

Lista de secuencias

1	Información sobre la lista de secuencias	
1-1	Nombre del fichero	40848_0112WOU1_SL.xml
1-2	Versión de la DTD	V1_3
1-3	Nombre del software	WIPO Sequence
1-4	Versión del software	2.2.0
1-5	Fecha de producción	2022-11-24
1-6	Código de idioma de texto libre original	en
2	Información general	
2-1	Solicitud actual: Oficina de PI	US
2-2	Solicitud actual: Número de solicitud	
2-3	Solicitud actual: Fecha de presentación	
2-4	Solicitud actual: Referencia al expediente del solicitante	40848.0112WOU1
2-5	Solicitud de prioridad más antigua: Oficina de PI	US
2-6	Solicitud de prioridad más antigua: Número de solicitud	63/286,476
2-7	Solicitud de prioridad más antigua: Fecha de presentación	2021-12-06
2-8en	Nombre del solicitante	REGENERON PHARMACEUTICALS, INC.
2-8en	Nombre del solicitante: Nombre en caracteres latinos	
2-9	Nombre del inventor	
2-9en	Nombre del inventor: Nombre en caracteres latinos	
2-10en	Título de la invención	ANTAGONIST ANTI-NPR1 ANTIBODIES AND METHODS OF USE THEREOF
2-11	Número total de secuencias	78
3-1	Secuencias	
3-1-1	Identificador de la secuencia	1
3-1-2	Tipo de molécula	DNA
3-1-3	Extensión	360
3-1-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..360 mol_type=other DNA organism=synthetic construct
3-1-5	Residuos	gaggtgcagc tgggtggagtc tggggggaggc ttggtacagc cggggggggtc cctgagactc60 tcctgtgcag cctctggatt caccttttagc agctatgccca tgagctgggt ccgccaggct120 ccaggggaagg ggctggagtg ggtctcaact attagtggtta gtggtactaa tacatactac180 gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccaacgaca attccaagaa cacgttgtat240

ctgcaaatga acagcctgag agccgaggac acggccgtat attactgtgc
gaattacgat300
atTTtgactg gTcattcctt tgaatactgg ggccagggaa ccctgggtcac
cgtctcctca360

3-2 Secuencias

3-2-1	Identificador de la secuencia	2
3-2-2	Tipo de molécula	AA
3-2-3	Extensión	120
3-2-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..120 mol_type=protein organism=synthetic construct
3-2-5	Residuos EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKGLEWVST ISGSGTNTYY60 ADSVKGRFTI SNDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCANYD ILTGHSFEYW GQGTLLTVSS120	

3-3 Secuencias

3-3-1	Identificador de la secuencia	3
3-3-2	Tipo de molécula	DNA
3-3-3	Extensión	24
3-3-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..24 mol_type=other DNA organism=synthetic construct
3-3-5	Residuos ggattcacct ttagcagcta tgcc	24

3-4 Secuencias

3-4-1	Identificador de la secuencia	4
3-4-2	Tipo de molécula	AA
3-4-3	Extensión	8
3-4-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..8 mol_type=protein organism=synthetic construct
3-4-5	Residuos GFTFSSYA	8

3-5 Secuencias

3-5-1	Identificador de la secuencia	5
3-5-2	Tipo de molécula	DNA
3-5-3	Extensión	24
3-5-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..24 mol_type=other DNA organism=synthetic construct
3-5-5	Residuos	

attagtggta gtggtactaa
taca

24

3-6 Secuencias

3-6-1 Identificador de la secuencia

6

3-6-2 Tipo de molécula

AA

3-6-3 Extensión

8

3-6-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..8

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-6-5 Residuos

ISGSGTNT

8

3-7 Secuencias

3-7-1 Identificador de la secuencia

7

3-7-2 Tipo de molécula

DNA

3-7-3 Extensión

39

3-7-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..39

mol_type=other DNA

organism=synthetic construct

3-7-5 Residuos

gcgaattacg atatTTTgac tggTcattcc
TTTgaatac

39

3-8 Secuencias

3-8-1 Identificador de la secuencia

8

3-8-2 Tipo de molécula

AA

3-8-3 Extensión

13

3-8-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..13

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-8-5 Residuos

ANYDILTGHS
FEY

13

3-9 Secuencias

3-9-1 Identificador de la secuencia

9

3-9-2 Tipo de molécula

DNA

3-9-3 Extensión

321

3-9-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..321

mol_type=other DNA

organism=synthetic construct

3-9-5 Residuos

gccatccaga tgacccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60
atcacttgcc gggcaagtca gggcattaga aatgatttag gctgggtatca
gcagaaacca120

```

gggaaagccc ctgaactcct aatctatgct gcatccaggt taccaagtgg
gggtccatta180
agggttcagcg gcagtggatc tggcacagat ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct240
gaagatggtg caacttatta ctgtctacaa gattacaatt acccattcac
tttcggccct300
gggaccaaag tggatatcaa
a

```

321

3-10 Secuencias

3-10-1 Identificador de la secuencia
 3-10-2 Tipo de molécula
 3-10-3 Extensión
 3-10-4- Características Localización/Calificadores
 1

10
AA
107

source 1..107
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-10-5 Residuos
 AIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIR NDLGWYQQKP GKAPELLIYA ASRLPSGVPL60
 RFGSGSGSTD FTLTISLQP EDVATYYCLQ DYNYPFTFGP
 GTKVDIK 107

3-11 Secuencias

3-11-1 Identificador de la secuencia
 3-11-2 Tipo de molécula
 3-11-3 Extensión
 3-11-4- Características Localización/Calificadores
 1

11
DNA
18

source 1..18
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-11-5 Residuos
 cagggcatta
 gaaatgat 18

3-12 Secuencias

3-12-1 Identificador de la secuencia
 3-12-2 Tipo de molécula
 3-12-3 Extensión
 3-12-4- Características Localización/Calificadores
 1

12
AA
6

source 1..6
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-12-5 Residuos
 QGIRND 6

3-13 Secuencias

3-13-1 Identificador de la secuencia **13**

3-13-2 Tipo de molécula
3-13-3 Extensión
3-13-5 Residuos
000

3-14 Secuencias

3-14-1 Identificador de la secuencia **14**
3-14-2 Tipo de molécula
3-14-3 Extensión
3-14-5 Residuos
000

3-15 Secuencias

3-15-1 Identificador de la secuencia **15**
3-15-2 Tipo de molécula **DNA**
3-15-3 Extensión **27**
3-15-4- Características Localización/Calificadores
1 **source 1..27**
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct
3-15-5 Residuos
ctacaagatt acaattaccc
attcact **27**

3-16 Secuencias

3-16-1 Identificador de la secuencia **16**
3-16-2 Tipo de molécula **AA**
3-16-3 Extensión **9**
3-16-4- Características Localización/Calificadores
1 **source 1..9**
mol_type=protein
organism=synthetic construct
3-16-5 Residuos
LQDYNYPFT **9**

3-17 Secuencias

3-17-1 Identificador de la secuencia **17**
3-17-2 Tipo de molécula **DNA**
3-17-3 Extensión **1344**
3-17-4- Características Localización/Calificadores
1 **source 1..1344**
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct
3-17-5 Residuos
gaggtgcagc tgggtggagtc tggggggaggc ttggtacagc cggggggggtc cctgagactc60
tcctgtgcag cctctggatt caccttttagc agctatgcca tgagctgggt
ccgccaggct120

```

ccaggggaagg ggctggagtg ggtctcaact attagtggta gtggtactaa
tacatactac180
gcagactccg tgaagggccg gttcaccatc tccaacgaca attccaagaa
cacgttgat240
ctgcaaataga acagcctgag agccgaggac acggccgtat attactgtgc
gaattacgat300
atcttgactg gtcattcctt tgaataactgg ggccagggaa ccctgggtcac
cgtctcctca360
gcctccacca agggcccatc ggtcttcccc ctggcgccct gctccaggag
cacctccgag420
agcacagccg ccctgggctg cctgggtcaag gactacttcc ccgaaccggt
gacggtgtcg480
tggaactcag gcgccctgac cagcggcgtg cacaccttcc cggctgtcct
acagtcctca540
ggactctact ccctcagcag cgtgggtgacc gtgccctcca gcagcttggg
cacgaagacc600
tacacctgca acgtagatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagag
agttgagtc660
aaatatgggc ccccatgccc accctgcccga gcacctgagt tcctggggggg
accatcagtc720
ttctgttcc ccccaaaacc caaggacact ctcatgatct cccggacccc
tgaggtcacg780
tgcgtgggtg tggacgtgag ccaggaagac cccgaggtcc agttcaactg
gtacgtggat840
ggcgtggagg tgcataatgc caagacaaag ccgcgggagg agcagttcaa
cagcacgtac900
cgtgtgggtca gcgtcctcac cgtcctgcac caggactggc tgaacggcaa
ggagtacaag960
tgcaaggctt ccaacaaagg cctcccgtcc tccatcgaga aaacctctc
caaagccaaa1020
gggcagcccc gagagccaca ggtgtacacc ctgcccccat cccaggagga
gatgaccaag1080
aaccagggtca gcctgacctg cctgggtcaaa ggcttctacc ccagcgacat
cgccgtggag1140
tgggagagca atgggcagcc ggagaacaac tacaagacca cgcctcccgt
gctggactcc1200
gacggctcct tcttctctta cagcaggctc accgtggaca agagcagggtg
gcaggagggg1260
aatgtcttct catgctccgt gatgcatgag gctctgcaca accactacac
acagaagtcc1320
ctctccctgt ctctgggtaa
atga

```

1344

3-18 Secuencias

3-18-1	Identificador de la secuencia
3-18-2	Tipo de molécula
3-18-3	Extensión
3-18-4-	Características Localización/Calificadores
1	

18
AA
447

source 1..447
mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-18-5 Residuos
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKGLEWVST ISGSGTNTYY60
ADSVKGRFTI SNDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCANYD ILTGHSFEYW
GQGT LVT VSS120
ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV
HTFPAVLQSS180
GLYSLSSVVT VPSSSLGTKT YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPPCP
APEFLGGPSV240
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK
PREEQFNSTY300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT
LPPSQEEMTK360
NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS DGSFFLYSRL
TVDKSRWQEG420
NVFSCSV MHE ALHNHYTQKS
LSLSLGK 447

3-19 Secuencias

3-19-1 Identificador de la secuencia **19**
3-19-2 Tipo de molécula **DNA**
3-19-3 Extensión **645**
3-19-4 Características Localización/Calificadores
1

source 1..645
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-19-5 Residuos
gccatccaga tgaccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60
atcacttgcc gggcaagtca gggcattaga aatgatttag gctgggtatca
gcagaaacca120
gggaaagccc ctgaactcct aatctatgct gcatccaggt taccaagtgg
ggtcccatta180
aggttcagcg gcagtggatc tggcacagat ttactctca ccatcagcag
cctgcagcct240
gaagatgttg caacttatta ctgtctacaa gattacaatt acccattcac
tttcggccct300
gggaccaaag tggatatcaa acgaactgtg gctgcacat ctgtcttcat
cttcccgccca360
tctgatgagc agttgaaatc tggaactgcc tctgttgtgt gcctgctgaa
taacttctat420
cccagagagg ccaaagtaca gtggaagggtg gataacgccc tccaatcggg
taactcccag480
gagagtgtca cagagcagga cagcaaggac agcacctaca gcctcagcag
caccctgacg540
ctgagcaaag cagactacga gaaacacaaa gtctacgcct gcgaagtcac
ccatcagggc600
ctgagctcgc ccgtcacaaa gagcttcaac aggggagagt
gtag 645

3-20 Secuencias

3-20-1	Identificador de la secuencia	20
3-20-2	Tipo de molécula	AA
3-20-3	Extensión	214
3-20-4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..214 mol_type=protein organism=synthetic construct
3-20-5	Residuos	
	AIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIR NDLGWYQQKP GKAPELLIYA ASRLPSGVPL60 RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDVATYYCLQ DYNYPFTFGP GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP120 SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT180 LSKADYEKHK VYACEVTHQG LSSPVTKSFN RGENC	214

3-21 Secuencias

3-21-1	Identificador de la secuencia	21
3-21-2	Tipo de molécula	DNA
3-21-3	Extensión	360
3-21-4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..360 mol_type=other DNA organism=synthetic construct
3-21-5	Residuos	
	gaggtgcagc tgggtggagtc tggggggaggc ttggtacagc ctgggggggct cctgagactc60 tcctgtgcag cctctggatt ctcttttgtc agctatgtca tgggctgggt ccgccaggct120 ccaggaagg ggctggagtg ggtctcaagt attagtggaa gtcttacgaa cacatactac180 gcagaccccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat240 ctgcaaataga acagcctgag agccgaggac acggccgcat attactgtgt gacctacgat300 atcttgactg gtcattctctt tgactactgg ggccaggga ccttggtcac cgtctcctca360	

3-22 Secuencias

3-22-1	Identificador de la secuencia	22
3-22-2	Tipo de molécula	AA
3-22-3	Extensión	120
3-22-4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..120 mol_type=protein organism=synthetic construct
3-22-5	Residuos	
	EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFSFV SYVMGWVRQA PGKGLEWVSS ISGSLTNTYY60	

ADPVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAAYYCVTYD ILTGHLFDYW
GQGT LVT VSS120

3-23 Secuencias		
3-23-1	Identificador de la secuencia	23
3-23-2	Tipo de molécula	DNA
3-23-3	Extensión	24
3-23-4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..24 mol_type=other DNA organism=synthetic construct
3-23-5	Residuos ggattctcct ttgtcagcta tgtc	24
3-24 Secuencias		
3-24-1	Identificador de la secuencia	24
3-24-2	Tipo de molécula	AA
3-24-3	Extensión	8
3-24-4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..8 mol_type=protein organism=synthetic construct
3-24-5	Residuos GFSFVS YV	8
3-25 Secuencias		
3-25-1	Identificador de la secuencia	25
3-25-2	Tipo de molécula	DNA
3-25-3	Extensión	24
3-25-4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..24 mol_type=other DNA organism=synthetic construct
3-25-5	Residuos attagtggaa gtcttacgaa caca	24
3-26 Secuencias		
3-26-1	Identificador de la secuencia	26
3-26-2	Tipo de molécula	AA
3-26-3	Extensión	8
3-26-4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..8 mol_type=protein organism=synthetic construct

3-26-5	Residuos ISGSLTNT		8
3-27	Secuencias		
3-27-1	Identificador de la secuencia	27	
3-27-2	Tipo de molécula	DNA	
3-27-3	Extensión	39	
3-27-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..39 mol_type=other DNA organism=synthetic construct	
3-27-5	Residuos gtgacctacg atattttgac tggatcatctc tttgactac	39	
3-28	Secuencias		
3-28-1	Identificador de la secuencia	28	
3-28-2	Tipo de molécula	AA	
3-28-3	Extensión	13	
3-28-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..13 mol_type=protein organism=synthetic construct	
3-28-5	Residuos VTYDILTGHL FDY		13
3-29	Secuencias		
3-29-1	Identificador de la secuencia	29	
3-29-2	Tipo de molécula	DNA	
3-29-3	Extensión	321	
3-29-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..321 mol_type=other DNA organism=synthetic construct	
3-29-5	Residuos gccatccaga tgacccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60 atcacttgcc ggtcaagtca gggcattaga aatgattttg gctgggtatca gcagaaacca120 gggaaagccc ctaaactcct gatctatgct gcatccagat tacaaagtgg ggtcccatca180 agggtcagcg gcagtggatc tggcacagat ttcactctca ccatcaacaa cctgcagcct240 gaagattttg caacttatta ctgtctccaa gattacactt acccattcac tttcggccct300 gggaccaaag tggatatcaa a	321	

3-30	Secuencias		
3-30-1	Identificador de la secuencia	30	
3-30-2	Tipo de molécula	AA	
3-30-3	Extensión	107	
3-30-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..107	
		mol_type=protein	
		organism=synthetic construct	
3-30-5	Residuos		
	AIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRSSQGIR NDFGWYQQKP GKAPKLLIYA ASRLQSGVPS60		
	RFGSGSGSTD FTLTINNLQP EDFATYYCLQ DYTYPFTFGP		
	GTKVDIK 107		
3-31	Secuencias		
3-31-1	Identificador de la secuencia	31	
3-31-2	Tipo de molécula	DNA	
3-31-3	Extensión	27	
3-31-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..27	
		mol_type=other DNA	
		organism=synthetic construct	
3-31-5	Residuos		
	ctccaagatt acacttaccc		
	attcact 27		
3-32	Secuencias		
3-32-1	Identificador de la secuencia	32	
3-32-2	Tipo de molécula	AA	
3-32-3	Extensión	9	
3-32-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..9	
		mol_type=protein	
		organism=synthetic construct	
3-32-5	Residuos		
	LQDYTPFT		9
3-33	Secuencias		
3-33-1	Identificador de la secuencia	33	
3-33-2	Tipo de molécula	DNA	
3-33-3	Extensión	1344	
3-33-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..1344	
		mol_type=other DNA	
		organism=synthetic construct	
3-33-5	Residuos		

gaggtgcagc tgggtggagtc tgggggagggc ttggtacagc ctgggggggtc cctgagactc60
 tcctgtgcag cctctggatt ctcttttgtc agctatgtca tgggctgggt
 ccgccagggt120
 ccaggggaagg ggctggagtg ggtctcaagt attagtggaa gtcttacgaa
 cacatactac180
 gcagaccccg tgaagggccg gttcaccatc tccagagaca attccaagaa
 cacgctgtat240
 ctgcaaataga acagcctgag agccgaggac acggccgcat attactgtgt
 gacctacgat300
 attttgactg gtcattcttt tgactactgg ggccagggaa ccctgggtcac
 cgtctcctca360
 gcctccacca agggcccatc ggtcttcccc ctggcgccct gctccaggag
 cacctccgag420
 agcacagccg ccctgggctg cctgggtcaag gactacttcc ccgaaccggt
 gacggtgtcg480
 tggaaactcag gcgcctgac cagcggcgtg cacaccttcc cggctgtcct
 acagtcctca540
 ggactctact ccctcagcag cgtgggtgacc gtgccctcca gcagcttggg
 cacgaagacc600
 tacacctgca acgtagatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagag
 agttgagtcc660
 aatatgggtc ccccatgccc accctgcca gcacctgagt tcctggggggg
 accatcagtc720
 ttctgttcc ccccaaaacc caaggacact ctcatgatct cccggacccc
 tgaggtcacg780
 tgcgtgggtg tggacgtgag ccaggaagac cccgaggtcc agttcaactg
 gtacgtggat840
 ggcgtggagg tgcataatgc caagacaaag ccgcgggagg agcagttcaa
 cagcacgtac900
 cgtgtgggtca gcgtcctcac cgtcctgcac caggactggc tgaacggcaa
 ggagtacaag960
 tgcaagggtct ccaacaaagg cctcccgtcc tccatcgaga aaaccatctc
 caagccaaa1020
 gggcagcccc gagagccaca ggtgtacacc ctgcccccat cccaggagga
 gatgaccaag1080
 aaccagggtca gcctgacctg cctgggtcaaa ggcttctacc ccagcgacat
 cgccgtggag1140
 tgggagagca atgggcagcc ggagaacaac tacaagacca cgcctcccgt
 gctggactcc1200
 gacggctcct tcttcctcta cagcaggctc accgtggaca agagcagggtg
 gcaggagggg1260
 aatgtcttct catgctccgt gatgcatgag gctctgcaca accactacac
 acagaagtcc1320
 ctctccctgt ctctgggtaa
 atga

1344

3-34 Secuencias

3-34-1 Identificador de la secuencia

34

3-34-2 Tipo de molécula

AA

3-34-3 Extensión

447

3-34-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..447
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-34-5 Residuos
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFSFV SYVMGWVRQA PGKGLEWVSS ISGSLTNTYY60
ADPVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAAYYCVTYD ILTGHLFDYW
GQGTTLVTVSS120
ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV
HTFPAVLQSS180
GLYSLSSVVT VPSSSLGTKT YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPPCP
APEFLGGPSV240
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK
PREEQFNSTY300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT
LPPSQEEMTK360
NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS DGSFFLYSRL
TVDKSRWQEG420
NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS
LSLSLGK 447

3-35 Secuencias

3-35-1 Identificador de la secuencia

35

3-35-2 Tipo de molécula

DNA

3-35-3 Extensión

645

3-35-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..645
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-35-5 Residuos
gccatccaga tgaccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60
atcacttgcc ggtcaagtca gggcattaga aatgattttg gctggtatca
gcagaaacca120
gggaaagccc ctaaactcct gatctatgct gcatccagat tacaagtg
ggtcccatca180
aggttcagcg gcagtggatc tggcacagat ttcactctca ccatcaacaa
cctgcagcct240
gaagattttg caacttatta ctgtctccaa gattacactt acccattcac
tttcggccct300
gggaccaaag tggatatcaa acgaactgtg gctgcaccat ctgtcttcat
cttcccgccca360
tctgatgagc agttgaaatc tggaactgcc tctgttgtgt gcctgctgaa
taacttctat420
cccagagagg ccaaagtaca gtggaagggtg gataacgccc tccaatcggg
taactcccag480
gagagtgtca cagagcagga cagcaaggac agcacctaca gcctcagcag
caccctgacg540
ctgagcaaag cagactacga gaaacacaaa gtctacgcct gcgaagtcac
ccatcagggc600

ctgagctcgc ccgtcacaaa gagcttcaac aggggagagt
gtag 645

3-36 Secuencias

3-36-1 Identificador de la secuencia **36**
3-36-2 Tipo de molécula **AA**
3-36-3 Extensión **214**
3-36-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..214
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-36-5 Residuos
AIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRSSQGIR NDFGWYQQKP GKAPKLLIYA ASRLQSGVPS60
RFSGSGSGTD FTLTINNLQP EDFATYYCLQ DYTYPFTFGP GTKVDIKRTV
AAPSVFIFPP120
SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD
STYLSSTLT180
LSKADYEKHK VYACEVTHQG LSSPVTKSFN
RGEN 214

3-37 Secuencias

3-37-1 Identificador de la secuencia **37**
3-37-2 Tipo de molécula **DNA**
3-37-3 Extensión **360**
3-37-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..360
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-37-5 Residuos
caggtccagc tggtacagtc tggggctgag gtgaagaagc ctggggcctc agtgaagggt60
tcttgcaagg catctggata caccttcacc agctattata tacactgggt
gcgacaggcc120
cctggacaag ggcttgagtg gatgggaata atcagcccta gtgatgggta
cacaagctac180
gcacagaact tccagggcag agtcaccatg accagggaca cgtccacgaa
cacagtctac240
atggacctga gcagcctgag atctgaggac acggccatgt tttactgtgc
gagaaatgat300
cctctgacca cagtcgccct tgactactgg ggccaggga ccttggtcac
cgtctcctca360

3-38 Secuencias

3-38-1 Identificador de la secuencia **38**
3-38-2 Tipo de molécula **AA**
3-38-3 Extensión **120**
3-38-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..120
mol_type=protein

		organism=synthetic construct	
3-38-5	Residuos QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYIIHWVRQA PGQGLEWMGI ISPSDGYTSY60 AQNFQGRVTM TRDTSTNTVY MDLSSLRSED TAMFYCARND PLTTVALDYW GQGTLLTVSS120		
3-39	Secuencias		
3-39-1	Identificador de la secuencia	39	
3-39-2	Tipo de molécula	DNA	
3-39-3	Extensión	24	
3-39-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..24 mol_type=other DNA organism=synthetic construct	
3-39-5	Residuos ggatacacct tcaccagcta ttat	24	
3-40	Secuencias		
3-40-1	Identificador de la secuencia	40	
3-40-2	Tipo de molécula	AA	
3-40-3	Extensión	8	
3-40-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..8 mol_type=protein organism=synthetic construct	
3-40-5	Residuos GYTFTSYY	8	
3-41	Secuencias		
3-41-1	Identificador de la secuencia	41	
3-41-2	Tipo de molécula	DNA	
3-41-3	Extensión	24	
3-41-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..24 mol_type=other DNA organism=synthetic construct	
3-41-5	Residuos atcagcccta gtgatgggta caca	24	
3-42	Secuencias		
3-42-1	Identificador de la secuencia	42	
3-42-2	Tipo de molécula	AA	
3-42-3	Extensión	8	
3-42-4-1	Características Localización/Calificadores		

		source 1..8 mol_type=protein organism=synthetic construct	
3-42-5	Residuos ISPSDGYT		8
3-43	Secuencias		
3-43-1	Identificador de la secuencia	43	
3-43-2	Tipo de molécula	DNA	
3-43-3	Extensión	39	
3-43-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..39 mol_type=other DNA organism=synthetic construct	
3-43-5	Residuos gcgagaaatg atcctctgac cacagtcgcc cttgactac	39	
3-44	Secuencias		
3-44-1	Identificador de la secuencia	44	
3-44-2	Tipo de molécula	AA	
3-44-3	Extensión	13	
3-44-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..13 mol_type=protein organism=synthetic construct	
3-44-5	Residuos ARNDPLTTVA LDY		13
3-45	Secuencias		
3-45-1	Identificador de la secuencia	45	
3-45-2	Tipo de molécula	DNA	
3-45-3	Extensión	321	
3-45-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..321 mol_type=other DNA organism=synthetic construct	
3-45-5	Residuos gccatccaga tgacccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60 atcacttgcc gggcaagtca gggcattaga tatgatttag gctggtttca gcagaaacca120 gggaaagccc ctaaactcct gatccatgct gcatccagtt tacaaagtgg ggtcccatca180 aggttcagcg gcagtggatc tggcacagat ttcactctca ccatcagcag cctgcagcct240		

gaagattttg caacttatta ctgtctacaa gactacaatt acccggttcac
 ttttggccag300
 gggaccaagc tggagatcaa
 a

321

3-46 Secuencias

3-46-1 Identificador de la secuencia

46

3-46-2 Tipo de molécula

AA

3-46-3 Extensión

107

3-46-4 Características Localización/Calificadores
1

source 1..107

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-46-5 Residuos

AIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIR YDLGWFFQQP GKAPKLLIHA ASSLQSGVPS60
 RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCLQ DYNYPFTFGQ
 GTKLEIK 107

3-47 Secuencias

3-47-1 Identificador de la secuencia

47

3-47-2 Tipo de molécula

DNA

3-47-3 Extensión

18

3-47-4 Características Localización/Calificadores
1

source 1..18

mol_type=other DNA

organism=synthetic construct

3-47-5 Residuos

cagggcatta
 gatatgat

18

3-48 Secuencias

3-48-1 Identificador de la secuencia

48

3-48-2 Tipo de molécula

AA

3-48-3 Extensión

6

3-48-4 Características Localización/Calificadores
1

source 1..6

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-48-5 Residuos

QGIRYD

6

3-49 Secuencias

3-49-1 Identificador de la secuencia

49

3-49-2 Tipo de molécula

DNA

3-49-3 Extensión

27

3-49-4 Características Localización/Calificadores
1

source 1..27
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-49-5 Residuos
ctacaagact acaattaccc
gttcact

27

3-50 Secuencias

3-50-1 Identificador de la secuencia
3-50-2 Tipo de molécula
3-50-3 Extensión
3-50-4-1 Características Localización/Calificadores

50
DNA
1344

source 1..1344
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-50-5 Residuos
caggtccagc tgggtacagtc tggggctgag gtgaagaagc ctggggcctc agtgaagggtt60
tcctgcaagg catctggata caccttcacc agctattata tacactgggt
gcgacaggcc120
cctggacaag ggcttgagtg gatgggaata atcagcccta gtgatgggta
cacaagctac180
gcacagaact tccagggcag agtcaccatg accagggaca cgtccacgaa
cacagtctac240
atggacctga gcagcctgag atctgaggac acggccatgt tttactgtgc
gagaaatgat300
cctctgacca cagtcgccct tgactactgg ggccagggaa ccctgggtcac
cgtctcctca360
gcctccacca agggcccatc ggtcttcccc ctggcgccct gctccaggag
cacctccgag420
agcacagccg ccctgggctg cctgggtcaag gactacttcc ccgaaccggt
gacggtgtcg480
tggaactcag gcgccctgac cagcggcgtg cacaccttcc cggctgtcct
acagtcctca540
ggactctact ccctcagcag cgtgggtgacc gtgccctcca gcagcttggg
cacgaagacc600
tacacctgca acgtagatca caagcccagc aacaccaagg tggacaagag
agttgagtcc660
aaatatgggtc ccccatgccc accctgcccga gcacctgagt tcctgggggg
accatcagtc720
ttcctgttcc ccccaaaacc caaggacact ctcatgatct cccggacccc
tgaggtcacg780
tgcggtgggtg tggacgtgag ccaggaagac cccgaggtcc agttcaactg
gtacgtggat840
ggcgtggagg tgcataatgc caagacaaag ccgcgggagg agcagttcaa
cagcacgtac900
cgtgtgggtca gcgtcctcac cgtcctgcac caggactggc tgaacggcaa
ggagtacaag960
tgcaagggtct ccaacaaagg cctcccgtcc tccatcgaga aaaccatctc
caaagccaaa1020

```

gggcagcccc gagagccaca ggtgtacacc ctgcccccat cccaggagga
gatgaccaag1080
aaccagggtca gcctgacctg cctgggtcaaa ggcttctacc ccagcgacat
cgccgtggag1140
tgggagagca atgggcagcc ggagaacaac tacaagacca cgcctcccgt
gctggactcc1200
gacggctcct tcttcctcta cagcaggctc accgtggaca agagcagggtg
gcaggagggg1260
aatgtcttct catgtctccgt gatgcatgag gctctgcaca accactacac
acagaagtcc1320
ctctccctgt ctctgggtaa
atga

```

1344

3-51 Secuencias

3-51-1 Identificador de la secuencia

51

3-51-2 Tipo de molécula

AA

3-51-3 Extensión

447

3-51-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..447

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-51-5 Residuos

```

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYIIHWVRQA PGQGLEWMGI ISPSDGYTSY60
AQNFGQGRVTM TRDTSTNTVY MDLSSLRSED TAMFYCARND PLTTVALDYW
GQGTLLTVSS120
ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV
HTFPAVLQSS180
GLYSLSSVVT VPSSSLGTKT YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPPCP
APEFLGGPSV240
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK
PREEQFNSTY300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT
LPPSQEEMTK360
NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS DGSFFLYSRL
TVDKSRWQEG420
NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS
LSLSLGK

```

447

3-52 Secuencias

3-52-1 Identificador de la secuencia

52

3-52-2 Tipo de molécula

DNA

3-52-3 Extensión

645

3-52-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..645

mol_type=other DNA

organism=synthetic construct

3-52-5 Residuos

```

gccatccaga tgaccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60

```

```

atcacttgcc gggcaagtca gggcattaga tatgatttag gctggtttca
gcagaaacca120
gggaaagccc ctaaactcct gatccatgct gcatccagtt tacaaagtgg
ggtcccatca180
aggttcagcg gcagtggatc tggcacagat ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct240
gaagattttg caacttatta ctgtctacaa gactacaatt acccgttcac
ttttggccag300
gggaccaagc tggagatcaa acgaactgtg gctgcaccat ctgtcttcat
cttcccgcc360
tctgatgagc agttgaaatc tggaactgcc tctgttgtgt gcctgctgaa
taacttctat420
cccagagagg ccaaagtaca gtggaagggtg gataacgccc tccaatcggg
taactcccag480
gagagtgtca cagagcagga cagcaaggac agcacctaca gcctcagcag
caccctgacg540
ctgagcaaag cagactacga gaaacacaaa gtctacgcct gcgaagtcac
ccatcagggc600
ctgagctcgc ccgtcacaaa gagcttcaac aggggagagt
gtagg                                645

```

3-53 Secuencias

3-53-1 Identificador de la secuencia

53

3-53-2 Tipo de molécula

AA

3-53-3 Extensión

214

3-53-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..214

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-53-5 Residuos

```

AIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIR YDLGWFQQKP GKAPKLLIHA ASSLQSGVPS60
RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCLQ DYNYPFTFGQ GTKLEIKRTV
AAPSVFIFPP120
SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD
STYSLSSTLT180
LSKADYEKHK VYACEVTHQG LSSPVTKSFN
RGECC                                214

```

3-54 Secuencias

3-54-1 Identificador de la secuencia

54

3-54-2 Tipo de molécula

DNA

3-54-3 Extensión

372

3-54-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..372

mol_type=other DNA

organism=synthetic construct

3-54-5 Residuos

```

gagggtgcagc tattggagtc tgggggagac ttggtacagc ctgggggggtc cctgagactc60

```

tcctgtgcag cctctggatt caccttttagc gactatgccca tgatctgggt
ccgccagact120
ccaggggaagg gactggaatg ggtctcaggt atcagtggtg gtggtggaag
cacagactac180
gcagactccg tgaagggccg gttcaccacc tccagagaca atgtcaagaa
tgcgatgtat240
ctgcaaata ga acagcctgag aaccgaggac acggccgtat attattgtgc
gagagaggac300
caactgccat catatcaca ttattacggt atggacgtct ggggccaggg
gaccacgggtc360
accgtctcct
ca

372

3-55 Secuencias

3-55-1 Identificador de la secuencia

55

3-55-2 Tipo de molécula

AA

3-55-3 Extensión

124

3-55-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..124

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-55-5 Residuos

EVQLLES GGD LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYAMIWVRQT PGKGLEWVSG ISGGGGSTDY60
ADSVKGRFTT SRDNVKNAMY LQMNSLRTE TAVYYCARED QLPSYHNYYG
MDVWGQGTTV120
TVSS
24

1

3-56 Secuencias

3-56-1 Identificador de la secuencia

56

3-56-2 Tipo de molécula

DNA

3-56-3 Extensión

24

3-56-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..24

mol_type=other DNA

organism=synthetic construct

3-56-5 Residuos

ggattcacct ttagcgacta
tgcc

24

3-57 Secuencias

3-57-1 Identificador de la secuencia

57

3-57-2 Tipo de molécula

AA

3-57-3 Extensión

8

3-57-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..8

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-57-5	Residuos GFTFSDYA		8
--------	----------------------	--	---

3-58 Secuencias

3-58-1	Identificador de la secuencia	58
3-58-2	Tipo de molécula	DNA
3-58-3	Extensión	24
3-58-4-1	Características Localización/Calificadores	

source 1..24
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-58-5	Residuos atcagtgggtg gtggtggaag caca	24
--------	--	----

3-59 Secuencias

3-59-1	Identificador de la secuencia	59
3-59-2	Tipo de molécula	AA
3-59-3	Extensión	8
3-59-4-1	Características Localización/Calificadores	

source 1..8
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-59-5	Residuos ISGGGGST	8
--------	----------------------	---

3-60 Secuencias

3-60-1	Identificador de la secuencia	60
3-60-2	Tipo de molécula	DNA
3-60-3	Extensión	51
3-60-4-1	Características Localización/Calificadores	

source 1..51
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-60-5	Residuos gcgagagagg accaactgcc atcatatcac aattattacg gtatggacgt c 51	
--------	---	--

3-61 Secuencias

3-61-1	Identificador de la secuencia	61
3-61-2	Tipo de molécula	AA
3-61-3	Extensión	17
3-61-4-1	Características Localización/Calificadores	

source 1..17
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-61-5	Residuos AREDQLPSYH NYYGMDV	17
--------	-----------------------------------	----

3-62 Secuencias

3-62-1	Identificador de la secuencia	62
3-62-2	Tipo de molécula	DNA
3-62-3	Extensión	321

3-62-4-	Características Localización/Calificadores	
1		

source 1..321
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-62-5	Residuos gacatccaga tgacccagtc tccatcctca gtgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60 atcacttgtc gggcgagtca gggcatcaac aattatttag cctggtttca gcagaaacca120 gggaaagccc caaagtcctt gatctatggc gcatccagtt tgcaaagtgg ggtcccatca180 aagttcagcg gcagcagatc tggcatagat ttcactctca ccatcagcag cctgcagcct240 gaagattttg caacttatta ctgccaacag tacaatagtt atccgtacac ttttggccag300 gggaccaagc tggagatcaa a	321
--------	---	-----

3-63 Secuencias

3-63-1	Identificador de la secuencia	63
3-63-2	Tipo de molécula	AA
3-63-3	Extensión	107

3-63-4-	Características Localización/Calificadores	
1		

source 1..107
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-63-5	Residuos DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCRASQGIN NYLAWFQQKP GKAPKSLIYG ASSLQSGVPS60 KFSGSRSGID FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSYPYTFGQ GTKLEIK	107
--------	---	-----

3-64 Secuencias

3-64-1	Identificador de la secuencia	64
3-64-2	Tipo de molécula	DNA
3-64-3	Extensión	18

3-64-4-	Características Localización/Calificadores	
1		

source 1..18
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-64-5	Residuos	
--------	----------	--

cagggcatca
acaattat

18

3-65 Secuencias

3-65-1 Identificador de la secuencia
3-65-2 Tipo de molécula
3-65-3 Extensión
3-65-4-1 Características Localización/Calificadores

65
AA
6

source 1..6
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-65-5 Residuos
 QGINNY

6

3-66 Secuencias

3-66-1 Identificador de la secuencia
3-66-2 Tipo de molécula
3-66-3 Extensión
3-66-5 Residuos
 000

66

3-67 Secuencias

3-67-1 Identificador de la secuencia
3-67-2 Tipo de molécula
3-67-3 Extensión
3-67-5 Residuos
 000

67

3-68 Secuencias

3-68-1 Identificador de la secuencia
3-68-2 Tipo de molécula
3-68-3 Extensión
3-68-4-1 Características Localización/Calificadores

68
DNA
27

source 1..27
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-68-5 Residuos
 caacagtaca atagttatcc
 gtacact

27

3-69 Secuencias

3-69-1 Identificador de la secuencia
3-69-2 Tipo de molécula
3-69-3 Extensión
3-69-4-1 Características Localización/Calificadores

69
AA
9

source 1..9
mol_type=protein

		organism=synthetic construct	
3-69-5	Residuos QQYNSYPYT		
3-70	Secuencias		
3-70-1	Identificador de la secuencia	70	
3-70-2	Tipo de molécula	DNA	
3-70-3	Extensión	1356	
3-70-4-1	Características Localización/Calificadores		
		source 1..1356	
		mol_type=other DNA	
		organism=synthetic construct	
3-70-5	Residuos		
gaggtgcagc tattggagtc tgggggagac ttggtacagc ctgggggggtc cctgagactc60			
tcctgtgcag cctctggatt caccttttagc gactatgcca tgatctgggt			
ccgccagact120			
ccaggggaagg gactggaatg ggtctcaggt atcagtgggtg gtggtggaag			
cacagactac180			
gcagactccg tgaagggccg gttcaccacc tccagagaca atgtcaagaa			
tgcgatgtat240			
ctgcaaatga acagcctgag aaccgaggac acggccgtat attattgtgc			
gagagaggac300			
caactgccat catatcacia ttattacggt atggacgtct ggggccaggg			
gaccacgggtc360			
accgtctcct cagcctccac caagggccca tcggtcttcc ccctggcgcc			
ctgctccagg420			
agcacctccg agagcacagc cgccctgggc tgcttgggtca aggactactt			
ccccgaaccg480			
gtgacgggtg cgtggaactc aggcgccttg accagcggcg tgcacacctt			
cccggtgtgc540			
ctacagtcct caggactcta ctccctcagc agcgtgggtga ccgtgccctc			
cagcagcttg600			
ggcacgaaga cctacacctg caacgtagat cacaagccca gcaacaccaa			
ggtggacaag660			
agagttgagt ccaaatatgg tcccccatgc ccaccctgcc cagcacctga			
gttcctgggg720			
ggaccatcag tcttcctgtt ccccccaaaa cccaaggaca ctctcatgat			
ctcccggacc780			
cctgagggtca cgtgcgtggt ggtggacgtg agccaggaag accccgaggt			
ccagttcaac840			
tggtacgtgg atggcgtgga ggtgcataat gccaagacaa agccgcggga			
ggagcagttc900			
aacagcacgt accgtgtggt cagcgtcctc accgtcctgc accaggactg			
gctgaacggc960			
aaggagtaca agtgcaaggt ctccaacaaa ggcctcccgt cctccatcga			
gaaaaccatc1020			
tccaaagcca aagggcagcc ccgagagcca caggtgtaca ccctgcccc			
atcccaggag1080			
gagatgacca agaaccaggt cagcctgacc tgcttgggtca aaggcttcta			
ccccagcgac1140			

```

atcgccgtgg agtgggagag caatgggcag ccggagaaca actacaagac
cacgcctccc1200
gtgctggact ccgacggctc cttcttcctc tacagcaggc tcaccgtgga
caagagcagg1260
tggcaggagg ggaatgtctt ctcatgctcc gtgatgcatg aggctctgca
caaccactac1320
acacagaagt ccctctccct gtctctgggt
aatga
1356

```

3-71 Secuencias

3-71-1	Identificador de la secuencia	71
3-71-2	Tipo de molécula	AA
3-71-3	Extensión	451
3-71-4-	Características Localización/Calificadores	
1		

source 1..451
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-71-5	Residuos	
	EVQLLES GGD LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYAMIWVRQT PGKGLEWVSG ISGGGGSTDY60	
	ADSVKGRFTT SRDNVKNAMY LQMNSLR TED TAVYYCARED QLPSYHNYG	
	MDVWGQGTTV120	
	TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL	
	TSGVHTFPAV180	
	LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL GTKTYTCNVD HKPSNTKVDK RVESKYGPPC	
	PPCPAPEFLG240	
	GPSVFLFPPK PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN	
	AKTKPREEQF300	
	NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP	
	QVYTLPPSQE360	
	EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTPP VLDS DGSFFL	
	YSRLTVDKSR420	
	WQEGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSL SLG	
	K	451

3-72 Secuencias

3-72-1	Identificador de la secuencia	72
3-72-2	Tipo de molécula	DNA
3-72-3	Extensión	645
3-72-4-	Características Localización/Calificadores	
1		

source 1..645
mol_type=other DNA
organism=synthetic construct

3-72-5	Residuos	
	gacatccaga tgacccagtc tccatcctca gtgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc60	
	atcacttgctc gggcgagtca gggcatcaac aattatttag cctgggtttca	
	gcagaaacca120	
	gggaaagccc caaagtcctt gatctatggc gcatccagtt tgcaaagtgg	
	ggtcccatca180	

```

aagttcagcg gcagcagatc tggcatagat ttcactctca ccatcagcag
cctgcagcct240
gaagattttg caacttatta ctgccaacag tacaatagtt atccgtacac
ttttggccag300
gggaccaagc tggagatcaa acgaactgtg gctgcaccat ctgtcttcat
cttcccgccca360
tctgatgagc agttgaaatc tggaactgcc tctgttgtgt gcctgctgaa
taacttctat420
cccagagagg ccaaagtaca gtggaagggtg gataacgccc tccaatcggg
taactcccag480
gagagtgtca cagagcagga cagcaaggac agcacctaca gcctcagcag
caccctgacg540
ctgagcaaag cagactacga gaaacacaaa gtctacgcct gcgaagtcac
ccatcagggc600
ctgagctcgc ccgtcacaaa gagcttcaac aggggagaggt
gtagg                                     645

```

3-73 Secuencias

3-73-1	Identificador de la secuencia	73
3-73-2	Tipo de molécula	AA
3-73-3	Extensión	214
3-73-4-1	Características Localización/Calificadores	

source 1..214
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-73-5	Residuos	
	DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCRASQGIN NYLAWFQQKP GKAPKSLIYG ASSLQSGVPS60	
	KFSGSRSGID FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSYPYTFGQ GTKLEIKRTV	
	AAPSVFIFPP120	
	SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD	
	STYSLSSTLT180	
	LSKADYEKHK VYACEVTHQG LSSPVTKSFN	
	RGEC	214

3-74 Secuencias

3-74-1	Identificador de la secuencia	74
3-74-2	Tipo de molécula	AA
3-74-3	Extensión	469
3-74-4-1	Características Localización/Calificadores	

source 1..469
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-74-5	Residuos	
	GNLTVAVVLP LANTSYPWSW ARVGPAVELA LAQVKARPD L PGWTVRTVL GSSENALGVC60	
	SDTAAPLA AV DLKWEHNPAV FLGPGCVYAA APVGRFTAHW RVPLLTAGAP	
	ALGFGVKDEY120	
	ALTTRAGPSY AKLGDFVAAL HRRLGWERQA LMLYAYRPGD EEHCFFLVEG	
	LFMRVRDRLN180	

ITVDHLEFAE DDLSHYTRLL RTMPRKGRVI YICSSPDAFR TLMLLALEAG
 LCGEDYVFFH240
 LDIFGQSLQG GQGPAPRRPW ERGDGQDVSA RQAFQAAKII TYKDPDNPEY
 LEFLKQLKHL300
 AYEQFNFTME DGLVNTIPAS FHDGLLLYIQ AVTETLAHGG TVTDGENITQ
 RMWNRSFQGV360
 TGYLKIDSSG DRETDFSLWD MDPENGAFRV VLNYNGTSQE LVAVSGRKLN
 WPLGYPPPD420
 PKCGFDNEDP ACNQDHLSTL EEQKLISEED LGGEQKLISE
 EDLHHHHHH 469

3-75 Secuencias

3-75-1 Identificador de la secuencia 75
 3-75-2 Tipo de molécula AA
 3-75-3 Extensión 469
 3-75-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..469
 mol_type=protein
 organism=synthetic construct

3-75-5 Residuos

GNLTVAVVLP LANTSYPWSW ARVGPAVELA LARVKARPD L PGWTVRTVL GSSENALGVC60
 SDTAAPLA AV DLKWEHNPA FLGPGCVYAA APVGRFTHW RVPLLTAGAP
 ALGFGVKDEY120
 ALTTRAGPSY AKLGDFVAAL HRRLGWERQA LMLYAYRPGD EEHCFFLVEG
 LFMRVRDRLN180
 ITVDHLEFAE DDLSHYTRLL RTMPRKGRVI YICSSPDAFR TLMLLALEAG
 LCGEDYVFFH240
 LDIFGQSLQG GQGPAPRRPW ERGDGQDVSA RQAFQAAKII TYKEPDNPEY
 LEFLKQLKHL300
 AREQFNFTME DGLVNTIPAS FHDGLLLYIQ AVTETLAHGG TVTDGENITQ
 RMWNRSFQGV360
 TGYLKIDSSG DRETDFSLWD MDPETGAFRV VLNYNGTSQE LVAVSGRKLN
 WPLGYPPPD420
 PKCGFDNEDP ACNQDHLSTL EEQKLISEED LGGEQKLISE
 EDLHHHHHH 469

3-76 Secuencias

3-76-1 Identificador de la secuencia 76
 3-76-2 Tipo de molécula AA
 3-76-3 Extensión 469
 3-76-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..469
 mol_type=protein
 organism=synthetic construct

3-76-5 Residuos

SDLTVAVVLP LTNTSYPWSW ARVGPAVELA LGRVKARPD L PGWTVRMLV GSSENAAGVC60
 SDTAAPLA AV DLKWEHSPAV FLGPGCVYSA APVGRFTHW RVPLLTAGAP
 ALGIGVKDEY120

ALTTRTGPSH VKLGDFVTAL HRRLGWEHQA LVLYADRLGD DRPCFFIVEG
 LYMRVRERLN180
 ITVNHQEFVE GDPDHYTKLL RTVQRKGRVI YICSSPDAFR NLMLLALDAG
 LTGEDYVFFH240
 LDVFGQSLQG AQGPVPRKPW ERDDGQDRRA RQAFQAAKII TYKEPDNPEY
 LEFLKQLKLL300
 ADKKFNFTME DGLKNIIPAS FHDGLLLYVQ AVTETLAQGG TVTDGENITQ
 RMWNRSFQGV360
 TGYLKIDRNG DRDTSFSLWD MDPETGAFRV VLNFNGTSQE LMAVSEHRLY
 WPLGYPPPD420
 PKCGFDNEDP ACNQDHFSTL EEQKLISEED LGGEQKLISE
 EDLHHHHHH 469

3-77 Secuencias

3-77-1 Identificador de la secuencia 77
 3-77-2 Tipo de molécula AA
 3-77-3 Extensión 469

3-77-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..469
 mol_type=protein
 organism=synthetic construct

3-77-5 Residuos

GNLTVAVVLP LANTSYPWSW ARVGPAVELA LAAVRAQPD L PGWTVRTVL GSSENALGVC60
 SDTAAPLA AV DLKWEHSPAV FLGPGCVYAA APVGRFTHW RVPLLTAGAP
 ALGFGAKDEY120
 ALTTRAGPSH AKLGD LVAAL HRRLGWERRA LVLYAYRPGD DQPCFFVVEG
 LYVRVRERLN180
 ITVDHLEFAE GDLDQYALL HTVRRQGRVI YICSSPDAFR TLMLLAMEAG
 LSGEDYVFFH240
 LDLFHSLQG APGLAPHRPW ERGDGQDVSA HQAFQAAKII TYKEPENPEY
 LEFLQQLKHL300
 AHEQFNFTVE DGLVNTIPAS FHDGLLLYVQ AVTETLAHGG AVTDGEAITQ
 RMRNRSFQGV360
 TGYLKMD SNG DRETDFSLWD MHPETGTFRV VLNYNGTSQE LVAVPGRKLS
 WPLGYPPPD420
 PKCGFDNEDP ACSQDHFSTL EEQKLISEED LGGEQKLISE
 EDLHHHHHH 469

3-78 Secuencias

3-78-1 Identificador de la secuencia 78
 3-78-2 Tipo de molécula AA
 3-78-3 Extensión 469

3-78-4- Características Localización/Calificadores
1

source 1..469
 mol_type=protein
 organism=synthetic construct

3-78-5 Residuos

GNLTVAVVLP LANTSYPWSW ARVGPAVELA LAKVKARPD L PGWTVRTVL GSSESALGVC60

SDTAAPLTAV DLKWEHNPAV FLGPGCVYAA APVGRFTHW RVPLLTAGAP
ALGFGAKDEY120
ALTTRAGPSH AKLGDFVAAL HRRLGWERQA LVLYAYQPGD DQPCFFVVGG
LYMRVRDRLN180
ITVDHLEFAE GDRDHYTLLL RTVRRKGRVI YICSSPDTFR TLMLLALEAG
LSGEDYVFFH240
LDLFGHSLQG AHGLVPRRPW EREDGQDVSA HQAFQAAKII TYKEPDNPEY
LEFLRKCLKHL300
AREQFNFTME DGLVNTIPAA FHDGLLLYAQ AVTETLAHGG TVTDGESITQ
RMWNRSFQGV360
TGYLKMSNG DRETDFSLWD MDPETGAFRV VLNFNGTSQE LVTVSGHTLN
WPLGHPPPDV420
PRCGFDNEDP ACNQDHFSTL EEQKLISEED LGGEQKLISE
EDLHHHHHH 469