

Información sobre el listado de secuencias:

Versión DTD: V1_3
 Nombre del archivo: MONS522WO_ST26.xml-revisado
 Nombre del software: WIPO Sequence
 Versión del software: 2.3.0
 Production Date: 2024-03-12

Información general:

Solicitud actual / Oficina de la PI: WO
 Solicitud actual / Número de solicitud: PCT/US22/79380
 Solicitud actual / Fecha de presentación: 2022-11-07
 Solicitud actual / Referencia del expediente del solicitante: MONS:522WO
 Solicitud de prioridad más temprana / Oficina de la PI: EE.UU.
 Solicitud de prioridad más temprana / Número de solicitud: 63/278.903
 Solicitud de prioridad más temprana / Fecha de presentación: 2021-11-12
 Nombre del solicitante: Monsanto Technology LLC
 Nombre del solicitante / Idioma: español
 Título de la invención: COMPOSICIONES Y MÉTODOS PARA MODIFICAR LA DETERMINACIÓN

VEGETAL (español)

Cantidad total de secuencias: 128

Secuencias:

Número de secuencia (ID): 1
 Longitud: 522
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..522
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

atggcaaaaa	tgcctttaga	gcctctaata	gtggggagag	tcataggaga	agttcttgat	60
tctttcacca	caagcacaaa	aatgactgtg	agttacaaca	agaagcaagt	ttacaatggc	120
catgagctct	tcccttccac	tgtcaacacc	aagcccaagg	ttgagattga	gggtggtgat	180
atgaggtcct	tctttacact	gatcatgact	gacctgatg	ttcctggccc	tagtgaccct	240
tatctgagag	agcacttgca	ctggatagtg	acagatatct	caggcacaac	agatgccaca	300
tttgggaaag	agttggtgag	ctatgaggtc	ccaaagccta	atattggaat	ccatagggtt	360
gtgtttgtcc	tgttcaagca	aaagcgtaga	cagtgtgtta	ctccaccac	ttcaagggac	420
cacttcaaca	cacgcaaatt	cgcagcagag	aacgaccttg	gcctccctgt	ggctgctgtc	480
tacttcaatg	cacagaggga	aacggctgca	agaagacgct	ag		522

Número de secuencia (ID): 2

Longitud: 173
 Tipo de molécula: AA
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..173
 > tipo_mol, proteína
 > organismo, Glycine max

Residuos:

MAKMPLEPLI	VGRVIGEVLD	SFTTSTKMTV	SYNKKQVYNG	HELFPTVNT	KPKVEIEGGD	60
MRSFFTLIMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAT	FGKELVSYEV	PKPNIGIHRF	120
VFVLFKQKRR	QCVTPPTS RD	HFNTRKF AAE	NDLGLPVAAV	YFNAQRETA A	RRR	173

Número de secuencia (ID): 3

Longitud: 1818
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..1818
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

agctaaatct	aaattatgta	ttgcaacata	ttttaaagga	ggggcaaaac	acactcgatc	60
taccttcaaa	gaaactttta	agacattata	aatatggagc	ccacactccc	ttcttcctca	120
gtaagatcat	caacttgat	tcctcacttc	cttagctcct	cctcttcctt	gttcctcctc	180
ttacaatggc	aaaaatgcct	ttagagcctc	taatagtggg	gagagtcata	ggagaagttc	240
ttgattcttt	caccacaagc	acaaaaatga	ctgtgagtta	caacaagaag	caagtttaca	300
atggccatga	gctcttcctt	tccactgtca	acaccaagcc	caaggttgag	attgaggggtg	360
gtgatattgag	gtccttcttt	acactgggtat	atatatttct	tttatctctt	ctcttcttat	420
tccttttctt	ctttaaagaa	caagattttt	ttggggaaaa	aaaaagagaa	aaaacttaag	480
ctgttgccag	tgtgtttctt	tgttattttc	tgtaatcatg	gtcacacggg	atgtctcttt	540
tattggagtt	ttctttacaa	atactgaatc	attaagcaaa	tgtccccctt	tttcggtgca	600

gatcatgact	gaccctgatg	ttcctggccc	tagtgaccct	tatctgagag	agcacttgca	660
ctggtactta	atataaaaat	taactaactt	aagtagtcat	ttattacata	aataacacac	720
cacacccacc	ccacatatat	tggtataaccg	gtttctctta	ataacttaac	ctcttttaaaa	780
gttatgtact	ggttatccat	ctgatattca	cgtagatgt	ctgtgtattt	tattatcaag	840
tttgaagttt	tgcaagatat	atgcattcct	ttcatcacat	caaactatgg	acagccagga	900
aggtaataac	aaatacttac	atcacatgaa	gaaggtacac	acatgccttt	gtattctgca	960
aaagtagctt	gttccaccat	aatcccatcc	accctaaaat	caaaacaatc	taaaaggggtg	1020
aataaatctc	gaagtctcaa	acaacatta	cagaactaca	tataaggcaa	acaaccagta	1080
accatttcatt	cattcatagg	tatctaacag	tcaataattt	tggtgcaaac	attctttttt	1140
ctgcaggata	gtgacagata	ttccaggcac	aacagatgcc	acatttggta	ggttcatatg	1200
aaaaatgtgt	atataatggga	acttactttg	atgatcatga	gagagatcac	tgacaaaaaa	1260
tgatattcct	aataatatgt	agggaaagag	ttggtgagct	atgaggtccc	aaagcctaatt	1320
attggaatcc	ataggtttgt	gtttgtcctg	ttcaagcaaa	agcgtagaca	gtgtgttact	1380
ccaccacatt	caagggacca	cttcaacaca	cgaaaattcg	cagcagagaa	cgaccttggc	1440
ctccctgtgg	ctgctgtcta	cttcaatgca	cagagggaaa	cggctgcaag	aagacgctag	1500
ctatagctaa	gtagctgctg	gttttgccac	tgcaacaacc	aaagtagtat	tgatttgaat	1560
aaagcgataa	aaaggtacaa	gtacaaggag	tttcagtagt	ggaagttgat	cttcacatgt	1620
ggcttcaaat	aacttgcaga	aagaagggaag	ataatcattt	tctagtttga	ctagtgtgta	1680
tgctatgttt	tactttccat	cagatgttgt	gtacgttctg	tagtataagt	gtactacgtg	1740
tattattatt	acctcgtggg	tactactatg	aggtgatcct	atatatatat	atataaagaa	1800
ataagagggt	tggtaggc					1818

Número de secuencia (ID): 4

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtagtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cgccatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatg	ccacataaatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataaatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtagtc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	ttgtcaaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggaggagg	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	ctgatcgagc	1560
tgatgggaga	gaaaaaactg	ggaaatttta	tattttttaa	tattttttac	aaattttttc	1620
agaactagga	tgggatagaa	ataaataaaa	aaagtacaca	ataagagttg	ctaatagaat	1680
aaaaaaaaatt	ctttattgga	tgagaaatat	ccatgcatcc	ggtgtacagc	caatcaatta	1740
agaaccgatt	ccaagggccc	cattctgtgt	ttatgaccag	cggagagaga	aagagagtgg	1800
aaaagttgga	aggataactc	gtcacataat	atgactaatg	tgatttcagc	acaacacatcc	1860
cagacccaaa	ggcaattgtt	gagatgagcc	gaattaagag	acaatatatt	agtagtagtg	1920
ggaggacctg	cacggatgca	cttgatttat	ttctagcctt	ttttcatitt	ttgtttttcc	1980
tatagaactt	gtattttctc					2000

Número de secuencia (ID): 5

Longitud: 20

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..20
 > tipo_mol, ADN genómico
 > nota, Lachnospiraceae bacterium ND2006
 > organismo, no identificado

Residuos:
 aatttctact aagtgtagat 20

Número de secuencia (ID): 6
 Longitud: 365
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..365
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Virus del mosaico de la dalia

Residuos:	atcaacggag	aaacaaagat	aaaaatcaat	tactcacatg	aaagagtatt	gatcacgagt	60
	cactatggag	cgacaatctc	cagacaggat	gtcagcatct	tatcttcctt	tgaagaaagc	120
	atcatcaata	acgatgtaat	ggtggggaca	tccactaagt	tattgctctg	caaacagctc	180
	aaaaagctac	tggccgacaa	tcataattgc	tcggcatgtg	cagggtggggc	ctccactagc	240
	aataatacaa	gctttacagc	ttgcagtgc	tcctcctcca	ataatggaga	aaaagacgctc	300
	agcagtgcg	aacaagggtc	gaaagacttg	cctatataag	ggcattctcc	cctcagttga	360
	agatc						365

Número de secuencia (ID): 7
 Longitud: 3681
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..3681
 > tipo_mol, otro ADN
 > nota, Lachnospiraceae bacterium ND2006
 > organismo, no identificado

Residuos:	tccaagctgg	agaagtttac	aaactgttac	agcctctcca	aaaccctcag	gtttaaagcg	60
	atcccggtag	gcaagaccca	ggagaacatc	gacaacaaga	ggctcctggt	ggaagacgag	120
	aagcgcgccc	aagactacaa	ggcggtgaag	aagctgctcg	ataggctacta	cctcagcttt	180
	attaacgacg	tgctgcacag	catcaaactc	aagaatctca	acaactacat	ctccctcttc	240
	cgcaaaaaga	cccgcaccga	gaaggagaac	aaggagctgg	agaacctgga	gatcaacctc	300
	cgcaaggaaa	tcgccaagc	gttcaagggt	aatgaagggt	acaagagcct	cttcaagaaa	360
	gacatcatcg	aaactatcct	cccagagttt	ctcgaatgaca	aggacgagat	cgcgctgggtg	420
	aactccttta	acgggttcac	aaccgcgttt	accggcttct	ttgataacag	ggaaaatatg	480
	ttctccgagg	aggccaagtc	caccagcatc	gccttcagggt	gtatcaacga	gaacctcacc	540
	cgctacattt	ccaatatgga	caatttcgag	aaggtggatg	cgatcttcga	taagcacgag	600
	gtgcaggaga	tcaaagagaa	gattctcaat	tccgattatg	acgtcgagga	tttcttcgaa	660
	ggggagttct	ttaatattgt	gctcacacaa	gagggcattg	acgtgtacaa	cgcgattatc	720
	gggggcttcg	tcacagagtc	cggggagaag	attaaggggc	tgaatgagta	catcaatctg	780
	tacaatgcga	agaccaagca	gaaactgccc	aaattcaagc	cgctctacaa	gcaagtcctg	840
	tccgataggg	aaagcctctc	cttctacggc	gagggctata	ccagcgacga	ggaggtgctg	900
	gaagtcttcc	gcaacacact	gaataagaat	agcgagattt	tctcctccat	caagaagctc	960
	gagaagctct	ttaagaactt	tgacgagtac	agctccgccc	ggattttcgt	gaagaacggg	1020
	ccggcgatca	gcaccatctc	caaggacatc	tttggcaggt	ggaacgtcat	cagggacaag	1080
	tggaacgccg	agtagacgga	catccacctg	aagaagaagg	cggtggtgac	cgagaagtat	1140
	gaggacgatc	gcaggaaagtc	cttcaaaaaa	atcggctcct	tcagcctcga	acagctccag	1200
	gagtagtccc	atgcggtatc	gtccgtcgtc	gagaagctga	aggaaatcat	cattcagaag	1260
	gtcgacgaga	tctataaagt	gtacgggtcc	agcgagaagc	tgttcgacgc	cgactttgtg	1320
	ctcgagaagt	ccctcaaaaa	gaatgacgcc	gtgggtggcca	ttatgaaaga	cctgctcgac	1380
	tccgtgaagt	ccttcgaaaa	ttacattaaa	gcgttctttg	gggaggggaa	ggaaactaac	1440
	agggatgagt	ccttctatgg	cgactttgtc	ctcgcgtacg	acatcctgct	gaaggtcgac	1500
	cacattttacg	acgcgatccg	caactacgtg	acacagaagc	cgtactccaa	agacaagttc	1560
	aagctgtact	tccagaaccc	gcaattttatg	gggggctggg	acaaggataa	agagacagac	1620
	taccgcgcga	caattctccg	ctatggctcc	aaatactatc	tggccatcat	ggacaagaag	1680
	tacgcagaagt	gcctgcagaa	gatcgacaaa	gacgacgtca	atggcaacta	tgaaaagatc	1740
	aactacaagc	tgctgccggg	cccgaacaag	atgctcccga	aggtgttctt	cagcaagaag	1800
	tggtatggcct	actacaatcc	aagcgaggat	attcagaaaa	tctataaaaa	cgggaccttc	1860
	aagaaggggg	acatgtttaa	cctcaacgac	tgccacaagc	tcattgattt	cttcaaggat	1920
	agcattttccc	gctacccgaa	atggtccaat	gcgtacgatt	ttaaacttctc	cgagacagaa	1980
	aagtacaaag	acatcgccgg	cttttacagg	gaggtggagg	agcaagggta	taaagtttct	2040
	tttgaatccg	cgagcaagaa	ggaagtcgac	aagctcgtcg	aggagggcaa	gctctacatg	2100

ttccaaat	ataacaagga	cttttccgac	aagagccatg	ggaccccaaa	cctccacacc	2160
atgtacttca	aactgctctt	tgacgagaac	aaccacgggc	aaatcaggct	gagcggcggc	2220
gccgaattat	tcattgcgcag	ggcctccctc	aagaaggaag	agctggctcg	ccatccagcc	2280
aattccccga	tcgcgaacaa	gaacccggac	aatccgaaaa	agaccaccac	cctgtcctac	2340
gacgtctaca	aggacaacag	cttcagcgaa	gaccagtacg	aattacacat	ccaattgctg	2400
attaataagt	gccccaaagaa	tatcttcaaa	attaatacag	aggtcagggt	gctgctcaaa	2460
cacgacgaca	atccgtatgt	catcggcatt	gacaggggctg	agcgcaatct	gctctatatc	2520
gtggctcgtg	atgggaagg	caatattgtg	gagcagtagt	ccctgaacga	gattatcaac	2580
aacttcaatg	ggattaggat	taagaccgac	tatcacagcc	tgctcgacaa	gaaagaaaaa	2640
gagaggtttg	aggcccgcga	aaactggacc	tccattgaga	atatcaaaga	attaaaggcc	2700
ggctatat	cccaagtcgt	ccacaagatc	tgcgagctgg	tgagaaata	tgacgccgtg	2760
attgctcgtc	aagacttaaa	ttctgggttc	aagaactccc	gcgtgaagg	ggaaaaacag	2820
gtgtatcaga	aattcgagaa	aatgctgac	gacaaactca	attatatggt	ggataagaag	2880
tccaacccgt	gtgccacagg	ggcgcgctg	aagggtatc	agatcaccaa	caagttcgag	2940
agcttcaaga	gcatgagcac	ccagaacggg	tttattttct	acatcccggc	gtggctcacc	3000
tccaagattg	acccgagcac	cggcttcgtg	aacctcctga	agacaaagta	tacctccatt	3060
gccgacagca	agaagtatt	ctcctccttc	gaccgcatta	tgtatgtgcc	ggaggaggac	3120
ctcttcgagt	tcgccctcga	ctacaaaaac	ttcagccgca	cagatgcgga	ttacatcaag	3180
aagtgggaagc	tgtactccta	cgggaacagg	atccgcattc	tcagggaatcc	aaaaaaaaat	3240
aacgtctttg	attggggagga	agtgtgcctg	acatccgcct	acaaggaact	gttcaataaa	3300
tacggcatca	attaccagca	ggcgacatt	cgccctcc	tctgtgagca	gtccgacaaa	3360
gcgttttact	ccagcttcac	ggccctcatg	tccctgatgc	tccaaatgag	gaatagcatc	3420
acagggcgca	ccgacgtcga	cttcctcatc	agcccggtga	agaactccga	cgggatcttt	3480
tacgactccc	gcaactatga	ggcgcaagag	aatgcatc	tcccgaagaa	cggcgatg	3540
aacggggcct	ataatatcgc	caggaaagt	ctctgggcca	tcgggcagtt	caaaaaggcg	3600
gaggatgaga	agctcgacaa	ggtgaaaatt	gccatttcca	acaaggagt	gctggagtac	3660
gcgcagacct	ccgtgaagca	c				3681

Número de secuencia (ID): 8
Longitud: 30
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..30
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Solanum lycopersicum

Residuos:
ggatctaaga agagaagaat taacaagat 30

Número de secuencia (ID): 9
Longitud: 1010
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..1010
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Medicago truncatula

actgttaata	atTTTTaaac	gtcagcgcac	taaaaaaacg	aaaagacgga	cacgtgaaaa	60
taaaaaacac	acactagttt	atgacgcaat	actatTTTtac	ttatgatttg	ggtacattag	120
acaaaaccgt	gaaagagatg	tatcagctat	gaaacctgta	tacttcaata	cagagacgta	180
ctcatatcgg	atacgtacgc	acgaagtatc	atattaatta	TTTTaatttt	taataaatat	240
tttatcggat	acttatgtga	tactctacat	atacacaagg	atatttctaa	gatactttat	300
agatacgtat	cctagaaaaa	catgaagagt	aaaaaagtga	gacaatgttg	taaaaattca	360
ttataaatgt	atatgattca	atTTtagata	tgcatcagta	taattgattc	tcgatgaaac	420
acttaaaatt	atatttcttg	tggaagaacg	tagcgagaga	ggtgattcag	ttagacaaca	480
ttaaataaaa	ttaatgttaa	gttctTTTtaa	tgatgtttct	ctcaatatca	catcatatga	540
aaatgtaata	tgatttataa	gaaaattTTTt	aaaaaattta	TTTTaataat	cacatgtact	600
atTTTTtaaa	aattgtatct	tttataataa	tacaataata	aagagtaatc	agtgttaatt	660
tttcttcaaa	tataagtTTTt	attataaatc	attgttaaag	tatcataagt	cattaccgta	720
tcgtatctta	atTTTTTTTTt	aaaaaccgct	aattcacgta	cccgtattgt	attgtaccgg	780
cacctgtatc	acaatcgatc	ttagtttagaa	gaattgtctc	gaggcggtgc	aagacagcat	840
ataatagacg	tggaactctct	tataccaac	gtgtgtcgtat	cacaaagggt	taggtaacaa	900
gtcacagttt	gtccacgtgt	cacgtTTTtaa	ttggaagagc	tgccgttggc	gtaataatac	960
agccaatcga	TTTTgtctat	aaaagcaaat	caggtaaact	aaacttcttc		1010

Número de secuencia (ID): 10
Longitud: 3681
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..3681
 > tipo_mol, otro ADN
 > nota, Lachnospiraceae bacterium ND2006
 > organismo, no identificado

Residuos:

tcgaagctcg	agaagttcac	caactgctac	tcgctgagca	agacgctgcg	gttcaaggcg	60
atccccgctg	ggaagaccca	ggagaacatc	gacaacaagc	ggctcctggg	cgaggacgag	120
aagcgcgccc	aggactacaa	gggcgtcaag	aagctgctgg	accggtacta	cctctccttc	180
atcaacgacg	tcctgcactc	gatcaagctc	aagaacctga	acaactacat	ctcgctgttc	240
cgcaagaaga	cacggaccga	gaaggagaac	aaggagctcg	agaacctcga	gatcaacctg	300
cgcaaggaga	tcgcgaaggc	gttcaagggc	aacgaggggt	acaagagcct	gttcaagaaa	360
gacatcatcg	agaccatcct	gccggagttc	ctggacgaca	aggacgagat	cgcgctgggtg	420
aactcgttca	acgggttcac	cacggccttc	accgggtttt	tcgacaaccg	ggagaacatg	480
ttcagcgagg	aggccaagtc	gaccagcatc	gccttccggt	gcatcaacga	gaacctcacc	540
cgctacatca	gcaacatgga	catcttcgag	aaggtggacg	ccatcttcga	caagcacgag	600
gtccaggaga	tcaaggaaaa	gatcctgaac	tcggactacg	acgtggaaga	cttctttgag	660
ggcggcttcg	ttcaacttcgt	cctcaccag	gagggcacatg	acgtctacaa	cgccatcatc	720
tacaaccaga	tgacggagag	cggcgagaag	atcaagggcc	tcaacgagta	catcaacctc	780
agcgaccggg	agactaagca	gaagctcccc	aagttcaagc	cgctgtacaa	gcaagtcctg	840
gagggtgttc	agtccctctc	gtttacggc	gagggctaca	cgagcgacga	ggaggtgctg	900
gagaagctgt	gaggtgttcc	gaacaagaac	agcgagatct	tcagctcgat	caagaaactc	960
cccgcgatca	tcaagaactt	cgacgagtac	agcagcgccg	gcatcttcgt	caagaacggg	1020
tggaaacgcc	gcaccatcag	caaggacatc	ttcggggagt	ggaacgtgat	ccgcgacaag	1080
gaggacgacc	agtacgacga	catccacctc	aagaaaaagg	cggtggtcac	ggagaagtag	1140
gagtacgcgg	gcccgaagtc	cttcaagaaa	atcgggagct	tcagcctcga	gcagctccag	1200
gtcgacgaga	acgccgacct	gagcgtgggtg	gagaagctca	aggagatcat	catccagaag	1260
ctggagaagt	tctacaaggt	ctacggctcg	agcgagaagc	tgttcgacgc	ggacttctgtg	1320
agcgtgaagt	ccctcaagaa	gaacgacgcc	gtggtggcca	tcataagga	tctgctcgac	1380
cgggacgagt	cgttcgagaa	ctacatcaag	gcattctttg	gggagggcaa	ggagacgaac	1440
cacatctacg	ccttctacgg	ggacttcgtg	ctcgcgtagc	acatcctcct	gaaggtcgac	1500
aagctctact	accgatccg	gaactacgtc	acgcagaagc	cctacagcaa	ggacaagttc	1560
taccgggcca	tccagaaccc	cgagtccatg	ggcggtggg	acaaggacaa	gcagaccgac	1620
tacgccaagt	cgatcctgcg	gtacgggtcc	aagtactacc	tcgccatcat	ggacaagaag	1680
aactacaagc	gcctccagaa	gattgacaag	gacgacgtga	acgggaacta	cgagaagatc	1740
tggatggcct	tcctcccggg	gccaacaag	atgctgcca	aggtgttctt	agcaagaagt	1800
aaaaaggggg	acataacccc	ctcggaggac	atccagaaga	tatacaagaa	cgccagcttc	1860
agcatcagcc	acatgttcaa	cctgaacgac	tgccacaagc	tgatcgactt	tttcaaggac	1920
aagtacaagg	gctatccgaa	gtggtcgaac	gcctacgact	tcaacttctc	ggagacggag	1980
ttcgagagcg	acattcgggg	cttctaccgg	gaggtggagg	agcagggcta	caaggtcttc	2040
ttccagatct	cctccaagaa	agaggtggac	aagctcgtgg	aggagggcaa	gctgtacatg	2100
atgtacttca	acaacaagga	cttctcgga	aagtcgcacg	gcaccccgaa	cctccacacg	2160
cgggagctgt	agctgtgtgt	cgacgagaac	aaccacgggc	agatccgcct	gacgcgggg	2220
aactccccga	cgctgcctcg	cgctccctc	aagaaggagg	agctggtcgt	gcaccccgcc	2280
gacgtctaca	tcgcgaacaa	gaaccccgac	aaccccaaga	agacaaccac	cctctcgtac	2340
atcaacaagt	aggacaagcg	gttctcggag	gaccagtagc	agctgcacat	cccgatcgcc	2400
cacgacgaca	gccccaaaga	catcttcaag	atcaacaccg	aggtgcgggt	gctgctcaag	2460
gtggtcgtgg	caccctacgt	catcgggac	gaccgcggcg	agcggaaact	gctctacatc	2520
aacttcaacg	acgggaaggg	gaacatcgtg	gagcagtaca	gcctgaacga	gatcatcaac	2580
gagcggttcg	gcacccgcat	caagacggac	taccacagcc	tcctggacaa	gaaggagaag	2640
ggctacatca	aggcgcggca	gaactggacc	tccatcgaga	acatcaagga	gctgaaggcc	2700
atcgcgctgg	gccaggtcgt	gcacaagatc	tgcgagctcg	tggagaagta	cgacgcgggtg	2760
gtctaccaga	aggacttgaa	cagcgggttc	aagaactccc	gggtcaagggt	cgagaagcag	2820
tccaacccct	agttcgagaa	gatgctgatc	gacaagctca	actacatggt	ggacaagaag	2880
tccttcaagt	gcgccaccgg	cgcgccctc	aagggtacc	agatcaccaa	caagttcgag	2940
agcaagatcg	cgatgtctac	gcagaacggg	ttcattttct	acatcccggc	gtggctcacc	3000
gcggacagca	acccgagcac	gggcttcgtc	aacctcctga	agaccaagta	caccagcatc	3060
ctgttcgagt	agaagttcat	ctcctcgttc	gaccgcatca	tgtacgtccc	cgaggaagac	3120
aagtggaaagc	tcgccctcga	ctacaagaac	ttctcccga	cggaacgcca	ctacatcaaa	3180
aatgtgttcg	tctacagcta	cggaacccgg	atccgcatct	tccgcaacc	caagaagaac	3240
tacggcatca	actgggagga	gggtgacctg	acgagcgctt	acaaggagct	cttcaacaag	3300
gcgttctact	actaccagca	aggggacatc	cgcgcgctgc	tctgcagca	gtccgacaag	3360
accggccgga	cgctgtcat	ggcctgatg	agcctcatgc	tccagatgag	caacagcatc	3420
tacgacagcc	cggacgtgga	cttctgatc	agcccgggtca	agaacagcga	cgccattttc	3480
aacggcgccct	ggaactacga	ggcccaggag	aacgccatcc	tccccaaaga	cgccgacgag	3540
gaggacgaga	acaacatcgc	cgggaagggtg	ctgtgggcca	tcggccaggtt	taaaaaggcg	3600
gcgcagacga	agctggacaa	ggtcaagatc	gccatcagca	acaaggagtg	gctcgagtac	3660
	gcgtgaagca	c				3681

Número de secuencia (ID): 11
Longitud: 427
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..427
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:

cgataaaaat	gttttaaacg	atatatatta	taaaaaaaaa	cgtttcaaaa	ataaatataca	60
aaatgttttt	aaatatatat	aatttaactc	attaaagaaa	ataaaaatgc	aagtgcggtg	120
acaagacaag	ctaaaagttg	caaaagaaat	ggcagggcta	taaggctcac	ctactcctgg	180
atttaccaaa	ttttgttcg	tccctatact	cgaaaaataa	aacaaaataa	atttcagtat	240
cttcgttttt	gtatgctttg	actgtgaggc	gaggccaact	ttcttcttct	gtctgagatg	300
aattttgttt	gcctcctgtg	aaggatgtat	cattcaaagt	gaatgttttg	caactgccag	360
tagtcccaca	tcgaccaa	attcttatta	cagtgtgttt	atatagcacc	tggagaagga	420
atgggtt						427

Número de secuencia (ID): 12
Longitud: 439
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..439
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:

ggcatgtgac	tttttattta	aattattctc	agaaatatta	aaatataatc	aaatatattt	60
ttttataaga	tactggaat	aactttttta	ggaatgtaac	gaaagcccca	ttacaaacac	120
ttgaactcag	ggatcgatcc	aacttaatta	ttatctgcta	cttcaaattc	aaatttatag	180
gccctacctt	tatgttttgc	tctgcacttt	cttaaattgga	aacaagtaac	acaatagagt	240
aagatcatctt	acttgtaagc	ggaaactggt	gcatcaactg	caatattttc	gggttagttt	300
tataatataa	caatgaagag	aattgccgag	aagatcatat	caagtcccat	attccattta	360
ttggccttta	caagtcccac	atcgtgtccaa	atattagaca	aagaaacatt	tatatatcgt	420
ctgacaaacc	tgtgaagatt					439

Número de secuencia (ID): 13
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:

tgaccagcgg	agagagaaag	aga	23
------------	------------	-----	----

Número de secuencia (ID): 14
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:

tctcccatca	gctcgatcag	gtc	23
------------	------------	-----	----

Número de secuencia (ID): 15
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:

gtatactact	agtaccatgg	acg	23
------------	------------	-----	----

Número de secuencia (ID): 16
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..23
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max
 Residuos:
 ttggaagatt cctgatgaag agg 23
 Número de secuencia (ID): 17
 Longitud: 23
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..23
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max
 Residuos:
 ccaatattgg aacttggtct gca 23
 Número de secuencia (ID): 18
 Longitud: 23
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..23
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max
 Residuos:
 agcacgggat gtgcatgtac aca 23
 Número de secuencia (ID): 19
 Longitud: 23
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..23
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max
 Residuos:
 acagtgaaac gataccaacc tgc 23
 Número de secuencia (ID): 20
 Longitud: 23
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..23
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max
 Residuos:
 ttggtctgaa actgttagtt gct 23
 Número de secuencia (ID): 21
 Longitud: 23
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..23
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max
 Residuos:
 tctcccatca gctcgatcag gtc 23
 Número de secuencia (ID): 22
 Longitud: 23
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..23
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max
 Residuos:
 gtatactact agtaccatgg acg 23
 Número de secuencia (ID): 23
 Longitud: 23

Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
ttggaagatt cctgatgaag agg 23

Número de secuencia (ID): 24
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
tctcccatca gctcgatcag gtc 23

Número de secuencia (ID): 25
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
ttggaagatt cctgatgaag agg 23

Número de secuencia (ID): 26
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
gtatactact agtaccatgg acg 23

Número de secuencia (ID): 27
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
ttggaagatt cctgatgaag agg 23

Número de secuencia (ID): 28
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
tctcccatca gctcgatcag gtc 23

Número de secuencia (ID): 29
Longitud: 23
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..23
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
gtatactact agtaccatgg acg 23

Número de secuencia (ID): 30
 Longitud: 1941
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..1941
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaat	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aaacaatttt	aaaatcatca	tctccatagt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataaattt	atattttcac	agtgaacga	tacctgcaat	ttattttatg	780
aataaacggt	ctatatattc	cactttcaaa	tcataatata	aaaaaatcaa	tataacgaat	840
gtctgcttaa	ttaattatac	gtactaatta	aactatgcc	ccaccaatta	gggctttttt	900
attttcttga	actagaattt	gtgatctttt	aagcacggga	tgtgcataca	cacctcaacc	960
cctttttctc	caacaaaaga	atgcaaacag	aacttgaata	acataaaaat	tcacatgcag	1020
agatgaagag	ggcaaaatgg	tttcttgata	aagaagggtc	accttcctct	tttaccata	1080
ttggaacttg	gtctgcatct	aagagtttaag	tttttattct	gaaatgacct	cttaggcact	1140
caaacgccta	tactccatag	gcgtgtctag	ccttgagaat	ttgtggtgga	gttcctttaa	1200
ttatgccttc	ttcatcagga	atcttccaac	aaaattaaaa	gaaagactat	ggctaaggga	1260
aaatggagaa	tcacgcacgc	acaacagaaa	atttgcatag	tgtgtgcaaa	caattaagga	1320
aggttctcta	cgcaaggcat	acaacagaaa	tttctgtact	agtagtatac	ttaaagagaat	1380
gctaataatg	gggtgttcaa	gaaacgaagc	atttcctaga	atttttgcct	tttagtcttt	1440
tagtttaata	ataaaacggc	agaagcttga	caacttgcaa	aggggagggg	ggaccacac	1500
acacaggatt	acacatgatg	agaaaaaact	gggaaatttt	atatttttaa	atatttttta	1560
caaatttttt	cagaactagg	atgggataga	aataaataaa	aaaagtacac	aataagagtt	1620
gctaataaga	taaaaaaaat	cttttatttg	atgagaaata	tccatgcac	cggtgtacag	1680
ccaatcaatt	aagaaccgat	tccaagggcc	ccattctgtg	tttatgacca	gcggagagtg	1740
gaaaagtggg	aaggataact	cgtcacatat	catgactaat	gtgatctcag	cacaaacatc	1800
ccagacccaa	aggaatttgt	tgaatgagc	cgaatttaaga	gacaatatat	tagtagtagt	1860
gggaggacct	gcacggatgc	acttgattta	tttctagcct	tttttcattt	ttgttttttc	1920
ctatagaact	tgtattttct	c				1941

Número de secuencia (ID): 31
 Longitud: 1568
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..1568
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaat	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aaacaatttt	aaaatcatca	tctccatagt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataaattt	atattttcac	agtgaacga	tttatttatg	caataaacgg	780
tctatatatt	ccactttcaa	atcataatat	aaaaaaatca	atataacgaa	tgctgtctta	840
attaattata	cgtactaatt	aaactatgcc	accaccaatt	agggcttttt	tattttctgg	900
aactagaatt	tgtgatcttt	cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	960
cttgaataac	ataaaatttc	acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	1020
gaagggtcac	cttctctttt	taccaatatt	ggaacttggg	ctgcacttaa	gagttaagtt	1080

tttatttctga	aatgacctct	taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	1140
ttgagaattt	gtggtggagt	tcctttaatt	atgccctttt	acaaattttt	tcagaactag	1200
gatgggatag	aaataaataa	aaaaagtaca	caataagagt	tgctaataga	ataaaaaaaa	1260
ttcttttattg	gatgagaaat	atccaatgat	ccggtgtaca	gccaatcaat	taagaaccga	1320
ttccaagggc	cccattctgt	gtttatgacc	agcggagaga	gagagtggaa	aagtggaaaag	1380
gataactcgt	cacatatcat	gactaatgtg	atttcagcac	aaacatccca	gacccaaagg	1440
caattgttga	gatgagccga	attaagagac	aatatattag	tagtagtggg	aggacctgca	1500
cggatgcact	tgatttatit	ctagcctttt	ttcatttttt	gtttttccta	tagaacttgt	1560
attttctc						1568

Número de secuencia (ID): 32

Longitud: 1878

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1878

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatat	ttggtacata	taaaattttt	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagtita	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataaatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	tttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggtct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgtatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtaacacac	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttctctctt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttatcttga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccccttt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tggtcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacggg	actagtagta	1380
tactaaagag	aatgctaaaa	tgtgggtgtt	caagaaacga	agcatttctt	agaatttttg	1440
ccttttatgc	ttttagttta	ataataaaac	ggcagaagct	tgacaacttg	caaaagggag	1500
ggaggaccca	catgggatag	aaataaataa	aaaaagtaca	caataagagt	tgctaataga	1560
ataaaaaaaa	ttctttattg	gatgagaaat	atccatgcat	ccggtgtaca	gccaatcaat	1620
taagaaccga	ttccaagggc	cccattctgt	gtttatgacc	agcggagaga	aagagtggaa	1680
aagtggaaaag	gataactcgt	cacatatcat	gactaatgtg	atttcagcac	aaacatccca	1740
gacccaaagg	caattgttga	gatgagccga	attaagagac	aatatattag	tagtagtggg	1800
aggacctgca	cggatgcact	tgatttatit	ctagcctttt	ttcatttttt	gtttttccta	1860
tagaacttgt	attttctc					1878

Número de secuencia (ID): 33

Longitud: 1717

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1717

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatat	ttggtacata	taaaattttt	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540

gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaaat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatag	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cgggtctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tcaggaatct	960
tccaacaaaa	ttaaaagaaa	gactatggct	aagggaaaat	ggagaatcac	gcacgcacaa	1020
acagaaat	gcatagtgtg	tgcaacaat	taaggaaggt	tctctacgca	aggcatacaa	1080
cagaaatttc	tgacgtact	agtagtatac	taaagagaat	gctaaaatgt	gggtgttcaa	1140
gaaacgaagc	atttcctaga	attttgcct	tttatgcttt	tagtttaata	ataaacggc	1200
agaagcttga	caacttgcaa	aggggagggg	ggacccacac	acacaggatt	acacatgatg	1260
ctttttttga	cctgatcgag	ctgatgggag	agaaaaaact	gggaaatttt	atatttttaa	1320
atatttttta	caaatttttt	cagaactagg	atgggataga	aaataataaa	aaaggtacac	1380
aataagaggt	gctaatagaa	taaaaaaat	tctttatttg	atgagaata	tccatgcac	1440
cgggtgtacag	ccaatcaatt	aagaaccgat	tccaagggcc	ccattctgtg	tttatgacca	1500
gcggagagag	agagtggaaa	agtggaaagg	ataactcgtc	acatatcatg	actaatgtga	1560
tttcagcaca	aacatcccag	acccaaaggc	aattgttgag	atgagccgaa	ttagagacaa	1620
atatattagt	agtagtgga	ggacctgcac	ggatgcactt	gatttatctc	tagccttttt	1680
tcattttttg	tttttcctat	agaacttgta	ttttctc			1717

Número de secuencia (ID): 34

Longitud: 1922

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1922

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgaggggt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatatt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgtctaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaaat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatag	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccagcaat	ttatttatgc	780
aataaacggt	ctatatattc	cactttcaaa	tcataatata	aaaaaatcaa	tataacgaat	840
gtctgcttaa	ttaattatac	gtactaatta	aactatgcca	ccaccaatta	gggctttttt	900
attttctgga	actagaattt	gtgatctttt	aagcacggga	tgtgacctca	accccttttt	960
ctccaacaaa	agaatgcaaa	cagaacttga	ataacataaa	atttcacatg	cagagatgaa	1020
gagggcaaaa	tggtttcttg	ataaagaagg	tccaccttcc	tcttttacca	atattggaac	1080
ttggtctgca	tctaagagtt	aagtttttat	tctgaaatga	cctcttaggc	actcaaacgc	1140
ttatactcca	taggcgtgtc	tagccttgag	aatttgttgt	ggagttcctt	taattatgcc	1200
ctctcatcag	gaatcttcca	acaaaattaa	aagaaagact	atggctaagg	gaaaatggag	1260
aatcacgcac	gcacaaacag	aaatttgcac	agtgtgtgca	aacaattaag	gaaggttctc	1320
tacgcaaggc	atacaacaga	aatttctgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1380
tttttgcctt	ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1440
ggggaggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	tgatgggaga	1500
gaaaaaactg	ggaaatttta	tattttttaa	tattttttac	aaattttttc	agaactagga	1560
tgggatagaa	ataaataaaa	aaagtacaca	ataagagttg	ctaatagaat	aaaaaaaatt	1620
ctttatttga	tgagaaatat	ccatgcatcc	ggtgtacagc	caatcaatta	agaaccgatt	1680
ccaagggccc	cattctgtgt	ttatgaccag	cggagagagt	ggaaaaagtg	aaaggataac	1740
tcgtcacata	tcatgactaa	tgtgatttca	gcacaaacat	cccagaccga	aaggcaattg	1800
ttgagatgag	ccgaatttaag	agacaatata	ttagtagtag	tgaggaggac	tgacgggatg	1860
cacttgattt	atttctagcc	ttttttcatt	ttttgttttt	cctatagaac	ttgtattttc	1920
tc						1922

Número de secuencia (ID): 35

Longitud: 1842

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1842

```

> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaaaaa aaatcaaatc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttggttaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaattttat actaacagta tataaaaaatt aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaat caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataatgatat tggaagttta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaataa gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaaatcatca tctccatatt ccacataaatt aataattaag 720
tctcaaatgt aaataatatt atattttcac agtgaaacga taccaacctg caattttatt 780
atgcaataaa cggctcatat attccacttt caaatcataa tataaaaaaa tcaatataac 840
gaatgtctgc ttaattaatt atacgtacta attaaactat gccaccacca attagggtct 900
ttttattttc tggaactaga atttgtgata ttttaagcac gggatgtgca cacctcaacc 960
cctttttctc caacaaaaga atgcaaacag aacttgaata acataaaatt tcacatgcag 1020
agatgaagag ggcaaatggg tttcttgata aagaagggtc accttcctct tttaccaata 1080
ttggaacttg gtctgcatct aagagttaag tttttattct gaaatgacct cttaggcact 1140
caaacgctta tactccatag gcgtgtctag ccttgagaat ttgtggtgga gttcctttta 1200
ttatgccctc ttcatcagga atcttccaac aaaattaaaa gaaagactat ggctaaggga 1260
aaatggagaa tcacgcacgc acaaacagaa atttgcatag tgtgtgcaaa caattaagga 1320
aggttctcta cgcaaggcat acaacagaaa tttctgcaca cacacaggat tacacatgat 1380
gctttttttg acctgatcga gctgatggga gagaaaaaac tgggaaattt tatattttta 1440
aatatttttt acaaattttt tcagaactag gatgggatag aaataaataa aaaaagtaca 1500
caataagagt tgctaataga ataaaaaaa ttctttattg gatgagaaat atccatgcat 1560
ccggtgtaca gccaatcaat taagaaccga ttccaagggc cccattctgt gtttatgacc 1620
agcggagaga gaaagagagt ggaaaagtgg aaaggataac tcgtcacata tcatgactaa 1680
tgtgatttca gccacaaacat cccagaccga aaggcaattg ttgagatgag ccgaattaaag 1740
agacaatata ttagtagtag tgggaggacc tgcacggatg cacttgattt atttctagcc 1800
ttttttcatt tttgtttttt cctatagaac ttgtattttc tc 1842

```

Número de secuencia (ID): 36
Longitud: 947
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..947

```

> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaaaaa aaatcaaatc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttggttaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaattttat actaacagta tataaaaaatt aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaat caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataatgatat tggaagttta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaataa gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaaatcatca tctccatatt ccacataaatt aataattaag 720
tctcaaatgt aaataatatt atattttcac agtggaaggg ataactcgtc acatatcatg 780
actaatgtga tttcagcaca aacatcccag acccaaaggc aattgttgag atgagccgaa 840
ttaagagaca atatattagt agtagtgga ggacctgcac ggatgcactt gattttattc 900
tagccttttt tcattttttg tttttcctat agaacttgta ttttctc 947

```

Número de secuencia (ID): 37
Longitud: 1871
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..1871

```

> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

```

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	atthtaaaatt	atatagtttat	acataaaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgthtaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atthtaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	tacctgcaat	ttatttatgc	780
aataaacggt	ctatatattc	cactttcaaa	tcataatata	aaaaaatcaa	tataacgaat	840
gtctgcttaa	ttaattatac	gtactaatta	aactatgcca	ccaccaatta	gggctttttt	900
atthttctgga	actagaattt	gtgatctttt	aagcacggga	accccttttt	ctccaacaaa	960
agaatgcaaa	cgaacttga	ataacataaa	atthcacatg	cagagatgaa	gagggaacaaa	1020
tggtttcttg	ataaagaagg	tccaccttcc	tcttttacc	atattggaac	ttggtctgca	1080
tctaagagtt	aagtttttat	tctgaaatga	cctcttaggc	actcaaacgc	ttatactcca	1140
taggcgtgtc	tagccttgag	aatttgggt	ggagttcctt	taattatgcc	aattaaggaa	1200
ggttctctac	gcaaggcata	caacagaaat	tctgcacgt	ccatggtact	agtagtatac	1260
taaagagaat	gctaaaatgt	gggtgttcaa	gaaacgaagc	atthcctaga	atthttgcct	1320
tttatgcttt	tagtttaata	ataaacgggc	agaagcttga	caacttgcaa	aggggaggga	1380
ggacccacac	acacaggatt	acacatgatg	ctthttttga	cctgatcgag	ctgatgggag	1440
agaaaaaact	gggaaatttt	atatttttaa	atatttttta	caaatttttt	cagaactagg	1500
atgggataga	aataaataaa	aaaagtacac	aataagagtt	gctaatagaa	taaaaaaat	1560
tctttatttg	atgagaaata	tccatgcatt	cgggtgtacg	ccaatcaatt	aagaaccgat	1620
tccaagggcc	ccattctgtg	tttatgacca	gcggagagag	aaagagagtg	gaaaagtgga	1680
aaggataaact	cgtcacatat	catgactaat	gtgatthtcag	cacaaacatc	ccagacccaa	1740
aggcaattgt	tgagatgagc	cgaattaaaga	gacaatatat	tagtagtagt	gggaggacct	1800
gcacggatgc	acttgattta	tttctagcct	tttttcattt	tttgthtttc	ctatagaact	1860
tgtattttct	c					1871

Número de secuencia (ID): 38

Longitud: 1168

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1168

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	atthtaaaatt	atatagtttat	acataaaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgthtaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atthtaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	tacctgcaat	ttatttatgc	780
aataaacggt	ctatatattc	cactttcaaa	tcataatata	aaaaaatcaa	tataacgaat	840
gtctgcttaa	ttaattatac	gtactaatta	aactatgcca	ccaccaatta	gggctttttt	900
atthttctgga	actagaattt	gtgatctttt	aagcacggga	accccttttt	ctccaacaaa	960
agaatgcaaa	cgaacttga	ataacataaa	atthcacatg	cactaatgtg	atttcagcac	1020
aaacatccca	gacccaaagg	caattgttga	gatgagccga	attaagagac	aataatattag	1080
tagtagtggt	aggacctgca	cggatgcact	tgattttatt	ctagcctttt	ttcatttttt	1140
gtttttccta	tagaacttgt	atthttctc				1168

Número de secuencia (ID): 39

Longitud: 1388

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1388

> tipo_mol, ADN genómico

```

> organismo, Glycine max

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt ttatactgtg tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttggttaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaaat aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaac caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataattgat ttggaagtta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaaata gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaatcatca tctccatag cccacataatt aactatgaag 720
tctcaaatgt aaataatatt atattttcac agtgaaaaca gaaatttctg cactagtagt 780
atactaaaga gaattgctaa atgtgggtgt tcaagaaacg aagcatttcc tagaattttt 840
gcctttttat cttttagttt aataataaaa cggcagaagc ttgacaactt gcaaaagggg 900
gggaggaccg acacacacag gattacacat gatgcttttt ttgaccgagc tgatggggag 960
gaaaaaactg ggaaatttta tattttttaa tattttttac aaattttttc agaactagga 1020
tgggatagaa ataaataaaa aaagtacaca ataagagtgt ctaatagaat aaaaaaaatt 1080
ctttattgga tgagaaatat ccatgcatcc ggtgtacagc caatcaatta agaacggatt 1140
ccaagggccc cattctgtgt ttatgaccag cggagagaga aagagtggaa aagtggaaag 1200
gataactcgt cacatatcat gactaatgtg atttcagcac aaacatccca gacccaaagg 1260
caattgttga gatgagccga attaagagac aatatattag tagtagtggg aggacctgca 1320
cggatgcact tgatttattt ctagcctttt ttcatttttt gtttttccta tagaacttgt 1380
attttctc

```

```

Número de secuencia (ID): 40
Longitud: 1311
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..1311
  > tipo_mol, ADN genómico
  > organismo, Glycine max

```

```

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt ttatactgtg tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttggttaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaaat aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaac caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataattgat ttggaagtta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaaata gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaatcatca tctccatag cccacataatt aactatgaag 720
tctcaaatgt aaataatatt atattttcac agtgaaaaca gaaatttctg cactagtagt 780
atgcaataaa cggctctatg attccacttt caaatcataa tataaaaaaa tcaatataac 840
gaatgtctgc ttaatttaatt atacgtacta attaaactat gccaccacca attagggctt 900
ttttattttc tggaaactaga atttgtgatc ttttaagccc ttctttatca agaaaccatt 960
ttgccctctt catctgagtt gctaatagaa taaaaaaaat tctttattgg atgagaaata 1020
tccatgcacg cgggtgtacag ccaatcaatt aagaaccgat tccaagggcc ccatttctgtg 1080
tttatgacca gaggagagag aaagagagtg gaaaagtggg aaggataact cgtcacatat 1140
catgactaat gtgatttcag cacaaacatc ccagacccaa aggcaattgt tgagatgagc 1200
cgaattaaga gacaatatat tagtagtagt gggaggacct gcacggatgc acttgattta 1260
tttctagcct tttttcattt tttgtttttc ctatagaact tgtattttct c
1311

```

```

Número de secuencia (ID): 41
Longitud: 1267
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..1267
  > tipo_mol, ADN genómico
  > organismo, Glycine max

```

```

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120

```

atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaagaaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaaata	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	ttggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgatctgagc	960
gatgggagag	aaaaaactgg	gaaattttat	atttttaaat	attttttaca	aattttttca	1020
gaactaggat	gggatagaaa	taaataaaaa	aagtacacaa	taagagtgtc	taaaaaaagg	1080
ataactcgtc	acatatcatg	actaatgtga	tttcagcaca	aacatcccag	acccaaggcc	1140
aattgttgag	atgagccgaa	ttaagagaca	atatattagt	agtagtggga	ggacctgcac	1200
ggatgcactt	gatttatttc	tagccttttt	tcattttttg	tttttcctat	agaacttgta	1260
ttttctc						1267

Número de secuencia (ID): 42

Longitud: 1933

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1933

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaagaaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaaata	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	tacctgcaat	ttattttatgc	780
aataaacggt	ctatatattc	cactttcaaa	tcataatata	aaaaaatcaa	tataacgaat	840
gtctgcttaa	ttaattatac	gtactaatta	aactatgcca	ccaccaatta	gggctttttt	900
attttctgga	actagaattt	gtgatctttt	aagcacggga	tgtgcataca	cacctcaacc	960
cctttttctc	caacaaaaga	atgcaaacag	aacttgaata	acataaaaatt	tcacatgcag	1020
agatgaagag	ggcaaaaagg	tttcttgata	aagaagggtc	accttcctct	tttaccataa	1080
ttggaacttg	gtctgcatct	aagagttaag	tttttattct	gaaatgacct	cttaggcact	1140
caaacgctta	tactccatag	gcgtgtctag	ccttgagaat	ttgtggtgga	gttcctttta	1200
ttatgccctc	ttccaacaaa	attaaaagaa	agactatggc	taagggaata	tggaatatca	1260
cgcacgcaca	aacagaaatt	tgcatagtgt	gtgcaaacaa	ttaagggaagg	ttctctacgc	1320
aaggcataca	acagaaattt	ctgcacgtac	tagtagtata	ctaaagagaa	tgctaaaatg	1380
tgggtgttta	agaaacgaag	catttcctag	aatttttgcc	ttttatgctt	ttagtttaat	1440
aataaaacgg	cagaagcttg	acaacttgca	aaggggagg	aggaccaca	cacacactga	1500
tgggagagaa	aaaactggga	atttttatat	tttttaatat	tttttacaaa	ttttttcaga	1560
actaggatgg	gatagaaata	aataaaaaaa	gtacacaata	agagtgtgcta	atagaataaa	1620
aaaaattctt	tattggatga	gaaatatcca	tgcatccggg	gtacagccaa	tcaattaaga	1680
accgattcca	agggcccat	tctgtgttta	tgaccagcgg	agagagagag	tggaagagtg	1740
gaaaggataa	ctcgtcacat	atcatgacta	atgtgatttc	agcacaacaa	tcccagacct	1800
aaaggcaatt	gttgagatga	gccgaattaa	gagacaatat	attagtagta	gtgggaggac	1860
ctgcacggat	gcacttgatt	tatttctagc	cttttttcat	tttttgtttt	tcctatagaa	1920
cttgtatttt	ctc					1933

Número de secuencia (ID): 43

Longitud: 1064

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1064

```

> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaaaaa aaatcaaatc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttgttaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaattttat actaacagta tataaaaaatt aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaattgtg 480
ggtgttcaag aaacgaagca tttcctagaa tttttgcctt ttatgctttt agtttaataa 540
taaaacggca gaagcctgac aacttgcaaa ggggaggagg gaccacaca cacaggatta 600
cacatgatgc ttgttttgac ctgacgagc tgatgggaga gaaaaaactg ggaattttta 660
tatttttaaa tattttttac aaattttttc agaactagga tgggatagaa ataaataaaa 720
aaagtacaca ataagagtgt ctaatagaat aaaaaaattt ctttatggga tgagaaatat 780
ccatgcattc ggtgtacagc caatcaatta agaaccgatt ccaagggcc cttctgtgt 840
ttatgaccag cggagagaga gtggaaaagt ggaaaggata actcgtcaca tatcatgact 900
aatgtgattt cagcacaac atccagacc caaaggcaat tgttgagatg agccgaatta 960
agagacaata tattagtagt agtgggagga cctgcacgga tgcacttgat ttattttctag 1020
ccttttttca ttttttgttt ttctataga acttgtattt tctc 1064

```

Número de secuencia (ID): 44
Longitud: 1799
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..1799
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

```

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaaaaa aaatcaaatc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttgttaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaattttat actaacagta tataaaaaatt aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cgcacatcact aacttttaac caagttaaag gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataattgat tggaagttaa ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaataa gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaaatcatc tctccatagt ccacataatt aataattaag 720
tctcaaattg taataaattt atattttcac agtgaaacga tacctgcaat ttattttatgc 780
aataaacggt ctatatattc cactttcaaa tcataatata aaaaaatcaa tataacgaat 840
gtctgcttaa ttaattatac gtactaatta aactatgcc aacacatta gggccttttt 900
attttctgga actagaattt gtgatctttt aagcacggga tgtgcatgta cacacacctc 960
aacccttttt tctccaacaa aagaatgcaa acagaacttg aataacataa aatttcacat 1020
gcagagatga agagggcaa atgtgttctt gataaagaag gtccaccttc ctcttttacc 1080
aatattggaa cttggtctgc atctaagagt taagttttta ttctgaaatg accctcttagg 1140
cactcaaagc cttatactcc ataggcgtgt ctagccttga gaatttgtgg tggagtctct 1200
ttaattatgc cctcttcac aggaatcttc caacaaaatt aaaagaaaga ctagggctaa 1260
gggaaaatgg agaatcacgc acgcacaaac agaaatttgc atagtgtgtg caacaatta 1320
aggaagggtc tctacgcaag gcatacaaca gaaatttctg ctgatgggag agaaaaaact 1380
gggaaaattt atatttttaa atatttttta caaatttttt cagaactagg atgggataga 1440
aataaataaa aaaagtacac aataagagtt gctaatagaa taaaaaaaat tctttattgg 1500
atgagaaata tccatgcatc cggtgtacag ccaatcaatt aagaaccgat tccaagggcc 1560
ccattctgtg tttatgacca gcggagagag aaagagtgga aaagtggaaa ggataactcg 1620
tcacatatca tgactaatgt gatttcagca caaacatccc agacccaaag gcaattgttg 1680
agatgagccg aattaagaga caatatatta gtagtagtgg gaggacctgc acggatgcac 1740
ttgatttatt tctagccttt tttcattttt tgtttttcct atagaacttg tattttctc 1799

```

Número de secuencia (ID): 45
Longitud: 1343
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..1343
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaadc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatatt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataaatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatatt	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	tacctgcaat	ttattttatgc	780
aataaacggt	ctatatattc	cactttcaaa	tcataatata	aaaaaatcaa	tataacgaat	840
gtctgcttaa	ttaattatac	gtactaatta	aactatgcca	ccaccaatata	gggctttttt	900
attttctgga	actagaatta	ttgtgatggg	agagaaaaaa	ctgggaaatt	ttatattttt	960
aaatatatttt	tacaaatttt	ttcagaacta	ggatgggata	gaaataaata	aaaaaagtac	1020
acaataagag	ttgctaatag	aataaaaaaa	attctttatt	ggatgagaaa	tatccatgca	1080
tccggtgtac	agccaatcaa	ttaagaaccg	attccaaggg	ccccattctg	tgtttatgac	1140
cagcggagtg	gaaaggataa	ctcgtcacat	atcatgacta	atgtgatattc	agcacaaaaca	1200
tcccagaccc	aaaggcaatt	gttgagatga	gccgaattaa	gagacaatat	attagtagta	1260
gtgggaggac	ctgcacggat	gcacttgatt	tatttctagc	cttttttcat	tttttgtttt	1320
tcctatagaa	cttgtatttt	ctc				1343

Número de secuencia (ID): 46

Longitud: 779

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..779

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaadc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatatt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataaatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatatt	tggaagttta	ggataactcg	600
tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	caaacatccc	agacccaaag	gcaattgttg	660
agatgagccg	aattaagaga	caatatatta	gtagtagtgg	gaggacctgc	acggatgcac	720
ttgattttatt	tctagccttt	tttcattttt	tgtttttctt	atagaacttg	tattttctc	779

Número de secuencia (ID): 47

Longitud: 185

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..185

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

agctaaatct	aaattatgta	ttgcaacata	ttttaaagga	ggggcaaaac	acactcgatc	60
taccttcaaa	gaaactttta	agacattata	aatatggagc	ccacactccc	ttcttctcta	120
gtaagatcat	caacttgat	tcctcacttc	cttagctcct	cctcttcctt	gttctctctc	180
ttaca						185

Número de secuencia (ID): 48

Longitud: 215

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..215

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

gtatatatat	ttctttttatc	tcttctcttc	ttatttccttt	tcttcttttaa	agaacaagat	60
ttttttgggg	aaaaaaaaaag	agaaaaaact	taagctgttg	ccagtgtgtt	tctttgttat	120
tttctgtaat	catggtcaca	cggtatgtct	cttttattgg	agttttcttt	acaataactg	180
aatcattaag	caaatgtccc	cttttttcgg	tgcag			215

Número de secuencia (ID): 49

Longitud: 483

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..483

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

gtacttaata	taaaaattaa	ctaacttaag	tagtcattta	ttacataaat	aacacaccac	60
accaccccca	catatatgt	tataccggtt	tctcttaata	acttaacctc	tttaaaagtt	120
atgtactggt	tatccatctg	atattcacgt	tagatgtctg	tgtattttat	tatcaagttt	180
gaagttttgc	aagatatatg	cattcctttc	atcacatcaa	actatggaca	gccaggaagg	240
taataacaaa	tacttacatc	acatgaagaa	ggtacacaca	tgcccttgta	ttctgcaaaa	300
gtagcttggt	ccaccataat	cccatccacc	ctaaaatcaa	aacaatctaa	aagggtgaat	360
aaatctcgaa	gtctcaaaaa	aacattacag	aactacatat	aaggcaaaca	accagtaacc	420
attcattcat	tcataggtat	ctaacagtca	ataattttgt	tgcaaacatt	ctttttgctg	480
cag						483

Número de secuencia (ID): 50

Longitud: 95

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..95

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

gtaggttcat	atgaaaaatg	tgtatatatg	ggaacttact	ttgatgatca	tgagagagat	60
cactgacaaa	aaatgatatt	cctaataata	tgtag			95

Número de secuencia (ID): 51

Longitud: 318

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..318

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

ctatagctaa	gtagctgctg	gttttgccac	tgcaacaacc	aaagtagtat	tgtattgaat	60
aaagcgataa	aaaggtacaa	gtacaaggag	tttcagtagt	ggaagttgat	cttcacatgt	120
ggcttcaaat	aacttgacaga	agaaggaag	ataatcattt	tctagtttga	ctagtgtgta	180
tgctatgttt	tactttccat	cagatgttgt	gtacgttctg	tagtataagt	gtactacgtg	240
tattattatt	acctcgtggg	tactactatg	agggtgatctt	atatatatat	atataaagaa	300
ataagaggtt	tggtaggc					318

Número de secuencia (ID): 52

Longitud: 174

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..174

> tipo_mol, proteína

> organismo, Medicago truncatula

Residuos:

MARMSQEPLI	VGRVIGEVLD	SFTTSMKMTV	SYNKKQVFNG	HEFFPSTINT	KPKVEIDGGD	60
MRSFYTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAT	FGKEVVSYEI	PKPNIGIHRF	120
VFVLFKQKNR	ESVTASPSR	DYFNTRNFAS	QNDLGLPVAA	VYFNAQRETA	ARRR	174

Número de secuencia (ID): 53

Longitud: 171

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..171

> tipo_mol, proteína

> organismo, Cajanus cajan

Residuos:							
MARMPIEPLI	VGRVIGEVLD	SFTTSIKMTV	SYNKKQVYNG	HELFPSTVNT	IPKVEIDGGD	60	
MRSFFTLIMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTDDAT	FELVSYEIPK	PNIGIHRFV	120	
VLFKQKRRQC	VTPPASRDHF	NTRNFAAQND	LGLPVAAVYF	NAQRETAARR	R	171	

Número de secuencia (ID): 54
Longitud: 174
Tipo de molécula: AA
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..174
> tipo_mol, proteína
> organismo, Pisum sativum

Residuos:							
MARMAQEPLI	VGRVIGEVLD	SFTTSMKMTV	SYNKKQVFNG	HEFFPSTINT	KPKVEIDGAD	60	
MRSFYTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTDDAT	FGKEIVSYEI	PKPNIGIHRF	120	
VFVLFKQRRAR	DSVRATPSSR	DHFNTRSFAS	QNDLGLPVAA	VYFNAQRETA	ARRR	174	

Número de secuencia (ID): 55
Longitud: 177
Tipo de molécula: AA
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..177
> tipo_mol, proteína
> organismo, Arabidopsis thaliana

Residuos:							
MENMGTRVIE	PLIIGRVVGD	VLDFFTPTTK	MNVSYNKKQV	SNGHELFPSS	VSSKPRVEIH	60	
GGDLRSFFTL	VMIDPDVPGP	SDPFLKEHLH	WIVTNIPGTT	DATFGKEVVS	YELPRPSIGI	120	
HRFVFLFRQ	KQRRVIFPNI	PSRDHFNTRK	FAVEYDLGLP	VAAVFFNAQR	ETAARKR	177	

Número de secuencia (ID): 56
Longitud: 179
Tipo de molécula: AA
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..179
> tipo_mol, proteína
> organismo, Brassica napus

Residuos:							
MENMGSRVIE	PLIVGRVIGE	VLDFFTQTIE	MNVSYNKKQV	CNGHELFPSS	VSSKPRVEIH	60	
GGDLRSFFTL	VMIDPDVPGP	SDPFLKEHLH	WIVTNIPGTT	DATFGKEVVS	YEFPRPNIGI	120	
HRFVFLFRQ	KQRHVIDISP	NIPSRDKFNT	RKFAIEHDLG	LPVAAVFFNA	QRETAARRR	179	

Número de secuencia (ID): 57
Longitud: 172
Tipo de molécula: AA
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..172
> tipo_mol, proteína
> organismo, Gossypium hirsutum

Residuos:							
MAREVEPLMV	GRVIGDVMS	FIPSIKMSVT	FNNKQVFNGH	EFYPSTVVT	PRVEVVGDM	60	
RTFFTLVMTD	PDVPGPSDPY	LREHLHWIVT	DIPGTDDATF	GREVVSYPEN	KPNIGIHRFV	120	
FVLFKQKRRQ	IIKSPCSRDN	FNTRRFASEN	DLGLPVAAVY	FNAQRETAAR	RR	172	

Número de secuencia (ID): 58
Longitud: 172
Tipo de molécula: AA
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..172
> tipo_mol, proteína
> organismo, Capsicum annuum

Residuos:							
MARSLEPLIV	GRVIGDVLD	FNPTIKMTIT	FNNKLVCNGH	ELYPSAISAR	PKVEVHGDDL	60	
RTFFTLVMTD	PDVPGPSDPY	LREHLHWIVT	DIPGTDDATF	GRELVSYEIP	RPNIGIHRFV	120	
FVLFKQKRRS	SVSQPTARDH	FNTRDFAQEN	ELEQPVAAYF	FNAQRETAAR	RR	172	

Número de secuencia (ID): 59
Longitud: 172
Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..172
 - > tipo_mol, proteína
 - > organismo, *Nicotiana tabacum*

Residuos:

MARSLEPLIV	GRVVGDLDS	FSPIMKMTIS	YNNKLVCNGH	ELLPSVVTAR	PKVEVQGGDL	60
RTFFTLVMTD	PDVPGSPDPY	LREHLHWIIV	DIPGTTDATF	GRELVSYPEIP	RPNIGIHRFV	120
FVLFKQKRRQ	SVSSPTRSDH	FNTRNFAEEN	DLGQPVAAVF	FNAQRETAAR	RR	172

Número de secuencia (ID): 60

Longitud: 172

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..172
 - > tipo_mol, proteína
 - > organismo, *Solanum tuberosum*

Residuos:

MARSLEPLIV	GRVIGDVIDS	FNPTIKMSIT	YNNKLVCNGH	ELFPSAVSSR	PKVEVQGGDM	60
RTFFTLVMTD	PDVPGSPDPY	LREHLHWIIT	DIPGTTDATF	GRELVSYPEIP	RPNIGIHRFV	120
FVLFKQKSRS	SVSQPTRSDH	FNTRNFAQEN	DLEQPVAAVF	FNAQRETAAR	RR	172

Número de secuencia (ID): 61

Longitud: 172

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..172
 - > tipo_mol, proteína
 - > organismo, *Solanum lycopersicum*

Residuos:

MARSLEPLIV	GRVIGDVIDS	FNPTIKMSIT	YNNKLVCNGH	ELFPSVSSR	PKVEVQGGDL	60
RTFFTLVMTD	PDVPGSPDPY	MREHLHWIIT	DIPGTTDATF	GRELVSYPEIP	RPNIGIHRFV	120
FVLFKQKSRS	SVSQPTRSDH	FNTRNFAQEN	NLEQPVAVF	FNAQRETAAR	RR	172

Número de secuencia (ID): 62

Longitud: 173

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..173
 - > tipo_mol, proteína
 - > organismo, *Zea mays*

Residuos:

MSRVLEPLIV	GKVIGEVLIDH	FNPTVKMVVT	YNSNKQVFNG	HEFFPSAVAA	KPRVEVQGGD	60
LRSFFTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAS	FGREVVSYPEI	PKPNIGIHRF	120
IFVLFRQKSR	QAVNPPSSKD	RFSTRQFAEE	NDLGLPVAAV	YFNAQRETA	RRR	173

Número de secuencia (ID): 63

Longitud: 173

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..173
 - > tipo_mol, proteína
 - > organismo, *Oryza sativa*

Residuos:

MSRVLEPLIV	GKVIGEVIDN	FNPTVKMTAT	YSSNKQVFNG	HELFPSAVVS	KPRVEVQGGD	60
LRSFFTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAS	FGREVVSYPEI	PKPNIGIHRF	120
VLVLFRQKRR	QAVTPPSSRD	YFSTRRFAAD	NDLGLPVAAV	YFNAQRETA	RRR	173

Número de secuencia (ID): 64

Longitud: 173

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..173
 - > tipo_mol, proteína
 - > organismo, *Hordeum vulgare*

Residuos:

MSRSVEPLIV	GRVIGEVLDT	FNPCVKMVT	YNSNKLVFNG	HELYPSAVVS	KPRVEVQGGD	60
LRSFFTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAS	FGREVVSYPEI	PKPNIGIHRF	120
IFVLFRQKRR	QVTVPSPFRD	QFNTRQFAEE	NDLGLPVAAV	YFNCQRETA	RRR	173

Número de secuencia (ID): 65

Longitud: 173

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..173

> tipo_mol, proteína

> organismo, *Triticum aestivum*

Residuos:

MSRSVEPLIV	GRVIGEVLDLT	FNPCVKMVT	YNSNKLVFNG	HELYPSAVVS	KPRVEVQGGD	60
LRSFMTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAS	FGREVISYES	PKPNIGIHRF	120
IFVLFKQKRR	QTVTVPSFRD	HFNTRQFAAE	NDLGLPVAAV	YFNCQRETAA	RRR	173

Número de secuencia (ID): 66

Longitud: 173

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..173

> tipo_mol, proteína

> organismo, *sorgo bicolor*

Residuos:

MSRVLEPLIV	GKVIGEVLDH	FNPTVKMVT	YNSNKQVFNG	HEFFPSAVTA	KPRVEVQGGD	60
LRSFMTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAS	FGREVVSYES	PKPNIGIHRF	120
IFVLFRQKRR	QAVNPSSKD	RFSTRQFAED	NDLGLPVAAV	YFNAQRETAA	RRR	173

Número de secuencia (ID): 67

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, *Zea mays*

Residuos:

aggtgttttc	aataaagata	tatgagataa	tgtcaatttg	tctggagctg	aatcggttgg	60
gagttaaatg	ttagtttggt	tggcccctag	attttcaact	aatttccttg	tgactttatg	120
agaaggcaag	tgaatgaacc	tgcagaatca	acttcaccct	taacatttagt	agcaagttag	180
caaatcgtag	gacgtgcatg	tatttgggga	tgattctact	atttgtggaa	acaagagcac	240
taacctttgc	ctaataaata	gctcataaatt	gaggatctcc	ttttccctca	aaagaagtgt	300
tacgagcaga	gcactcttgg	aaacaggacc	tcitttggtg	gtggagggtg	ccctgatcca	360
cttgagagct	taggtggtgt	ttggtttcta	gggactaatc	tttagtcctc	tcattttatt	420
ccattttagt	tcttataatg	tcaataacgg	aaactaaaat	agagtcttag	tttccatatt	480
tagcattttta	agtactaaaa	tagaataaaa	tgtagggact	aaacattagt	ccctagaaac	540
caaaaccccc	ttagttttat	gccctcctct	tgcaacttgcg	tgacagggaat	aatcaccaga	600
agtagcaagt	ccgctcaagt	gcaatgctgt	ttagggcatg	ttcttttgca	ccccatagct	660
cagcagagtg	gtgcttcagc	gtgcctcgct	tttttacctc	aagagaaaaa	gatgctagct	720
cctgggtgca	gttgtgctcc	agctttgaga	atacccaagc	taagctcact	ctccagctgc	780
aaaaagaaaa	actaaaatat	gtgttgaaac	gcaaaaataaa	atacatgtaa	aaataaaggg	840
ataatcaatc	aatggagaga	gaattcacat	taacgttgta	tgcttcttta	tataaaggga	900
caggcaaaga	atacaagcta	aagaactagc	ataatcaagc	tgccatcttt	gacaccgttc	960
ctacattcac	taccacacat	tatgtctcta	agaattttctg	aagaaaaatga	aataattaat	1020
gcacgtttag	tgaagattct	ctatgggtaca	ctactaataa	tgcttctaat	taactcctca	1080
gtgctaaata	tatacaaatt	catactatca	tttttgtaca	caaaacataa	attgtgatgt	1140
gatttgtttc	agtaaatcac	aatcaatacg	tcgatttagat	acaaaaattg	tcaccttact	1200
tctggcttct	gcgctcacat	agcatgaaca	aaaaaaaaaac	ctggcacact	aataataatc	1260
aaaccttaaga	ctagatcatc	acccatgttc	cagagaaaaa	tactgtgacc	gcctctatag	1320
ggaataaaaat	aatccatgtg	ggaagccagt	gcaaaaccga	atgtactagg	cgaaaaaaaaa	1380
atactaaacc	atttctgcat	taccaagtca	accaacaagt	agctgcagct	ccgaacggaa	1440
gtcaagatttt	tacatgcatc	ccttataaac	cacgaagcta	actcccaaaa	cacctgagaa	1500
atgctacgat	cttttatatt	tcaatgtgct	cgcttggctt	gatcgatgtc	tgaagggaagt	1560
acgttatcag	tggatctctg	tcgtcggtca	ccggagaaac	tttaatgata	tggatgtaac	1620
aaagagcttt	ttcctatttt	gccaaatgtg	gattctaggc	acttaactat	ttcggcctga	1680
acgcccattgc	atatataata	atataaatat	tgtgaaggga	ataaaatatc	ttgatagata	1740
tgtggaaatt	ggaatataatc	ggataataag	gaacttgat	atctgtctga	agtgccccta	1800
ttctatatat	tgtgaagaaa	caatctgaca	tgtaaagcta	tatatgatag	tagccaccgt	1860
acgagccgat	agagacgctc	aaacctgaac	ttttaagag	ctgtaataata	tgatgatgat	1920
cgggtccatca	cactcagctc	gatcgatcgg	aatatatagc	tggccttgac	gtctataaat	1980
agaggccaaa	cgccctggtc					2000

Número de secuencia (ID): 68
 Longitud: 2000
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..2000
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, sorgo bicolor

Residuos:

caacttcacc	cttgatacta	tactaatagc	aagtttagcat	gcaatgcaag	tatatattgcta	60
cagagattag	agtatgcaaa	ttataggaca	tgcatgtact	tgagatggg	tctgctatatt	120
ctggaaacaa	gagcactaac	ctttgcctaa	tgaagagctc	ataattgagg	atctcctttt	180
ccctcaaaa	gagtggtatg	agcagagcac	tttgacacag	ggccactttg	tgagtagtg	240
gagggaggcc	tagcccactt	gagagtttag	tttatgccct	cctcttgac	ccgcctgaca	300
ggaataatca	ccaggagtgg	caagttcgcg	caagtgcaat	gctgttttag	gcatgttctt	360
ttgcagccca	tagctcagca	gactggtgat	tcagcgtgcc	tcgctttttt	acctcaagag	420
aaaaagatgc	tcgtgggtgc	agttgtgctg	cagcttttag	aatacccaag	ctcactctcc	480
agctgcaaaa	agcaaaaata	aaatatgggt	ttcaacgcaa	aataaaaatac	atgtaaaataa	540
agggataatc	aatggagaga	attcacatta	acgttgtatg	attctttata	aaaggatggg	600
caaagaatac	aaccgaaaga	actagcataa	tcaagctgcc	atctttgaca	ccattcctac	660
actaactacc	acacattatg	tctctaagat	tttctgaaga	aaataaaata	aatgacagct	720
ttagtgaaga	ttctttggta	caactactaag	aatgtcttca	attaactcca	agactctatt	780
ttaaatacat	aaaaattcat	acttattatc	atttttgtaa	acataaagtg	taatgtgatt	840
tgctgttttg	tgcaatgtca	tgggcagcca	ataggctgcc	aaggccgacg	ggctgatagt	900
tcggcccagt	tatctttata	agtttaatta	tctttgtatt	tgcaatttat	attagcccca	960
gataggttat	ttagcaaaag	aggtgaagta	gaaggacat	aaatatctgt	agactctatt	1020
gatataatca	agcaatgaat	tatgaagaaa	caattctagt	ctccttcaat	acccatccct	1080
ataacatgca	aggtacacac	atagacatag	ctaaatctcc	aaactggttt	cacacatcat	1140
tagtagggat	gaaaacggta	cggatatttt	tcgacccat	tcgagaccaa	attcgtttat	1200
agaggtttag	atctgtcctg	atccgagctc	gaatatattaa	catccgatac	cgtattcgta	1260
tccgaatatt	taaatcgtat	atttatgatg	tcgatattcca	atcatatctt	atccgacatg	1320
attaacatta	tccgtattcg	aatccgaatc	cgaccagaaa	tataaaaaca	aatatgatat	1380
cggtgatatc	cgtttgcctg	cgatccgttt	tcactccctac	tcattagaga	agctagacat	1440
gtatatgggc	ataggtctca	tatatatata	tatatatata	tatatatata	tttcatagt	1500
ctcgtttgat	ctctaaagga	tgtgatcagt	tgatctgtgt	tcaccagaga	aactataata	1560
atatggatgt	aacaaagagc	cttttcctat	tttgccaaat	gtggattcta	ggcacttaat	1620
tatttcggcc	tgaacgcca	taaatcttct	gaagagaata	aatatctttg	agtagagatg	1680
gaaaattgga	atataattgga	taataaggaa	cttgtgtgcc	gcatgcaagt	gcccctattc	1740
tataatccag	ggtccacatc	acacctggat	gaaaatgact	gggactatat	agcaattcta	1800
acataacatg	ttaactctatg	ataatagcca	cgtacaaga	cgatagagac	gtcccaacct	1860
gaacttttta	ggaacttctg	tttgaaagg	tgtaatatatg	atgatgatcc	atcccaactca	1920
gctcgggaata	tatagctggc	caaacagata	gataaggctc	gtgtcttgac	gtctataaat	1980
agaggccaat	gcccctggcct					2000

Número de secuencia (ID): 69
 Longitud: 2000
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..2000
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Oryza sativa

Residuos:

gcatcagatt	aagacagcaa	cgcagaattg	cagacagaga	gaatgcatgg	aggcagctag	60
caagcagccc	ctgcctgttg	gttctctaca	cggtttcaat	caatcaccag	ctaattggca	120
gacattcaaa	caaatacgcaa	caccgtagta	tagtactttt	aattcgtctt	cgagatacga	180
ctttaatcat	taattgcctt	acctcaactt	tatgttcgga	ttacatatca	tgtaatatata	240
taaaaaaatc	taattgtgta	ataaatgtta	taaaataaac	ttagatgcat	agttccggat	300
atatgcccct	ccggttttta	atgtacaaca	cttaaatattt	ggatgtgtgt	tcgttttgaa	360
tcaaatctga	aatagtatgt	tacttttaaa	gtgcctttta	agataaaaaca	aatcacaata	420
aaaatacata	tatttttaaa	taagacagat	gatcaagcat	atattcaaa	tcaacagatc	480
agtcatacat	tattagaaga	gaatttcttg	tatgcccctg	aaatttaagt	caatcttttc	540
tatgcccctg	aattttactc	actctcttgt	atagttgtat	accttttaat	tatgatttca	600
tctctttttac	atcttttctg	ttagtgtgac	gggtcccttt	aaaaattaga	agttgtgtga	660
cgagactatt	atattttctga	gtttgtgtgt	cgatgtacta	tttacaataa	gaaattagat	720
gtgcaagaaa	aataatattt	atttaaaaaca	atatgtgtag	catatttttg	tgatgtaaca	780
tatttgccac	ctattgtata	tattatctaa	aagaaatcct	atacaagacc	aattgttttt	840
tttcaattat	aaaaaagccg	cacaagcttt	ttcatgaata	tattaaattt	tctaagtaca	900
atacttcctc	atagaaaaaa	acttataata	ttatagctcc	acaataaatt	actatatttc	960
caacgttagc	atccacaaaa	tttctaggca	tgtacaattg	taaaatgacc	tttttacagg	1020

cattaaacag	ttaactaacg	gtacggaaat	gggtataaaac	gggttataaaat	taaaattcag	1080
aggtatataa	aaaatgagcg	attagctaaa	cttttaggag	tataaaaagaa	attctcttac	1140
tgaaaaccag	agggagtact	acatataaacc	tcattttttt	acgggttgat	aagttagcga	1200
aaaaccaaca	aattagcaac	aaatatgagt	aaaacttgta	tacatgtgtc	ttcttagcga	1260
tttaaaaatc	aatgctgaaa	ataaattaca	ataaaaattaa	aaatctcaag	ataatctcta	1320
aaatgtagtt	ttaaaattta	aattttgatt	gcgactgata	agaaaaaaa	acaaatgatg	1380
ggaggctata	tcaactgtca	aactggctaa	tttagaaaga	cgacatcgaa	ttctacaga	1440
ttggaggcag	caaaagagag	cccgtctctg	ccgggtgcgt	gcatgatgct	cgatcatatc	1500
ccatctctcc	tcacttcac	atcaacaaga	acaagaggaa	ctatatagct	gcaagatcta	1560
gactgaaact	actatagcaa	ctaactgtac	tgtagctaga	ttacgcttag	ctatagctgc	1620
tgctgcatct	atctgtaaat	tccaactacg	acgtcgactg	ctgcaagcta	gcttggccgg	1680
ctagctagat	agctagctag	ctcaaaagag	aaagctttgc	gaaataggag	taactagcta	1740
gctctagcta	gggcgccatc	gatgcgtgac	caccgagctc	gcctcgtcca	cacgtacagg	1800
aagacgatgc	agaaagcggc	cggcatgcag	tacactgacc	gagctaagag	agagagagag	1860
atgatattat	tcttctgcag	ctaaattaaa	gtgaaagtgt	gacatggaca	tgacatagat	1920
aattttgcat	ggccatcatc	ttgccctcct	atataaagcg	gccatctcac	tctcaaccac	1980
agctcgatcc	agcagccctg					2000

Número de secuencia (ID): 70

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Triticum aestivum

Residuos:

cgcggtccaag	gcacatgcgt	ctaaatcaac	acaacaagaa	ccgcggtgaa	gaggaaaaaa	60
ccgggtcttct	atacatctca	atatacgctt	gagatggaca	tctatgaaca	tggttaacaa	120
agttctacaac	agccagaggg	gcaactaagg	ttgctccgca	ggagatacat	tttcaagcaa	180
gaaaaaacat	aactggtcag	ctaaataaaa	atcgggaagga	aactattttt	ttaaaagcgt	240
cgtaaaaaag	ggttaaccat	catttgatcc	cctgctgagt	tgcccagctc	ggcagccatc	300
aaatcagaatt	gctgccttat	ccttcctagg	ttggcacgct	ttgtttaagc	ttagtggat	360
ccaaaagtga	aaatggtacg	gcgcagagaa	ttcacgcaga	acaatgctta	aataactgaa	420
aaagaatgga	cggaagagc	aatgacaatt	agcataatta	agctggcgga	cgggcagcca	480
tctttgacct	gtcttacgat	tttaccacg	cgaaatgaga	tgacatggg	aatgaactgt	540
ttctgttttag	ctagaccctc	cgcatcaatc	acaccactat	ttggctgtgt	taccgtgtgc	600
gacaacaatt	ggcagtaaac	gtacaaagct	gggtccagtgc	gcagtatcca	gacatacata	660
aaagtactta	ccgcaaaatg	ccagacatgg	aaattgacaa	tcagataata	atttcaaaaa	720
actgctccct	ccgttcacaa	atgttcacaa	atataagatg	ctttctatat	tgcaatatga	780
actgcataca	gactgaaatg	agtgaacaaa	cacattaaaa	cgtagctata	tacatctgat	840
cacaaaaaag	ttactccctc	agtaaaactaa	tgtaagatgt	tttgaaactgc	aaaaacatct	900
tatatattagt	tacagaggtg	atacaacatc	ttatatattgt	gaacggagcg	agtacataag	960
atcagaaatt	atccaaataa	cagttacaaa	caccaagccc	aacgaggccg	ttccagtggg	1020
tgctattgtc	actaggatta	aggaggaaac	ctcgttttgg	agtattgcgg	gggcgaagca	1080
cttgagtaat	gtaatgccgc	gagagtgtat	attgtaattc	ggccatgagc	cttaaacctc	1140
taaaacttct	ctcttaatca	atgaaaatgg	caaatctttt	gccttgcttc	aaaaaaaaac	1200
aagagcgaat	aggagcaaac	tagagacaag	tagagaggga	cgccagtggg	gcgcacgcgc	1260
tctgtttttg	cacccctttg	ggctttggtg	ttctccctgc	cgcaatcacg	tttgagcgca	1320
gagttggagc	accatatctc	cctgctctgc	actcactact	gcgctttctc	ataatataat	1380
tgcaatacca	gtacagatca	acaaataatt	ttccaaatac	atattctttt	tactggatag	1440
aattaaacta	tatgcatgca	tgcattttca	agagagaaga	aaaaagaaaa	aagaagcatt	1500
tcgacagaaa	tataaataca	tagtacgtat	tagacttaat	ggtataggcc	atactcaatc	1560
atcactaaga	caattttgaa	aaaggccttt	aagcaattgt	caatgcgctc	aaacagtgtg	1620
gcttctaata	atgtcctccg	gaaggatcga	tgaactgttt	caggaaactg	tactatggta	1680
caattgatct	acctcagctt	gggactttgt	aggcgcatat	atggcaatcg	ggctttcttc	1740
ttttaccaa	tgtgtggatt	ctgtgcatta	tgaacaaact	ttttccaaaa	cccacctgtc	1800
acgaatatac	agacttatgc	tagttttcag	gtttgaaacc	tttttaagat	gtatgctcca	1860
gttttatagt	gcgcaaggac	ggaataatca	aacatcacct	agtataatc	tagctttaaa	1920
acttcaccct	cctcgcacac	agctcactca	ccccgcggct	ctccacggct	ataaatagag	1980
cctctacgcc	acccaacctc					2000

Número de secuencia (ID): 71

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Hordeum vulgare

Residuos:						
tgcttttgac	tggatagaac	atatatacat	gcattgcattt	tccagctccc	actcttcctc	60
ccctcccttc	gccgtgcg	gcgtgggtccg	tcgagccctg	cccgtgcggc	gctggcagcg	120
gcgggcccac	ttttcccat	gcgtgtgtcg	ggaggcacgg	gggcccctctg	acgacggcgg	180
tgctgtctcg	ccgcggcacc	gtggctgagc	ggcggagatc	ctgtgggcca	cgggcaccct	240
tgacgcggtg	gcgcagtcgt	tggtcgcggg	gcggcggcgg	gcggactttt	ccccacgagt	300
gtgtcgaggg	ccgcgggggc	ctctaaccggc	ggcgggtgctg	ctcggccgcg	ccggtgtggc	360
tcagcggagg	agatcctg	ggtcatgggc	gccccttaatg	cggcgtgca	gccctttgtc	420
gcggcgcggt	gcgggtgtg	gctggccggc	ggcgccagct	cggcccagat	ctgtgccctt	480
ttggggcccca	tctaggctgg	ggcaggccgg	cggttcaggt	cgcggcgatg	cgactgcctg	540
gtgggtgcggg	gaggcggttg	tggtcgcggg	ggtgatggct	ctggcggccg	gcttgcctaca	600
gcgtggctgc	tgggactgtt	tggaccggtt	gggggtctga	tcgggcctgt	gatggcctgg	660
caattcccta	ccgctacatc	cgttcggctg	cgcgcggagg	tgaaggttgt	cccctccgac	720
cgacggtgtt	acggttcccc	cgagcccaat	atctcctcgt	cctccctcca	ggtcttgtgt	780
tggtggcctc	agtgcagcgg	tgaagttggt	gggatgaacg	tggtggcata	ggttgggtgg	840
tggtcatggt	ggaggtgcac	ttccgattgt	acgtgggtgac	gatggtggtt	tcggggcggg	900
agaaaatccct	acggcctcgt	ccggcaccga	cacggttgtg	ctcgtggg	ccgcgaacc	960
ttctagaggg	gcgttgggtga	tacccttcc	ccactgcat	ccgcataccg	ggggaaaccc	1020
tacgacttgt	ccgagtagca	gcgaagtcgt	catcgctttc	cttcctgaag	gtgttgcttg	1080
gtacgcgagg	cttcggagtg	cttggcatg	ggtgggtactt	ctcgaagg	tcgggcggtg	1140
gtcggccatc	ttcgcttcgt	tgagctgccc	gagtcgacat	tttttctct	tctcttctt	1200
tattcttttt	ccttgggctt	gttgtgttg	cggcccccag	cgagttggtt	gttgccttat	1260
aatataaaga	gaaggaaac	ccttttctgt	cttagagaaa	aagaaaaaga	aaaaaacatt	1320
ttgacagaaa	tataaatata	tactattaga	gttaatcgtg	tagaccatac	tcattatcaa	1380
cgccaaggga	aaaaaagagt	agaagacttt	taagcaattt	tcaatgtgct	caaatgtgt	1440
ggcttataat	aatgtcctcc	cgaaggattg	atgaactgat	tggggaactt	gtacaatgg	1500
actccctcta	tttctaata	taagacgttt	ttgcagttca	aatatttaga	aaatagagga	1560
tagtacaatt	gactacctc	agctggggac	ttttaggcg	catacatggc	aataaggcct	1620
ttttctttta	ccaaatgtgt	ggattctgtg	cattagcaac	tcagaataag	cttctcctga	1680
aaccaccta	tgtcgaatat	acaggcttat	gtagttttc	aggttcgaaa	cctttctaag	1740
gtcacgcccc	cgttttgtag	tcgcgaagg	atggaataat	caaacatcac	ctagtataa	1800
tctagcttta	aaccttcacc	ctactcacgc	acagctcact	cagctcacgg	ctcttcacag	1860
ctataaatag	agcctctacg	ccacccaacc	tcagcaccaa	ccatcaggct	atactacctc	1920
attcctctcg	tgcagctact	agctacctgc	agcctgtag	tacttgtcat	cattcatcac	1980
aaacttttca	gttcaagcta					2000

Número de secuencia (ID): 72
Longitud: 2000
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..2000
> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Solanum lycopersicum

Residuos:						
ttagaatta	gttattagca	tcttaacttg	cacatgatag	gtagttagat	ataattagtc	60
acattataaa	tatgctgtaa	caaaccaata	ttgtaattca	attttctgca	ataatacata	120
cacagttttc	tcaatgat	tttcttcttc	ttctcttct	ccatcttcta	ttctcttcat	180
cttcatagat	ttagttacag	attttcaata	attcaacaac	catcaccata	ctcacaatta	240
ctaccacctc	caccatcact	atcaaccact	acaatccttg	cgatcaatct	ctactacaaa	300
ccaatgaacc	attttcatta	tcataactag	cagagctact	atcatcaaca	catcatcaat	360
taccatatat	attcttcacc	catcgctgtt	aatatcacta	actattaata	tcaatcaact	420
tcaccaggac	aatcaccatc	accactatta	aatgtcatca	tcacaccagt	cattacaaaa	480
ctaacagctc	ccaacattac	cagtaatcac	taacaacaac	cattattaca	aacaatctct	540
acttattttac	ttttattcaa	atattttatt	agacaaaact	gatttttagta	aaacaaatga	600
gatcaatctt	tttctcgtga	ttaatTTTTA	agttggaatt	agttccaaaa	tacattttaat	660
atagacaaat	atgatactcc	caccgtccca	ttttatgtaa	aaaaacacgt	ctcattttct	720
tatatggttaa	gtattttaaag	gtataatttc	tcttttttac	ctttattgat	cttaattttc	780
taatacattt	atgagaagag	agaaaaatga	gttacttttt	taaagaacga	tttgataaat	840
attttaaaaat	cttcattatt	tcttaaaattt	tgtgccagat	caaatgttgt	cacataaaaat	900
gagacggaaa	aagtaaaaca	tatcaaacac	acccttaatt	taaaatagtg	taggtactac	960
ctaaaagtgg	aagtttaatta	tttgtttccc	caaaattaaa	ttttaccctt	ggacagcaat	1020
tcctgtttta	gggttaattg	tatagggaca	tacattttct	tctaattagtc	cagggtagtt	1080
tggtttttcga	tatgtggaaa	attatctcga	cataaaatgc	tacagtaact	aattagtaca	1140
atattttagtt	tgtatttacc	attacattta	gtccacatt	cacataaatt	ggtagtacaa	1200
catttaattct	tctaatttgt	actataacat	tttcatatt	aaaaagtatg	gtttctatct	1260
tcaccattag	cgtaacgttc	gagtagagat	atacatattt	attattataa	tatacgattg	1320
caaagtccaa	agatggctaa	ttttgttttg	agagactact	gcatttaagta	aattttttca	1380
gagacatgta	taagattaag	tctattgcca	attctcaaat	attactcttt	tttacttatt	1440

gtgggtatttt	atacatatta	agtgaactttt	cttttaagac	aaaaatgtga	aagaaatgaa	1500
tttcaaattt	gattcaattc	cataaaatag	ctcaaactcg	aggaggaatt	aatattcaag	1560
tcttataagg	aaattattca	tcgatcatga	ttatttttcc	atgttaaatt	gattaaatct	1620
tttttcattc	ttcaacatat	ctaattctct	accctacaac	aagctctcac	ctttcatagt	1680
atttatatag	actatatatt	cgtataaaat	atttttcttc	atatcgaaca	cacatgatct	1740
ttttagdata	gagggagtat	tttttaaaaa	aaaaataatg	gggcaaacgc	aaataaaaaa	1800
gaacacatat	atattctttc	tctagctgct	aattaagcta	tgactttata	atttttagtc	1860
acgagaagag	aataaccttt	ttgtgctttt	catttcttta	atttggttcc	ccattttttg	1920
aactatcaat	attttagtcc	ctatcccatc	tgactctcta	atgatcttag	ggccactata	1980
aatattggta	ttttgctctt					2000

Número de secuencia (ID): 73

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, *Gossypium hirsutum*

Residuos:

aaatattttt	ttgggtccct	tctagccttg	gacattggtg	gccgcactcc	caaactaccc	60
ctaagggttg	gcctgggtaa	atatcttata	gggtatgaca	tgagaaatca	ccatgtatct	120
tattttattt	gtttttaaaa	aatatcaatt	aagaatattt	aacagtttct	taagtccact	180
tgtaaaatta	aaaaaaaact	ctactattaa	tatatcaa	aataactcat	aatataaatat	240
ttaaaaatat	atatataaaa	aaacaagtaa	aaattttaac	ttaaaaaaa	tacactacaa	300
atatactaaa	tattaatcat	tatatgtgtt	atgaattcaa	tctacttttt	aatctctcta	360
ggattagcca	tttctttaga	ttggagagag	gtaaaaaaa	ggaataacat	ggccaggttc	420
cttcatgtcc	tatcctatgc	ccatttaata	agatagagag	ggaaagatcc	ggtataggta	480
tctctagaat	ttgtgttgtt	acaattttta	agtcaaaagt	tgcttactta	tgctttattt	540
atttgattgt	tttgaaaagg	attgcttaca	tttattatta	ttattgagga	agaagattgc	600
ttaccaatgt	taaacgggta	aaaaattttg	gcaacattaa	aatagagtta	atttagaaaa	660
gtgacattat	tgttctcatc	cagtccatca	ttattgtttt	atgttgtaat	tcggacactt	720
tttttttggt	gctcaactgt	catattactt	tttggctcgt	taattttaaa	aagttacaaa	780
atgattatta	aattatttga	aagttttcat	tttaatttatt	ggactattaa	aattattggt	840
gtttaacctt	ctttgttcac	attacgtgca	ccgattaaaa	actttccttc	ttctcttcta	900
caatttaaat	tattttcatg	aattaacttt	gaacgtcatg	aatttacgaa	ctaaaatcta	960
aacaattttc	ttctccgata	gttgaccttg	attataactt	gaatctaaag	tatgttcttc	1020
tactcttcga	tgtgtattga	tccaccatac	caatcgtcaa	atagttgctt	ggagctcact	1080
gtccaaactt	aaaaaaaaaa	cactcaatag	tttagtgacc	ggaataaaaa	tttttaaaaa	1140
gtagagtgc	ttaaataaaa	ctttcaaata	gtccagtggc	catttttgtaa	ctttttgaag	1200
ttgaatgatc	aaaacgtaaa	cttactaata	gtttgggtgac	cttggttgta	gttcacccat	1260
ttttaaataa	catttttttt	tctcaattct	ttttaaactt	aaagtttttc	cttgtctcat	1320
gtactaaacg	tgtccctaag	ttgatgctat	agtatgggag	acccaaaaag	catatctaac	1380
gagttcccat	tactagtttt	cttttttttg	gggggggggg	ggcctgctga	atctcccaaa	1440
catgaattac	aattgttcaa	atttaattct	atacttgcat	atcatatctt	gaaagtgtat	1500
gtttgaaatc	agtggactta	aaaacctgat	ttagaaactc	tcttggtttt	gttaacagaa	1560
ccacctgttt	tttgtgttct	aataacttcc	accagtgcct	gtcataaatc	ggtatatagt	1620
ctttagtact	agaaaaattg	gtgtggctag	aaaaaagaat	aagggttatc	tctatagaat	1680
tatttgatcg	ggtgcttcat	ttcaacttta	acatcagtgt	cagaatata	agatataacg	1740
tatattattt	gcattgaata	tgtttaaaaa	tgagtattgg	catttaagaa	taagttttta	1800
tagcaaaatt	atattgcaaa	tggtcacct	ttgagcaatt	tagtataggt	tctatcttaa	1860
tggtatagag	ttgagtgtct	agcttactag	atatgaaaag	aacaataaaa	cttttagttt	1920
ttagtgtttt	tttatgttcc	attttcttaa	cctcacaccc	taactaatgg	atctcattaa	1980
gttagcttgt	gggtggtgat					2000

Número de secuencia (ID): 74

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, *Capsicum annuum*

Residuos:

gtgtagctcc	gcccctggga	tatttcatta	atatggatta	tgataagctt	attaagtagc	60
cgtttggcca	tagaaattat	tttctttttt	tcgaaaaatt	atttcacttt	agtgaaaaaa	120
gtgaaaacac	gttgcgtttg	accatgaata	ttccaaatcc	aattccaaaa	aattattttg	180
aaaagtga	acaagtttta	cttgttttca	cttttttcac	tcgtacttct	ttcacaaaaa	240
ttcaaaaaca	acttttaattt	atattcatgg	tcaaacacaa	ctccaaactcc	aacttcatct	300
tcaattctaa	ctccaaactcc	aaaaaaaaaa	taattttcat	ggcaaaacgg	ggcctaagat	360

tcattaactc	ttaattagag	accttagatt	cgaattctac	aaaaaaaaa	tcttgtaga	420
taaaaaatga	ataacgtaat	gtgtgaattc	aaatttaagt	tagaaaaaag	aagaagatat	480
caaacggaaa	gtaaaagaat	agttcttgga	tatgtcactg	atTTTTtact	tccaaaaacg	540
TTTTTTaaac	ttagagaagt	aagtttacta	ggtacttaca	attgtcaaag	ttgtaagtta	600
tttggtacat	gtgccccct	taagttagaa	gagaaagtac	acaataagtt	ggcataaaaa	660
gaaagaaaaa	agactcaatg	atgagatggt	tcaaagacaa	agttcaatat	ggtacattat	720
tggtcaattt	catttgatca	tggtatagtt	TTTTgattgg	atagtgcctt	taattagaaa	780
tacttacata	aaattaaaaa	gggtgtgga	tcgtcttctt	aaaaatttat	cagtctagaa	840
aactgtcagg	TTTTctcttt	gattcgttct	catcgatcgg	ccccctctg	tcattggagcg	900
ccacataaaa	ccccttagaa	ctcagcttcc	tcactaaaa	tttgtgtgat	actatgagag	960
tatggctctg	atactatata	gatatatata	tcataattca	aatctcgact	gcgtctgtat	1020
tgacctaat	gagtgcacat	atttattttt	tggtattata	tatcattgag	ttcaaagaaa	1080
tgacataaca	gtgtggatta	gtgttacatc	ttatacaaca	TTTTattctt	ctctttttaa	1140
tatgataattt	gtctaagata	tgatacacat	cattctttaa	aagcttacca	gcctaactaa	1200
acgtctat	TTTTTTTg	CCCCgcccc	caaactctag	attgcgtctg	ttttgacct	1260
acagagctca	catatttggt	tggtggatta	caatgtcatc	gagttcaaaa	atatggacat	1320
actgtgtgga	TTTTgtatt	gtcttctata	acactttatt	cttctctttt	taatatgaga	1380
ttcgtctaa	atatttatatg	catcattctt	tagaaattta	cggccttagc	taaaacttcta	1440
ctagtctttt	gacccccctc	ccccatcaac	ttgctctccg	ttatgagcgt	cacataaaa	1500
ccctcccccc	aagccccg	ctcttcaact	tgctgtccgt	catgagcgtc	acataaaatt	1560
acacccccctc	cccccccaa	aaaaaaaagt	tgagaataag	gtgtttggtg	gggtggtgtg	1620
tggttaggat	gggttaggta	ggaccaagat	acagggcg	agccaggcct	tggttagggg	1680
ttcggccgaa	ctcccttcga	cggaaaaata	caccatttat	acatggttaa	aattattttt	1740
atgtatttat	agtaggtgtc	gaaccttctt	cggttaggtt	ttcttcgaat	attgaacccc	1800
cttaattgaa	atcttgattt	cgctcttctc	aagataaaaa	gaattcttgt	aataactttt	1860
tgaagtttcc	taagggtcca	tatttttata	ccttatttta	aaaatttatt	ctctacact	1920
atgatggcta	acttaataca	cacacatata	taaagggtgc	cctctaattc	atttgtccaa	1980
tacaaacat	tcttctaatt					2000

Número de secuencia (ID): 75

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Brassica napus

Residuos:

agatgataca	ctggatttat	agatattata	aattaaataa	atataattta	atgttgtaat	60
attataacct	ttatttaa	atttgcgat	gttaactttt	aaaattataa	agattttttt	120
tttaaatagc	aaaaatcata	ttatctaaca	atgattaatc	tttactacct	taaaactaatg	180
aaaacaaatt	ttaaaatgta	tagtttatta	taaaaattaa	acaaaaacta	aatgtttaat	240
tattttactcg	ataatataaa	tctatgaagc	gaaaagttta	atTTTTaaaa	aaactttctaa	300
atttgtaaaa	ttttacaata	TTTTgaata	tgacaataaa	acaatatttt	attaactctt	360
atataatatag	ttacgatttt	aataataaaa	taataatccg	aaaatatata	tatagaagaa	420
gatacagata	catgtgaaag	tttgaacaa	tctattcaat	gaaaaaatat	accgtaaaact	480
tattattgttt	taaaaattga	taaacacata	taataattata	tatatacca	tttagaattg	540
aaaaaaaaaaa	tgtttatata	aaaataaatg	aaagcaaaac	tctgtgcggt	tgcgcggtc	600
gagatctagt	tattgttaaa	acaaaacact	tggttaaaat	tactaaatat	gaaaaagtta	660
agatgttatt	aataattaat	gataaagtgg	acatagaata	tacgtagaat	atttctttta	720
caagaaagaa	atgaagcaaa	tcattgcatt	agatgtactt	cattttttgc	tttattttga	780
ataaagtgca	tttatgaagg	tgaaaatgaa	gtcaaccatt	aaaaatgccc	tattagaaaa	840
aaagaatagg	acccgcacgt	caataatttg	acaaaaaatt	caacacaact	ggtacaaaat	900
cgaaagaaca	aaaaaatcac	cataattttt	ttcattcgat	ctggtcacca	cttagatata	960
taaaactctta	tttgagttt	ccactaaaat	agtacaattg	tatttttata	cgccttttct	1020
gttgattcca	taagacttgt	tacttcgctg	tatgattttc	taacgatttt	tggtgtgtgt	1080
ttgttggaac	tcttattaag	gttttacaaa	attacattat	acatgtacaa	atcattcagt	1140
gcaatctcca	tttaagaatc	gtttcttcaa	gtaaactctt	ggttataatg	ataatgtttt	1200
tataactagt	gttcttttga	agatccaatg	cgttgtcggt	ccagtagtgg	ggaagtaaaa	1260
gtccccagta	gtggggaagt	ccccaaattc	tgcgattggg	atattacttt	tttaattaata	1320
ttcatttgcc	atacgtctac	atcttattaa	aatatgcctt	tatatgatct	ataattactg	1380
gtattatata	aattcataat	agttatcatc	tgTTTTaat	taggtttatt	cttaatacat	1440
attcataata	tgcttaataa	aaaatccac	catgttgatc	ccgcgtagga	cctattattt	1500
tttaagaaac	cggttacca	aactatcaaa	tagtagtcgg	tccttaagg	tttcttacac	1560
tgttcgcaac	tctcactgac	acgtggcggt	ccgcgattgg	ttcgttttat	tttatttttt	1620
tctaaatttg	aaaaaaattg	aaaaaaaatt	aagaaaaaaa	attaagaaat	ctgggataat	1680
gatggtctta	gtatagaat	ttcttaatca	tggaacgaat	aaaagagctc	ctgagttcat	1740
tttttcagag	agatatctag	ctaggatttt	tttggtcgaa	ctttgaatgg	ttttgttct	1800
tgatgccgct	aaagattata	tgattctgta	aattaatgga	ctcagttatt	gattagttta	1860

agacactagt	aacataaacc	atattagtta	taaatgtcct	aagacaacac	gagagagagc	1920
gcttgcccct	aaagtgtctc	tctctctccc	aagttggaaa	acccctataa	atagatgtct	1980
tggtcatcct	tgtaaacca					2000

Número de secuencia (ID): 76

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Arabidopsis thaliana

Residuos:

gtgaccaggc	ttctcgtatt	tgagttctat	ggctcttact	tgccaaaaga	gcttccttcg	60
tcaaagagg	gttttggggt	cgccaaagtt	aataaccaga	ggccggggat	agagaagatt	120
cttttgggg	ggtttggggt	cgtgactcat	gtcgttaagt	ggtgcttgct	acatcttttg	180
gattaagctt	cacctaagct	aaatagctag	ttgatacgtt	gtctactttt	tttttttttt	240
tgctgattgt	acgtttgtcta	cttgatttga	gcacattgat	gtttctcttt	tctttttgaa	300
aattcgattt	atcttttttt	ttttttctaa	attgttaaag	ggttgtcttg	tttgagaaat	360
ttgttgtaga	caactttata	taagtttgat	atattttgct	ttgtgccttt	attctgatta	420
attaccaaag	cttaataaag	catcaatcaa	gacttttctaa	tataagaaaa	taataaaatt	480
attatttagt	ggagaatcca	taataagtta	ataatcatta	tattcaatag	gacaaaacct	540
ttgggtgtgt	ttatattagt	ctacggattt	tctgatttgt	ataacacttt	tggtatttca	600
gattaataga	gtattatggt	tgaatatatgc	attcgtaaaa	tcttcggaag	ttttaagggt	660
ttgtaactaa	taatcatata	tagaatccca	atttgaagaa	tcggttcttc	acgttggttt	720
tattgattcg	ataaaaagaa	gtttttttta	gaatcaatgc	gacaatgcgt	tgctgttcca	780
cgagcaagga	gtcccaaatc	tgcgatatgt	ttctttcaaa	tagcctctga	gctaggcctg	840
ggcattcagt	ttcggttcgg	ttgcgcatgg	tttcggttat	ttcggttata	gtaatatag	900
aaccatttgg	atatttgagg	aattttggtt	cggttcggtt	cggatatctt	tcggttcggt	960
tcggtttgga	tattaaactt	ggtaaccata	aataaactaa	aaccgaaata	accgactaaa	1020
aaccgaaaca	acaaaaaat	ttgaccaata	accgatatag	aacgtacgta	aaaaagagaa	1080
atattcacaa	ctcacaaaga	tggtccatac	tctccataat	attaaaacac	ctgattcaca	1140
actcacgaaa	ttcaacttgc	aaactaataa	agagaaaaac	atagtttaagt	gtcaatacat	1200
actgtgatat	attatctatc	atacatatat	gctttgggtt	tcatttggtt	atcggttatt	1260
aacctaacgc	aaaccgaac	cgaaatctaa	gacatataat	attcaaccgg	ttatttttaag	1320
ctatccaaac	ctgaaccgaa	ccatgttttt	cggttcgatt	cggttcggtt	aatcggttag	1380
cggttttttt	gccagggcct	actctgagca	ataattgtat	ccggagtgtg	aatagaatca	1440
aagtacgatg	agagtgtttt	tatgacaaat	atcttaatct	tggtccaat	tatgttctac	1500
tgaaattcct	tttgaaattca	tcgaccagtg	agacttataa	atagcttttt	attcgccgag	1560
gtatatatag	ctaggaattt	tgctgaaatt	tagacgttag	tggtttttgt	tcttcgtgac	1620
acaaaagata	ttctatatat	taacgaaatc	tagcgatcga	tatggtattt	atataaagtc	1680
ttgggtcatag	ataggggttg	aaacttgaaa	ccatgcatga	tatgccaatg	ttgtcgaagc	1740
agtcaatggt	gctgaagaag	tcaaacgtaa	ttatatagtg	aataccaaaa	aagtgtatatt	1800
tcttaattca	attataatata	attatagttt	taaatcacct	aaaataagtt	acttattaaa	1860
accccccaaa	tttactttta	tatagttggt	gtacatgttt	gagaaagcaa	acaaaaagaa	1920
aaagaaaaag	aaaaaaaaaa	gagaaagagg	ttagtacaca	taattgggaa	ttaatgtcta	1980
ttgattcttt	tatctttctc					2000

Número de secuencia (ID): 77

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Medicago truncatula

Residuos:

tcacattttg	tttccacctt	tctcttattt	ttgggactca	taaagcagag	atcaaaattg	60
tcagtgaatt	tttttttagg	attaaaggct	gaagaatttt	tttatggaga	ctaaaaccaa	120
aagtttgaat	atttataggg	acaaaaaaca	tatttactta	taattaaaaa	tattaaaaaa	180
taaatacatt	aaaaaatgtg	tgtgtctata	tgatatattaa	aaaaaaaaaa	acatgtcctt	240
ttatgtcatt	ttatacttat	caaccacttc	aacagctaat	tttaccacaa	acattatttt	300
taataagcaa	gcttttcagc	tataagctat	cagctaccag	ctatcagcta	gcttatggct	360
tctttttacc	aaacagagcc	tatgtgttta	gcaatgagtt	tttctatatt	ttctttgttc	420
cttttcttat	taccttgctc	taaaatcata	taatataatt	ataattttac	ataaaatata	480
caataagtag	tgaagaaaat	gtttagtaaa	aaaaaatggt	aattgaattc	ataaaacaca	540
tttatagttt	tgaagatgaa	agtaatttga	atatttaaaa	agaaaataagt	taagtataaa	600
aaattatgta	tataatttaa	aaaaaaaaat	aaacatgtct	ttttttgtca	ttttatatgt	660
atcagtcatt	tcaacagtta	attttatcaa	acacattatt	tttaataagc	aagcttttca	720
gctataagct	atcagtcatt	agctataagc	tagcttttca	ggttatcagc	agtttatagc	780

ttctttttac	caaacagagc	cttaatcagg	tttgaatttg	ggtcacgta	tttctgctct	840
atgcattttt	attttattat	gtgttgacca	ctaaaacaat	agaaaagaga	aagagagagg	900
gacaaaaatt	gattcactaa	tttcctaatt	gatgttgat	aaaaatacct	gttcgaaaag	960
gttaatctct	taagagtttt	acattggatg	agagatgaca	tgaacgtatg	tttataaaaag	1020
ggagtgaact	caacttacaa	gccagttttg	taagggttaag	ttagacccca	cctaaattat	1080
aagatgatat	taaagtattat	caaaaatcat	ttgggtcata	tgctatcagg	tttctactat	1140
cagtccactt	gaatcatgct	ccatatatat	agttttgggc	gtgagagggg	atgtcaagag	1200
tttcacgtta	aataagagat	gacaaacata	tattttataaa	tatagataat	tcttccttta	1260
cagactaatt	ttgtaagggt	gagatacata	cacccgacta	aaatagttag	ataatctctc	1320
ttaagttta	catgtgtttt	acttcatgaa	tagtctccac	aatgtgcata	taccttatta	1380
gaagggaaaa	aaacatatga	tatctggtca	attgttattt	tttaaagaaa	ataatcaata	1440
ctaatacaatt	catggagtgt	ttatccgttt	gttagaattt	aaacaaaaaa	tctatatcta	1500
cttatatata	tatatatata	tatatatata	aacttgtttc	aaattataat	attttttagt	1560
ataaatcttc	taaaaacttc	attttcgtac	atgacttaca	aacatataat	ttatgacaaa	1620
caaaaaccca	aaataactta	tgtttttctt	atgtgaaaaa	aactcatatt	attctaaagt	1680
ttttttaaga	ataatcaata	aaatattaaa	aagtttttaga	ttatgccaat	ttgctaggaa	1740
ttattcccca	ttgtgtacgt	gtaggggaga	gacaaagaga	gtaaaagggg	ttgttttgat	1800
ttgtcatcta	atgtaacatg	actaacatga	aacattcctg	agggactagc	tagttgaaat	1860
gaacagaacc	aaaccaatat	caagagtggg	gggagcacct	gaacctgtat	ttttacaccc	1920
tatagaatcc	ctcttttcta	tagatcta	taaattatat	cttgcagtga	acatatatta	1980
aatgggaaaa	ataacactta					2000

Número de secuencia (ID): 78

Longitud: 175

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..175

> tipo_mol, proteína

> organismo, Arachis hypogaea

Residuos:

MARIMSEPL	IVGRVVGDL	DPFNASIRMS	VSYGNRQVYN	GHEFFPSTVT	FKPKVEIGGT	60
ELRPFFTLVM	ITDPDVPSPD	PYLREHLHWI	VTDIPGTTDA	TFGKELVSYE	MPKPNIGIHR	120
YVFLFKQKR	RQCVSTIPSC	RDHFNTRTFA	ADNDLGLPVA	AVYFNAQRET	AARRR	175

Número de secuencia (ID): 79

Longitud: 2000

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..2000

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Arachis hypogaea

Residuos:

ttaacaatca	tctaaaaacac	cgtcaactca	aaataaaccc	taaattatac	cctacctaac	60
ctaataattat	ttagtttcta	attacactaa	attaatataa	caaaccctaa	tcacacactt	120
ctttaaaatt	tttaataaat	aatttaataa	aatacctaac	aaaattctaa	ataaaaaatc	180
tgaaaaaata	caaaaattat	aaaaaaaaa	ttacctttga	tggtggctac	aaaatagtga	240
aagtgtagtg	gtgacagaag	acaacagtaa	aacctatagt	ggtagagcta	aggttttagta	300
acataacaaa	caaccaaaaa	aaatggagaa	caaccttact	ttggccgcta	gacctcagtc	360
acgggtgatgg	cgacgacctc	caatcgatgg	caagggacac	caacagcagc	aacacgacgg	420
ctttccacaa	agactccaac	agcagtgacg	atctgcgacg	acaatgttgc	ttaccagtgg	480
cgacggcaca	ccctttttca	ttggaccaaa	gggagagaga	tgagagagaa	gaagagagaa	540
gagagagaaa	gagaaagagt	ttgcaaaaat	aaggaagaat	gatttcacgt	ttaaatttta	600
tcccaaat	atcattggat	ttaccggcag	aaaaaaccga	caataaaatg	ttcatcggtg	660
tctaaacgat	gcatttcgat	aaatcttggt	actatcggaa	ttttctgacg	gaaaatccga	720
cgataaat	ggcgctaata	aaattttcgc	acctctattt	ctatcggatt	tagcggcgaa	780
attttaaatc	cgacaataac	ttattcaatg	gacaaatttt	taatcatatc	tgtcaaaaat	840
ttcattatta	aatccaacga	taagtcacca	aaaaaaaaat	ccaacgataa	cgtctattgc	900
tatatattg	agtaaatcta	acgataactca	atatttttta	tagtgtacgt	tgatgcaata	960
tttttatttt	ttatttatcc	aatatctgaa	tatatagcgc	aaatataaac	taggtttgaa	1020
ctttcgatca	attttaaggg	tgacaattgt	aaaataaatt	caataagtta	ttcttactct	1080
atcgactac	aataaaaaat	tcttttaatt	ggtaaatttt	tagtagctat	aataataat	1140
ataattatta	tatatattat	tttaattata	tttttgtgat	aattatata	ttttatatca	1200
ttaataaatt	attgttaaaa	ttttttaacg	ataaaaatata	aaataattaa	tatttaattg	1260
tcaataaata	tactaataat	tatttttatt	gttattaaaa	acaaaataaa	ttacctctaa	1320
aacttttttt	tttttagtagc	atcgttagtg	gggtgatttg	aaaaaactcc	tctgaaccga	1380
aaaaaaatcg	taagataata	aaatagcgaa	ttaatcatca	ttaaattttt	tatttatatt	1440
atgagtgatt	ttttctattt	tgatctaaca	atatgattag	atacttaatt	aattttttat	1500
tttaccatt	tttatataac	attagaaaaa	aaattacata	agtgattgat	caaatataac	1560

tagcgctata	caaaatggat	agtaaaagca	aaaaggacga	agtttaattt	gtcccgcata	1620
acatcataag	atgagtagaa	taacgattta	aagagaaaaca	tatcggagag	acacttctct	1680
tgcaatgagg	caaatataag	agacagcatt	ttatgtgagg	agtgggtggga	gcatatgatt	1740
tgtttcagcc	ctcatcgacc	caattatttag	aataaacaac	tgatatctta	gtgtgtagta	1800
acacatgtat	tcacaaaaat	gaatattaaa	aacacatagc	tggaagattc	tcttgataga	1860
gacattataa	atacggaact	cgagtgtact	tacttttcctc	aagctaagct	agtaattgta	1920
tttgtatctc	tcactcttta	ttaatttcct	ctatcttctt	cttatttgct	tgtaataaag	1980
aattatatta	ttctccta					2000

Número de secuencia (ID): 80

Longitud: 174

Tipo de molécula: AA

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..174

> tipo_mol, proteína

> organismo, Cicer arietinum

Residuos:

MARMSQEPLL	VGRVIGEVLD	SFTTSMKMTV	SYNKKQVFNG	HEFFPSTINI	KPKVEIDGGD	60
MRSFFTLVMT	DPDVPGPSDP	YLREHLHWIV	TDIPGTTDAT	FGKELVSYEI	PKPNIGIHRF	120
VFVLFKQKSR	ESVMTTPSSR	DHFNTRNFAS	QNDLGLPVAA	VYFNAQRETA	ARRR	174

Número de secuencia (ID): 81

Longitud: 1997

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1997

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Cicer arietinum

Residuos:

aaagaaagaa	gaataacacc	ctctaaacag	aaaattgcat	tttgggtgca	tgcaattaag	60
gaagggttctc	tacgcaagcc	attcaattaa	aattaaaaaa	taaaattatc	catgtccata	120
atatgctact	atthttgcctt	atatgctaaa	gaacatggta	aattaatgtg	gacgttgaa	180
aaacaaaagc	tagcatttcc	tagaatttta	atthgtcctt	tttatatgct	tttagttttt	240
aataaaaaata	aataaaaaat	ggtagagact	gacaactagc	aaaagatgga	ccccacatag	300
agtttaagac	acatgatgct	ttttgtgagc	tggaagaaa	actccctttt	attggtcgac	360
acaaatttcac	tcattccaatc	aagaaccgat	tccaagtgc	ccgtcatgga	gcattttctt	420
tttccatcaa	ttcgggtgtt	atthgtcacag	ttacaatttc	atthtttaaaa	tatactcata	480
actattttaat	tttctaaatt	ttatataaaa	tataaattaa	atthtagtaa	taattttttt	540
aatggttaaat	atthtaactat	taacattaaa	tacttttaatt	aatgaataa	tattattaaga	600
ataataacat	taataaattc	aaaaataatt	aactgttact	tataataata	ataagatttt	660
cgtattatttt	tatgtgatta	taacagtga	aagaggaaat	ataactaaca	taatgaataa	720
gaacattaaa	tctacactat	acataataac	attaatatgg	tgtgacaata	tttaatttac	780
ttaattgttt	gattgaaatt	cgaactttta	cggatacacg	tgaaaagata	tattattagaa	840
gaagttatca	tcataatcga	aacattcaat	tctgccatct	cgcacaaagg	gatataatc	900
tagttttataa	aaaaataaaa	taaaataact	atgtattatt	taaacgagta	aattaacctg	960
tatttttagga	tatgaaattt	tagactctag	tcaatttaatt	tgtagctcc	tatttatgaa	1020
atatcaaaatt	atthtaaaatt	aaataaaaatg	ttctttttgt	caattatttt	atagaatttt	1080
ttttctacga	gaagggacag	atacattcgt	tcctggactt	tttttttttg	tttaatatatc	1140
tttaaaacat	tttactctta	tataaaaaaa	tagttgttgc	ctccaccata	tttttttaaa	1200
atthgttcat	tataattata	tccttacgca	ttccatgtgt	tcctttctta	tttttagagga	1260
tcaaacattt	tttatatgaa	aatattatag	attattaata	tttttaattt	ctaaaaccaa	1320
ttaagtttga	gcctttattc	tatatatttg	ttctatagaa	agtattatac	tttttttttt	1380
tttttacctc	caataaaca	tattttttaga	tccgccattg	tataatagtt	aaaagtccaa	1440
gaagtatttt	gaccgacatt	aaacaattta	aaaaaataat	ttgatatttt	ataaatttaa	1500
tttgatatac	taaaaaatat	attgtaatat	gtgtgactta	ataataagtt	aataataagt	1560
atgaatgatt	gatagtgtaa	atthtaattt	acaatgaatg	aaaagtgtga	agaataattc	1620
cccattttgt	acatgtaggg	agagagataa	agagaggaaa	agggattgga	ttagtcatgt	1680
aacatgacta	acatgatthc	agcataaaact	ttagtgagt	actaaaactag	gtagttcaaa	1740
tgaaccaaac	caatatctca	aagtgggtggg	agcacctcaa	ccttatttta	ttttattttt	1800
acactccata	gagttctctc	ttttctctat	atctaattaa	attatgtgtt	aattgcaaca	1860
tgtatatttt	aaacttgaaa	gatacttttt	ttaagacatt	ataaatatgg	agttctcaat	1920
aactgttttt	ctcatcaaca	agaattattt	gagttgtact	cactcttgag	tttcattatt	1980
ttctcttttt	cttcaaa					1997

Número de secuencia (ID): 82

Longitud: 1995

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1995
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcacact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacaga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtagct	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtagacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	cttccaacaa	aaacagaaat	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tgtagcaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcagac	aacagaaatt	tctgcacgct	catgggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	gggtttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggaggagg	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	cgagctgatg	1560
ggagagaaaa	aactgggaaa	ttttatattt	ttaaatattt	tttacaattt	ttttcagaac	1620
taggtaggga	tagaaaaaat	taaaaaaagt	acacaataag	agtttgtaac	agaataaaaa	1680
aaattcttta	ttggatgaga	aatatccatg	catccggtgt	acagccaatc	aattaagaac	1740
cgattccaag	ggccccattc	tgtgtttatg	accagcggag	agagaaagag	agtggaaaaag	1800
tggaaggatg	aactcgtcac	atatcatgac	taatgtgatt	tcagcacaaa	catcccgagc	1860
cctaaaggca	ttgttgagat	gagccgaatt	aagagacaat	atattagtag	tagtggggagg	1920
acctgcacgg	atgcacttga	tttattttcta	gccttttttc	attttttgtt	tttcttatag	1980
aacttgtatt	ttctc					1995

Número de secuencia (ID): 83
 Longitud: 1971
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..1971
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcacact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacaga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtagct	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtagacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcagggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260

ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgct	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agttaataaa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgggag	agaaaaaact	gggaaatttt	1560
atatttttaa	atatttttta	caaatttttt	cagaactagg	atgggataga	aataaataaa	1620
aaaagtacac	aataagagtt	gctaatagaa	taaaaaaaat	tcctttattg	atgagaaata	1680
tccatgcatc	cgggtgtacg	ccaatcaatt	aagaaccgat	tccaagggcc	ccatttctgt	1740
tttatgacca	gcgagagag	aaagagagtg	gaaaagtggg	aaggataact	cgtcacatat	1800
catgactaat	gtgatttcag	cacaaacatc	ccagacccaa	aggcaattgt	tgagatgagc	1860
cgaattaaga	gacaatatat	tagtagtagt	gggaggacct	gcacggatgc	acttgattta	1920
tttctagcct	tttttcattt	tttgtttttc	ctatagaact	tgtattttct	c	1971

Número de secuencia (ID): 84

Longitud: 1962

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1962

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaat	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgaggggt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatct	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaataatac	840
gaatgtctgc	tttaattaat	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtaacacac	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaaatac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttctctttt	1080
taccaatat	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaaaa	gaaagactat	ggctaaggga	aaatggagaa	tcacgcacgc	acaaacagaa	1260
atttgcatag	tgtgtgcaaa	caatttaagga	aggttctcta	cgcaaggcat	acaacagaaa	1320
tttctgcacg	tccatggtac	tagtagtata	ctaaagagaa	tgctaaaatg	tggtgtttca	1380
agaaacgaag	catttcctag	aatttttgcc	ttttatgctt	ttagttaaat	aataaaacgg	1440
cagaagcttg	acaacttgca	aaggggaggg	aggaccacac	cacacaggat	tacacatgat	1500
gctttttttg	acctgatcga	gctgatggga	gagaaaaaac	tgggaaattt	tatattttta	1560
aatatttttt	acaaattttt	tcagaactag	gatgggatag	aaataaataa	aaaaagtaca	1620
caataagagt	tgctaataga	ataaaaaaaa	ttctttattg	gatgagaaat	atccatgcac	1680
ccggtgtaca	gccaatcaat	taagaaccga	ttccaagggc	cccattctgt	gtttatgacc	1740
agcgagagag	gaaagagagt	ggaaaagtgg	aaaggataac	tcgtcacata	tcatgactaa	1800
tgtgatttca	gcacaaacat	cccagaccac	aaggcaattg	ttgagatgag	ccgaattaag	1860
agacaatata	ttagtagtag	tgaggaggac	tgacggatgc	cacttgattt	atttctagcc	1920
ttttttcatt	ttttgttttt	cctatagaac	ttgtattttc	tc		1962

Número de secuencia (ID): 85

Longitud: 1913

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1913

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaat	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgaggggt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaag	300

atttggttaaa	ttttatacaa	taattatTTTT	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaagaaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaattttt	aaaaatcatca	tctccatatg	ccacataaatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atatttttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccactttt	caaatacata	tataaaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcctt	900
ttttatttttc	tggaactaga	atttgtgatac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaattttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttctctttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tccttttaag	gaaagactat	ggctaaggga	aaatggagaa	tcacgcacgc	acaaacagaa	1260
atttgcataag	tggtgtcaaa	caattaagga	aggttctcta	cgcaaggcat	acaacagaaa	1320
tttctgcacg	tccatggtac	tagtagtata	ctaaagagaa	tgctaaaatg	tggtgtttca	1380
agaaacgaag	catttcttag	aatttttgcc	ttttatgctt	ttagtttaat	aataaaacgg	1440
cagaagcttg	acaacttgca	aaggggaggg	aggaccaca	cacacaggat	tacacatgat	1500
gctttttttg	acctattttt	tacaaattttt	ttcagaacta	ggatgggata	gaaataaata	1560
aaaaaagtac	acaataagag	ttgctaatag	aataaaaaaaa	attctttatt	ggatgagaaa	1620
tatccatgca	tccggtgtac	agccaatcaa	ttaagaaccg	attccaaggg	cccattctg	1680
tgtttatgac	cagcggagag	agaaagagag	tggaaaagtg	gaaaggataa	ctcgtcacat	1740
atcatgacta	atgtgatttc	agcacaaaaca	tcccagacc	aaaggcaatt	gttgagatga	1800
gccgaattaa	gagacaatat	attagtagta	gtgggaggac	ctgcacggat	gcacttgatt	1860
tatttctagc	cttttttcat	tttttgtttt	tcctatagaa	cttgtatttt	ctc	1913

Número de secuencia (ID): 86

Longitud: 1951

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1951

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaaataa	acaaaataca	60
aaaaaaaaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaatac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catataattat	ttgaaaaatt	aattgaaata	240
caatgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatTTTT	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaagaaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaattttt	aaaaatcatca	tctccatatg	ccacataaatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atatttttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccactttt	caaatacata	tataaaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcctt	900
ttttatttttc	tggaactaga	atttgtgatac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaattttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttctctttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tccttttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	gtgtgcaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgct	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgtcttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
gggggaggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	ctattttttt	1560
caaattttttt	cagaactagg	atgggataga	aataaataaa	aaaagtacac	aataagagtt	1620
gctaatagaa	taaaaaaaat	tcctttattg	atgagaaata	tccatgcatc	cgggtgtacag	1680
ccaatcaatt	aagaaccgat	tccaagggcc	ccattctgtg	tttatgacca	gcggagagag	1740
aaagagagtg	gaaaagtggg	aaggataact	cgtcacatat	catgactaat	gtgatattcag	1800
cacaaacatc	ccagacccaa	aggcaattgt	tgagatgagc	cgaattaaga	gacaatatat	1860
tagtagtagt	gggaggacct	gcacggatgc	acttgattta	tttctagcct	tttttcat	1920

tttgtttttc ctatagaact tgtattttct c 1951

Número de secuencia (ID): 87

Longitud: 1989

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1989

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaaaaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
caatgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacaga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgatgat	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtagacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaaatac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaatgttgt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttctctttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtagcaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcactag	tagtatacta	1380
aagagaatgc	taaaatgtgg	gtgttcaaga	aacgaagcat	ttcctagaat	ttttgccttt	1440
tatgctttta	gtttaataat	aaaacggcag	aagcttgaca	acttgcaaa	gggagggagg	1500
acccacacac	acaggattac	acatgatgct	ttttttgacc	tgatcgagct	tgtagggagag	1560
aaaaaactgg	gaaattttat	atttttaaat	attttttaca	aattttttca	gaactaggat	1620
gggatagaaa	taaaataaaa	aagtacacaa	taagagttgc	taatagaata	aaaaaaattc	1680
tttattggat	gagaaaatc	catgcatccg	gtgtacagcc	aatcaattaa	gaaccgattc	1740
caagggcccc	attctgtggt	tatgaccagg	ggagagagaa	agagagtggg	aaagtggaaa	1800
ggataactcg	tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	caaacatccc	agacccaaag	1860
gcaattgttg	agatgagccg	aattaagaga	caatatatta	gtagttagtg	gaggacctgc	1920
acggatgcac	ttgatttatt	tctagccttt	tttcattttt	tgtttttctt	atagaacttg	1980
tattttctc						1989

Número de secuencia (ID): 88

Longitud: 1972

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1972

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaaaaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
caatgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacaga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900

ttttattttc	tggaactaga	atgtgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tggtcaaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgaa	tgctaaaatg	1380
tgggtgttca	agaaaagag	catttcctag	aatttttgcc	ttttatgctt	ttagtttaat	1440
aataaaacgg	cagaagcttg	acaacttgca	aaggggaggg	aggaccaca	cacacaggat	1500
tacacatgat	gctttttttg	acctgatcga	gctgatggga	gagaaaaaac	tgggaaattt	1560
tatatTTTTT	aatatTTTTT	acaaatTTTT	tcagaactag	gatgggatag	aaataaataa	1620
aaaaagtaca	caataagagt	tgctaataga	ataaaaaaaa	ttctttattg	gatgagaaat	1680
atccatgcat	ccggtgtaca	gccaatcaat	taagaaccga	ttccaagggc	ccattcttgt	1740
gtttatgacc	agcggagaga	gaaagagagt	ggaaaagtgg	aaaggataac	tcgtcacata	1800
tcatgactaa	tgtagtttca	gcacaaacat	cccagaccga	aaggcaattg	ttgagatgag	1860
ccgaatttaag	agcaaatata	ttagtagtag	tgggaggacc	tgacggatg	cacttgattt	1920
atttctagcc	tttttctatt	ttttgttttt	cctatagaac	ttgtattttc	tc	1972

Número de secuencia (ID): 89

Longitud: 1989

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1989

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgaggggt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttt	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	taagtgtgaa	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	attttaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaac	caagttaaac	gaagaaagta	ggaaactaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aaaaatttt	aaaatcatca	ttcccatatg	ccacataatt	ataaattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttt	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tggtcaaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcactag	tagtatacta	1380
aagagaatgc	taaaatgtgg	gtgttcaaga	aacgaagcat	ttcctagaat	ttttgccttt	1440
tatgctttta	gttttaataat	aaaacggcag	aagcttgaca	acttgcaaag	gggaggagg	1500
acccacacac	acaggattac	acatgatgct	ttttttgacc	tgatcgagct	gatggggagag	1560
aaaaaaactgg	gaaattttat	attttttaaat	attttttaca	aattttttca	gaactaggat	1620
gggatagaaa	taataaaaaa	aagtacacaa	taagagttgc	taatagaata	aaaaaaattc	1680
tttattggat	gagaaatatc	catgcatccg	gtgtacagcc	aatcaattta	gaaccgattc	1740
caagggcccc	attctgtgtt	tatgaccagc	ggagagagaa	agagagtgga	aaagtggaaa	1800
ggataactcg	tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	caaacatccc	agacccaaag	1860
gcaattgttg	agatgagccg	aattaagaga	caatatatta	gtagtagtgg	gaggacctgc	1920
acggatgcac	ttgatttatt	tctagccttt	tttcattttt	tgtttttctt	atagaacttg	1980
tattttctc						1989

Número de secuencia (ID): 90

Longitud: 1959

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1959

> tipo_mol, ADN genómico

```

> organismo, Glycine max

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttgttaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaaat aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaat caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataattgat tggaagttta ggaagaaaaa 600
cctaaaaat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaaata gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaaattt aaaatcatca tctccataty tccacataatt aataattaag 720
tctcaaatg aaataatatt atattttcac agtgaaacga taccaacctg caatttattt 780
atgcaataaa cggctctat atccacttt caaatcataa tataaaaaaa tcaatataac 840
gaatgtctgc ttaattaatt atacgtacta attaaactat gccaccacca attagggtt 900
ttttattttc tggaaactaga atttgtgac ttttaagcac gggatgtgca tgtacacaca 960
cctcaacccc tttttctcca acaaagaat gcaaacagaa cttgaataac ataaaaattc 1020
acatgcagag atgaagagg ggaacttgg ctgcatctaa tcttgataaa gaagggtcac cttcctcttt 1080
taccaatatt ggaacttgg ctgcatctaa tcttgataaa tttattctga aatgacctct 1140
taggcactca aacgcttata ctccataggc gtgtctagcc ttgagaattt gtggtggagt 1200
tcctttaatt atgccctct catcaggaat cttccaacaa aattaaaaga aagactattg 1260
ctaagggaag atggagaatc acgcacgcac aaacagaaat ttgcatagt gtgcaaaa 1320
attaaggaag gttctctacg caatatacta aagagaatgc taaaatgtgg gtgttcaaga 1380
aacgaagcat ttcctagaat tttgccttt tatgctttta gtttaataat aaaacggcag 1440
aagcttgaca acttgcaaa gggaggagg gatgggagag aaccacacac acaggattac acatgatgct 1500
tttttgacc tgatcgagct gaactaggat aaaaactgg gggatagaaa atttttaatt 1560
attttttaca atttttttc gaactaggat gggatagaaa ttaattggat taaataaaaa aagtacacaa 1620
taagagttgc taatagaata aaaaaaattc tttattggat gagaaatatc catgcatccg 1680
gtgtacagcc aatcaattaa gaaccgattc caagggcccc attctgtgtt tatgaccagc 1740
ggagagagaa agagagtgg aagtggaag ggataactcg tgacatatca tgaactatgt 1800
gatttcagca caaacatccc agacccaaag gcaattgttg agatgagccg aattaagaga 1860
caatatatta gtagtagtg gaggacctgc acggatgcac ttgatttatt tctagccttt 1920
tttcattttt tgtttttct atagaacttg tattttctc 1959

```

```

Número de secuencia (ID): 91
Longitud: 1765
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:
- fuente, 1..1765
  > tipo_mol, ADN genómico
  > organismo, Glycine max

```

```

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttgttaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaaat aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaat caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataattgat tggaagttta ggaagaaaaa 600
cctaaaaat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaaata gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaaattt aaaatcatca tctccataty tccacataatt aataattaag 720
tctcaaatg aaataatatt atattttcac agtgaaacga taccaacctg caatttattt 780
atgcaataaa cggctctat atccacttt caaatcataa tataaaaaaa tcaatataac 840
gaatgtctgc ttaattaatt atacgtacta attaaactat gccaccacca attagggtt 900
ttttattttc tggaaactaga atttgtgac ttttaagcac gggatgtgca tgtacacaca 960
cctcaacccc tttttctcca acaaagaat gcaaacagaa cttgaataac ataaaaattc 1020
acatgcagag atgaagagg ggaacttgg ctgcatctaa tcttgataaa gaagggtcac cttcctcttt 1080
taccaatatt ggaacttgg ctgcatctaa tcttgataaa tttattctga aatgacctct 1140
taggcactca aacgcttata ctccataggc gtgtctagcc ttgagaattt gtggtggagt 1200
tcctttaatt atgccctctg cttttagttt cgccagaagc gggcagaagc ttgacactgt 1260
gcaaagggga gggaggacc acacacacag gattacacat ttatatattt tttaacattt 1380
cgagctgat ggagagaaaa aactgggaaa ttttaatttt ttaaatattt aattgactat 1440
ttttcagaac taggatggga tagaaataaa taaaaaaagt acacaataag agttgctaatt 1440

```

agaataaaaa	aaattcttta	ttggatgaga	aatatccatg	catccggtgt	acagccaatc	1500
aattaagaac	cgattccaag	ggccccattc	tgtgtttatg	accagcggag	agagaaagag	1560
agtggaaaag	tggaagggat	aactcgtcac	atatcatgac	taatgtgatt	tcagcacaaa	1620
catcccagac	ccaaaggcaa	ttgttgagat	gagccgaatt	aagagacaat	atattagtag	1680
tagtgaggag	acctgcacgg	atgcacttga	tttattttcta	gccttttttc	atttttttgtt	1740
tttcctatag	aacttgtatt	ttctc				1765

Número de secuencia (ID): 92

Longitud: 1980

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1980

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaaa	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatact	aacttttaac	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgcaatctt	ccaacaaaat	taaaagaaag	actatggcta	agggaaaaatg	1260
gagaatcacg	cacgcacaaa	cagaaatttg	catagtgtgt	gcaaacaatt	aagggaaggtt	1320
ctctacgcaa	ggcatacaac	agaaatttct	gcacgtacta	gtagtatact	aaagagaatg	1380
ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	tttttgcttt	ttatgctttt	1440
agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	ggggaggagg	gaccacacaca	1500
cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	ctgatcgagc	tgatgggaga	gaaaaaactg	1560
ggaaatttta	tattttttaa	tattttttac	aaattttttc	agaactagga	tgggatagaa	1620
ataaaataaa	aaagtaacaa	ataagagtgt	ctaatagaat	aaaaaaaatt	ctttattgga	1680
tgagaaatat	ccatgcatcc	ggtgtacagc	caatcaatta	agaaccgatt	ccaagggccc	1740
catttctgtg	ttatgaccag	cggagagaga	aagagagtgg	aaaagtggaa	aggataactc	1800
gtcacataac	atgactaatg	tgatttcagc	acaaacatcc	cagaccctaa	ggcaatttgt	1860
gagatgagcc	agaattaagag	acaatatatt	agtagtagtg	ggaggacctg	caggaattgca	1920
cttgattttat	ttctagcctt	ttttcatttt	ttgttttttc	tatagaactt	gtattttctc	1980

Número de secuencia (ID): 93

Longitud: 1663

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1663

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaaa	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatact	aacttttaac	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660

gtttcagacc	aacaaatfff	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tccttttaatt	atgccctctg	agctgatggg	agagaaaaaa	ctgggaaatt	ttatattttt	1260
aaatatffff	tacaaatfff	ttcagaacta	ggatgggata	gaaataaata	aaaaaagtac	1320
acaataagag	ttgctaatag	aataaaaaaa	attctttatt	ggatgagaaa	tatccatgca	1380
tccggtgtac	agccaatcaa	ttaagaaccg	attccaaggg	ccccattctg	tgtttatgac	1440
cagcggagag	agaaaagag	tgaaaaagtg	gaaaggataa	ctcgtcacat	ctcatgacta	1500
atgtgatttc	agcacaacaa	tcccagaccc	aaaggcaatt	gttgagatga	gccgaattaa	1560
gagacaatat	attagtagta	gtgggaggac	ctgcacggat	gcacttgatt	tatttctagc	1620
cttttttcat	tttttgtttt	tcctatagaa	cttgtatttt	ctc		1663

Número de secuencia (ID): 94

Longitud: 1839

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1839

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	atatttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttt	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatactc	aacttttaatt	caagtttaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatfff	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tccttttaatt	atgccactag	tagtataact	aagagaatgc	taaaaatgtg	gtgttcaaga	1260
aacgaagcat	ttcctagaat	ttttgccttt	tatgctttta	gtttaataat	aaaacggcag	1320
aagcttgaca	acttgcaaa	gggaggagg	acccacacac	acaggattac	acatgatgct	1380
ttttttgacc	tgatcgagct	gatgggagag	aaaaaactgg	gaaattttat	atttttaatt	1440
attttttaca	aattttttca	gaactaggat	gggatagaaa	taaaataaaa	aagtacacaa	1500
taagagttgc	taatagaata	aaaaaaattc	tttattggat	gagaaatata	catgcatccg	1560
gtgtacagcc	aatcaattaa	gaaccgattc	caagggcccc	attctgtgtt	tatgaccagc	1620
ggagagagaa	agagagtgg	aaagtggaaa	ggataactcg	tcacatatca	tgactaatgt	1680
gatttcagca	caaacatccc	agaccacaa	gcaattgttg	agatgagccg	aattaagaga	1740
caatatatta	gtagtagtgg	gaggacctgc	acggatgcac	ttgatttatt	tctagccttt	1800
tttcattttt	tgtttttctt	atagaacttg	tattttctc			1839

Número de secuencia (ID): 95

Longitud: 1983

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1983

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	atatttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120

atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaaata	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcactat	acttaagaga	1380
atgctaaaat	gtgggtgttc	aagaaacgaa	gcattttccta	gaatttttgc	cttttatgct	1440
tttagtttaa	taataaaacg	gcagaagctt	gacaacttgc	aaaggggagg	gaggaccac	1500
acacacagga	ttacacatga	tgcttttttt	gacctgatcg	agctgatggg	agagaaaaaa	1560
ctgggaaatt	ttatatattt	aaatatattt	tacaaatttt	ttcagaacta	ggatgggata	1620
gaaataaata	aaaaaagtac	acaataagag	ttgctaatag	aataaaaaaa	attctttatt	1680
ggatgagaaa	tatccatgca	tccggtgtac	agccaatcaa	ttaagaaccg	attccaaggg	1740
ccccattctg	tgtttatgac	cagcggagag	agaaagagag	tggaagagtg	gaaaggataa	1800
ctcgtcacat	atcatgacta	atgtgatttc	agcacaacaa	tcccagaccc	aaaggcaatt	1860
gttgagatga	gccgaattaa	gagacaatat	attagtagta	gtgggaggac	ctgcacggat	1920
gcacttgatt	tatttctagc	cttttttcat	tttttgtttt	tcctatagaa	cttgtatttt	1980
ctc						1983

Número de secuencia (ID): 96

Longitud: 1717

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1717

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaataa	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaaata	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcaaaaa	gtacacacaa	1380
agagtgtgcta	ataagaataa	aaaaattcct	tattggatga	gaaatatcca	tgcatccggg	1440
gtacagccaa	tcaattaaga	accgattcca	agggcccat	tctgtgttta	tgaccagcgg	1500
agagagaaaag	agagtggaaa	agtggaaagg	ataactcgtc	acatatcatg	actaatgtga	1560
tttcagcaca	aacatccag	acccaaaggc	aattgttgag	atgagccgaa	ttaagagaca	1620

atatattagt	agtagtggga	ggacctgcac	ggatgcactt	gattttatttc	tagccttttt	1680
tcattttttg	tttttcctat	agaacttgta	ttttctc			1717

Número de secuencia (ID): 97

Longitud: 1880

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1880

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaac	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaac	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaagggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatat	aacagaaatt	tctgcacgct	cacttgcaaa	1380
ggggagggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	ctgatcgagc	1440
tgatgggaga	gaaaaaactg	ggaaatttta	tattttttac	tattttttac	aaattttttc	1500
agaactagga	tgggatagaa	ataaataaaa	aaagtacaca	ataagagttg	ctaatagaat	1560
aaaaaaaaatt	ctttattgga	tgagaaatat	ccatgcattc	gggtgtacagc	caatcaatta	1620
agaacggatt	ccaaggcccc	cattctgtgt	ttatgaccag	cggagagaga	aagagagttg	1680
aaaagtggaa	aggataactc	gtcacatatc	atgactaatg	tgatttcagc	acaaacatcc	1740
cagacccaaa	ggcaattggt	gagatgagcc	gaattaagag	acaatatatt	agtagtagtg	1800
ggaggacctg	cacggatgca	cttgatttat	ttctagcctt	ttttcatttt	ttgttttttc	1860
tatagaactt	gtattttctc					1880

Número de secuencia (ID): 98

Longitud: 1918

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1918

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaac	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaac	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960

cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgta	ctagtagtat	1380
actaaagaga	atgctaaaat	gtgggtgttc	aagaaacgaa	gcatttccta	gaatttttgc	1440
cttttatgct	tttagtttaa	taataaaacg	gcagaagcct	gacaacttgc	aaaggggagg	1500
gaggaccac	acacacagga	ttacacatga	tgcttttcag	aactaggatg	ggatagaaat	1560
aaataaaaaa	agtacacaat	aagagttgct	aatagaataa	aaaaaattct	ttattggatg	1620
agaaatatcc	atgcatccgg	tgtacagcca	atcaattaag	aaccgattcc	aagggcccca	1680
ttctgtgttt	atgaccagcg	gagagagaaa	gagagtggaa	aagtggaaag	gataactcgt	1740
cacatatcat	catcaatgtg	atttcagcac	aaacatccca	gacccaaagg	caattgttga	1800
gatgagccga	attaagagac	aatatattag	tagtagtggt	aggacctgca	cggatgcact	1860
tgattttatt	ctagcctttt	ttcatttttt	gtttttccta	tagaacttgt	attttctc	1918

Número de secuencia (ID): 99

Longitud: 1940

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1940

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaaaaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgaggggt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacaatt	ttggtacata	taaaattttt	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggactaaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacgca	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctata	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	tttaattaatt	atacgactta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgatgat	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtaacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcatact	agtagtatac	1380
taaagagaat	gctaaaaatg	gggtgttcaa	gaaacgaagc	atttcctaga	atttttgcct	1440
tttatgcttt	tagttttaata	ataaaacggc	agaagcttga	caacttgcaa	agggggagga	1500
ggaccacac	acacaggatt	acacatgatg	ctttttttga	catttttttc	aaattttttc	1560
agaactagga	tgggatagaa	ataaataaaa	aaagtacaca	ataagagttg	ctaatagaat	1620
aaaaaaaaatt	ctttatttga	tgagaaatat	ccatgcatcc	ggtgtacagc	caatcaatta	1680
agaaccgatt	ccaagggcc	cattctgtgt	ttatgaccag	cggagagaga	aagagagtgg	1740
aaaagtggaa	aggataactc	gtcacatatc	atgactaatg	tgatttcagc	acaaacatcc	1800
cagacccaaa	ggcaattgtt	gagatgagcc	gaattaagag	acaatatatt	agtagtagtg	1860
ggaggacctg	cacggatgca	cttgatttat	ttctagcctt	ttttcatttt	ttgttttttc	1920
tatagaactt	gtattttctc					1940

Número de secuencia (ID): 100

Longitud: 1993

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1993

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
------------	------------	------------	------------	------------	------------	----

aaaaaaacaa	aatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaa	atacatgact	tttagaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atccgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgatgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaatgggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tggtgcaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	ctagtagtat	1380
actaaagaga	atgctaaaat	gtgggtgttc	aagaaacgaa	gcattttccta	gaatttttgc	1440
cttttatgct	tttagtttaa	taataaaacg	gcagaagctt	gacaacttgc	aaaggggagg	1500
gaggaccac	acacacagga	ttacacatga	tgcttttttt	gacctgatcg	agctgtatgg	1560
agagaaaaaa	ctgggaaatt	ttatatatttt	aaatatatttt	tacaaaatttt	ttcagaacta	1620
ggatgggata	gaaataaata	aaaaaagtac	acaataagag	ttgtctaata	aataaaaaaa	1680
attctttatt	ggatgagaaa	tatccatgca	tccggtgtac	agccaatcaa	ttagaaccg	1740
attccaaggg	ccccattctg	tgtttatgac	cagcggagag	agaaagagag	tggaaagtg	1800
gaaaggataa	ctcgtcacat	atcatgacta	atgtgatattc	agcacaaaca	tcccagaccc	1860
aaaggcaatt	gttgagatga	gccgaattaa	gagacaatat	attagtagta	gtgggaggag	1920
ctgcacggat	gcacttgatt	tatttctagc	cttttttcat	tttttgtttt	tcctatagaa	1980
cttgatatttt	ctc					1993

Número de secuencia (ID): 101

Longitud: 1814

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1814

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaa	atacatgact	tttagaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atccgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgatgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaatgggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tggtgcaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacatc	gagctgtatg	1380
gagagaaaaa	actgggaaat	tttatatttt	taaatatttt	ttacaaaattt	ttcagaact	1440
aggatgggat	agaaataaat	aaaaaaagta	cacaataaga	gttgctaata	gaataaaaaa	1500
aattctttat	tgatgagaa	atatccatgc	atccggtgta	cagccaatca	attaagaacc	1560

gattccaagg	gccccattct	gtgtttatga	ccagcggaga	gagaaagaga	gtggaaaagt	1620
ggaaaggata	actcgtcaca	tatcatgact	aatgtgattt	cagcacaac	atcccagacc	1680
caaaggcaat	tgttgagatg	agccgaatta	agagacaata	tattagtagt	agtgggagga	1740
cctgcacgga	tgacttgat	ttatttctag	ccttttttca	ttttttgttt	ttcctataga	1800
acttgtattt	tctc					1814

Número de secuencia (ID): 102

Longitud: 1984

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1984

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagtttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaaaaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatag	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	tttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtagacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttctctttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaat	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	ttgtcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctggtagta	tactaaagag	1380
aatgctaaaa	tgtgggtggt	caagaaacga	agcatttcct	agaatttttg	ccttttatgc	1440
ttttagttaa	ataataaaac	ggcagaagct	tgacaacttg	caaaggggag	ggaggaccac	1500
cacacacagg	attacacatg	atgctttttt	tgacctgata	gagctgatgg	gagagaaaaa	1560
actgggaaat	tttatatttt	taaatatttt	ttacaaattt	tttcagaact	aggatgggat	1620
agaaataaat	aaaaaaagta	cacaataaga	gttgctaata	gaataaaaaa	aattccttat	1680
tggaatgaga	atatccatgc	atccggtgta	cagccaatca	attaagaacc	acttccaagg	1740
gccccattct	gtgtttatga	ccagcggaga	gagaaagaga	gtggaaaagt	ggaagggata	1800
actcgtcaca	tatcatgact	aatgtgattt	cagcacaac	atcccagacc	caaaggcaat	1860
tgttgagatg	agccgaatta	agagacaata	tattagtagt	agtgggagga	cctgcacgga	1920
tgacttgat	ttatttctag	ccttttttca	ttttttgttt	ttcctataga	acttgtattt	1980
tctc						1984

Número de secuencia (ID): 103

Longitud: 1941

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1941

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagtttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaaaaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660

gtttcagacc	aacaaatfff	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctggtagta	tactaaagag	1380
aatgctaaaa	tgtgggtgtt	caagaaacga	agcattttct	agaatttttg	ccttttatgc	1440
ttttatgtta	ataataaaa	ggcagaagct	tgacaacttg	caaaggggag	ggaggaccca	1500
cacacacagg	attacacatg	atgctttttt	tgacctttta	atatttttta	caaaattttt	1560
cagaactagg	atgggataga	aataaataaa	aaaagtacac	aataagagtt	gctaataaga	1620
taaaaaaaat	tcctttatgg	atgagaaata	tccatgcata	cggtgtacag	ccaatcaatt	1680
aagaaccgat	tccaagggcc	ccattctgtg	tttatgacca	gcggagagag	aaagagagtg	1740
gaaaagtgg	aaggataact	cgtcacatat	catgactaat	gtgatttcag	cacaaacatc	1800
ccagacccaa	aggcaattgt	tgagatgagc	cgaattaaga	gacaatatat	tagtagtagt	1860
gggaggacct	gcacggatgc	actgatttta	tttctagcct	tttttcattt	tttgtttttc	1920
ctatagaact	tgtattttct	c				1941

Número de secuencia (ID): 104

Longitud: 1859

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1859

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaata	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaaatt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	gttttaatac	taaaacatca	tattagtgaaa	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaataacatt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaaattt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcaacta	gtagtatact	1380
aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	tttttgcttt	1440
ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	ggggagggag	1500
gacccacaca	cacaggatta	catatgatgc	tttttttgac	caaaaaattc	tttattggat	1560
gagaaatata	catgcatccg	gtgtacagcc	aatcaattaa	gaaccgattc	caagggcccc	1620
attctgtgtt	tatgaccagc	ggagagagaa	agagagtggg	aaagtggaaa	ggataactcg	1680
tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	caaacatccc	agaccctaaag	gcaattgttg	1740
agatgagccg	aattaagaga	caatatatta	gtagtagtgg	gaggacctgc	acggatgcac	1800
ttgattttatt	tctagccttt	tttcattttt	tgtttttcct	atagaacttg	tattttctc	1859

Número de secuencia (ID): 105

Longitud: 1990

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1990

```

> tipo_mol, ADN genómico
> organismo, Glycine max

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaaaaa aaatcaaatc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatattat ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaaa 300
atttgttaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaatt aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcactact aacttttaac caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataattgat tggaagtta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaataa gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaaatcatca tctccatag agtgaaacga ccacataatt aataattaag 720
tctcaaatg atataatatt atattttcac agtgaaacga taccacactg caattttatt 780
atgcaataaa cggctctatat attccacttt caaatcataa tataaaaaaa tcaatataac 840
gaatgtctgc ttaattaatt atacgtacta attaaactat gccaccacca attagggtct 900
ttttattttc tggaaactaga atttggtgac ttttaagcac gggatgtgca tgtcacacaca 960
cctcaacccc tttttctcca acaaagaat gcaaacagaa cttgaataac ataaaatttc 1020
acatgcagag atgaagaggg caaatgggt tcttgataaa gaaggtccac cttctctttt 1080
taccaatatt ggaacttggg ctgcatctaa gagttaagtt tttattctga aatgacctct 1140
taggcactca aacgcttata ctccataggg gtgtctagcc ttgagaattt gtggtggagt 1200
tcctttaatt atgcccctct catcaggaat ctccaacaa aattaaaaga aagactatgg 1260
ctaagggaaa ctgagaaatc acgcacgcac aaacagaaat ttgcatagtg tgtgcaaaaa 1320
attaaggaag gttctctacg caaggcatac aacagaaatt tctgcaacta gtagtatact 1380
aaagagaatg ctaaaatgtg ggtgttcaag aaacgaagca tttcctagaa tttttgcctt 1440
ttatgctttt agtttaataa taaaacggca gaagcttgac aacttgcaaa tttttgcctt 1500
gaccacacac cacaggatta cacatgatgc ttttttgac ctgatcgagc tggaggggag 1560
gaaaaaactg ggaaatttta tatttttaaa tttttttac ctgatcgagc agaactagga 1620
tgggatagaa ataaataaaa aaagtacaca ataagagttg ctaatagaat aaaaaaattt 1680
ctttatttga ttgagaaatat ccatgcatcc ggtgtacagc caatcaatta agaacccgatt 1740
ccaagggccc cattctgtgt ttatgaccag cggagagaga aagagagtgg aaaagtggaa 1800
aggataactc gtcacatatc atgactaatg tgatttcagc acaaacatcc cagacccaaa 1860
ggcaattggt gagatgagcc gaattaagag acaatatatt agtagtagtg ggaggacctg 1920
cacggatgca cttgatttat ttctagcctt ttttcatttt ttgtttttcc tatagaactt 1980
gtattttctc                                     1990

```

Número de secuencia (ID): 106
Longitud: 1432
Tipo de molécula: ADN
Localización de las características/Calificadores:

```

- fuente, 1..1432
  > tipo_mol, ADN genómico
  > organismo, Glycine max

```

```

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaaaaa aaatcaaatc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatattat ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt tttatactgt tgtttaatca taaaacatca tatagtgaaa 300
atttgttaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaatt aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcactact aacttttaac caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataattgat tggaagtta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaataa gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaaatcatca tctccatag agtgaaacga ccacataatt aataattaag 720
tctcaaatg atataatatt atattttcac agtgaaacga taccacactg caattttatt 780
atgcaataaa cggctctatat attccacttt caaatcataa tataaaaaaa tcaatataac 840
gaatgtctgc ttaattaatt atacgtacta attaaactat gccaccacca attagggtct 900
ttttattttc tggaaactaga atttggtgac ttttaagcac gggatgtgca tgtaaaagaga 960
atgctaaaat gtgggtgttc aagaacgaa gcatttccta gaatttttgc cttttatgct 1020
tttagtttaa taataaaacg gcagaagctt gacaacttgc aaaggggagg gaggaccac 1080
acacacagga ttacacatga tgcttttttt gaccaaaaaa ttctttattg gatgagaaat 1140
atccatgcat ccggtgtaca gccaatcaat taagaaccga ttccaagggc cccattctgt 1200
gtttatgacc agcggagaga gaaagagagt ggaaaagtgg aagggataac tcgtcacata 1260
tcatgactaa tgtgatttca gcacaaacat cccagaccga aaggcaattg ttgagatgag 1320

```

ccgaattaag	agacaatata	ttagtagtag	tgggaggacc	tgcacggatg	cacttgattt	1380
atttctagcc	tttttccatt	ttttgttttt	cctatagaac	ttgtattttc	tc	1432

Número de secuencia (ID): 107

Longitud: 1974

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1974

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatagt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtcacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaagggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	1440
tttttgcctt	ttatgtcttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgg	gagagaaaaa	actgggaaat	1560
tttatatttt	taaatatttt	ttacaatttt	tttcagaact	aggatgggat	agaaataaat	1620
aaaaaaagta	cacaataaga	gttgctaata	gaataaaaaa	aattctttat	tggatgagaa	1680
atatccatgc	atccgggtga	cagccaatca	attaagaacc	gattccaagg	gccccattct	1740
gtgtttatga	ccagcggaga	gagaagagaga	gtggaaaagt	ggaaaggata	actcgtcaca	1800
tatcatgact	aatgtgattt	cagcacaac	atcccagacc	caaaggcaat	tgttgagatg	1860
agccgaatta	agagacaata	tattagtagt	agtgggagga	cctgcacgga	tcacttgat	1920
ttattttctag	ccttttttca	ttttttgttt	ttcctataga	acttgtattt	tctc	1974

Número de secuencia (ID): 108

Longitud: 1889

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1889

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatagt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900

ttttattttc	tggaactaga	atgtgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaagggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	ttgtgcaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	cacaggatta	cacataaaaa	aagtacacaa	taagagttgc	1560
taatagaata	aaaaaaattc	tttattggat	gagaaatata	catgcatccg	gtgtacagcc	1620
aatcaattaa	gaaccgattc	caagggcccc	attctgtgtt	tatgaccagc	ggagagagaa	1680
agagagtggg	aaagtggaaa	ggataactcg	tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	1740
caaacatccc	agacccaaag	gcaattgttg	agatgagccg	aattaagaga	caatatatta	1800
gtagtagtgg	gaggacctgc	acggatgcac	ttgattttat	tctagccttt	tttcattttt	1860
tgtttttcct	atagaacttg	tattttctc				1889

Número de secuencia (ID): 109

Longitud: 1337

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1337

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
attttgttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatata	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataatttaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacaga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
tttttttttc	tggaactaga	atgtgtgac	ttttaaatat	tttttacaaa	ttttttcaga	960
actaggatgg	gataagaata	aataaaaaaa	gtacacaata	agagttgcta	atagaataaa	1020
aaaaattctt	tattggatga	gaaatatcca	tgcatccggt	gtacagccaa	tcaattaaga	1080
accgattcca	agggcccat	tctgtgttta	tgaccagcgg	agagagaaag	agagtggaaa	1140
agtggaaagg	ataactcgtc	acatatcatg	actaatgtga	tttcagcaca	aacatcccag	1200
acccaaaggc	aatgtgtgag	atgagccgaa	ttagagagaca	atatattagt	agtagtggga	1260
ggacctgcac	ggatgcactt	gatttatttc	tagccttttt	tcattttttg	tttttcctat	1320
agaacttgta	ttttctc					1337

Número de secuencia (ID): 110

Longitud: 1902

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1902

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
attttgttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatata	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600

cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	acaaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	catgggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agttaataaa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	aaaaagtaca	1560
caataagagt	tgctaataga	ataaaaaaaa	ttctttattg	gatgagaat	atccatgcac	1620
ccggtgtaca	gccaatcaat	taagaaccga	ttccaagggc	ccattctgt	gtttatgacc	1680
agcggagaga	gaaagagagt	ggaaaagtgg	aaaggataac	tcgctacata	tcatgactaa	1740
tgtgatttca	gcacaaacat	ccgagaccca	aaggcaattg	ttgagatgag	ccgaattaag	1800
agacataata	ttagtagtag	tgggaggacc	tgcacggatg	cacttgattt	atttctagcc	1860
ttttttcatt	ttttgttttt	cctatagaac	ttgtattttc	tc		1902

Número de secuencia (ID): 111

Longitud: 1966

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1966

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	gttttaatac	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgtaaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	acaaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggg	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	catgggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agttaataaa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	cacagctgat	gggagagaaa	aaactgggaa	attttatatt	1560
tttaaatatt	ttttacaaat	tttttcagaa	ctaggatggg	atagaaataa	ataaaaaaag	1620
tacacaataa	gagttgctaa	tagaataaaa	aaaattcttt	attggatgag	aaatatccat	1680
gcatccggtg	tacagccaat	caattaagaa	ccgattccaa	gggccccatt	ctgtgtttat	1740
gaccagcgga	gagagaaaga	gagtggaaaa	gtggaaagga	taactcgtca	catatcatga	1800
ctaagtgtat	ttcagcacia	acatcccaga	cccaaaggca	attgttgaga	tgaagccgaat	1860
taagagacaa	tatattagta	gtagtgggag	gacctgcacg	gatgcacttg	atttatttct	1920
agcctttttt	cattttttgt	ttttcctata	gaacttgtat	tttctc		1966

Número de secuencia (ID): 112

Longitud: 1921

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1921
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatag	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggtct	900
ttttattttc	ttgaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccatagcc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcttttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaa	1320
atgaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	actggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	gggtgtcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggaggagg	gaccacaca	cacaggatta	caaatTTTTT	cagaactagg	atgggataga	1560
aaataaataa	aaaagtaaac	aataagagtt	gctaatagaa	taaaaaaaat	cttttattgg	1620
atgagaaata	tccatgcatc	cgggtgtacg	ccaatcaatt	aagaaccgat	tccaagggcc	1680
ccattctgtg	tttatgacca	gcggagagag	aaagagagtg	gaaaagtggg	aaggataaact	1740
cgctacatat	catgactaat	gtgatttcag	cacaaacatc	ccagacccaa	aggcaatttg	1800
tgagatgagc	cgaatttaaga	gacaatatat	tagtagtagt	gggaggacct	gcacggatgc	1860
acttgattta	tttctagcct	tttttcattt	tttgTTTTTc	ctatagaact	tgtattttct	1920
c						1921

Número de secuencia (ID): 113

Longitud: 1939

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1939
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatag	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggtct	900
ttttattttc	ttgaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccatagcc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcttttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260

ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agttaataaa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttaca	aattttttca	1560
gaactaggat	gggatagaaa	taaaataaaa	aagtacacaa	taagagtgtc	taatagaata	1620
aaaaaaattc	tttattggat	gagaaatata	catgcatccg	gtgtacagcc	aatcaattaa	1680
gaaccgattc	caagggcccc	attctgtgtt	tatgaccagc	ggagagagaa	agagagtggg	1740
aaagtggaaa	ggataactcg	tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	caaacatccc	1800
agacccaaag	gcaattgttg	agatgagccg	aattaagaga	caatatatta	gtagtgtggg	1860
gaggacctgc	acggatgcac	ttgattttatt	tctagccttt	tttcattttt	tgtttttcct	1920
atagaacttg	tattttctc					1939

Número de secuencia (ID): 114

Longitud: 1619

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1619

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aatttttctt	ttatgttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatgt	aaataatatt	atattttcac	agtgaaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaataatac	840
gaatgtctgc	ttaatataat	atacgtacta	atataactat	gccaccacca	ataggggctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaaatac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttctctttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgttttaaa	attttttaca	aattttttca	gaactaggat	gggatatagaa	1260
taaaataaaa	aagtacacaa	taagagtgtg	taatagaata	aaaaaaattc	tttattggat	1320
gagaaatatc	catgcatccg	gtgtacagcc	aatcaattaa	gaaccgattc	caagggcccc	1380
attctgtgtt	tatgaccagc	ggagagagaa	agagagtggg	aaagtggaaa	ggataactcg	1440
tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	caaacatccc	agacccaaag	gcaattgttg	1500
agatgagccg	caattaagaga	caatatatta	gtagtgtggg	gaggacctgc	atagaacttg	1560
ttgattttatt	tctagccttt	tttcattttt	tgtttttcct		tattttctc	1619

Número de secuencia (ID): 115

Longitud: 1813

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1813

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aatttttctt	ttatgttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttataaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660

gtttcagacc	aacaaatfff	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttatfff	tggaaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatffc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcactcg	agctgatggg	1380
agagaaaaaa	ctgggaaatt	ttatatffff	aaatatffff	tacaaaatfff	ttcagaacta	1440
ggatgggata	gaaataaata	aaaaaagtac	acaataagag	ttgctaatag	ataaaaaaaa	1500
attctttatt	ggatgagaaa	tatccatgca	tccggtgtac	agccaatcaa	ttagaacccg	1560
attccaaggg	ccccattctg	tgtttatgac	cagcggagag	agaaagagag	tggaaaaagt	1620
gaaaggataa	ctcgtcacat	atcatgacta	atgtgatttc	agcacaacaa	tcccagaccc	1680
aaaggcaatt	gttgagatga	gccgaattaa	gagacaatat	attagtagta	gtgggaggac	1740
ctgcacggat	gcacttgatt	tatttctagc	cttttttcat	tttttgtttt	tcctatagaa	1800
cttgtatfff	ctc					1813

Número de secuencia (ID): 116

Longitud: 1886

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1886

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatfff	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaaaaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaaa	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgaggggt	aatttaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaaacatca	tatagtgaata	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatfff	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacaatf	ttggtacata	taaaatfff	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcactact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatat	tggaagtta	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatfff	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttatfff	tggaaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatffc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacggc	agaagcttga	1380
caacttgcaa	aggggagggg	ggacccacac	acacaggatt	acacatgatg	ctttttttga	1440
tcgagctgat	gggagagaaa	aaactgggaa	attttatatt	tttaaatatt	ttttacaaat	1500
tttttcagaa	ctaggatggg	atagaaataa	ataaaaaaag	tacacaataa	gagttgctaa	1560
tagaataaaa	aaaattcttt	attggatgag	aaatatccat	gcatccgggtg	tacagccaat	1620
caattaagaa	ccgattccaa	gggccccatt	ctgtgtttat	gaccagcgga	gagagaaaga	1680
gagtggaaaa	gtggaaaagg	taactcgtca	catatcatga	ctaattgtgat	ttcagcacia	1740
acatcccaga	cccaaaggca	attgttgaga	tgagccgaat	taagagacaa	tatatagtag	1800
gtagtgagg	gacctgcacg	gatgcacttg	atttatttct	agcctttttt	cattttttgt	1860
ttttcctata	gaacttgtat	ttttctc				1886

Número de secuencia (ID): 117

Longitud: 733

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..733

> tipo_mol, ADN genómico

```

> organismo, Glycine max

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt ttatactgtg tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttggtaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaaat aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaac caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataatgatat tggaagttta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaaata gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaatcatca tctccatagt ccacataatt aataattaag 720
tctcaaatgg aaa                                     733

```

Número de secuencia (ID): 118

Longitud: 1810

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1810

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

```

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240
cactgataat ataaggattt ttatactgtg tgtttaatca taaaacatca tatagtgaag 300
atttggtaaa ttttatacaa taattatttt aaaaaattat cttaaaaaat tactttaaaa 360
aaatacattt ttggtacata taaaatttat actaacagta tataaaaaat aagctaaata 420
taaaaagtat atttaaaaaa attatgttgt atataatacc aatatgacca acgaatattc 480
catgcttaat cggcatcact aacttttaac caagttaaac gaagaaagta ggaactaaaa 540
gataaacatg agcaacttag cattttaatt ataatgatat tggaagttta ggaagaaaaa 600
cctaaaatat ccaaatttag aaatatgaat atcaacttat accaaaaata gcaactaaca 660
gtttcagacc aacaaatttt aaaatcatca tctccatagt ccacataatt aataattaag 720
tctcaaatgg aaataatatt atattttcac agtgaaacga taccaacctg caatttattt 780
atgcaataaa cggctctatat attccacttt caaatcataa tataaaaaaa tcaatataac 840
gaatgtctgc ttaatttaatt atacgtacta atttaagcac gccaccacca attagggtct 900
ttttattttc tggaaactaga atttgtgac ttttaagcac gggatgtgca tgtacacaca 960
cctcaacccc tttttctcca acaaagaat gcaaacagaa cttgaataac ataaaaattc 1020
acatgcagag atgaagaggg caaaatgggt tcttgataaa gaaggtccac cttcctcttt 1080
taccatattt ggaacttggg ctgcatctaa gagttaagtt tttattctga aatgacctct 1140
taggcactca aacgcttata ctccataggc gtgtctagcc ttgagaattt gtggtggagt 1200
tcctttaatt atgcccctct catcaggaat ctccaacaa aattaaaaga aagactatgg 1260
ctaagggaag atggagaatc acgcacgcac aaacagaaat ttgcatagtg tgtgcaaaaa 1320
attaaggaag gttctctacg caagcagata aacagaaatt tctgcacgtc tgatgggaga 1380
gaaaaaactg ggaaatttta tattttttaa tattttttac aaattttttc agaactagga 1440
tggttagtag ctttatttga ataaataaaa aaagtacaca ataagagtgt ctaatagaat aaaaaaatt 1500
ccaagggccc cattctgtgt ttatgaccag ggtgtacagc caatcaatta agaaccgatt 1560
aggataactc gtcacataatc atgactaatg cggagagaga aagagagtgg aaaagtggaa 1620
ggcaattgtt gagatgagcc gaattaagag tgatttcagc acaaacatcc cagaccctaa 1680
cacggatgca cttgatttat ttctagcctt ttttcatttt ttgtttttcc ggaggacctg 1740
gtattttctc                                     1810

```

Número de secuencia (ID): 119

Longitud: 1993

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1993

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

```

Residuos:
attgaatttt ttaagaaaca attttaaatt atatatgttat acataaataa acaaaataca 60
aaaaaaacaa aaatcaaadc atgtgaagat tttcaaaaaa atacatgact tttagaaaaa 120
atcacaaaac ttgcatgtat gagagaaaga gacgagggtt aattaattta acttcttcaa 180
aattttcttt ttattttttc tgtatgtatg catatatatt ttgaaaattt aattgaaata 240

```

cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtga	300
atttgtaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgctta	cggcatcact	aactttta	caagttaa	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgat	tggaagtta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatga	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccat	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggtct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaaga	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	agacttatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	ttgcaaaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgta	ctagtagtat	1380
actaaagaga	atgctaaaat	gtgggtgttc	aagaaacgaa	gcatttccta	gaatttttgc	1440
ctttttatgct	tttagtttaa	taataaaaacg	gcagaagcct	gacaacttgc	aaaggggagg	1500
gaggaccac	acacacagga	ttacacatga	tgcttttttt	gacctgatcg	agctgatggg	1560
agagaaaaaa	ctgggaaatt	ttatattttt	aaatatattt	tacaaatttt	ttcagaacta	1620
ggatgggata	gaaataaata	aaaaaagtac	acaataagag	ttgctaatag	aataaaaaaa	1680
attcttttatt	ggatgagaaa	tatccatgca	tccggtgtac	agccaatcaa	ttagaacccg	1740
attccaagg	ccccattctg	tgtttatgac	cagcggagag	agaaagagag	tggaagagtg	1800
gaaaggataa	ctcgtcacat	atcatgacta	atgtgatttc	agcacaacaa	tcccagaccc	1860
aaaggcaatt	gttgagatga	gccgaattaa	gagacaatat	attagtagta	gtgggaggac	1920
ctgcacggat	gcacttgatt	tatttctagc	cttttttcat	ttttgtttt	tcctatagaa	1980
cttgtatttt	ctc					1993

Número de secuencia (ID): 120

Longitud: 1957

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1957

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtga	300
atttgtaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaattttat	actaacagta	tataaaaaatt	aagctaaata	420
catgctta	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
gataaacatg	cggcatcact	aactttta	caagttaa	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
cctaaaatat	agcaacttag	cattttaatt	ataatgat	tggaagtta	ggaaagaaaa	600
gtttcagacc	ccaaatttag	aaatatga	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
tctcaaattg	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccat	ccacataatt	aataattaag	720
atgcaataaa	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
gaatgtctgc	cggctctat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
ttttattttc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggtct	900
cctcaacccc	tggaactaga	atttgtgac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
acatgcagag	tttttctcca	acaaaaga	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
taccaatatt	atgaagagg	caaaatggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taggcactca	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
tcctttaatt	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
ctaagggaaa	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
attaaggaag	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	ttgcaaaaca	1320
actaaagaga	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgta	ctagtagtat	1380
cttttatgct	atgctaaaat	gtgggtgttc	aagaaacgaa	gcatttccta	gaatttttgc	1440
gaggaccac	tttagtttaa	taataaaaacg	gcagaagcct	gacaacttgc	aaaggggagg	1500
tttttaca	ttttttcaga	ttacacatga	aaaactggga	aattttatat	tttaaatat	1560
agagttgcta	atagaataaa	actaggatgg	gatagaaata	aataaaaaaa	gtacacaata	1620
gtacagccaa	tcaattaaga	aaaaattctt	tattggatga	gaaatatcca	tgcatccggt	1680
		accgattcca	agggcccat	tctgtgttta	tgaccagcgg	1740

agagagaaa	agagtggaaa	agtggaaaagg	ataactcgtc	acatatcatg	actaatgtga	1800
tttcagcaca	aacatcccag	acccaaaggc	aattgttgag	atgagccgaa	taaagagaca	1860
atatattagt	agtagtgga	ggacctgcac	ggatgcactt	gatttatctc	tagccttttt	1920
tcattttttg	tttttcttat	agaacttgta	ttttctc			1957

Número de secuencia (ID): 121

Longitud: 1954

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1954

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatac	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aatttttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaata	300
atgtgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatagt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggtct	900
tttttttttc	tggaactaga	atttgtgatac	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgataaac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggg	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tccttttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaata	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tggtgcaaca	1320
atgaagggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	cattggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgtcttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggaggggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttatatttt	taaatatttt	1560
ttacaatttt	tttcagaact	aggatgggat	agaaaataat	aaaaaaaagta	cacaataaga	1620
gttgctaata	gaataaaaaa	aattctttat	tggaatgagaa	atatccatgc	atccggtgta	1680
cagccaatca	atgaagaacc	gattccaagg	gccccattct	gtgtttatga	ccagcggaga	1740
gagaaagaga	gtggaaaagt	ggaaaggata	actcgtcaca	tatcatgact	aattgtgattt	1800
cagcacaaac	atcccagacc	caaaggcaat	tggtgagatg	agccgaatta	agagacaata	1860
tattagtagt	agtgggagga	cctgcacgga	tgcacttgat	ttatttctag	ccttttttca	1920
ttttttgttt	ttcctataga	acttgtattt	tctc			1954

Número de secuencia (ID): 122

Longitud: 1995

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1995

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatac	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aatttttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaataca	taaaacatca	tatagtgaata	300
atgtgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttta	ggaaagaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccatagt	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780

atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggctt	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagaggg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtgcaaaac	1320
atgaaggaa	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgtc	catgggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgac	cgagctgatg	1560
ggagagaaaa	aactgggaaa	ttttatatatt	ttaaatatatt	tttacaaaatt	tttcagaaac	1620
taggatggga	tagaaataaa	taaaaaaagt	acacaataag	agttgctaatt	agaataaaaa	1680
aaattcttta	ttggatgaga	aatatccatg	catccggtgt	acagccaatc	aattaagaac	1740
cgattccaag	ggccccattc	tgtgtttatg	accagcggag	agagaaaagag	agtggaagag	1800
tggaaaggat	aactcgtcac	atatcatgac	taatgtgatt	tcagcacaaa	catcccagac	1860
caaaggcaa	ttgttgagat	gagccgaatt	aagagacaat	atattagtag	tagtggggag	1920
acctgcacgg	atgcacttga	tttatttcta	gccttttttc	attttttgtt	tttcctatag	1980
aacttgatt	ttctc					1995

Número de secuencia (ID): 123

Longitud: 1045

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1045

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatatt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	attttaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagaac	taggatggga	tagaaataaa	taaaaaaagt	acacaataag	agttgctaatt	720
agaataaaaa	aaattcttta	ttggatgaga	aatatccatg	catccggtgt	acagccaatc	780
aattaagaac	cgattccaag	ggccccattc	tgtgtttatg	accagcggag	agagaaagag	840
agtggaaaag	tggaaaggat	aactcgtcac	atatcatgac	taatgtgatt	tcagcacaaa	900
catcccagac	ccaaaggcaa	ttgttgagat	gagccgaatt	aagagacaat	atattagtag	960
tagtggggag	acctgcacgg	atgcacttga	tttatttcta	gccttttttc	attttttgtt	1020
tttcctatag	aacttgatt	ttctc				1045

Número de secuencia (ID): 124

Longitud: 1962

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1962

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatatatt	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatatt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	attttaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatatct	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaaatt	ataatgatat	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaaataa	gcaactaaca	660

gtttcagacc	aacaaatfff	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacgct	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	gggtttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	1440
tttttgcctt	ttatgctttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggag	gacccacaca	gctgatggga	gagaaaaaac	tgggaaattt	tatatatttt	1560
aatatttttt	acaaatfff	tcagaactag	gatgggatag	aaataaataa	aaaaagtaca	1620
caataagagt	tgctaataga	ataaaaaaaa	ttctttattg	gatgagaaat	atccatgcgt	1680
ccggtgtaca	gccaatcaat	taagaaccga	ttccaagggc	ccattctgt	gtttatgacc	1740
agcggagaga	gaaagagagt	ggaaaagtgg	aaaggataac	tcgtcacata	tcatgactaa	1800
tgtgatttca	gcacaaacat	ccgagaccga	aaggcaattg	ttgagatgag	ccgaattaag	1860
agacataata	ttagtagtag	tgggaggacc	tgcacggatg	cacttgattt	atttctagcc	1920
ttttttcatt	ttttgttttt	cctatagaac	ttgtattttc	tc		1962

Número de secuencia (ID): 125

Longitud: 1876

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1876

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaatfta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaaatt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatca	taaaacatca	tatagtgaag	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaataacatt	ttggtacata	taaaattttt	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagagt	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcataact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaaagtta	ggaaagaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aaaaatcatca	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaatg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggtctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgatc	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttgg	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagt	tgtgcaaaaa	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatac	aacagaaatt	tctgcacggc	agaagcttga	1380
caacttgcaa	aggggagggg	ggacccacac	acacaggatt	acacatgatg	gcgagctgat	1440
gggagagaaa	aaactgggaa	attttatatt	tttaaatatt	ttttacaaat	tttttcagaa	1500
ctaggatggg	atagaaataa	ataaaaaaag	tacacaataa	gagttgctaa	tagaataaaa	1560
aaaattcttt	attggatgag	aaatatccat	gcatccgggt	tacagccaat	caatttaagaa	1620
ccgattccaa	gggccccatt	ctgtgtttat	gaccagcgga	gagagaaaga	gagtggaaaa	1680
gtggaaagga	taactcgtca	catatcatga	ctaattgtgat	ttcagacaaa	acatcccaga	1740
cccaaaggca	attgttgaga	tgagccgaat	taagagacaa	tatattagta	gtagtgggag	1800
gactgtcacg	gatgcacttg	atttattttc	agcccttttt	cattttttgt	ttttctata	1860
gaacttgtat	ttttct					1876

Número de secuencia (ID): 126

Longitud: 1542

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1542
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	atthtaaat	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgthtaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atthtaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttha	ggaaagaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtagacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tccttttaatt	atgccctaga	ataaaaaaaa	ttctttattg	gatgagaaat	atccatgcac	1260
ccggtgtaca	gccaatcaat	taagaaccga	ttccaagggc	cccattctgt	gtttatgacc	1320
agcggagaga	gaaagagagt	ggaaaagtgg	aaaggataac	tcgtcacata	tcatgactaa	1380
tgtgatttca	gcacaaacat	cccagaccga	aaggcaattg	ttgagatgag	ccgaattaa	1440
agacaatat	ttagtagtag	tggtgaggac	tgacggatg	cacttgattt	atttctagcc	1500
ttttttcatt	ttttgttttt	cctatagaac	ttgtattttc	tc		1542

Número de secuencia (ID): 127
 Longitud: 1919
 Tipo de molécula: ADN
 Localización de las características/Calificadores:
 - fuente, 1..1919
 > tipo_mol, ADN genómico
 > organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	atthtaaat	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaatc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtatgtatg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgthtaatca	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttggttaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tacttttaaa	360
aaatacattt	ttggtacata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaaat	aagctaaata	420
taaaaagtat	atthtaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaat	cggcatcact	aacttttaat	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	catttttaatt	ataatgatat	tggaagttha	ggaaagaaaa	600
cctaaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaat	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaatcatca	tctccataty	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttatt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatcataa	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaattaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtagacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaat	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaatttc	1020
acatgcagag	atgaagagg	caaaatggtt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagtttaagt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggc	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tccttttaatt	atgccctctt	catcaggaat	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaat	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaat	ttgcatagtg	tgtagcaaca	1320
atgaagggaag	gttctctacg	caaggcatal	aacagaaatt	tctgcacgtc	catgtactaa	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcttagaa	1440
tttttgcctt	ttatgtcttt	agtttaataa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggagggaag	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttaggat	gggtagaaaa	1560
taaaataaaaa	aagtacacaa	taagagttgc	taatagaata	aaaaaaattc	tttattggat	1620
gagaaatatc	catgcatccg	gtgtacagcc	aatcaattaa	gaaccgattc	caagggcccc	1680
attctgtgtt	tatgaccagc	ggagagagaa	agagagtgga	aaagtggaaa	ggataactcg	1740

tcacatatca	tgactaatgt	gatttcagca	caaacatccc	agaccctaaag	gcaattgttg	1800
agatgagccg	aattaagaga	caatatatta	gtagtagtgg	gaggacctgc	acggatgcac	1860
ttgatttatt	tctagccttt	tttcattttt	tgtttttcct	atagaacttg	tattttctc	1919

Número de secuencia (ID): 128

Longitud: 1911

Tipo de molécula: ADN

Localización de las características/Calificadores:

- fuente, 1..1911

> tipo_mol, ADN genómico

> organismo, Glycine max

Residuos:

attgaatttt	ttaagaaaca	attttaaatt	atatagttat	acataaataa	acaaaataca	60
aaaaaaacaa	aaatcaaattc	atgtgaagat	tttcaaaaaa	atacatgact	tttagaaaaa	120
atcacaaaac	ttgcatgtat	gagagaaaga	gacgagggtt	aattaattta	acttcttcaa	180
aattttcttt	ttattttttc	tgtagtattg	catatattat	ttgaaaattt	aattgaaata	240
cactgataat	ataaggattt	tttatactgt	tgtttaatac	taaaacatca	tatagtgaat	300
atttgttaaa	ttttatacaa	taattatttt	aaaaaattat	cttaaaaaat	tactttaaaa	360
aaatacatatt	ttggtagata	taaaatttat	actaacagta	tataaaaatt	aagctaaata	420
taaaaagtat	atttaaaaaa	attatgttgt	atataatacc	aatatgacca	acgaatattc	480
catgcttaatt	cggcatcact	aacttttaatt	caagttaaac	gaagaaagta	ggaactaaaa	540
gataaacatg	agcaacttag	cattttaatt	ataatgatatt	tggaagttaa	ggaagaaaaa	600
cctaaaatat	ccaaatttag	aaatatgaatt	atcaacttat	accaaataaa	gcaactaaca	660
gtttcagacc	aacaaatttt	aaaaatcatca	tctccatatg	ccacataatt	aataattaag	720
tctcaaattg	aaataatatt	atattttcac	agtgaacga	taccaacctg	caattttattt	780
atgcaataaa	cggctctatat	attccacttt	caaatacata	tataaaaaaa	tcaatataac	840
gaatgtctgc	ttaatttaatt	atacgtacta	attaaactat	gccaccacca	attagggcct	900
ttttattttc	tggaactaga	atttgtgata	ttttaagcac	gggatgtgca	tgtacacaca	960
cctcaacccc	tttttctcca	acaaaagaatt	gcaaacagaa	cttgaataac	ataaaattttc	1020
acatgcagag	atgaagagggt	caaaatgggt	tcttgataaa	gaaggtccac	cttcctcttt	1080
taccaatatt	ggaacttggt	ctgcatctaa	gagttaagtt	tttattctga	aatgacctct	1140
taggcactca	aacgcttata	ctccataggt	gtgtctagcc	ttgagaattt	gtggtggagt	1200
tcctttaatt	atgccctctt	catcaggaatt	cttccaacaa	aattaaaaga	aagactatgg	1260
ctaagggaaa	atggagaatc	acgcacgcac	aaacagaaatt	ttgcatagtg	tggtgcaaca	1320
attaaggaag	gttctctacg	caaggcatatc	aacagaaatt	tctgcacgtc	catggtacta	1380
gtagtatact	aaagagaatg	ctaaaatgtg	ggtgttcaag	aaacgaagca	tttcctagaa	1440
tttttgccct	ttatgctttt	agttaataaa	taaaacggca	gaagcttgac	aacttgcaaa	1500
ggggaggagg	gacccacaca	cacaggatta	cacatgatgc	tttttttgga	aataaataaa	1560
aaaagtacac	aataagagtt	gctaatagaa	taaaaaaaat	tctttattgg	atgagaaata	1620
tccatgcatc	cgggtgtacag	ccaatcaatt	aagaaccgat	tccaagggcc	ccattctgtg	1680
tttatgacca	gcggagagag	aaagagagtg	gaaaagtgga	aaggataact	cgtcacatat	1740
catgactaat	gtgatttcag	cacaaacatc	ccagacccaa	aggcaattgt	tgagatgagc	1800
cgaattaaga	gacaatatat	tagtagtagt	gggaggacct	gcacggatgc	acttgattta	1860
tttctagcct	tttttcattt	tttggttttc	ctatagaact	tgtattttct	c	1911

FIN