

Sustitución AA	Cadena	Posición	ProteoMiner TM 1 nanoLC	ProteoMiner TM 2 nanoLC	ProteoMiner TM 3 nanoLC	Digestión directa nanoLC	Digestión directa CSH LC Lab-1	Digestión directa CSH LC Lab-2	Digestión directa CSH LC Lab-3
Ala → Thr	HC	132	0.01	0.01		0.01	0.01	0.01	0.01
	HC	381					0.01	0.02	
Arg → Lys	LC	60	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	
Gly → Asp	HC	125	0.004	0.003	0.005	0.004	0.01	0.01	0.01
	HC	141	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.04	0.01
	HC	284	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.03	0.03
	LC	199	0.07	0.09	0.14	0.09	0.07	0.07	0.02
Lys → Arg	HC	150	0.05	0.05	0.05	0.05	0.04	0.04	0.02
Ser → Asn	HC	30					0.03		0.02
	LC	170/173	0.07	0.08	0.08	0.06	0.07	0.09	0.05
	LC	181			0.03	0.02	0.07	0.03	0.04
	HC	270	0.04	0.02	0.02	0.03	0.01	0.02	0.10
	HC	307	0.04	0.04	0.04	0.04	0.02	0.04	
	HC	411	0.19	0.29	0.22	0.22	0.08	0.06	0.02
Val → Ile o Leu	LC	57	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.03
	HC	128	0.10	0.06	0.07	0.04		0.01	0.00
	HC	308/311		0.06	0.08	0.05	0.06	0.06	0.04

FIG. 22E