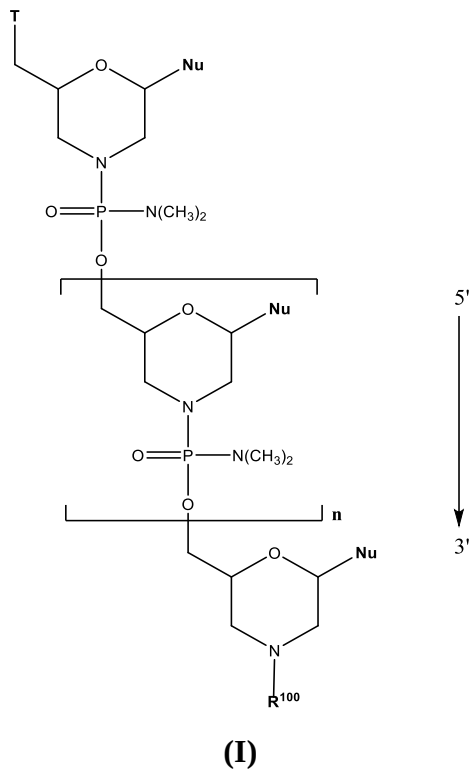
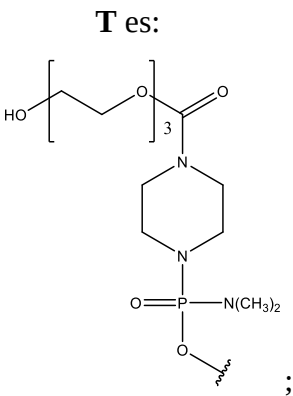


CAPÍTULO REIVINDICATORIO MODIFICADO
(Primer Examen de Fondo)

1. Un oligómero antisentido de acuerdo con la Fórmula (I):



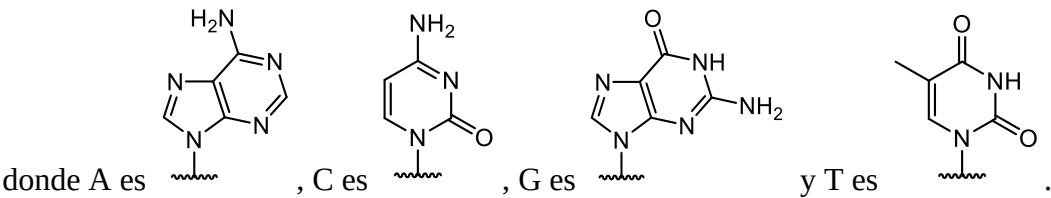
o una sal farmacéuticamente aceptable del mismo, en donde:
cada **Nu** es una nucleobase, que tomada en conjunto forma una secuencia de direccionamiento;



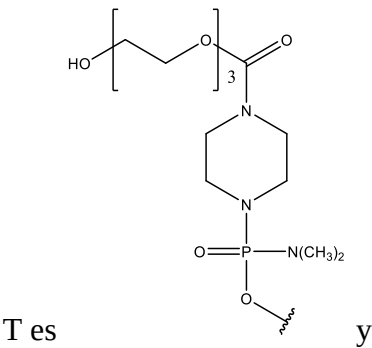
y el -OH distal del resto T está unido opcionalmente a un péptido que penetra en las células;

R¹⁰⁰ es hidrógeno o un péptido que penetra en las células;
cada **Nu** de 5' a 3' corresponde a las nucleobases:

Sitio de hibridación	Secuencia dirigida [5' a 3']	SEQ ID NO:
H50D(+07-16)	GAT CCA GTA TAC TTA CAG GCT CC	SEQ ID NO: 3

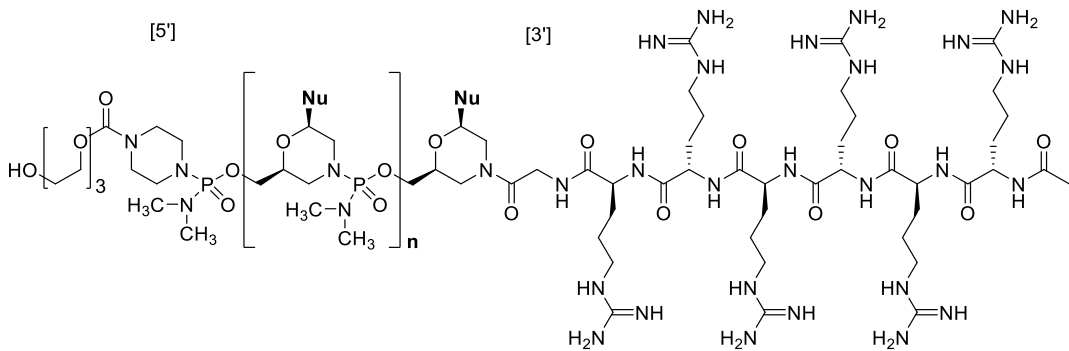


2. El oligómero antisentido de acuerdo con la Reivindicación 1, en donde el oligómero antisentido contiene un péptido que penetra en las células.
3. El oligómero antisentido de acuerdo con la Reivindicación 1, en donde:



R¹⁰⁰ es un péptido que penetra en las células.

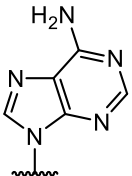
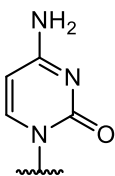
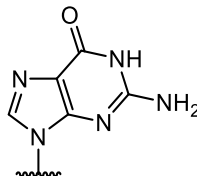
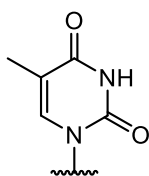
4. El oligómero antisentido de acuerdo con las Reivindicaciones 1 a 3, en donde el péptido que penetra en las células es un péptido rico en arginina, preferiblemente donde el péptido rico en arginina se selecciona del grupo constituido por -(RXR)₄-R^a (SEQ ID NO: 15), R-(FFR)₃-R^a (SEQ ID NO: 16), -B-X-(RXR)₄-R^a (SEQ ID NO: 17), -B-X-R-(FFR)₃-R^a (SEQ ID NO: 18), -GLY-R-(FFR)₃-R^a (SEQ ID NO: 19), -GLY-R₅-R^a (SEQ ID NO: 20), -R₅-R^a (SEQ ID NO: 21), -GLY-R₆-R^a (SEQ ID NO: 11) y -R₆-R^a (SEQ ID NO: 10), en donde R^a se selecciona entre H, acilo, benzoílo y estearoílo, y donde R es arginina, X es ácido 6-aminohexanoico, B es β-alanina, F es fenilalanina y GLY (o G) es glicina.
5. El oligómero antisentido de acuerdo con cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 4, en donde el oligómero antisentido se encuentra en forma de base libre.
6. El oligómero antisentido de acuerdo con cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 4, en donde el oligómero antisentido es una sal farmacéuticamente aceptable del mismo.
7. El oligómero antisentido de acuerdo con la Reivindicación 1, en donde el oligómero antisentido es de Fórmula (III):



(III)

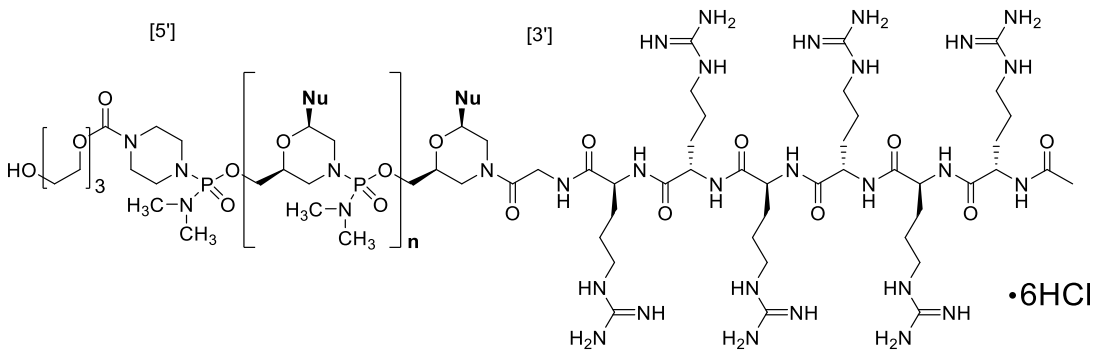
o una sal farmacéuticamente aceptable del mismo, en donde cada **Nu** de 5' a 3' corresponde a las nucleobases:

Sitio de hibridación	Secuencia dirigida [5' a 3']	SEQ ID NO:
H50D(+07-16)	GAT CCA GTA TAC TTA CAG GCT CC	SEQ ID NO: 3

en donde A es , C es , G es  y T es , y el -OH distal de fórmula (III) está opcionalmente unido a un péptido que penetra en las células.

8. El oligómero antisentido de acuerdo con la Reivindicación 7, en donde el oligómero antisentido se encuentra en forma de base libre, o en donde el oligómero antisentido es una sal farmacéuticamente aceptable del mismo.

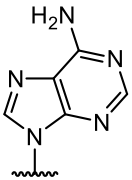
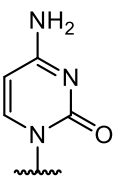
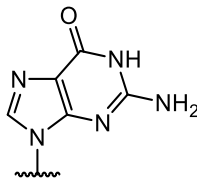
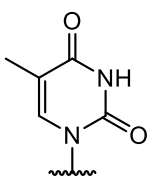
9. El oligómero antisentido de acuerdo con la Reivindicación 1, en donde el oligómero antisentido es de Fórmula (IV):



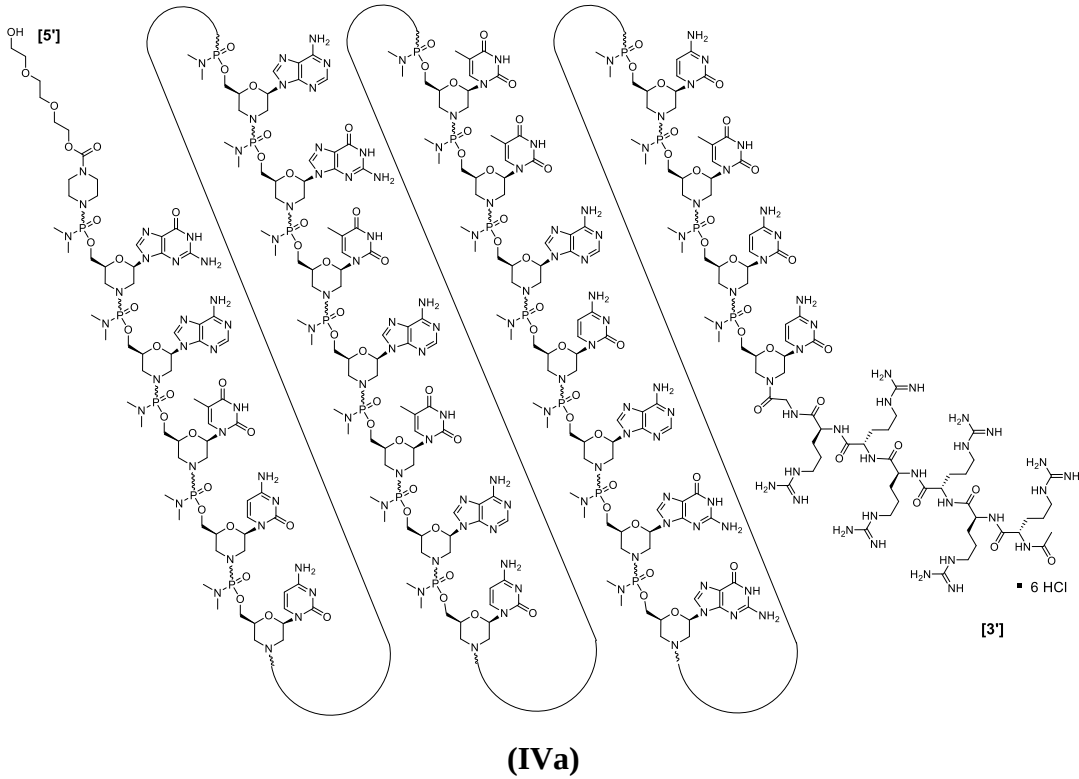
(IV)

en donde cada **Nu** de 5' a 3' corresponde a las nucleobases de una de las siguientes:

Sitio de hibridación	Secuencia dirigida [5' a 3']	SEQ ID NO:
H50D(+07-16)	GAT CCA GTA TAC TTA CAG GCT CC	SEQ ID NO: 3

en donde A es , C es , G es  y T es ,
y el -OH distal de fórmula (IV) está opcionalmente unido a un péptido que penetra en las células.

10. El oligómero antisentido de acuerdo con la Reivindicación 9, en donde el oligómero antisentido es de Fórmula (IVa)



11. Una composición farmacéutica que comprende un oligómero antisentido de acuerdo con cualquiera de las Reivindicaciones 1 a 10, o una sal farmacéuticamente aceptable de estos, y un portador farmacéuticamente aceptable.
