcca catggagcct tcattcgggc tcatactca tgacggaggg 1380
 actacattga agttgttga cactccagag agcctgagtg gcttatacgt gttgtgtg 1440
 tattttaatg ggcacgttga ggccgtggct tacacagtgg tcagcacggt cgatcacttt 1500
 gtcaatgcc ttaggaacg tggttcccc cctacggcgg ggcaaccacc cgctacgacc 1560
 aagcccaagg agatcacacc cgtgaacccc ggaacaagcc ctttgatccg ctatgccgcc 1620
 tggacggggg gcttggcagc cgttgtctg cttgcctgg ttatattctt aattgcacc 1680
 gccaaacgca tgcgagtaa agcttacaga gtggacaaga gtccatataa ccagagtatg 1740
 tattatgcgg gcctcccggt agatgatttc gaggatagcg agtctaccga tacggaggag 1800
 gagtttgga atgctatagg cgggtcacac ggcggtctt cttatacagt gtatatagac 1860
 aagactcg

1869

Número de secuencias (ID): 277

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```

atgggcacag tcaataaacc tgtggtgggc gtgctcatgg gcttcggaat catcacccgg 60
acattaagga ttaccaatcc tgtccgagcc tccgttctgc gctatgatga cttcacata 120
gatgaggaca agctggacac caactcgggt tacgagccat actatcatag cgatcatgcc 180
gagtcctctt gggagaacag gggagagtct tcccgaaag cttatgacca caatagcccg 240
tacatttggc cgcgaaatga ctatgatggc ttctggaga atgctcatga acatcacggt 300
gtgtataatc agggacgagg catagatagc ggcgaaaggc tcatgcagcc aacacagatg 360
tctgcgcagg aggacctggg agatgacact gggatccatg tcatccctac cctgaacggg 420
gacgaccggc ataaaatcgt taacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gttcaagggc 480
gatctgaatc cgaagcccca ggggcagagg ctgattgagg tgcggtgga ggaaaatcat 540
cccttcatat tgcgcgcacc catacagcgg atttacggag tgaggatac ggagacatgg 600
tctttctgc cctctctgac ctgcaccggg gacgccgccc cggctatcca gcacatctgt 660
ctgaagcaca ctacctgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tggactgcmc cgagaacaca 720
aaggaggacc agctggctga gataagctat aggttccaag gaaagaagga agctgaccaa 780
ccttggatcg tggagaacac ttactctc tttgatgagc tcgagctgga cccacctgag 840
atcgagcccg gagtttcaa ggtcctgcmc acagaaaagc agtatttggg ggtgtatc 900
tggaacatgc gcggcagtga cgggacatcc acatacgtta ctttctggt cacctggaag 960
ggggatgaaa aaacccgaaa tcctacccca gcagtgactc cacagcctcg tggcgcagag 1020
tttcatatgt ggaattatca ttccatgtg ttcagcgtgg gggatacatt cagcctggcg 1080
atgcacctcc aatacaaaat ccacgaggcc ccatttgatc tactcctgga gtggtgtat 1140
gtgcctatcg accccacatg tcagccgatg agactgtatt caacatgtct ttaccatcca 1200
aatgtccac agtgttatc ccatatgaac tcagggtgta ctttaccag tcccatctc 1260
gctcagcggg tggccagtac ggtataccag aactgcgagc atgctgacaa ctatacagcc 1320
tactgtcttg gtatctcaca tatggagcct tcatcgggc tgatcctgca cgacggaggc 1380
accacgttga agttgttga cactcccag agcctctcag gtctgtatgt gtttgtgta 1440
tatttcaatg gacacgttga agccgtggca tacacagtag tgtctacggt cgatcactt 1500
gtgaacgcta tcgaggagcg tggttccct cctacggcgg gccagcctcc agccacaacc 1560
aagcctaagg agatcacacc cgtgaacccc ggaactagcc ccttgatacg gtatgccgct 1620
tggaccgggg gtctggcggc tgtggtgctg ttatgtctgg ttatatttt gatctgcacc 1680
gctaagcggg tgcgggtgaa ggcctatagg gtagacaaaa gtccatataa ccagtcaatg 1740

```


tattatgccg gcctcccggg agatgatttt gaggacagcg agagcaccga caccgaggag 1800
gagttcggta acgctatagg gggctctcat ggcgggagtt catatacagt gtatatcgac 1860
aagactcgc 1869

Número de secuencias (ID): 278

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggaacgg tcaacaagcc cgtggtgggg gtgcttatgg ggttcgggat catcacgggt 60
acactgagga ttactaatcc agtccgagct tcagtcctga ggtacgatga tttcacatt 120
gacgaggaca aactggacac aaatagcgtg tacgaacctt actatcacag cgaccacgct 180
gagtcacatc ggggtaacag gggagagagt agccggaagg cttatgacca taactcccc 240
tacatttggc ccagaaatga ctatgacggc tttctggaga acgctcacga acatcatggt 300
gtgtataatc aggggagagg gatcgattcg ggcgaaaggc tgatgcagcc aacacagatg 360
tctgcgcagg aggacctggg cgatgataca ggtatccatg tcatccaac cctgaacggg 420
gacgaccggc acaaaatcgt taacgtcgat cagcgccaat atggtgacgt gttcaagggc 480
gatctgaatc cgaaaccaca ggggcagagg ctgatcgagg tatcgttga ggaaaatcac 540
cctttcacc tgccgggcacc gattcagcgg atctatggag tgaggtacac agagacttgg 600
tcctttctgc catctctgac ctgtaccggg gacgctgccc ccgctatcca acacatctgc 660
ctgaagcaca cgacctgctt ccaggacgtg gtcgtggatg tagattgcgc cgagaacaca 720
aaggaggatc agctcgctga gatcagctac aggttccagg gaaagaagga agctgaccag 780
ccatggatcg tgggtaacac ttctactctc tttgatgaac ttgagctaga ccctcctgag 840
atcgagcccc gagtttcaa ggtgctccgc acagagaagc agtacctggg ggtgtatatc 900
tggaatatgc gtggaagcga tggtaacctc acatacgcta cttttctggt tacctggaag 960
ggtgacgaaa agacccgaaa tctaccctc gcggtgactc cacagccccg cggggcagag 1020
tttcatatgt ggaattatca ttctcatgtg ttcagcgtag gggatacctt ctctctagcc 1080
atgcatctcc aatacaagat tcacgaggcc cctttcgatc tactcctgga gtgggttat 1140
gtaccaatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtatt cgacatgtct ctaccacct 1200

aatgctcctc agtgtttaag ccacatgaat tccggatgta cgtttactag tccacatctg 1260
 gccagagag tggccagtac cgtataccag aattgcgagc atgctgacaa ctacaccgcc 1320
 tactgtttag ggatatccca catggaacct tcttcgggc tgatttgca tgacggaggc 1380
 actactttga agtttgtga cactcccgaa agcctgtcgg gcctatacgt tttgtggtt 1440
 tacttcaatg gacatgtcga ggcgggtggt tacacggtg tgtctacggt agatcattt 1500
 gtgaatgcaa tcgaggagcg tggtttcct cctacggcgg ggcagcccc tgccaccaca 1560
 aagccaaagg agatcacacc cgtgaaccgg ggaaccagcc cttgatccg gtatgcagct 1620
 tggaccgggg gcttggcagc tgcgtcctg cttgtctgg tcatatttt aatctgcacc 1680
 gccaagcggg tgcgggttaa agcataccga gtagataagt cccctacaa ccagtccatg 1740
 tactatgcgg ggctgcctgt ggtgatttt gaagactccg agagcacgga caccgaggag 1800
 gagtttgaa acgccatagg aggatcacat ggagggtctt cttatactgt ttatatcgac 1860
 aaaacccgc 1869

Número de secuencias (ID): 279

Longitud: 1869

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.1869

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

atgggtaccg ttaataaacc cgtgggtgga gtgcttatgg gttttgggat catcactggt 60
 acattgagga ttactaatcc agtgcgagct agtgtcctga gatacgatga ttccacatt 120
 gatgaggata agctggatac aaactcgggt tatgagccat actatcacag cgatcacgct 180
 gagtcatctt ggtgaacag gggagagtct agccggaagg cttacgacca taactccccg 240
 tatatatggc cccgaaatga ttatgatggg tttctggaaa acgctcacga acatcacggt 300
 gtgtataacc agggccgcgg catcgatagc ggtgaaaggc tgatgcagcc taccagatg 360
 agtgcgcagg aggacctggg agatgacact ggtatccacg tcattcctac cctgaacggg 420
 gacgatcggc ataaaatcgt caacgttgat cagcgccaat acggtgacgt gttcaagggc 480
 gatctgaacc ctaaacaca agggcagagg ctgatcgaag tgtccgttga ggagaatcac 540
 ccgtttacct tgcgggcacc gattcagcgg atctacggag tcagggtatac ggagacttgg 600
 tctttcctgc cttctctgac ctgcaccggg gacgccgccc cggtatata gcacatctgt 660

ctgaagcata ctacctgttt ccaggacgtg gtcgtcgatg tagattgcgc cgagaacact 720
 aaggaggatc agctggcaga gataagctac aggttcagg gaaagaagga agctgaccag 780
 ccatggatcg tggtaacac ttctactctc ttgacgagc ttgagctgga tcctcctgag 840
 atcgagcccg gagtgctcaa ggtgttgcgc acagagaagc agtacctggg ggtgtatc 900
 tggaatatgc gtggctctga cggtaacaagt acctacgcta cttcctggt gacatggaag 960
 ggggacgaga aaacccgaaa ccctaccccc gctgtcactc cacagcctcg tggggcagag 1020
 ttccacatgt ggaattatca ttctcatgtc tttagcgtag gagacacctt tagcctagcg 1080
 atgcactcc agtacaagat tcacgaggcc ccattcgatc tactcctgga atggctttat 1140
 gttcctatcg atcctacttg tcagccgatg agactgtatt ctacatgtct gtaccatccc 1200
 aatgctcccc agtgtttatc tcacatgaac tccggttgta ctttactag tccacatctc 1260
 gccagagag tggccagcac agtataccag aactgcgagc acgccgacaa ctatacggcc 1320
 tattgtctgg gtatatcaca catggagccc agttcgggc tcactctgca tgacggagga 1380
 acaacgctga agttcgtaga tactccgga agcttatctg gcctctacgt ttctgtgga 1440
 tatttcaatg gacacgtcga ggccgtagca tataccgtgg tgagcaccgt tgaccactc 1500
 gtgaatgcga tcgaggagcg tggattccct cctacggcgg ggcagcctcc tgccacgacc 1560
 aagcccaagg aatcacacc cgtgaacccc gggaccagcc ccttgattcg gtatgtgct 1620
 tggaccggcg gcctgcagc tgtgtgtctg cttgtctgg ttatctctt gatctgcacc 1680
 gccaaacgca tgcgggttaa agcctacagg gtggataaaa gtcctataa ccagtcaatg 1740
 tactacgccg gactcccgt agatgatttc gaagacagcg agagcaccga taccgaggag 1800
 gagttcggta acgccatcg aggtagccac ggcgggtctt cttatacagt gtatatagac 1860
 aagaccgc 1869

Número de secuencias (ID): 280

Longitud: 53

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.53

> mol_type, otro ADN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

agaataaact agtattcttc tggccccac agactcagag agaaccgccc acc 53

Número de secuencias (ID): 281

Longitud: 53

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.53
 - > mol_type, otro ARN
 - > organismo: constructo sintético

Residuos:

agaataaact agtattcttc tggccccac agactcagag agaaccgccc acc 53

Número de secuencias (ID): 282

Longitud: 53

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.53
 - > mol_type, otro ARN
 - > organismo: constructo sintético
- modified_base, 1.53
 - > mod_base, m1f

Residuos:

agaanaaacn agnanncnnc nggnccccac agacncagag agaaccgccc acc 53

Número de secuencias (ID): 283

Longitud: 295

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.295
 - > mol_type, otro ADN
 - > organismo: constructo sintético

Residuos:

ctcgagctgg tactgcatgc acgcaatgct agctgcccct ttccgctcct gggtagcccc 60
agttcccc gacctcgggt cccaggtatg ctcccacctc cacctgcccc actcaccacc 120

tctgctagtt ccagacacct cccaagcacg cagcaatgca gctcaaaacg cttagcctag 180
 ccacaccccc acgggaaaca gcagtgatta accttagca ataaacgaaa gttaactaa 240
 gctatactaa cccaggggtt ggtcaatttc gtgccagcca caccctggag cttagc 295

Número de secuencias (ID): 284

Longitud: 295

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.295
 - > mol_type, otro ARN
 - > organismo: constructo sintético

Residuos:

ctcgagctgg tactgcatgc acgcaatgct agctgcccct ttccgctcct gggtagccccg 60
 agtctcccc gacctcgggt cccaggtatg ctccacctc cacctgcccc actcaccacc 120
 tctgctagtt ccagacacct cccaagcacg cagcaatgca gctcaaaacg cttagcctag 180
 ccacaccccc acgggaaaca gcagtgatta accttagca ataaacgaaa gttaactaa 240
 gctatactaa cccaggggtt ggtcaatttc gtgccagcca caccctggag cttagc 295

Número de secuencias (ID): 285

Longitud: 295

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.295
 - > mol_type, otro ARN
 - > organismo: constructo sintético
- modified_base, 1.295
 - > mod_base, m1f

Residuos:

cncgagcngg nacngcangc acgcaangcn agcngcccn nccccgncn gggtagccccg 60
 agncncccc gaccncgggn cccaggnang cccccaccnc caccngcccc acncaccacc 120
 ncngcnagnn ccagacacn cccaagcacg cagcaangca gncaaaacg cncagccnag 180
 ccacaccccc acgggaaaca gcagnganna accnnnagca anaaacgaaa gnnnaacnaa 240

gcnanacnaa ccccagggnn ggncaannnc gngccagcca caccnnggag cnagc 295

Número de secuencias (ID): 286

Longitud: 110

Tipo de molécula: ADN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.110
- > mol_type, otro ADN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

aaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa gcatatgact aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 60
 aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 110

Número de secuencias (ID): 287

Longitud: 110

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.110
- > mol_type, otro ARN
- > organismo: constructo sintético

Residuos:

aaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa gcatatgact aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 60
 aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 110

Número de secuencias (ID): 288

Longitud: 110

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.110
- > mol_type, otro ARN
- > organismo: constructo sintético
- modified_base, 1.110

> mod_base, m1f

Residuos:

aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa gcanangach aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 60
 aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 110

Número de secuencias (ID): 289

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 290

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 291

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 292

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 293

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 294

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 295

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 296

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 297

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 298

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 299

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 300

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 301

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 302

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 303

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 304

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 305

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 306

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 307

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 308

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 309

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 310

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 311

Residuos:

000

Número de secuencias (ID): 312

Longitud: 47

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.47

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

agaataaact agtattcttc tggccccac agactcagag agaaccc 47

Número de secuencias (ID): 313

Longitud: 42

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.42

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

aaactagtat tcttctggtc cccacagact cagagagaac cc 42

Número de secuencias (ID): 314

Longitud: 278

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.278

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

ctggtactgc atgcacgcaa tgctagctgc cccittcccg tctgggtac cccgagtctc 60
 ccccgacctc ggggtccagg tatgctcca cctccacctg cccactcac cacctctgct 120
 agttccagac acctccaag cagcagcaa tgcagctcaa aacgcttagc ctgcccacac 180
 cccacggga aacagcagtg attaaccttt agcaataaac gaaagtttaa ctaagctata 240
 ctaaccccag ggttggtcaa ttctgtgcca gccacacc 278

Número de secuencias (ID): 315

Longitud: 109

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.109

> mol_type, otro ARN

> organismo: constructo sintético

Residuos:

```
aaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa gcatatgact aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 60
aaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 109
```

Número de secuencias (ID): 316

Longitud: 109

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.109
 - > mol_type, otro ARN
 - > organismo: constructo sintético
- modified_base, 1.109
 - > mod_base, m1f

Residuos:

```
aaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa gcanangach aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 60
aaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa 109
```

Número de secuencias (ID): 317

Longitud: 284

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.284
 - > mol_type, otro ARN
 - > organismo: constructo sintético

Residuos:

```
ctcgagctgg tactgcatgc acgcaatgct agctgccctt tcccgtcct gggtagcccg 60
agtctcccc gacctcgggt ccaggtatg ctccacctc cacctgccc actcaccacc 120
tctgctagtt ccagacacct cccaagcacg cagcaatgca gctcaaacg cttagcctag 180
ccacaccccc acgggaaaca gcagtgatta accttagca ataacgaaa gtttaactaa 240
gctatactaa cccagggtt ggtcaatttc gtgccagcca cacc 284
```

Número de secuencias (ID): 318

Longitud: 284

Tipo de molécula: ARN

Ubicación de características/Calificadores:

- fuente, 1.284
 - > mol_type, otro ARN
 - > organismo: constructo sintético
- modified_base, 1.284
 - > mod_base, m1f

Residuos:

```
cncgagcngg nacngcangc acgcaangcn agcngcccn nccccgncn gggnaccccg 60
agncncccc gaccncgggn cccaggnang cncccaccnc caccngcccc acncaccacc 120
ncngcnagnn ccagacacn cccaagcacg cagcaangca gcncaaaacg cnnagccnag 180
ccacaccccc acgggaaaca gcagnganna accnnnagca anaaacgaaa gnnnaacnaa 240
gcnanacnaa ccccaggggn ggncaannnc gngccagcca cacc      284
```

FIN