

REIVINDICACIONES MODIFICADAS EN RESPUESTA A OFICIO NO. 8111

1. Un método de producción de una planta soja que tiene resistencia aumentada a la Roya de la Soja Asiática (ASR), comprendiendo el método las etapas de:

a. Proporcionar una línea de planta de *Glycine canescens*, o una descendencia de la misma, que comprende un intervalo cromosómico correspondiente a una cualquiera de las SEQ ID NOS: 1-3;

b. Llevar a cabo un método de rescate de embriones para generar brotes anfidiploides;

c. Recoger las semillas resultantes del método de b)

d. regenerar las semillas de c) en plantas.

2. Un método para identificar o seleccionar una planta de soja que tenga un alelo de resistencia a la ASR derivado de *Glycine canescens*, comprendiendo el método las etapas de:

a. Aislar un ácido nucleico de una planta de soja;

b. Detectar en el ácido nucleico la presencia de un marcador molecular que se asocie con la resistencia aumentada a la ASR, en donde el marcador molecular es cualquier marcador favorable como se describe en una de las tablas 1 a 3 o un marcador molecular ubicado dentro de 20 cM, 10 cM, 5 cM, 1 cM, o 0.5 cM de cualquier marcador favorable como se describe en una cualquiera de las Tablas 1-3; e

c. identificar o seleccionar de este modo una planta de soja que tenga un alelo de resistencia a la ASR derivado de *Glycine canescens*.

3. Un método de producción de una planta de soja que tiene resistencia aumentada a la Roya de la Soja Asiática(ASR), comprendiendo el método las etapas de:

a. Proporcionar una línea de planta de *Glycine tomentella*, o un descendiente de la misma, que comprende un intervalo cromosómico correspondiente a una cualquiera de las SEQ ID NOS: 4-5;

b. Llevar a cabo un método de rescate de embriones para generar brotes amfidiploides;

c. Recoger las semillas resultantes del método de b)

d. Regenerar las semillas de c) en plantas.

4. Un método para identificar o seleccionar una planta de soja que tenga un alelo de resistencia a la ASR derivado de *Glycine tomentella*, comprendiendo el método las etapas de:

a. Aislar un ácido nucleico de una planta de soja;

b. Detectar en el ácido nucleico la presencia de un marcador molecular que se asocia con una resistencia aumentada a la ASR, en donde el marcador molecular es cualquier marcador favorable como se describe en una de las tablas 4 - 5 o un marcador molecular ubicado dentro de 20 cm, 10 cm, 5 cm, 1 cm, o 0.5 cm de cualquier marcador favorable como se describe en una cualquiera de las Tablas 4-5; e

c. identificar o seleccionar una planta de soja que tenga un alelo de resistencia a la ASR derivado de *Glycine tomentella*.

5. Un método de producción de una planta de soja que tiene resistencia aumentada a la Roya de la Soja Asiática(ASR), comprendiendo el método las etapas de:

a. Introducir un intervalo cromosómico asociado con (ASR), que comprende cualquiera de la secuencia SEQ ID NOS:

1-3, o una parte de la misma, en el genoma de la planta de soja; y

b. Aislar un ácido nucleico de la planta de soja o una planta progenie de la misma; y

c. Detectar en el ácido nucleico, la presencia de un marcador molecular que se asocia con el intervalo cromosómico, en donde el marcador molecular es cualquier marcador favorable como se describe en una de las Tablas 1 a 3 o un marcador molecular ubicado dentro de 20 cM, 10 cM, 5 cM, 1 cM, o 0.5 cM de cualquier marcador favorable como se describe en una cualquiera de las Tablas 1-3

6. Un método de producción de una planta de soja que tiene resistencia aumentada a la Roya de la Soja Asiática(ASR), comprendiendo el método las etapas de:

a. Introducir un intervalo cromosómico asociado con resistencia ASR, que comprende cualquiera de las secuencia SEQ ID NOS: 4-5, o una parte de la misma, en el genoma de la planta de soja; y

b. Aislar un ácido nucleico de la planta de soja o una planta progenie de la misma; y

c. Detectar en el ácido nucleico, la presencia de un marcador molecular que se asocia con el intervalo cromosómico, en donde el marcador molecular es cualquier marcador favorable como se describe en una de las Tablas 4 a 5 o un marcador molecular ubicado dentro de 20 cM, 10 cM, 5 cM, 1 cM, o 0.5 cM de cualquier marcador favorable como se describe en una cualquiera de las Tablas 4-5.