

Lista de secuencias

1 Información sobre la lista de secuencias

1-1	Nombre del fichero	087533-0572703.xml
1-2	Versión de la DTD	V1_3
1-3	Nombre del software	WIPO Sequence
1-4	Versión del software	2.2.0
1-5	Fecha de producción	2023-01-05

2	Información general
----------	----------------------------

2-1	Solicitud actual: Oficina de PI	WO
2-2	Solicitud actual: Número de solicitud	PCT/IB2022/062902
2-3	Solicitud actual: Fecha de presentación	2022-12-30
2-4	Solicitud actual: Referencia al expediente del solicitante	087533-0572703
2-5	Solicitud de prioridad más antigua: Oficina de PI	US
2-6	Solicitud de prioridad más antigua: Número de solicitud	63/295,462
2-7	Solicitud de prioridad más antigua: Fecha de presentación	2021-12-30
2-8en	Nombre del solicitante	CANBAS CO., LTD.
2-8en	Nombre del solicitante: Nombre en caracteres latinos	
2-9en	Nombre del inventor	Takumi KAWABE
2-9en	Nombre del inventor: Nombre en caracteres latinos	
2-10en	Título de la invención	<u>CONJUGADOS DE UNIÓN A FOSFATIDILSERINA Y RECEPTORES TIPO TOLL</u>
2-11	Número total de secuencias	43

3-1	Secuencias
------------	-------------------

3-1-1	Identificador de la secuencia	1
-------	-------------------------------	---

3-1- Tipo de molécula **AA**
2
3-1- Extensión **6**
3
3-1- Características
4-1 Localización/Calificadores

source 1..6
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-1- Residuos
5 LIKKPF
6

3-2	Secuencias
------------	-------------------

3-2- Identificador de la secuencia **2**
1
3-2- Tipo de molécula **AA**
2
3-2- Extensión **6**
3
3-2- Características
4-1 Localización/Calificadores

source 1..6
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-2- Residuos
5 PGDLSR
6

3-3	Secuencias
------------	-------------------

3-3- Identificador de la secuencia **3**
1
3-3- Tipo de molécula **AA**
2
3-3- Extensión **7**
3
3-3- Características
4-1 Localización/Calificadores

source 1..7

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-3- Residuos
5 CLIKKPF
7

3-4	Secuencias

3-4- Identificador de la secuencia 4
1
3-4- Tipo de molécula AA
2
3-4- Extensión 7
3
3-4- Características
4-1 Localización/Calificadores

source 1..7

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-4- Residuos
5 CPGDLSR
7

3-5	Secuencias

3-5- Identificador de la secuencia 5
1
3-5- Tipo de molécula AA
2
3-5- Extensión 14
3
3-5- Características
4-1 Localización/Calificadores

source 1..14

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-5- Residuos
5

FNFRLKAGAK IRFG

14

3-6	Secuencias	
3-6-1	Identificador de la secuencia	6
3-6-2	Tipo de molécula	AA
3-6-3	Extensión	12
3-6-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..12 mol_type=protein organism=synthetic construct
3-6-4-2	Características Localización/Calificadores	VARIANT 2 note=X can be any amino acid
3-6-4-3	Características Localización/Calificadores	VARIANT 4 note=X can be any amino acid
3-6-4-4	Características Localización/Calificadores	VARIANT 7..9 note=X can be any amino acid
3-6-4-5	Características Localización/Calificadores	VARIANT 11 note=X can be any amino acid
3-6-5	Residuos FXFXLKXXXK XR	
12		
3-7	Secuencias	

3-7- Identificador de la secuencia
1

7

3-7- Tipo de molécula
2

AA

3-7- Extensión
3

6

3-7- Características

4-1 Localización/Calificadores

source 1..6

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-7- Residuos
5 TLVSSL
6

3-8	Secuencias

3-8- Identificador de la secuencia
1

8

3-8- Tipo de molécula
2

AA

3-8- Extensión
3

9

3-8- Características

4-1 Localización/Calificadores

source 1..9

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3-8- Residuos
5 CLSYYPSC
9

3-9	Secuencias

3-9- Identificador de la secuencia
1

9

3-9- Tipo de molécula
2

AA

3-9- Extensión
3

7

3-9- Características
4-1 Localización/Calificadores

source 1..7
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3-9- Características
4-2 Localización/Calificadores

SITE 7
note=D-Arginine

3-9- Residuos
5 GEGKGGR
7

3-10 Secuencias	
-----------------	--

3- Identificador de la secuencia
10-1 **10**
3- Tipo de molécula
10-2 **AA**
3- Extensión
10-3 **7**
3- Características
10- Localización/Calificadores
4-1

source 1..7
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
10- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1
note=D-Glycine

3- Características
10- Localización/Calificadores
4-3

SITE 3
note=D-Glycine

3- Características
10- Localización/Calificadores
4-4

SITE 5..6

note=D-Glycine

3- Características
10- Localización/Calificadores
4-5

SITE 2

note=D-Glutamic acid

3- Características
10- Localización/Calificadores
4-6

SITE 4

note=D-Lysine

3- Características
10- Localización/Calificadores
4-7

SITE 7

note=D-Arginine

3- Residuos
10-5 GEGKGGR
7

3-11	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
11-1

11

3- Tipo de molécula
11-2

AA

3- Extensión
11-3

4

3- Características
11- Localización/Calificadores
4-1

source 1..4

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
11- Localización/Calificadores
4-2

SITE 4

note=D-Arginine

3- Residuos
11-5 GEGR
4

3-12	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
12-1 **12**
3- Tipo de molécula
12-2 **AA**
3- Extensión
12-3 **4**
3- Características
12- Localización/Calificadores
4-1

source 1..4

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
12- Localización/Calificadores
4-2

SITE 4

note=D-Arginine

3- Características
12- Localización/Calificadores
4-3

SITE 1

note=D-Glycine

3- Características
12- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D-Glycine

3- Características
12- Localización/Calificadores
4-5

SITE 2

note=Glutamic acid

3- Residuos
12-5 GEGR
4

3-13	Secuencias	

3- Identificador de la secuencia
13-1 **13**
3- Tipo de molécula
13-2 **AA**
3- Extensión
13-3 **5**
3- Características
13- Localización/Calificadores
4-1

source 1..5

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Residuos
13-5 RGEGR
5

3-14	Secuencias	

3- Identificador de la secuencia
14-1 **14**
3- Tipo de molécula
14-2 **AA**
3- Extensión
14-3 **5**
3- Características
14- Localización/Calificadores
4-1

source 1..5

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
14- Localización/Calificadores
4-2

SITE 3

note=D-Glutamic acid

3- Características
14- Localización/Calificadores
4-3

SITE 1

note=D-Arginine

3- Características
14- Localización/Calificadores
4-4

SITE 5

note=D-Arginine

3- Características
14- Localización/Calificadores
4-5

SITE 2

note=D-Glycine

3- Características
14- Localización/Calificadores
4-6

SITE 4

note=D-Glycine

3- Residuos
14-5 RGEGR
5

3-15	Secuencias

3-15-1	Identificador de la secuencia	15
3-15-2	Tipo de molécula	AA
3-15-3	Extensión	8

3- Características
15- Localización/Calificadores
4-1

source 1..8
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
15- Localización/Calificadores
4-2

REGION 1..8
note=Peptide is circular

3- Residuos
15-5 RKKKWFGC
8

3-16	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
16-1 **16**
3- Tipo de molécula
16-2 **AA**
3- Extensión
16-3 **12**
3- Características
16- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1
note=D-Bpa

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-4

note=D-Serine

SITE 4

note=D-Serine

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-5

SITE 3

note=D-Tryptophan

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-6

SITE 5

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-7

SITE 6

note=D-Cha

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-8

SITE 7..9

note=D-Arginine

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-9

SITE 10

note=D-Glutamine

3- Características
16- Localización/Calificadores
4-10

SITE 11..12

note=D-Arginine

3- Residuos
16-5 XSWsXXXRRRQ RR
12

3-17	Secuencias
------	------------

3- Identificador de la secuencia
17-1 17

3- Tipo de molécula
17-2 AA

3- Extensión
17-3 12

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1..3

note=D-Arginine

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-3

SITE 4

note=D-Glutamine

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-4

SITE 5..6

note=D-Arginine

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7

note=D-Bpa

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-6

SITE 8

note=D-Serine

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-7

SITE 10

note=D-Serine

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-8

SITE 9

note=D-Tryptophan

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-9

SITE 11

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
17- Localización/Calificadores
4-10

SITE 12

note=D-Cha

3- Residuos
17-5 RRRQRRXSWS XX
12

3-18	Secuencias

3-18-1	Identificador de la secuencia	18
3-18-2	Tipo de molécula	AA
3-18-3	Extensión	12

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1
note=D-Bpa

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2
note=D-Serine

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-4

SITE 4
note=D-Serine

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-5

SITE 3
note=D-Tryptophan

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-6

SITE 5
note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-7

SITE 6
note=D-Cha

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-8

SITE 7..8

note=D-Arginine

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-9

SITE 10..12

note=D-Arginine

3- Características
18- Localización/Calificadores
4-10

SITE 9

note=D-Glutamine

3- Residuos
18-5 XWSXXXRRQR RR
12

3-19	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
19-1

19

3- Tipo de molécula
19-2

AA

3- Extensión
19-3

12

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1..2

note=D-Arginine

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-3

SITE 4..6

note=D-Arginine

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D-Glutamine

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7

note=D-Bpa

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-6

SITE 8

note=D-Serine

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-7

SITE 10

note=D-Serine

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-8

SITE 9

note=D-Tryptophan

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-9

SITE 11

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
19- Localización/Calificadores
4-10

SITE 12

note=D-Cha

3- Residuos
19-5 RRQRRRXSWS XX
12

3-20	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
20-1

20

3- Tipo de molécula
20-2

AA

3- Extensión
20-3

12

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Cha

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D- Serine

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-5

SITE 5

note=D- Serine

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-6

SITE 4

note=D-Tryptophan

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-7

SITE 6

note=D-Bpa

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-8

SITE 7..9

note=D-Arginine

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-9

SITE 10

note=D-Glutamine

3- Características
20- Localización/Calificadores
4-10

SITE 11..12

note=D-Arginine

3- Residuos
20-5 XXSWXRRRQ RR
12

3-21	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
21-1
3- Tipo de molécula
21-2
3- Extensión
21-3
3- Características
21- Localización/Calificadores
4-1

21

AA

12

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1..3

note=D-Arginine

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-3

SITE 5..6

note=D-Arginine

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-4

SITE 4

note=D-Glutamine

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7

note=D-Cha

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-6

SITE 8

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-7

SITE 9

note=D-Serine

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-8

SITE 11

note=D-Serine

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-9

SITE 10

note=D-Tryptophan

3- Características
21- Localización/Calificadores
4-10

SITE 12

note=D-Bpa

3- Residuos
21-5 RRRQRRXXSW SX
12

3-22	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
22-1

22

3- Tipo de molécula
22-2

AA

3- Extensión
22-3

12

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Cha

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D-Serine

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-5

SITE 5

note=D-Serine

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-6

SITE 4

note=D-Tryptophan

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-7

SITE 6

note=D-Bpa

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-8

SITE 7..8

note=D-Arginine

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-9

SITE 10..12

note=D-Arginine

3- Características
22- Localización/Calificadores
4-10

SITE 9

note=D-Glutamine

3- Residuos
22-5 XXSWXRRQR RR
12

3-23	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
23-1

23

3- Tipo de molécula
23-2

AA

3- Extensión
23-3

12

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1..2

note=D-Arginine

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-3

SITE 4..6

note=D-Arginine

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D-Glutamine

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7

note=D-Cha

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-6

SITE 8

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-7

SITE 9

note=D-Serine

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-8

SITE 11

note=D-Serine

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-9

SITE 10

note=D-Tryptophan

3- Características
23- Localización/Calificadores
4-10

SITE 12

note=D-Bpa

3- Residuos
23-5 RRQRRRXXSW SX
12

3-24	Secuencias
-------------	-------------------

3- Identificador de la secuencia
24-1 **24**

3- Tipo de molécula
24-2 **AA**

3- Extensión
24-3 **12**

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1..6

note=D-Arginine

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-3

SITE 7

note=D-Cha

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-4

SITE 8

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-5

SITE 9

note=D-Serine

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-6

SITE 11

note=D-Serine

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-7

SITE 10

note=D-Tryptophan

3- Características
24- Localización/Calificadores
4-8

SITE 12

note=D-Bpa

3- Residuos
24-5 RRRRRRXXSW SX
12

3-25	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
25-1

25

3- Tipo de molécula
25-2

AA

3- Extensión
25-3

12

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Cha

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D-Serine

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-5

SITE 5

note=D-Serine

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-6

SITE 4

note=D-Tryptophan

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-7

SITE 6

note=D-Bpa

3- Características
25- Localización/Calificadores
4-8

SITE 7..12

note=D-Arginine

3- Residuos
25-5 XXSWSXRRRR RR
12

3-26	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
26-1
3- Tipo de molécula
26-2
3- Extensión
26-3
3- Características
26- Localización/Calificadores
4-1

26

AA

12

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
26- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1..6

note=D-Arginine

3- Características
26- Localización/Calificadores
4-3

SITE 7

note=D-Bpa

3- Características
26- Localización/Calificadores
4-4

SITE 8

note=D-Serine

3- Características
26- Localización/Calificadores
4-5

SITE 10

note=D-Serine

3- Características
26- Localización/Calificadores
4-6

SITE 9

note=D-Tryptophan

3- Características
26- Localización/Calificadores
4-7

SITE 11

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
26- Localización/Calificadores
4-8

SITE 12

note=D-Cha

3- Residuos
26-5 RRRRRRXSWS XX
12

3-27	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
27-1

27

3- Tipo de molécula
27-2

AA

3- Extensión
27-3

12

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-1

source 1..12

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Bpa

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Serine

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-4

SITE 4

note=D-Serine

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-5

SITE 3

note=D-Tryptophan

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-6

SITE 5

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-7

SITE 6

note=D-Cha

3- Características
27- Localización/Calificadores
4-8

SITE 7..12

note=D-Arginine

3- Residuos
27-5 XSWXXXRRRR RR
12

3-28	Secuencias

3-28-1	Identificador de la secuencia	28
3-28-2	Tipo de molécula	AA
3-28-3	Extensión	8

3- Características
28- Localización/Calificadores
4-1

source 1..8
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
28- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1..2
note=D-Arginine

3- Características
28- Localización/Calificadores
4-3

SITE 4..6
note=D-Arginine

3- Características
28- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3
note=D-Bpa

3- Características
28- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7
note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
28- Localización/Calificadores
4-6

SITE 8
note=D-Cha

3- Residuos
28-5 RRXRRRXX
8

3-29	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
29-1
3- Tipo de molécula
29-2
3- Extensión
29-3
3- Características
29- Localización/Calificadores
4-1

29

AA

8

source 1..8

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
29- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Cha

3- Características
29- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
29- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3..5

note=D-Arginine

3- Características
29- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7..8

note=D-Arginine

3- Características
29- Localización/Calificadores
4-6

SITE 6

note=D-Bpa

3- Residuos
29-5 XXRRRXRR
8

3-30	Secuencias
-------------	-------------------

3- Identificador de la secuencia
30-1 **30**

3- Tipo de molécula
30-2 **AA**

3- Extensión
30-3 **9**

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-1

source 1..9

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-2

SITE 4

note=D-Bpa

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-3

SITE 1..3

note=D-Arginine

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-4

SITE 5

note=D-Arginine

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7

note=D-Arginine

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-6

SITE 6

note=D-Tryptophan

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-7

SITE 8

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
30- Localización/Calificadores
4-8

SITE 9

note=D-Cha

3- Residuos
30-5 RRRXRWRXX
9

3-31	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
31-1

31

3- Tipo de molécula
31-2

AA

3- Extensión
31-3

9

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-1

source 1..9

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Cha

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D-Arginine

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-5

SITE 5

note=D-Arginine

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-6

SITE 7..9

note=D-Arginine

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-7

SITE 4

note=D-Tryptophan

3- Características
31- Localización/Calificadores
4-8

SITE 6

note=D-Bpa

3- Residuos
31-5 **XXRWRXRRR**
9

3-32	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
32-1
3- Tipo de molécula
32-2
3- Extensión
32-3
3- Características
32- Localización/Calificadores
4-1

32

AA

10

source 1..10

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
32- Localización/Calificadores
4-2

SITE 5

note=D-Bpa

3- Características
32- Localización/Calificadores
4-3

SITE 1..4

note=D-Arginine

3- Características
32- Localización/Calificadores
4-4

SITE 6

note=D-Arginine

3- Características
32- Localización/Calificadores
4-5

SITE 8

note=D-Arginine

3- Características
32- Localización/Calificadores
4-6

SITE 7

note=D-Tryptophan

3- Características
32- Localización/Calificadores
4-7

SITE 9

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
32- Localización/Calificadores
4-8

SITE 10

note=D-Cha

3- Residuos
32-5 RRRRXRWRXX
10

3-33	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
33-1

33

3- Tipo de molécula
33-2

AA

3- Extensión
33-3

10

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-1

source 1..10

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Cha

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3

note=D-Arginine

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-5

SITE 5

note=D-Arginine

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-6

SITE 7..10

note=D-Arginine

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-7

SITE 4

note=D-Tryptophan

3- Características
33- Localización/Calificadores
4-8

SITE 6

note=D-Bpa

3- Residuos
33-5 *XXRWRXRRRR*
10

3-34	Secuencias

3- Identificador de la secuencia	34
34-1	
3- Tipo de molécula	AA
34-2	
3- Extensión	9
34-3	

3- Características
34- Localización/Calificadores
4-1

source 1..9
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
34- Localización/Calificadores
4-2

SITE 4
note=D-Bpa

3- Características
34- Localización/Calificadores
4-3

SITE 1..3
note=D-Arginine

3- Características
34- Localización/Calificadores
4-4

SITE 5..7
note=D-Arginine

3- Características
34- Localización/Calificadores
4-5

SITE 8
note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
34- Localización/Calificadores
4-6

SITE 9
note=D-Cha

3- Residuos
34-5 RRRXRRRXX
9

3-35	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
35-1
3- Tipo de molécula
35-2
3- Extensión
35-3
3- Características
35- Localización/Calificadores
4-1

35

AA

9

source 1..9

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
35- Localización/Calificadores
4-2

SITE 1

note=D-Cha

3- Características
35- Localización/Calificadores
4-3

SITE 2

note=D-Phe-2,3,4,5,6-F

3- Características
35- Localización/Calificadores
4-4

SITE 3..5

note=D-Arginine

3- Características
35- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7..9

note=D-Arginine

3- Características
35- Localización/Calificadores
4-6

SITE 6

note=D-Bpa

3- Residuos
35-5 XXRRRXRRR
9

3-36	Secuencias
-------------	-------------------

3- Identificador de la secuencia
36-1 **36**

3- Tipo de molécula
36-2 **AA**

3- Extensión
36-3 **32**

3- Características
36- Localización/Calificadores
4-1

source 1..32

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
36- Localización/Calificadores
4-2

SITE 7

note=D-Arginine

3- Características
36- Localización/Calificadores
4-3

SITE 14

note=D-Arginine

3- Características
36- Localización/Calificadores
4-4

SITE 21

note=D-Arginine

3- Características
36- Localización/Calificadores
4-5

SITE 28

note=D-Arginine

3- Residuos
 36-5 GEGKGGRGEG KGGRGEGKGG RGEGKGGRKK KC
 32

3-37	Secuencias
-------------	-------------------

3- Identificador de la secuencia **37**
 37-1
 3- Tipo de molécula **AA**
 37-2
 3- Extensión **24**
 37-3
 3- Características
 37- Localización/Calificadores
 4-1

source 1..24
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Residuos
 37-5 RGEGRRGEGR RGEGRRGEGR KKKC
 24

3-38	Secuencias
-------------	-------------------

3- Identificador de la secuencia **38**
 38-1
 3- Tipo de molécula **AA**
 38-2
 3- Extensión **9**
 38-3
 3- Características
 38- Localización/Calificadores
 4-1

source 1..9
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
 38- Localización/Calificadores
 4-2

SITE 1..3

note=D-Arginine

3- Características
38- Localización/Calificadores
4-3

SITE 4

note=D-Leucine

3- Características
38- Localización/Calificadores
4-4

SITE 5..6

note=D-Serine

3- Características
38- Localización/Calificadores
4-5

SITE 7

note=D- Valine

3- Características
38- Localización/Calificadores
4-6

SITE 8

note=D-Leucine

3- Características
38- Localización/Calificadores
4-7

SITE 9

note=D-Threonine

3- Residuos
38-5 RRRLSSVLT
9

3-39	Secuencias

3-39-1	Identificador de la secuencia	39
3-39-2	Tipo de molécula	AA
3-39-3	Extensión	32

3- Características
39- Localización/Calificadores
4-1

source 1..32
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
39- Localización/Calificadores
4-2

SITE 7
note=D-Arginine

3- Características
39- Localización/Calificadores
4-3

SITE 14
note=D-Arginine

3- Características
39- Localización/Calificadores
4-4

SITE 21
note=D-Arginine

3- Características
39- Localización/Calificadores
4-5

SITE 28
note=D-Arginine

3- Residuos
39-5 TLVSSLRTLVL SSLRTLVSRL RTLVSRLRKK KC
32

3-40	Secuencias

3-40-1	Identificador de la secuencia	40
3-40-2	Tipo de molécula	AA
3-40-3	Extensión	64

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-1

source 1..64
mol_type=protein
organism=synthetic construct

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-2

SITE 7
note=D-Arginine

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-3

SITE 14
note=D-Arginine

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-4

SITE 21
note=D-Arginine

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-5

SITE 28
note=D-Arginine

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-6

SITE 35
note=D-Arginine

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-7

SITE 42
note=D-Arginine

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-8

SITE 49

note=D-Arginine

3- Características
40- Localización/Calificadores
4-9

SITE 56

note=D-Arginine

3- Residuos
40-5 TLVSSLRTLVL SSLRTLVSRL RTLVSRLRTL VSSLRTLVSRL LRTLVSRLRT
LVSSLRKKKK60
KKKC
64

3-41	Secuencias

3- Identificador de la secuencia
41-1 **41**

3- Tipo de molécula
41-2 **AA**

3- Extensión
41-3 **10**

3- Características
41- Localización/Calificadores
4-1

source 1..10

mol_type=protein

organism=synthetic construct

3- Características
41- Localización/Calificadores
4-2

SITE 7..9

note=D-Arginine

3- Residuos
41-5 TLVSSLRRRG
10

--	--

3-42	Secuencias	
3- 42-1	Identificador de la secuencia	42
3- 42-2	Tipo de molécula	AA
3- 42-3	Extensión	17
3- 42- 4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..17
		mol_type=protein
		organism=synthetic construct
3- 42- 4-2	Características Localización/Calificadores	
		SITE 14..16
		note=D-Arginine
3- 42-5	Residuos TLVSSLKTLV SSLRRRG 17	

3-43	Secuencias	
3- 43-1	Identificador de la secuencia	43
3- 43-2	Tipo de molécula	AA
3- 43-3	Extensión	16
3- 43- 4-1	Características Localización/Calificadores	
		source 1..16
		mol_type=protein
		organism=synthetic construct
3- 43- 4-2	Características Localización/Calificadores	

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-3

SITE 1..3

note=D-Arginine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-4

SITE 4

note=D- Glutamic acid

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-5

SITE 5

note=D-Leucine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-6

SITE 9

note=D-Leucine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-7

SITE 6..7

note=D-Serine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-8

SITE 8

note=D- Valine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-9

SITE 10

note=D-Threonine

SITE 11

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-10

note=D-Leucine

SITE 15

note=D-Leucine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-11

SITE 12..13

note=D-Serine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-12

SITE 14

note=D- Valine

3- Características
43- Localización/Calificadores
4-13

SITE 16

note=D-Threonine

3- Residuos
43-5 RRRELSSVLT LSSVLT
16