

LISTADO DE SECUENCIAS

<110> Monsanto Technology LLC
 Brown, Sarah L
 Gabbert, Karen K
 Gowda, Anilkumar
 MacRae, Ted C
 Ruschke, Lisa G
 Rymarquis, Linda
 Shi, Xiaohong

<120> Evento transgénico de soja GM_CSM63770 y métodos para su detección y sus usos

<130> CSM63770 US

<160> 237

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Artificial

<220>
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos que representa la región de unión 5' del ADN genómico de soja y el casete transgénico de expresión integrado.

<400> 1
 tacatatata ataaaacctt gaattagtca gcatcatcac accaaaagtt 50

<210> 2
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Artificial

<220>
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos que representa la región de unión 3' del casete transgénico de expresión integrado y el ADN genómico de soja.

<400> 2
 ttcccgagaca tgaagccatt tacaaccata gatgtgagga agaattgtcaa 50

<210> 3
 <211> 100
 <212> ADN
 <213> Artificial

<220>
 <223> Una secuencia de 100 nucleótidos que representa la región de unión 5' del ADN genómico de soja y el casete transgénico de expresión integrado.

<400> 3
 ccgttgtagt gtctgtttct cttagtacat atataataaa accttgaatt agtcagcatc 60
 atcacaccaa aagttaggcc cgaatagttt gaaattagaa 100

<210> 4
 <211> 100
 <212> ADN
 <213> Artificial

<220>
 <223> Una secuencia de 100 nucleótidos que representa la región de unión 3' del casete transgénico de expresión integrado y el ADN genómico de soja.

<400> 4
 atactcattg ctgatccatg tagatttccc ggacatgaag ccatttaca ccatagatgt 60
 gaggaagaat gtcaaaaatg gaataaattt tataaccact 100

<210> 5
 <211> 200
 <212> ADN

<213> Artificial

<220>

<223> Una secuencia de 200 nucleótidos que representa la región de unión 5' del ADN genómico de soja y el casete transgénico de expresión integrado.

<400> 5

caaaattgtg ataatatatt aaatttagca taaaagaaa tgcaaatacc ccgtttagt	60
gtctgtttct cttagtacat atataataaa acctgaatt agtcagcatc atcacaccaa	120
aagttaggcc cgaatagttt gaaattagaa agctcgcaat tgaggtctgt cgaccctgca	180
ctaactataa cggtcctaag	200

<210> 6

<211> 200

<212> ADN

<213> Artificial

<220>

<223> Una secuencia de 200 nucleótidos que representa la región de unión 3' del casete transgénico de expresión integrado y el ADN genómico de soja.

<400> 6

attgaaaaaa aattggtaat tactctttct ttttctccat attgaccatc atactcattg	60
ctgatccatg tagatttccc ggacatgaag ccatttaca ccatagatgt gaggaagaat	120
gtcaaaaatg gaataaat ttaaccact agcagaaata gaagcactac aatgtataac	180
tgcctttccc atgttttatt	200

<210> 7

<211> 1181

<212> ADN

<213> Artificial

<220>

<223> Una secuencia de 1.181 nucleótidos que representa la región de unión 5' del ADN genómico de soja y el casete transgénico de expresión integrado.

<400> 7

ataataacac aaaagagaat caaaatgttt attggaacca gctctattct tagtttattt	60
ttatttttgt gatataattt taatttgta gaaataaatg gtgtaacagt ttaattagt	120
tttaattggt tgaacagtta attataatga atgtatgaga tgtgtgtact ttattctcca	180
aactctaaag tactgacttt aaataaaaaa tagttatcat tgaaaagggtg ttcattttta	240
taactgttaa cctataactt cttctatagt tttgggtaca aaaactgttc acgtacgtac	300
gtattcttat aactaactgt taacctataa cttgtttttc tctcttcac atattttaat	360
ttccgttttt tcccctcatt tctgtttctt tgtatcgtag aaacatagac tccgaccaat	420
gccaaaatct ttgatcttca ttgttcatat tctccacatc tcaatcgatt gttgcagaat	480
cacagaagga gaaagaacat aaagaaaagc ttgcattttt gcctcaatat catgttattt	540
ttgttttttg aggggagaga taactacact aatctcttac gagatcagtg ttaattattac	600
tacaaaaaag tgataatgat atttacattt ttttaagtaa aacatataca tcttctaaaa	660
aaaaagtaaa atatatacat atctctaatt tatatttaca tacgcatgca atgttaggta	720
tattcagcaa tgcaacacta ttttcttttt tctctatacc gttttttctt tattattgca	780
tggatagtag gaaaaataa ataattaaac caaaattaat atataagtca atatattaaa	840
gataaattgt tactagcaac tttagcataa taaaaatggg atatataatt ttagtgcagt	900
caaaattgtg ataatatatt aaatttagca taaaagaaa tgcaaatacc ccgtttagt	960
gtctgtttct cttagtacat atataataaa acctgaatt agtcagcatc atcacaccaa	1020

aagttaggcc cgaatagttt gaaattagaa agctcgcaat tgaggtctgt cgaccctgca	1080	
ctaactataa cggtcctaag gtagcgactt aggctgagcc cgggcaggcc tacccataat	1140	
acccataata gctgtttgcc aatcgttctt cttggcgcg c	1181	
<210> 8		
<211> 1192		
<212> ADN		
<213> Artificial		
<220>		
<223> Una secuencia de 1.181 nucleótidos que representa la región de expresión integrado y el ADN		unión 3' del casete transgénico de
genómico de soja.		
<400> 8		
ctttcgcta taaatacgac ggatcgtaat ttgtcgtttt atcaaaatgt actttcattt	60	
tataataacg ctgcggacat ctacatTTTT gaattgaaaa aaaattggta attactcttt	120	
ctttttctcc atattgacca tcatactcat tgctgatcca tntagatttc ccggacatga	180	
agccatttac aaccatagat gtgaggaaga atgtcaaaaa tggaataaat tttataacca	240	
ctagcagaaa tagaagcact acaatgtata actgcctttc ccatgtttta tttgtttcgt	300	
atgatctaag atgttaagtt gacatgttta ttaatcttga agcactatta atttatttct	360	
acttatctgt actttttttt attcttaatt taataatttt ttcctcaata tattttaaaa	420	
atatatatta aactaaaatt aatataaatg ttaaagcatg ataaaataaa atgttttgat	480	
atatcaaatt taacaaataa aaatacggac acacaaataa gataacacat gtgtttttca	540	
ttttgctaag tatatatatt attgatcata tatcttatga ttcattgattt gattcacgat	600	
tccatacata ggctttccga ttcaactacc ttgctggtaa ttatattgtc tcacaccaag	660	
catcaaaatt atttgcaatt acaaattaat tgtttgctag ttgttactga tgtcaatggt	720	
aaggaggcgt tccgaggatc tccttcgttt acttttgggc tccatatctt ccaaattgatg	780	
agtgatattg tcactattga tcaattttca ctttaaaact gaatcattct gattaaaaaa	840	
ttaattcaaa ttaagtaact gattgaattt aaaattatat ggaaaacaaa gatatagatt	900	
atgaatgagt tgtcgctttg cttgttggtta ttgttaagtg aatttgggtt cattgatttc	960	
aatgccgctg gaatcaaatt tgtaagtga tttggagaga ttcttgata aatgtatcat	1020	
atatttcata gtagcatgca tctcattctt tgatttggga taaattagca atttttgcta	1080	
ttttacaggt ccaatatgtt cctgaacaat tagaatcact aagggtacgt agtcctttga	1140	
taactgccac atatatggag ctcgaagatg gactgagtag tagggaatgg ag	1192	
<210> 9		
<211> 12240		
<212> ADN		
<213> Artificial		
<220>		
<223> Una secuencia de 12.240 nucleótidos correspondiente al ADN-T GM_ CSM63770.		transgénico insertado del evento de soja
<400> 9		
agtcagcatc atcacaccaa aagttaggcc cgaatagttt gaaattagaa agctcgcaat	60	
tgaggtctgt cgaccctgca ctaactataa cggtcctaag gtagcgactt aggctgagcc	120	
cgggcaggcc tacccataat acccataata gctgtttgcc aatcgttctt cttggcgcg	180	
cgttttgtgt atcattcttg ttacattgtt attaataaaa aaatattatt ggtcattgga	240	
ctgaacacga gtgttaaata tggaccaggc ccaaataaag atccattgat atatgaatta	300	
aataacaaga ataaatcgag tcaccaaac accctgccttt tttaacgaga cttgttcacc	360	

aacttgatac	aaaagtcatt	atcctatgca	aatcaataat	catacaaaaa	tatccaataa	420
cactaaaaaa	ttaaaagaaa	tggataat	cacaatatgt	tatacgataa	agaagttact	480
ttccaagaa	attcactgat	tttataagcc	cacttgcat	agataaatgg	caaaaaaaaa	540
caaaaaggaa	aagaaataaa	gcacgaagaa	ttctagaaaa	tacgaaatac	gcttcaatgc	600
agtgggaccc	acggttcaat	tattgccaat	tttcagctcc	accgtatatt	taaaaaataa	660
aacgataatg	ctaaaaaaat	ataaatcgta	acgatcgta	aatctcaacg	gctggatctt	720
atgacgaccg	ttagaaattg	tggttgtcga	cgagtcagta	ataaacggcg	tcaaagtgg	780
tgcagccggc	acacacgagt	cgtgtttatc	aactcaaagc	acaaataactt	ttcctcaacc	840
taaaaataag	gcaattagcc	aaaaacaact	ttgcgtgtaa	acaacgctca	atacacgtgt	900
cattttatta	ttagctattg	cttcaccgcc	ttagctttct	cgtgacctag	tcgtcctcgt	960
cttttcttct	tcttcttcta	taaaacaata	cccaaagagc	tcttcttctt	cacaattcag	1020
atttcaattt	ctcaaaatct	taaaaacttt	ctctcaattc	tctctaccgt	gatcaaggta	1080
aatttctgtg	ttccttattc	tctcaaaatc	ttcgattttg	ttttcgttcg	atcccaattt	1140
cgtatatgtt	ctttggttta	gattctgtta	atcttagatc	gaagacgatt	ttctgggttt	1200
gatcgtaga	tatcatctta	attctcgatt	agggtttcat	agatatcatc	cgatttggtc	1260
aaataatttg	agttttgtcg	aataattact	cttcgatttg	tgatttctat	ctagatctgg	1320
tgtagtttc	tagtttgtgc	gatcgaattt	gtcgattaat	ctgagttttt	ctgattaaca	1380
ggtggtacca	ccatggagat	tgtgaacaac	cagaaccagt	gcgttcctta	caactgcttg	1440
aacaaccctg	agattgagat	tcttgagggt	ggtagaattt	ctgttggtgaa	cactcctatt	1500
gacatctctt	tgagtttgac	tcaattcttg	ttgagtgagt	tcgttcctgg	tgctggtttc	1560
gtcttgggtt	tgattgattt	gatttgggg	ttcgttggtc	ctagtcaatg	ggatgctttc	1620
ttggctcaag	ttgagcaatt	gattaaccag	aggatcgctg	aggctgtgag	gaacactgct	1680
attcaagagt	tggagggtat	ggctagagtt	tacagaactt	acgctactgc	tttcgctgag	1740
tgggagaagg	ctcctgatga	ccctgagttg	agggaggctt	tgagaactca	attcactgct	1800
actgagactt	acatcagtgg	tagaatcagt	gtcttgaaga	ttcaaacttt	cgaggttcaa	1860
ttgctttctg	tgttcgctca	agctgcaaac	ttgcacttgt	ctttgcttag	agatgttgtg	1920
ttctttggtc	aaagatgggg	tttctccact	actaccgtga	acaattacta	caacgatttg	1980
actgagggtg	tttctactta	cactgattac	gctgttagat	ggtacaacac	tggtttggag	2040
agagtttggg	gtccagattc	cagagattgg	gtcagataca	accagttcag	aaggagattg	2100
actttgactg	tcttggacat	tgttgctctc	ttccctaact	acgatagtcg	tcgttacctt	2160
attagaactg	tttctcaact	tactagggaa	atctacacta	accctgttct	tgagaacttc	2220
gatggtagtt	tccgtggtag	tgctcaaggg	attgagcgtt	ctattcgttc	tcctcatctt	2280
atggacattc	ttaactctat	tactatctac	actgatgctc	atcgtgggta	ctattactgg	2340
tctggtcatc	aaattatggc	tagtcctgtt	ggtttcagt	gtcctgagtt	cactttccct	2400
ctttacggta	ctatgggcaa	cgctgcacct	caacagagga	tcgttgctca	acttgggtcaa	2460
ggtgtttaca	ggactctttc	ttcaaccctt	tacaggcgtc	ctttcaacat	tgggatcaac	2520
aaccagcagc	tttctgttct	tgatggaacc	gagttcgctt	acggaacctc	ttcaaaccctt	2580
cctagtgtg	tttacaggaa	gtctggaacc	gttgacagtc	ttgatgagat	tccaccgcag	2640
aacaataacg	ttccaccag	gcaaggcttc	agtcataggc	tttctcatgt	ttctatgttc	2700
cgctctggat	tcagcaactc	ttcagtttct	attatcaggg	ctccaatgtt	ctcgtggatt	2760
cataggctctg	ccgagttcaa	caacattatc	gcttccgata	gcattaacca	gattccactt	2820

gttaagggat tccgtgtttg gggaggcacc tctgttatta ccggaccagg cttcaccgga	2880
ggcgacattc ttcgtcgtaa caccttcgga gatttcgttt cacttcaagt gaacattaac	2940
tcaccaatca cccagcgcta caggcttcgc ttccgctacg catcatccag ggatgcaagg	3000
gtgatcgtgc ttaccggagc agcctcaacc ggagtgggag gccaaagtgag cgtgaacatg	3060
ccacttcaga agacgatgga gatcggcgag aaccttacct caagaacctt tcgttacacc	3120
gatttcagca acccattcag ctttcgtgca aaccagaca tcatagggat ctgagagcag	3180
ccactgtttg gagctggatc aatctcatcc ggagagcttt acatcgacaa gatcgagatc	3240
atactcgag atgcaacctt cgaggctgag agcgatctgg agcgtgcaca gaaggcagtg	3300
aacgcactct ttacctctac caaccagctc ggactcaaga ccaacgtgac cgattaccac	3360
atcgaccaag tgagcaacct cgtgacctac ctctcagatg agttctgctt ggatgagaaa	3420
cgcgaactca gcgagaaggt gaagcacgca aagcgtctct cagatgagcg taacctctc	3480
caggatagca atttcaagga catcaatcgt cagccagagc gtggatgggg aggctcaacc	3540
ggaatcacca tccagggagg cgatgatgtg ttttaaggaga attacgtgac actctccgga	3600
acattcgatg agtgctaccc aacatactc tatcagaaga tcgacgagtc caagctcaag	3660
gcgttcaccc gttatcagct ccgtggctac atcgaggata gtcaagacct ggaaatctac	3720
ctcatccgct acaatgcaaa gcacgagaca gtgaatgtac caggaacagg ctccctctgg	3780
ccactctccg cacagtctcc aatcggcaag tgcggcgagc caaatcgctg cgcgccacac	3840
ctggagtgga atcccacct ggactgctcc tgccgcgacg gcgagaagtg cgcccaccac	3900
tcccaccact ttagcctgga catcgacgtg ggctgtacag acctgaatga ggatctgggc	3960
gtgtgggtga tctttaagat caagacacag gacggccacg cccgcctggg caatctggag	4020
tttctggagg agaagcctct ggtgggcgaa gccctggccc gcgtgaagcg cgccgagaag	4080
aaatggcgcg acaaacgcga gaaactggaa tgggaaacaa acatcgtgta caaagaagcc	4140
aaagaatccg tggacgccct atttgtgaac tcccagtatg accagctaca ggccgacaca	4200
aacatcgcg tgatccacgc tgcggacaag cgcgcgact ccatacgcg agcctatcta	4260
cccgaactat ccgtgatacc cggcgtcaat gccgcgatct ttgaagaatt ggaaggccgc	4320
atcttcacag cttttagcct ctatgacgcc cgaaatgtca tcaagaatgg cgactttaac	4380
aatgggctat cctgttgga tgtcaaagg cacgtggacg tcgaagagca gaacaatcag	4440
cgatccgtct tagtcgtacc cgaatgggaa gccgaagtct cccaggaagt ccgagtctgt	4500
cctggtagag gttacatctt gagagtgact gcttacaagg agggttacgg tgagggatgc	4560
gtgactattc acgagattga gaacaacact gatgagttga agttcagtaa ctgcgtggag	4620
gaggaaatct accccaacaa cactgtgact tgtaacgatt acaccgtgaa ccaggaggaa	4680
tacggaggcg cttacacctc cagaaaccgt ggatacaatg aggctccctc ggtccccgct	4740
gattatgcct ccgtctatga ggagaagtcc tacaccgatg gaaggcgcg gaatccctgc	4800
gagttcaatc gcggctatcg agactacact ccgctacccg ttggctatgt cacaaaggaa	4860
ctggaatact tcccggaaac agacaaagtc tggatcgaac tcggcgaaac agaagggacg	4920
ttcatagtcg atagcgtaga acttctcctt atggaagaat gacctgcagg tcattcaatt	4980
tgaccctttt gctacattct tgctgtcata gttatttaat ttaatttctt aagggtcata	5040
ttcttttggg gaatttaagc cccccgaaa catggaagga ggttggctgc aaagttcctg	5100
aaggataatc gtttttttca ttccctttaa tttttgttat tcattatttc acattttacc	5160
taaaacttca gggagtgaga taaagaactc tttctctctg aactgtttat gttgtctact	5220

agaaaaaaaa	atcctgtaag	aggtaaggta	ttcttccaaa	acaggattct	ttttcttatac	5280
attttacttc	attagtttct	aagttccttt	tcctacattg	tataagattc	tgtcagtaca	5340
tttatgttgc	ttatgtagga	agtgggactg	agtttcttat	gaaggaattt	atgagttatt	5400
gaatatttat	tgcaagctat	attttagaat	acagtatact	ttcttcttat	gttattattt	5460
ttttaagtgt	attgtgttgt	gttattatta	taagctttgt	taaactctga	tcattttcaa	5520
attcaaaaaca	atgttttagtt	caaaggcaaa	gctgagttgt	gctgattatt	tagggataat	5580
agctgtttgc	caatcgttct	tcttggcgcg	ccacgtcctg	cttggcctac	tagggccgga	5640
ccgacggtac	ctcagcgctg	tgctgtttgc	gaaaaaccca	aataaataca	aagttaatag	5700
attttcaaca	atgcggggat	agctcagttg	ggagagcgtc	agactgaaga	tctgaaggtc	5760
gcgtgttcga	tccacgctca	ccgcatcttt	tttttgttct	gtttttccca	gcgaatgaac	5820
tatccatacg	tcgtcgtttg	tatagccatg	atccatgaag	cgctctaatt	accaatcatt	5880
ttttctttct	tggaattgat	caagttacaa	atataaaatt	attttacact	aaaaactctc	5940
ttttaaaaaat	ttagatccaa	ttttaatttt	gttttctaaa	agattgtatc	caagaagtaa	6000
aattttacatg	gaaaataaaa	tgctataaaa	ttaaaaaatg	ttatatatttc	gtgaccttta	6060
accttaggaa	catttgataa	ctattacttt	gagattgcag	tcataggcaa	cacaaggctt	6120
tggacaaaaca	tgttcgtgac	accaaacacc	cccctcaaaa	ttaagtatat	tataccaact	6180
catttcattt	gcttgttacg	gttgtgtttt	atcaatcctt	cctcgtcttg	ttttttcctc	6240
caaatttgta	atcttaaaat	tggtgaaaca	tcacatattt	gattctcaat	cttagatttt	6300
ctacctttta	ggtaatctat	attttgaaat	tgaaattgaa	attgaattcc	gtgtaaaatc	6360
tataatatgg	gaaccaat	cgaatttaat	gttttatgta	aaggccaata	atgttccaaa	6420
tttatttcct	tattattatt	gtatatattg	tccccaagta	catcatagat	tggctttcaa	6480
ttccaaatcc	atcatggtat	atttttaggt	gcaaactatt	gtcgtagatt	taatccccta	6540
gttttgttga	ttttttaaaa	tagtactttc	aacaatttta	aattttattt	gattggttat	6600
aaacttcggg	tgtgatttag	ttgtccaatt	tggattatat	tgtcattttc	atacataaat	6660
ttattttatt	ttgaaaaagt	tatcttttag	tctttgaaat	tgaaattttt	atgaatatgt	6720
ggatttagtc	cctcaattct	caaattaacc	atcttcacaa	gagtgagaaa	cagagatggg	6780
agggagaaaa	atggaaagat	aaaaaaaagta	tttttcttcc	tccatgttat	taggtcacat	6840
caatatttat	aatattttat	attaaattta	atgatttctt	ttgggagagg	tactcttaga	6900
cctatttttt	taacaaaaat	tattggactc	ataatttttt	aattgtcctt	taatttcttt	6960
tatttgtatc	tagactttat	aaagtttgag	agttttatat	tttaaggaga	aatatattaa	7020
aatataaggt	tagttttcat	acactagata	gacttatgat	cttatacgag	tgaatgagtt	7080
aaactctcaa	ttaaaattat	ttgaattttt	tcaaaaatta	aatcatcca	ttttgttaaa	7140
ttaaaatttg	aagaaattta	taggatgcgt	aagaattgat	gccttgttaa	ttttcaaata	7200
taattatagt	aaaaattctt	aattagttta	ctaacaacga	tttaaaagt	tactttgatg	7260
tgttgaacaa	tatttatcaa	accaaatttg	atcaagtgga	tatactaaca	aaagttcaag	7320
atcttaaaact	ttaagtgaat	taattttgac	atatatatat	atataaaaaa	aaaaagttag	7380
gtgttaaaag	aaaactgaaa	attgttaaaa	gaaaagaaaa	ggagggtata	gataaaatgt	7440
ggatagaaag	agatgagttg	tagatgcaaa	aaaatcttta	gaaacaatat	gattggctaa	7500
ctaagccctc	tcattacccc	acaaaatttc	tcatatcttt	cactcttcac	cactcatctc	7560
ctcgtttcct	cataatattc	cccacttcc	actctctctc	acacaatctc	caacactact	7620
gcccattcct	ctgttctttc	tctctactct	caaccacaga	gcttcaagta	cccaccatga	7680

ccagcaaccg aaagaacgag aacgagatca tcaacgccct gtccataccg gccgtgtcaa	7740
accactccgc ccagatgaac ctctccaccg acgcgaggat cgaggactcc ctctgcatcg	7800
ccgagggcaa caacatcgac ccgttcgtgt ctgcaagcac ggtccagacc ggcatcaaca	7860
tcgcgggccg catcctgggc gtgctcggcg tgcccttcgc gggtaaatac gcctctttct	7920
actcattcct cgtgggagcg ctgtggccgc gcggacgtga cccgtgggaa atcttcctgg	7980
agcacgttga gcagctcatc cggcagcaag tgaccgagaa caccaggagc accgcactgg	8040
cacggctcca gggccttggc aacagcttcc gcgcctacca gcagtcgctg gaggactggc	8100
tggagaaccg agacgacgcc agaaccgcct cagttctgta cacacagtac atcgccctag	8160
agctggactt cctcaacgct atgccgctct tcgccatccg taaccaggaa gtaccgcttc	8220
tgatggtgta cgcacaagca gcgaacctcc atctgctcct gctgcgagac gcatctctgt	8280
tcggcagtga gttcgggctg acgagccagg agatccagcg ctactacgag cgccaagtgg	8340
agaagactcg tgagtacagc gactactgcg cgcgctggta caacacgggc ttgaacaacc	8400
ttcgcgggac aaacgccgaa tcctggcttc gctacaacca gttccgccgc gacctcacgc	8460
tgggtgtgct ggacctggtc gcgctcttcc cgtcctacga cacacgggtg tacccaatga	8520
acacgagcgc acagctcacc cgtgagatct acacagatcc catcggccgc accaacgctc	8580
ccagtggctt cgcaagcacg aattggttca acaataacgc tccttctttc tctgccatcg	8640
aggccgctgt catcagaccg ccgcacttac tcgatttccc ggagcagctc actatcttct	8700
ctgtgttgtc ccggtggtcg aacacgcagt acatgaacta ctgggtgggc cacaggctag	8760
agagccggac catccgtggc agtctctcaa cctcgaccca cggcaacacg aacacgagca	8820
tcaaccctgt cactctccag ttacatcta gggacgttta caggacagag tcgttcgctg	8880
gcattaacat tctgttgacc actccggtga acggcgtccc ttgggcccgc ttcaactgga	8940
ggaatcctct gaactcactg cgcggcagcc ttctctacac tatcggctac accggcgttg	9000
ggacgcaact cttcgactcg gagaccgagc tgccgccga gaccaccgag cggcctaact	9060
acgagagtta ttacacagg ctctccaaca tccgcttgat ttctgggaac accttgcggg	9120
ctccggtgta ctctggacg caccgcagcg ccgacagaac taataccatc agtccgact	9180
cgatcaccca gatcccgctg gtgaaggctc acacgcttca gtcgggcacc acagtcgtca	9240
agggccctgg cttcaccggc ggcgacatcc tgcgtcgcac atctggcgga cccttcgcct	9300
tcagcaacgt gaacttgga ttcaatttgt cacagcggtg tcgtgccaga atccggtacg	9360
ccagcactac gaacctgcga atctatgtta ctgtggcggg cgagcggatc ttcgccgggc	9420
aattcgacaa gacgatggac gcgggagcac ctctgacatt ccagtcattc tcttacgcca	9480
cgatcaacac ggcatcacg tttccggagc gttccagtag cctgaccgtg ggcgctgata	9540
ccttcagtag cgggaacgag gtgtacgttg accgtttcga gctgatcccg gtcaccgcca	9600
ccttcgaagc tgagtcggac ctggagcgtg cacagaaggc agtcaacgag ctgttcacct	9660
ctagcaacca gatcggcctc aagaccgacg tcacagacta ccacatcgac caagtgtcca	9720
acctggtcga gtgccttagc gacgagttct gcctagacga gaagaaggag ctgtcggaga	9780
aggtcaaaca cgccaagcgt ctgagcgatg agcgcaacct gctccaagac cctaacttcc	9840
gtggcatcaa caggcagctt gaccgtggct ggcgcggtc gacggacatc acgatccagg	9900
gtggcgacga cgtattcaag gagaattacg tgaccttgct tgggacgttt gacgagtgt	9960
atcccaccta cctctaccag aagattgatg aatcgaaatt gaaggcgtag acgagatacc	10020
agctccgtgg ctacatcgag gacagccagg acttgagat ctacctcata cgctacaacg	10080

ctaaacatga gaccgtgaac gtccctggga cgggcagtct gtggccactc tctgctccta	10140
gccctatcgg caagtgcgct caccactcgc accacttcag ccttgacatc gacgtgggat	10200
gtactgacct caacgaagac ctgggcgtct gggttatctt caagatcaag acccaggacg	10260
gccacgcccg actcggcaac ctggagttcc tggaggagaa accactgggtg ggcgaggcgc	10320
tcgcccgcgt gaagcgtgcc gagaagaagt ggcgggacaa gagggagaag ctagaatggg	10380
agacgaacat cgtgtacaag gaggccaagg aaagcgtcga tgccctgttc gtgaactcac	10440
agtacgaccg tctccaggcg gacacgaaca tcgccatgat ccacgcggct gacaagcgcg	10500
tccactccat ccgagaggcg tacttacggg agctgtcggg gatcccaggc gtaaacgcgg	10560
cgatcttcga ggagctagag ggacgcatct tcacagcgtt cagcctgtac gacgcacgca	10620
acgtcatcaa gaacggcgat ttcaacaacg gactgtcctg ctggaacgtg aagggccacg	10680
tcgatgtcga ggaacagaac aaccaccgct ctgtcctggg ggtcccagag tgggaggccg	10740
aggtctccca ggaggtccgc gtgtgccctg ggcgtggcta catcctccgt gtgacagcct	10800
acaaggaggg ctacggtgag ggctgcgtca ccattcacga gatcgagaac aacactgacg	10860
aactcaagtt ctcgaattgc gtggaggagg aggtgtaccc gaacaatacg gtgacgtgca	10920
acgactacac ggcaacccaa gaggagtacg agggcaccta caccagtagg aaccgtggct	10980
acgacggtgc ctacgagtcg aactccagcg tccctgcgga ctacgccagc gcgtacgagg	11040
agaaggctta caccgacgga cgccgggaca acccatgcga gagcaaccgt ggctacggcg	11100
actacactcc tctccggcc ggatacgtca caaaggagct ggagtatttc ccagagacgg	11160
acaagggtgtg gatcgaaatc ggagagacag agggaaacctt catcgtggac agcgtggagc	11220
tgctcctcat ggaggagtga gaaaactagt ggtttattta ctatatgtta ttgtatcttt	11280
caataaagag atgctccatt tgaccaaaaa taaaaagaga tgctccagat agtgcattctt	11340
atctatgtta taataatcaa gtgtatgcat ttccttcccc tttatttgga gcatgtgtat	11400
gtttaaatat ttgtaatttg aaccttcaaa cttgttctag ttaccaaata ataagatcat	11460
tattagtttg tgtgtttatc tctattgtct actaatttta tttttttttt acttttctat	11520
tctttatttg tattaaatca taagttctaa ttatttaatc aaaacttcaa atggtggcgg	11580
ttatacgcta ttccgaatcg tcttttgttg tccgagtcta taggctacac tcatatcctg	11640
gttgaaacag actctatagc tgtcctgac aggtcaatca gattagaaga ttcttttctc	11700
aaaattggag tcttttcttt caacgctgtg cagattgact tcgccagcag aacacgcgct	11760
gaggttaatt aagggcccg ccgtgacggc cacgagcgaa ctcctgcagg tgtttaaact	11820
agggataaca gggtaatagg tctcacgcgg caaatcctac cacctcattt aaatagagtg	11880
aggttgattt gcggccgcac aacaaacgcc ggcgctctcc tctcttaagg tagccggtga	11940
cacccttggg ccgcatcgat cgtgaagttt ctcatctaag ccccatcttg gacgtgaatg	12000
tagacacgtc gaaataaaga tttccgaatt agaataattt gtttattgct ttcgcctata	12060
aatacgacgg atcgtaatth gtcgttttat caaaatgtac tttcatttta taataacgct	12120
gcggacatct acatthttga attgaaaaa aattggtaat tactctttct ttttctccat	12180
attgaccatc atactcattg ctgatccatg tagatttccc ggacatgaag ccatttacia	12240

<210> 10
 <211> 14240
 <212> ADN
 <213> Artificial

<220>
 <223> Una secuencia de 14.240 nucleótidos correspondiente a la secuencia de nucleótidos del cóntigo de la secuencia de nucleótidos de ADN

genómico flanqueante 5', la secuencia de nucleótidos de ADN-T insertado en el evento GM_CSM63770, y la secuencia de nucleótidos de ADN genómico flanqueante 3'.

```
<400> 10
ataataacac aaaagagaat caaaatgttt attggaacca gctctattct tagtttattt    60
ttattttggg gatataatatt taatttggtta gaaataaatg gtgtaacagt ttttaattagt    120
tttaatgggt tgaacagtta attataatga atgtatgaga tgtgtgtact ttattctcca    180
aactctaaag tactgacttt aaataaaaaa tagttatcat tgaaaagggtg ttcattttta    240
taactgttaa cctataactt cttctatagt tttgggtaca aaaactgttc acgtacgtac    300
gtattcttat aactaactgt taacctataa cttgtttttc tctcttcac atattttaat    360
ttccgttttt tcccctcatt tctgtttctt tgtatcgtag aaacatagac tccgaccaat    420
gccaaaatct ttgatcttca ttgttcatat tctccacatc tcaatcgatt gttgcagaat    480
cacagaagga gaaagaacat aaagaaaagc ttgcattttt gcctcaatat catgttattt    540
ttgttttttg aggggagaga taactacact aatctcttac gagatcagtg ttaatattac    600
tacaaaaaag tgataatgat atttacattt ttttaagtaa aacatataca tcttctaaaa    660
aaaaagtaaa atatatacat atctctaatt tatatttaca tacgcatgca atgttaggta    720
tattcagcaa tgcaacacta ttttcttttt tctctatacc gttttttctt tattattgca    780
tggatagtag gaaaaaataa ataattaaac caaaattaat atataagtca atatattaaa    840
gataaattgt tactagcaac tttagcataa taaaaatggg atatataatt ttagtgcagt    900
caaaattgtg ataatatatt aaatttagca taaaagaaa tgcaaatacc ccgtttagt    960
gtctgtttct cttagtacat atataataaa accttgaatt agtcagcatc atcacaccaa   1020
aagttaggcc cgaatagttt gaaattagaa agctcgcaat tgaggtctgt cgaccctgca   1080
ctaactataa cggtcctaag gtagcgactt aggctgagcc cgggcaggcc tacccataat   1140
accataata gctgtttgcc aatcgttctt cttggcgcgc cgttttgtgt atcattcttg   1200
ttacattgtt attaataaaa aaatattatt ggtcattgga ctgaacacga gtgttaaata   1260
tggaccaggc cccaaataag atccattgat atatgaatta aataacaaga ataaatcgag   1320
tcaccaaacc acttgccttt tttacgaga cttgttcacc aacttgatac aaaagtcatt   1380
atcctatgca aatcaataat catacaaaaa tatccaataa cactaaaaaa ttaaaagaaa   1440
tggataattt cacaatatgt tatacgataa agaagttact tttccaagaa attcactgat   1500
tttataagcc cacttgcat agataaatgg caaaaaaaaa caaaaaggaa aagaaataaa   1560
gcacgaagaa ttctagaaaa tacgaaatac gttcaatgc agtgggaccc acggttcaat   1620
tattgccaat tttcagctcc accgtatatt taaaaaataa aacgataatg ctaaaaaat   1680
ataaatcgta acgatcgta aatctcaacg gctggatctt atgacgaccg ttagaaattg   1740
tggttgtcga cgagtcagta ataaacggcg tcaaagtggg tgagccggc acacacgagt   1800
cgtgtttatc aactcaaagc acaataactt ttcctcaacc taaaaataag gcaattagcc   1860
aaaaacaact ttgcgtgtaa acaacgctca atacacgtgt catthttatta ttagctattg   1920
cttcaccgcc ttagctttct cgtgacctag tcgtcctcgt cttttcttct tcttcttcta   1980
taaaacaata ccaaagagc tcttcttctt cacaattcag atttcaattt ctcaaatct   2040
taaaaacttt ctctcaattc tctctaccgt gatcaaggta aatttctgtg ttccttattc   2100
tctcaaaatc ttcgattttg ttttcgttcg atcccaattt cgtatatgtt ctttggttta   2160
gattctgtta atcttagatc gaagacgatt ttctgggttt gatcgtaga tatcatctta   2220
attctcgatt agggtttcat agatatcatc cgatttggtc aaataatttg agttttgtcg   2280
```

aataattact	cttcgatttg	tgatttctat	ctagatctgg	tgttagtttc	tagtttgtgc	2340
gacgaaat	gtcgattaat	ctgagttttt	ctgattaaca	ggtaggtacca	ccatggagat	2400
tgtgaacaac	cagaaccagt	gcgttcctta	caactgcttg	aacaaccctg	agattgagat	2460
tcttgagggt	ggtagaat	ctgttggtgca	cactcctatt	gacatctctt	tgagtttgac	2520
tcaattcttg	ttgagtgagt	tcgttcctgg	tgctgggttc	gtcttgggtt	tgattgattt	2580
gatttgggg	ttcgttggtc	ctagtcaatg	ggatgctttc	ttggctcaag	ttgagcaatt	2640
gattaaccag	aggatcgctg	aggctgtgag	gaacactgct	attcaagagt	tggagggtat	2700
ggctagagtt	tacagaactt	acgctactgc	tttcgctgag	tgggagaagg	ctcctgatga	2760
ccctgagttg	agggaggctt	tgagaactca	attcactgct	actgagactt	acatcagtgg	2820
tagaatcagt	gtcttgaaga	ttcaaacttt	cgaggttcaa	ttgctttctg	tgttcgctca	2880
agctgcaaac	ttgcacttgt	ctttgcttag	agatgtttgt	ttctttggtc	aaagatgggg	2940
tttctccact	actaccgtga	acaattacta	caacgatttg	actgagggtg	tttctactta	3000
cactgattac	gctgttagat	ggtacaacac	tggtttggag	agagtttggg	gtccagattc	3060
cagagattgg	gtcagataca	accagttcag	aaggagttg	actttgactg	tcttgacat	3120
tgttgctctc	ttccctaact	acgatagtcg	tcgttaccct	attagaactg	tttctcaact	3180
tactagggaa	atctacacta	accctgttct	tgagaacttc	gatggtagtt	tccgtggtag	3240
tgctcaaggg	attgagcgtt	ctattcgttc	tcctcatctt	atggacattc	ttaaacttat	3300
tactatctac	actgatgctc	atcgtgggta	ctattactgg	tctggtcatc	aaattatggc	3360
tagtcctgtt	ggtttcagtg	gtcctgagtt	cactttccct	ctttacggta	ctatgggcaa	3420
cgctgcacct	caacagagga	tcgttgctca	acttgggtcaa	gggtgtttaca	ggactctttc	3480
ttcaaccctt	tacaggcgtc	ctttcaacat	tgggatcaac	aaccagcagc	tttctgttct	3540
tgatggaacc	gagttcgctt	acggaacctc	ttcaaaccct	cctagtgctg	tttacaggaa	3600
gtctggaacc	gttgacagtc	ttgatgagat	tccaccgcag	aacaataacg	ttccaccag	3660
gcaaggcttc	agtcataggc	tttctcatgt	ttctatgttc	cgctctggat	tcagcaactc	3720
ttcagtttct	attatcaggg	ctccaatgtt	ctcgtggatt	cataggtctg	ccgagttcaa	3780
caacattatc	gcttccgata	gcattaacca	gattccactt	gttaagggat	tccgtgtttg	3840
gggaggcacc	tctgttatta	ccggaccagg	cttcaccgga	ggcgacattc	ttcgtcgtaa	3900
caccttcgga	gatttcgttt	cacttcaagt	gaacattaac	tcaccaatca	cccagcgcta	3960
caggcttcgc	ttccgctacg	catcatccag	ggatgcaagg	gtgatcgtgc	ttaccggagc	4020
agcctcaacc	ggagtgggag	gccaagtgag	cgtgaacatg	ccacttcaga	agacgatgga	4080
gatcggcgag	aaccttacct	caagaacctt	tcgttacacc	gatttcagca	accattcag	4140
ctttctgtca	aaccagaca	tcatagggat	ctcagagcag	ccactgtttg	gagctggatc	4200
aatctcatcc	ggagagcttt	acatcgacaa	gatcgagatc	atactcgag	atgcaacctt	4260
cgaggctgag	agcgatctgg	agcgtgcaca	gaaggcagtg	aacgcactct	ttacctctac	4320
caaccagctc	ggactcaaga	ccaacgtgac	cgattaccac	atcgaccaag	tgagcaacct	4380
cgtgacctac	ctctcagatg	agttctgctt	ggatgagaaa	cgcgaaactca	gcgagaaggt	4440
gaagcacgca	aagcgtctct	cagatgagcg	taacctcctc	caggatagca	atttcaagga	4500
catcaatcgt	cagccagagc	gtggatgggg	aggctcaacc	ggaatcacca	tccaggagg	4560
cgatgatgtg	tttaaggaga	attacgtgac	actctccgga	acattcgatg	agtgctaccc	4620
aacatacctc	tatcagaaga	tcgacgagtc	caagctcaag	gcgttcaccc	gttatcagct	4680
ccgtggctac	atcaggata	gtcaagacct	ggaaatctac	ctcatccgct	acaatgcaaa	4740

gcacgagaca gtgaatgtac caggaacagg ctccctctgg ccactctccg cacagtctcc	4800
aatcggcaag tgcggcgagc caaatcgctg cgcgccacac ctggagtgga atcccgaact	4860
ggactgctcc tgccgcgacg gcgagaagtg cgcccaccac tcccaccact ttagcctgga	4920
catcgacgtg ggctgtacag acctgaatga ggatctgggc gtgtgggtga tctttaagat	4980
caagacacag gacggccacg cccgcctggg caatctggag tttctggagg agaagcctct	5040
ggtgggcgaa gccctggccc gcgtgaagcg cgccgagaag aaatggcgcg acaaacgcga	5100
gaaactggaa tgggaaacaa acatcgtgta caaagaagcc aaagaatccg tggacgcctt	5160
atthgtgaac tcccagtatg accagctaca ggccgacaca aacatcgcg tgaaccacgc	5220
tgcggacaag cgcgtgcact ccatacgcg agcctatcta cccgaactat ccgtgatacc	5280
cggcgtcaat gccgcgatct ttgaagaatt ggaaggccgc atcttcacag cctttagcct	5340
ctatgacgcc cgaaatgtca tcaagaatgg cgactttaac aatgggctat cctgttgga	5400
tgtcaaaggg cacgtggacg tcgaagagca gaacaatcag cgatccgtct tagtcgtacc	5460
cgaatgggaa gccgaagtct cccaggaagt ccgagtctgt cctggtagag gttacatctt	5520
gagagtgact gcttacaagg agggttacgg tgagggatgc gtgactattc acgagattga	5580
gaacaacact gatgagttga agttcagtaa ctgcgtggag gaggaaatct accccaacaa	5640
cactgtgact tgtaacgatt acaccgtgaa ccaggaggaa tacggaggcg cttacacctc	5700
cagaaaccgt ggatacaatg aggctccctc ggtccccgct gattatgcct ccgtctatga	5760
ggagaagtcc tacaccgatg gaaggcgcg gaatccctgc gagttcaatc gcggctatcg	5820
agactacact ccgctacccg ttggctatgt cacaaaggaa ctggaatact tcccggaaac	5880
agacaaagtc tggatcgaaa tcggcgaaac agaagggacg ttcatagtcg atagcgtaga	5940
acttctcctt atggaagaat gacctgcagg tcattcaatt tgaccctttt gctacattct	6000
tgctgtcata gttatttaat ttaatttctt aaggtgcata ttcttttggg gaatttaagc	6060
cccccgaaa catggaagga ggttggtgc aaagttcctg aaggataatc gttttttca	6120
ttccctttaa tttttgttat tcattatttc acattttacc taaaacttca gggagtgaga	6180
taaagaactc tttctctctg aactgtttat gttgtctact agaaaaaaaa atcctgtaag	6240
aggtaaggta ttcttccaaa acaggattct ttttcttata attttacttc attagtttct	6300
aagttccttt tcctacattg tataagattc tgtcagtaca tttatgttgc ttatgtagga	6360
agtgggactg agtttcttat gaaggaaatt atgagttatt gaatatttat tgcaagctat	6420
atthtagaat acagtatact ttcttcttat gttattattt ttttaagtgt attgtgttgt	6480
gttattatta taagctttgt taaactctga tcattttcaa attcaaaaca atgtttagtt	6540
caaaggcaaa gctgagttgt gctgattatt tagggataat agctgtttgc caatcgttct	6600
tcttggcgcg ccacgtcctg cttggcctac tagggccgga ccgacggtac ctgacgctg	6660
tgctgttgc gaaaaacca aataaatata aagttaatag atthtcaaca atgcggggat	6720
agctcagttg ggagagcgtc agactgaaga tctgaaggtc gcgtgttcga tccacgctca	6780
ccgcatcttt tttttgttct gtttttccca gcgaatgaac tatccatacg tcgtcgtttg	6840
tatagccatg atccatgaag cgctctaatt accaatcatt ttttctttct tggaattgat	6900
caagttacaa atataaaatt atthtacct aaaaactctc ttttaaaaat ttagatccaa	6960
tttaattttt gttttctaaa agattgtatc caagaagtaa aatttcatg gaaaataaaa	7020
tgctataaaa ttaaaaaatg ttatatthtc gtgaccttta accttaggaa catttgataa	7080
ctattacttt gagattgcag tcataggcaa cacaaggtct tggacaaaca gtthcgtgac	7140

accaaacacc	cccctcaaaa	ttaagtatat	tataccaact	catttcattt	gcttgttacg	7200
gttgtgtttt	atcaatcctt	cctcgtcttg	ttttttcctc	caaatttgta	atcttaaaat	7260
tggtgaaaca	tcacatattt	gattctcaat	cttagatttt	ctacctttta	ggtaatctat	7320
attttgaaat	tgaaattgaa	attgaattcc	gtgtaaaatc	tataatatgg	gaaccaatt	7380
cgaatttaat	gttttatgta	aaggccaata	atgttccaaa	tttatttcct	tattattatt	7440
gtatattttg	tccccaagta	catcatagat	tggctttcaa	ttccaaatcc	atcatggtat	7500
atttttaggt	gcaaactatt	gtcgtagatt	taatccccta	gttttgttga	ttttttaaaa	7560
tagtactttc	aacaatttta	aattttattt	gattggttat	aaacttcggg	tgtgatttag	7620
ttgtccaatt	tggtattatat	tgtcattttc	atacataaat	ttattttatt	ttgaaaaagt	7680
tatcttttag	tctttgaaat	tgaaattttt	atgaatatgt	ggatttagtc	cctcaattct	7740
caaattaacc	atcttcacaa	gagtgagaaa	cagagatggg	agggagaaaa	atggaaagat	7800
aaaaaaagta	tttttcttcc	tccatgttat	taggtcacat	caatatttat	aatattttat	7860
attaaattta	atgatttctt	ttgggagagg	tactcttaga	cctatttttt	taacaaaaat	7920
tattggactc	ataatttttt	aattgtcctt	taatttcttt	tatttgtatc	tagactttat	7980
aaagtttgag	agttttatat	tttaaggaga	aatatattaa	aatataaggt	tagttttcat	8040
acactagata	gacttatgat	cttatacgag	tgaatgagtt	aaactctcaa	ttaaaattat	8100
ttgaattttt	tcaaaaatta	aatcatcca	ttttgttaaa	ttaaaatttg	aagaaattta	8160
taggatgcbt	aagaattgat	gccttggtta	ttttcaaata	taattatagt	aaaaattcct	8220
aattagttta	ctaacaacga	tttaaaagtt	tactttgatg	tgttgaacaa	tatttatcaa	8280
accaaatttg	atcaagtgga	tatactaaca	aaagttcaag	atcttaaact	ttaagtgaat	8340
taattttgac	atatatatat	atataaaaaa	aaaaagttag	gtgttaaaaag	aaaactgaaa	8400
attgttaaaa	gaaaagaaaa	ggagggtata	gataaaatgt	ggatagaaaag	agatgagttg	8460
tagatgcaaa	aaaatcttta	gaaacaatat	gattggctaa	ctaagccctc	tcattacccc	8520
acaaaatttc	tcatatcttt	cactcttcac	cactcatctc	ctcgtttcct	cataatattc	8580
ccccacttcc	actctctctc	acacaatctc	caacactact	gcccattcct	ctgttctttc	8640
tctctactct	caaccacaga	gcttcaagta	cccacatga	ccagcaaccg	aaagaacgag	8700
aacgagatca	tcaacgccct	gtccataccg	gccgtgtcaa	accactccgc	ccagatgaac	8760
ctctccaccg	acgcgaggat	cgaggactcc	ctctgcatcg	ccgagggcaa	caacatcgac	8820
ccgttcgtgt	ctgcaagcac	ggtccagacc	ggcatcaaca	tcgcgggccg	catcctgggc	8880
gtgctcggcg	tgcccttcgc	gggtcaaatc	gcctctttct	actcattcct	cgtgggcgag	8940
ctgtggccgc	gcggacgtga	cccgtgggaa	atcttccttg	agcacgttga	gcagctcatc	9000
cggcagcaag	tgaccgagaa	caccagggac	accgcactgg	cacggctcca	gggccttggc	9060
aacagcttcc	gcgcttacca	gcagtcgctg	gaggactggc	tggagaaccg	agacgacgcc	9120
agaaccgct	cagttctgta	cacacagtac	atcgccctag	agctggactt	cctcaacgct	9180
atgccgctct	tcgccatccg	taaccaggaa	gtaccgcttc	tgatgggtga	cgacaagca	9240
gcgaacctcc	atctgctcct	gctgcgagac	gcatctctgt	tcggcagtga	gttcgggctg	9300
acgagccagg	agatccagcg	ctactacgag	cgccaagtgg	agaagactcg	tgagtacagc	9360
gactactgcg	cgcgctggta	caacacgggc	ttgaacaacc	ttcgcgggac	aaacgccgaa	9420
tcctggcttc	gctacaacca	gttccgccgc	gacctcacgc	tgggtgtgct	ggacctggtc	9480
gcgctcttcc	cgctctacga	cacacgggtg	taccaatga	acacgagcgc	acagctcacc	9540
cgtgagatct	acacagatcc	catcggccgc	accaacgctc	ccagtggctt	cgcaagcacg	9600

aattggttca	acaataacgc	tccttctttc	tctgccatcg	aggccgctgt	catcagaccg	9660
ccgcacttac	tcgatttccc	ggagcagctc	actatcttct	ctgtgttgtc	ccggtggtcg	9720
aacacgcagt	acatgaacta	ctgggtgggc	cacaggctag	agagccggac	catccgtggc	9780
agtctctcaa	cctcgaccca	cggcaacacg	aacacgagca	tcaaccctgt	cactctccag	9840
tttacatcta	gggacgttta	caggacagag	tcgttcgctg	gcattaacat	tctgttgacc	9900
actccggtga	acggcgtccc	ttgggcccgc	ttcaactgga	ggaatcctct	gaactcactg	9960
cgcggcagcc	ttctctacac	tatcggttac	accggcgttg	ggacgcaact	cttcgactcg	10020
gagaccgagc	tgccgcccga	gaccaccgag	cggcctaact	acgagagtta	ttcacacagg	10080
ctctccaaca	tccgcttgat	ttctgggaac	accttgcggg	ctccggtgta	ctcctggacg	10140
caccgcagcg	ccgacagaac	taataccatc	agctccgact	cgatcaccca	gatcccgtg	10200
gtgaaggctc	acacgcttca	gtcgggcacc	acagtcgtca	agggccctgg	cttcaccggc	10260
ggcgacatcc	tgcgctgcac	atctggcgga	cccttcgcct	tcagcaacgt	gaacttggac	10320
ttcaatttgt	cacagcggta	tcgtgccaga	atccggtacg	ccagcactac	gaacctgcga	10380
atctatgtta	ctgtggcggg	cgagcggatc	ttcgccgggc	aattcgacaa	gacgatggac	10440
gcgggagcac	ctctgacatt	ccagtcattc	tcttacgcca	cgatcaacac	ggcattcacg	10500
tttccggagc	gttccagtag	cctgaccgtg	ggcgctgata	ccttcagtag	cgggaacgag	10560
gtgtacgttg	accgtttcga	gctgatcccc	gtcaccgcca	ccttcgaagc	tgagtcggac	10620
ctggagcgtg	cacagaaggc	agtcaacgag	ctgttcacct	ctagcaacca	gatcggcctc	10680
aagaccgacg	tcacagacta	ccacatcgac	caagtgtcca	acctggtcga	gtgccttagc	10740
gacgagttct	gcctagacga	gaagaaggag	ctgtcggaga	aggtcaaaca	cgccaagcgt	10800
ctgagcgatg	agcgcaacct	gtccaagac	cctaacttcc	gtggcatcaa	caggcagctt	10860
gaccgtggct	ggcgcggtc	gacggacatc	acgatccagg	gtggcgacga	cgtattcaag	10920
gagaattacg	tgaccttgct	tgggacgttt	gacgagtgtc	atcccaccta	cctctaccag	10980
aagattgatg	aatcgaaatt	gaaggcgtag	acgagatacc	agctccgtgg	ctacatcgag	11040
gacagccagg	acttggagat	ctacctcata	cgctacaacg	ctaaacatga	gaccgtgaac	11100
gtccctggga	cgggcagttc	gtggccactc	tctgctccta	gccctatcgg	caagtgcgct	11160
caccactcgc	accacttcag	ccttgacatc	gacgtgggat	gtactgacct	caacgaagac	11220
ctgggcgtct	gggttatctt	caagatcaag	accaggacg	gccacgccc	actcggcaac	11280
ctggagttcc	tggaggagaa	accactgggtg	ggcgaggcgc	tcgcccgcgt	gaagcgtgcc	11340
gagaagaagt	ggcgggacaa	gagggagaag	ctagaatggg	agacgaacat	cgtgtacaag	11400
gaggccaagg	aaagcgtcga	tgccctgttc	gtgaactcac	agtacgaccg	tctccaggcg	11460
gacacgaaca	tcgccatgat	ccacgcggct	gacaagcgcg	tccactccat	ccgcgaggcg	11520
tacttaccgg	agctgtcggg	gatcccaggc	gtaaacgcgg	cgatcttcga	ggagctagag	11580
ggacgcatct	tcacagcggt	cagcctgtac	gacgcacgca	acgtcatcaa	gaacggcgat	11640
ttcaacaacg	gactgtcctg	ctggaacgtg	aagggccacg	tcgatgtcga	ggaacagaac	11700
aaccaccgct	ctgtcctggg	ggtcccagag	tgggaggccg	aggtctcca	ggaggtccgc	11760
gtgtgccctg	ggcgtggcta	catcctccgt	gtgacagcct	acaaggaggg	ctacggtgag	11820
ggctgcgtca	ccattcacga	gatcgagaac	aacactgacg	aactcaagtt	ctcgaattgc	11880
gtggaggagg	aggtgtaccc	gaacaatacg	gtgacgtgca	acgactacac	ggcaacccaa	11940
gaggagtacg	agggcaccta	caccagtagg	aaccgtggct	acgacggtgc	ctacgagtcg	12000

aactccagcg tccctgcgga ctacgccagc gcgtacgagg agaaggctta caccgacgga 12060
cgccgggaca acccatgcga gagcaaccgt ggctacggcg actacactcc tctcccggcc 12120
ggatacgtca caaaggagct ggagtatttc ccagagacgg acaagggtgtg gatcgaaatc 12180
ggagagacag agggaacctt catcgtggac agcgtggagc tgctcctcat ggaggagtga 12240
gaaaactagt ggtttattta ctatatgtta ttgtatcttt caataaagag atgctccatt 12300
tgaccaaaaa taaaaagaga tgctccagat agtgcattct atctatgtta taataatcaa 12360
gtgtatgcat ttccttcccc tttatttgga gcatgtgtat gtttaaatat ttgtaatttg 12420
aaccttcaaa cttgttctag ttaccaata ataagatcat tattagtttg tgtgtttatc 12480
tctattgtct actaatTTTA tttttttttt acttttctat tctttatttg tattaatatca 12540
taagttctaa ttatttaatc aaaacttcaa atgggtggcg ttatacgcta ttccgaatcg 12600
tcttttgttg tccgagtcta taggctacac tcatatcctg gttgaaacag actctatagc 12660
tgtcctgac aggtcaatca gattagaaga ttcttttctc aaaattggag tcttttcttt 12720
caacgtgtg cagattgact tcgccagcag aacacgcgct gaggttaatt aagggcccg 12780
ccgtgacggc cacgagcgaa ctctgcagg tgtttaaaact agggataaca gggtaatagg 12840
tctcacgcgg caaatcctac cacctcattt aaatagagtg aggttgattt gcggccgcac 12900
aacaacgcc ggcgctctcc tctcttaagg tagccggtga cacccttggg ccgcatcgat 12960
cgtgaagttt ctcatctaag ccccatTTTg gacgtgaatg tagacacgtc gaaataaaga 13020
tttccgaatt agaataattt gtttattgct ttcgcctata aatacgacgg atcgtaattt 13080
gtcgttttat caaaatgtac tttcatttta taataacgct gcggacatct acatttttga 13140
attgaaaaaa aattggtaat tactctttct ttttctccat attgaccatc atactcattg 13200
ctgatccatg tagatttccc ggacatgaag ccatttaca ccatagatgt gaggaagaat 13260
gtcaaaaatg gaataaattt tataaccact agcagaaata gaagcactac aatgtataac 13320
tgcctttccc atgttttatt tgtttcgtat gatctaagat gttaagttga catgtttatt 13380
aatcttgaag cactattaat ttatttctac ttatctgtac ttttttttat tcttaattta 13440
ataatttttt cctcaatata ttttaaaaat atatattaaa ctaaaattaa tataaatgtt 13500
aaagcatgat aaaataaaat gttttgatat atcaaattta acaaataaaa atacggacac 13560
acaaataaga taacacatgt gtttttcatt ttgctaagta tatatattat tgatcatata 13620
tcttatgatt catgatttga ttcacgattc catacatagg ctttccgatt caactacctt 13680
gctggtaatt atattgtctc acaccaagca tcaaaattat ttgcaattac aaattaattg 13740
tttgctagtt gttactgatg tcaatggtaa ggaggcggtc cgaggatctc cttcgtttac 13800
ttttgggctc catatcttcc aaatgatgag tgatattgtc actattgatc aattttcact 13860
ttaaaactga atcattctga ttaaaaaatt aattcaaatt aagtaactga ttgaatttaa 13920
aattatatgg aaaacaaaga tatagattat gaatgagttg tcgctttgct tgttgttatt 13980
gttaagtga tttgggttca ttgatttcaa tgccgctgga atcaaatttg taagtgaatt 14040
tgagagatt cttggataaa tgtatcatat atttcatagt agcatgcac tcattctttg 14100
atttgggata aattagcaat ttttgctatt ttacaggctc aatatgttcc tgaacaatta 14160
gaatcactaa gggtagtag tcctttgata actgccacat atatggagct cgaagatgga 14220
ctgagtagta gggaatggag 14240

<210> 11
<211> 1000
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1000)
<223> Una secuencia de 1.000 nucleótidos que representa el ADN genómico de soja flanqueante 5' hasta el ADN-T insertado..

<400> 11
ataataacac aaaagagaat caaaatgttt attggaacca gctctattct tagtttattt 60
ttattttggt gatataattt taatttgta gaaataaatg gtgtaacagt ttaattagt 120
tttaatggtt tgaacagtta attataatga atgtatgaga tgtgtgtact ttattctcca 180
aactctaaag tactgacttt aaataaaaaa tagttatcat tgaaaagggtg ttcattttta 240
taactgttaa cctataactt cttctatagt tttgggtaca aaaactgttc acgtacgtac 300
gtattcttat aactaactgt taacctataa cttgtttttc tctcttcac atattttaat 360
ttccgttttt tcccctcatt tctgtttctt tgtatcgtag aaacatagac tccgaccaat 420
gccaaaatct ttgatcttca ttgttcatat tctccacatc tcaatcgatt gttgcagaat 480
cacagaagga gaaagaacat aaagaaaagc ttgcattttt gcctcaatat catgttattt 540
ttgttttttg aggaggagaga taactacact aatctcttac gagatcagtg ttaattattac 600
tacaaaaaag tgataatgat atttacattt ttttaagtaa aacatataca tcttctaaaa 660
aaaaagtaaa atatatacat atctctaatt tatatttaca tacgcatgca atgttaggta 720
tattcagcaa tgcaacacta ttttcttttt tctctatacc gttttttctt tattattgca 780
tggatagtag gaaaaaataa ataattaaac caaaattaat atataagtca atatattaaa 840
gataaattgt tactagcaac tttagcataa taaaaatggg atatataatt ttagtgtagt 900
caaaattgtg ataatatatt aaatttagca taaaagaaa tgcaaatacc ccgtttagt 960
gtctgtttct cttagtacat atataataaa acctgaatt 1000

<210> 12
<211> 1000
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(1000)
<223> Una secuencia de 1.000 nucleótidos que representa el ADN genómico de soja flanqueante 3' hasta el ADN-T insertado.

<400> 12
ccatagatgt gaggaagaat gtcaaaaatg gaataaattt tataaccact agcagaaata 60
gaagcactac aatgtataac tgcctttccc atgttttatt tgtttcgtat gatctaagat 120
gttaagtga catgtttatt aatcttgaag cactattaat ttatttctac ttatctgtac 180
ttttttttat tcttaattta ataatttttt cctcaatata ttttaaaaat atatattaaa 240
ctaaaattaa tataaatgtt aaagcatgat aaaataaaat gttttgatat atcaaattha 300
acaaataaaa atacggacac acaataaga taacacatgt gtttttcatt ttgctaagta 360
tatatattat tgatcatata tcttatgatt catgatttga ttcacgattc catacatagg 420
ctttccgatt caactacctt gctggtaatt atattgtctc acaccaagca tcaaaattat 480
ttgcaattac aaattaattg tttgctagtt gttactgatg tcaatggtaa ggaggcggtc 540
cgaggatctc cttcgtttac ttttgggctc catatcttcc aaatgatgag tgatattgtc 600
actattgatc aattttcact ttaaaactga atcattctga ttaaaaaatt aattcaaatt 660
aagtaactga ttgaatttaa aattatatgg aaaacaaaga tatagattat gaatgagttg 720

tcgctttgct tgttggttatt gttaagtga tttgggttca ttgatttcaa tgccgctgga	780
atcaaatttg taagtgaatt tggagagatt cttggataaa tgtatcatat atttcatagt	840
agcatgcatc tcattctttg atttgggata aattagcaat ttttgctatt ttacaggtcc	900
aatatgttcc tgaacaatta gaatcactaa gggtagctag tcctttgata actgccacat	960
atatggagct cgaagatgga ctgagtagta gggaatggag	1000

<210> 13
<211> 12629
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 12.629 nucleótidos que representa el casete transgénico comprendido dentro del vector de transformación plasmídico binario usado para transformar soja para producir el evento de soja GM_CSM63770.

<400> 13	
cgaagctcgg tcccgtgggt gttctgtcgt ctcgttgtac aacgaaatcc attcccattc	60
cgcgctcaag atggcttccc ctcggcagtt catcagggtt aaatcaatct agccgacttg	120
tccggtgaaa tgggctgcac tccaacagaa acaatcaaac aaacatacac agcgacttat	180
tcacacgagc tcaaattaca acggtatata tcctgccagt cagcatcatc acaccaaag	240
ttaggcccga atagtttgaa attagaaagc tcgcaattga ggtctgtcga ccctgcacta	300
actataacgg tcctaaggta gcgacttagg ctgagcccgg gcaggcctac ccataatacc	360
cataatagct gtttgccaat cgttcttctt ggcgcgccgt tttgtgtatc attcttggtt	420
cattgttatt aatgaaaaaa tattattggt cattggactg aacacgagtg ttaaatatgg	480
accaggcccc aaataagatc cattgatata tgaattaaat aacaagaata aatcgagtca	540
ccaaaccact tgcctttttt aacgagactt gttcaccaac ttgatacaaa agtcattatc	600
ctatgcaaat caataatcat acaaaaatat ccaataacac taataaatta aaagaaatgg	660
ataatttcac aatatgttat acgataaaga agttactttt ccaagaaatt cactgatttt	720
ataagcccac ttgcattaga taaatggcaa aaaaaaaca aaaggaaaag aaataaagca	780
cgaagaattc tagaaaatac gaaatacgct tcaatgcagt gggaccacg gttcaattat	840
tgccaatttt cagctccacc gtatatataa aaaataaaac gataatgcta aaaaaatata	900
aatcgtaacg atcgttaaat ctcaacggct ggatcttatg acgaccgtta gaaattgtgg	960
ttgtcgacga gtcagtaata aacggcgtca aagtgggtgc agccggcaca cacgagtcgt	1020
gtttatcaac tcaaagcaca aatacttttc ctcaacctaa aaataaggca attagccaaa	1080
aacaactttg cgtgtaaaca acgctcaata cacgtgtcat tttattatta gctattgctt	1140
caccgcctta gctttctcgt gacctagtcg tcctcgtctt ttcttcttct tcttctataa	1200
aacaataccc aaagagctct tcttcttcac aattcagatt tcaatttctc aaaatcttaa	1260
aaactttctc tcaattctct ctaccgtgat caaggtaaatt ttctgtgttc cttattctct	1320
caaatcttc gatattgttt tcgttcgac ccaatttcgt atatgttctt tggtttagat	1380
tctgttaatc ttagatcgaa gacgattttc tgggtttgat cgttagatat catcttaatt	1440
ctcgattagg gtttcataga tatcatccga tttgttcaaa taatttgagt tttgtcgaat	1500
aattactctt cgatttgatg tttctatcta gatctgggtg tagtttctag tttgtcgat	1560
cgaatttgtc gattaatctg agtttttctg attaacaggt ggtaccacca tggagattgt	1620
gaacaaccag aaccagtgcg ttccttaca ctgcttgaac aaccctgaga ttgagattct	1680
tgagggtggg agaatttctg ttggcaacac tcctattgac atctctttga gtttgactca	1740
attcttgttg agtgagttcg ttcctgggtgc tgggttcgtc ttgggtttga ttgatttgat	1800

ttgggggtttc gttggtccta gtcaatggga tgctttcttg gctcaagttg agcaattgat	1860
taaccagagg atcgctgagg ctgtgaggaa cactgctatt caagagttgg agggatatggc	1920
tagagtttac agaacttacg ctactgcttt cgctgagtgg gagaaggctc ctgatgaccc	1980
tgagttgagg gaggctttga gaactcaatt cactgctact gagacttaca tcagtggtag	2040
aatcagtgtc ttgaagattc aaactttcga gggttcaattg ctttctgtgt tcgctcaagc	2100
tgcaaacttg cacttgtctt tgcttagaga tgttgtgttc tttgggtcaaa gatgggggttt	2160
ctccactact accgtgaaca attactacaa cgatttgact gagggtatatt ctacttacac	2220
tgattacgct gttagatggg acaacactgg tttggagaga gtttggggtc cagattccag	2280
agattgggtc agatacaacc agttcagaag ggagttgact ttgactgtct tggacattgt	2340
tgctctcttc cctaactacg atagtcgtcg ttaccctatt agaactgttt ctcaacttac	2400
tagggaaatc tacactaacc ctgttcttga gaacttcgat ggtagtttcc gtggtagtgc	2460
tcaagggatt gagcgttcta ttcgttctcc tcactttatg gacattctta actctattac	2520
tatctacact gatgctcatc gtggttacta ttactggctt ggcatcaaa ttatggctag	2580
tcctgttggg ttcagtggtc ctgagttcac tttccctctt tacggtacta tgggcaacgc	2640
tgcacctcaa cagaggatcg ttgctcaact tgggtcaagggt gtttacagga ctctttcttc	2700
aaccctttac aggcgtcctt tcaacattgg gatcaacaac cagcagcttt ctgttcttga	2760
tggaaccgag ttcgcttacg gaacctcttc aaaccttcct agtgctgttt acaggaagtc	2820
tggaaccgtt gacagtcttg atgagattcc accgcagaac aataacgttc caccagga	2880
aggcttcagt cataggcttt ctcatgtttc tatgttccgc tctggattca gcaactcttc	2940
agtttctatt atcagggtc caatgttctc gtggattcat aggtctgccg agttcaacaa	3000
cattatcgct tccgatagca ttaaccagat tccacttggt aagggtattcc gtgtttgggg	3060
aggcacctct gttattaccg gaccaggctt caccggaggc gacattcttc gtcgtaacac	3120
cttcggagat ttcgtttcac ttcaagtga cattaactca ccaatcacc agcgctacag	3180
gcttcgcttc cgctacgcat catccaggga tgcaagggtg atcgtgctta ccggagcagc	3240
ctcaaccgga gtgggaggcc aagtgagcgt gaacatgcca cttcagaaga cgatggagat	3300
cggcgagaac cttacctcaa gaacctttcg ttacaccgat ttcagcaacc cattcagctt	3360
tcgtgcaaac ccagacatca tagggatctc agagcagcca ctgtttggag ctggatcaat	3420
ctcatccgga gagctttaca tcgacaagat cgagatcata ctcgcagatg caaccttcga	3480
ggctgagagc gatctggagc gtgcacagaa ggagtgtaac gcactcttta cctctaccaa	3540
ccagctcgga ctcaagacca acgtgaccga ttaccacatc gaccaagtga gcaacctcgt	3600
gacctacctc tcagatgagt tctgcttgga tgagaaacgc gaactcagcg agaaggtgaa	3660
gcacgcaaag cgtctctcag atgagcgtaa cctcctccag gatagcaatt tcaaggacat	3720
caatcgtcag ccagagcgtg gatggggagg ctcaaccgga atcaccatcc agggaggcga	3780
tgatgtgttt aaggagaatt acgtgacact ctccggaaca ttcgatgagt gctacccaac	3840
atactctat cagaagatcg acgagtcaa gctcaaggcg ttcacccgtt atcagctccg	3900
tggctacatc gaggatagtc aagacctgga aatctacctc atccgctaca atgcaaagca	3960
cgagacagtg aatgtaccag gaacaggctc cctctggcca ctctccgcac agtctccaat	4020
cggcaagtgc ggcgagccaa atcgtgcgc gccacacctg gagtggaatc ccgacctgga	4080
ctgctcctgc cgcgacggcg agaagtgcgc ccaccactcc caccacttta gcctggacat	4140
cgacgtgggc tgtacagacc tgaatgagga tctgggcgtg tgggtgatct ttaagatcaa	4200

gacacaggac	ggccacgccc	gcctgggcaa	tctggagttt	ctggaggaga	agcctctggt	4260
gggcgaagcc	ctggcccgcg	tgaagcgcg	cgagaagaaa	tggcgcgaca	aacgcgagaa	4320
actggaatgg	gaaacaaaca	tcgtgtacaa	agaagccaaa	gaatccgtgg	acgccctatt	4380
tgtgaactcc	cagtatgacc	agctacaggc	cgacacaaac	atcgcgatga	tccacgctgc	4440
ggacaagcgc	gtgcactcca	tacgcgaagc	ctatctaccc	gaactatccg	tgatacccgg	4500
cgtcaatgcc	gcgatctttg	aagaattgga	aggccgcatc	ttcacagcct	ttagcctcta	4560
tgacgcccga	aatgtcatca	agaatggcga	ctttaacaat	gggctatcct	gttggaatgt	4620
caaagggcac	gtggacgtcg	aagagcagaa	caatcagcga	tccgtcttag	tcgtaccoga	4680
atgggaagcc	gaagtctccc	aggaagtccg	agtctgtcct	ggtagagggt	acatcttgag	4740
agtgactgct	tacaaggagg	gttacgggtga	gggatgcgtg	actattcacg	agattgagaa	4800
caacactgat	gagttgaagt	tcagtaactg	cgtggaggag	gaaatctacc	ccaacaacac	4860
tgtgacttgt	aacgattaca	ccgtgaacca	ggaggaatac	ggaggcgctt	acacctccag	4920
aaaccgtgga	tacaatgagg	ctccctcggg	ccccgctgat	tatgcctccg	tctatgagga	4980
gaagtcctac	accgatggaa	ggcgcgagaa	tccctgcgag	ttcaatcgcg	gctatcgaga	5040
ctacactccg	ctaccggttg	gctatgtcac	aaaggaactg	gaatacttcc	cggaaacaga	5100
caaagtctgg	atcgaaatcg	gcgaaacaga	agggacgttc	atagtcgata	gcgtagaact	5160
tctccttatg	gaagaatgac	ctgcagggtca	ttcaatttga	cccttttgct	acattcttgc	5220
tgtcatagtt	atttaattta	atttcttaag	gtgcatattc	ttttggtgaa	tttaagcccc	5280
cccgaacat	ggaaggaggt	tggctgcaaa	gttcctgaag	gataatcggt	tttttcattc	5340
cctttaattt	ttgttattca	ttatttcaca	ttttacctaa	aacttcaggg	agtgagataa	5400
agaactcttt	ctctctgaac	tgtttatggt	gtctactaga	aaaaaaaaatc	ctgtaagagg	5460
taaggtattc	ttccaaaaca	ggattctttt	tcttatcatt	ttacttcatt	agtttctaag	5520
ttccttttcc	tacattgtat	aagattctgt	cagtacattt	atgttgctta	tgtaggaagt	5580
gggactgagt	ttcttatgaa	ggaatttatg	agttattgaa	tatttattgc	aagctatatt	5640
ttagaataca	gtatactttc	ttcttatggt	attatttttt	taagtgtatt	gtgttggtgt	5700
attattataa	gctttgttaa	actctgatca	ttttcaaatt	caaaacaatg	tttagttcaa	5760
aggcaaagct	gagttgtgct	gattattttag	ggataatagc	tgtttgccaa	tcgttcttct	5820
tggcgcgcca	cgtcctgctt	ggcctactag	gcccggaccg	acggtacctc	agcgctgtgc	5880
ctgttgcgaa	aaacccaaat	aaatacaaag	ttaatagatt	ttcaacaatg	cggggatagc	5940
tcagttggga	gagcgtcaga	ctgaagatct	gaaggtcgcg	tgttcgatcc	acgctcaccg	6000
catctttttt	ttgttctggt	tttcccagcg	aatgaactat	ccatacgtcg	tcgtttgtat	6060
agccatgatc	catgaagcgc	tctaattacc	aatcattttt	tctttcttgg	aattgatcaa	6120
gttacaaata	taaaattatt	ttacactaaa	aactctcttt	taaaaattta	gatccaattt	6180
taattttggt	ttctaaaaga	ttgtatccaa	gaagtaaaat	ttacatggaa	aataaaatgc	6240
ctataaatta	aaaaatgtta	tattttcgtg	acctttaacc	ttaggaacat	ttgataacta	6300
ttactttgag	attgcagtca	taggcaacac	aaggctttgg	acaacatgt	tcgtgacacc	6360
aaacaccccc	ctcaaaatta	agtatattat	accaactcat	ttcatttgct	tgttacggtt	6420
gtgttttatc	aatccttcct	cgtcttggtt	tttcctccaa	atttgtaatc	ttaaaattgg	6480
tgaacatca	catatttgat	tctcaatctt	agattttcta	ccttttaggt	aatctatatt	6540
ttgaaattga	aattgaaatt	gaattccgtg	taaaatctat	aatatgggaa	ccaattcga	6600
atttaatggt	ttatgtaaag	gccaataatg	ttccaaattt	atttccttat	tattattgta	6660

tat	ttttgtcc	ccaagtacat	catagattgg	ctttcaattc	caaatccatc	atggtatatt	6720
ttt	aggtgca	aactattgtc	gtagatttaa	tcccctagtt	ttgttgattt	tttaaaatag	6780
tact	tttcaac	aattttaaat	tttatttgat	tggttataaa	cttcgggtgt	gatttagttg	6840
tcca	atttgg	attatattgt	cattttcata	cataaattta	tttatttttg	aaaaagttat	6900
cttt	tagtct	ttgaaattga	aatttttatg	aatatgtgga	tttagtcct	caattctcaa	6960
atta	accatc	ttcacaagag	tgagaaacag	agatgggagg	gagaaaaatg	gaaagataaa	7020
aaa	agtattt	ttcttcctcc	atgttattag	gtcacatcaa	tatttataat	attttatatt	7080
aaatt	taatg	atttcttttg	ggagaggtag	tcttagacct	atttttttaa	caaaaattat	7140
tgg	actcata	attttttaat	tgtcctttaa	tttcttttat	ttgtatctag	actttataaa	7200
gttt	gagagt	tttatatttt	aaggagaaat	atattaaaat	ataaggttag	ttttcataca	7260
ctag	atagac	ttatgatctt	atacgagtga	atgagttaaa	ctctcaatta	aaattatttg	7320
aat	tttttca	aaaattaaaa	tcatccattt	tgttaaatta	aaatttgaag	aaatttatag	7380
gat	gcgtaag	aattgatgcc	ttgttaattt	tcaaataata	ttatagtaaa	aattcttaat	7440
tag	tttacta	acaacgattt	aaaagtttac	tttgatgtgt	tgaacaatat	ttatcaaacc	7500
aaatt	gatc	aagtggatat	actaacaaaa	gttcaagatc	ttaaacttta	agtgaattaa	7560
tttt	gacata	tatatatata	taaaaaaaaa	aagttagggtg	ttaaaagaaa	actgaaaatt	7620
gttaa	aagaa	aagaaagga	gggtatagat	aaaatgtgga	tagaaagaga	tgagttgtag	7680
atg	caaaaaa	atcttttagaa	acaatatgat	tggctaacta	agccctctca	ttaccccaca	7740
aaatt	tctca	tatctttcac	tcttcaccac	tcatctcctc	gtttcctcat	aatattcccc	7800
cact	tccact	ctctctcaca	caatctccaa	cactactgcc	cattcctctg	ttctttctct	7860
ctact	ctcaa	ccacagagct	tcaagtaccc	accatgacca	gcaaccgaaa	gaacgagaac	7920
gagat	catca	acgccctgtc	cataccggcc	gtgtcaaacc	actccgcca	gatgaacctc	7980
tccac	cgacg	cgaggatcga	ggactccctc	tgcatcgccg	agggaacaa	catcgacccg	8040
ttc	gtgtctg	caagcacggt	ccagaccggc	atcaacatcg	cgggccgcat	cctgggcgtg	8100
ctc	ggcgtgc	ccttcgcggg	tcaaatcgcc	tctttctact	cattcctcgt	gggcgagctg	8160
tgg	ccgcgcg	gacgtgaccc	gtgggaaatc	ttcctggagc	acgttgagca	gctcatccgg	8220
cag	caagtga	ccgagaacac	cagggacacc	gcactggcac	ggctccaggg	ccttggcaac	8280
agct	tccgcg	cctaccagca	gtcgctggag	gactggctgg	agaaccgaga	cgacgccaga	8340
accc	gctcag	ttctgtacac	acagtacatc	gccctagagc	tggacttcct	caacgctatg	8400
ccg	ctcttcg	ccatccgtaa	ccaggaagta	ccgcttctga	tgggtgtacgc	acaagcagcg	8460
aac	ctccatc	tgctcctgct	gcgagacgca	tctctgttcg	gcagtgagtt	cgggctgacg	8520
agc	caggaga	tccagcgcta	ctacgagcgc	caagtggaga	agactcgtga	gtacagcgac	8580
tact	gcgcgc	gctggtacaa	cacgggcttg	aacaaccttc	gcgggacaaa	cgccgaatcc	8640
tgg	cttcgct	acaaccagtt	ccgccgcgac	ctcacgctgg	gtgtgctgga	cctggtcgcg	8700
ctct	ttccgt	cctacgacac	acgggtgtac	ccaatgaaca	cgagcgaca	gctcacccgt	8760
gagat	ctaca	cagatcccat	cggccgcacc	aacgctccca	gtggcttcgc	aagcacgaat	8820
tgg	ttcaaca	ataacgctcc	ttctttctct	gccatcgagg	ccgctgtcat	cagaccgccg	8880
cact	tactcg	atttcccga	gcagctcact	atcttctctg	tgttgtcccg	gtggtcgaac	8940
acg	cagtaca	tgaactactg	ggtgggccac	aggctagaga	gccggacat	ccgtggcagt	9000
ctct	caacct	cgaccacgg	caacacgaac	acgagcatca	accctgtcac	tctccagttt	9060

acatctaggg	acgtttacag	gacagagtcg	ttcgctggca	ttaacattct	gttgaccact	9120
ccggtgaacg	gcgtcccttg	ggcccgttc	aactggagga	atcctctgaa	ctcactgcgc	9180
ggcagccttc	tctacactat	cggctacacc	ggcgttggga	cgcaactctt	cgactcggag	9240
accgagctgc	cgcccagac	caccgagcgg	cctaactacg	agagttattc	acacaggctc	9300
tccaacatcc	gcttgatttc	tgggaacacc	ttgcgggctc	cggtgtactc	ctggacgcac	9360
cgcagcgccg	acagaactaa	taccatcagc	tccgactcga	tcaccagat	cccgtgggtg	9420
aaggctcaca	cgcttcagtc	gggcaccaca	gtcgtcaagg	gccctggctt	caccggcggc	9480
gacatcctgc	gtcgcacatc	tggcggaccc	ttcgcttca	gcaacgtgaa	cttggacttc	9540
aatttgtcac	agcggtatcg	tgccagaatc	cggtagccca	gcactacgaa	cctgcgaatc	9600
tatgttactg	tggcgggcga	gcggatcttc	gccgggcaat	tcgacaagac	gatggacgcg	9660
ggagcacctc	tgacattcca	gtcattctct	tacgccacga	tcaacacggc	attcacgttt	9720
ccggagcggt	ccagtagcct	gaccgtgggc	gctgatacct	tcagtagcgg	gaacgaggtg	9780
tacgttgacc	gtttcgagct	gatcccggtc	accgccacct	tcgaagctga	gtcggacctg	9840
gagcgtgcac	agaaggcagt	caacgagctg	ttcacctcta	gcaaccagat	cggcctcaag	9900
accgacgtca	cagactacca	catcgaccaa	gtgtccaacc	tggtcgagtg	ccttagcgac	9960
gagttctgcc	tagacgagaa	gaaggagctg	tcggagaagg	tcaaacacgc	caagcgtctg	10020
agcgatgagc	gcaacctgct	ccaagacctt	aacttccgtg	gcatcaacag	gcagcttgac	10080
cgtggctggc	gcggctcgac	ggacatcacg	atccagggtg	gcgacgacgt	attcaaggag	10140
aattacgtga	ccttgcttgg	gacgtttgac	gagtgcctatc	ccacctacct	ctaccagaag	10200
attgatgaat	cgaaattgaa	ggcgtacacg	agataccagc	tccgtggcta	catcgaggac	10260
agccaggact	tggagatcta	cctcatacgc	tacaacgcta	aacatgagac	cgtgaacgtc	10320
cctgggacgg	gcagtctgtg	gccactctct	gctcctagcc	ctatcggcaa	gtgcgctcac	10380
cactcgcacc	acttcagcct	tgacatcgac	gtgggatgta	ctgacctcaa	cgaagacctg	10440
ggcgtctggg	ttatcttcaa	gatcaagacc	caggacggcc	acgcccgact	cggcaacctg	10500
gagttcctgg	aggagaaacc	actggtgggc	gaggcgctcg	cccgcgtgaa	gcgtgccgag	10560
aagaagtggc	gggacaagag	ggagaagcta	gaatgggaga	cgaacatcgt	gtacaaggag	10620
gccaaagaaa	gcgtcgatgc	cctgttcgtg	aactcacagt	acgaccgtct	ccaggcggac	10680
acgaacatcg	ccatgatcca	cgcggtgac	aagcgcgtcc	actccatccg	cgaggcgtac	10740
ttaccggagc	tgctcggatg	cccaggcgta	aacgcggcga	tcttcgagga	gctagaggga	10800
cgcatcttca	cagcgttcag	cctgtacgac	gcacgcaacg	tcatcaagaa	cggcgatttc	10860
aacaacggac	tgctctgctg	gaacgtgaag	ggccacgtcg	atgtcgagga	acagaacaac	10920
caccgctctg	tcctgggtgg	cccagagtgg	gaggccgagg	tctcccagga	ggtccgcgtg	10980
tgccctgggc	gtggctacat	cctccgtgtg	acagcctaca	aggagggcta	cggtaggggc	11040
tgcgtcacca	ttcacgagat	cgagaacaac	actgacgaac	tcaagttctc	gaattgcgtg	11100
gaggaggagg	tgtacccgaa	caatacgggtg	acgtgcaacg	actacacggc	aaccaagag	11160
gagtacgagg	gcacctacac	cagtaggaac	cgtggctacg	acggtgccta	cgagtcgaac	11220
tccagcgtcc	ctgcggacta	cgccagcgcg	tacgaggaga	aggcttacac	cgacggacgc	11280
cgggacaacc	catgcgagag	caaccgtggc	tacggcgact	acactcctct	cccggccgga	11340
tacgtcacia	aggagctgga	gtatttccca	gagacggaca	aggtgtggat	cgaaatcgga	11400
gagacagagg	gaaccttcat	cgtggacagc	gtggagctgc	tcctcatgga	ggagtgagaa	11460
aactagtgg	ttatttacta	tatgttattg	tatctttcaa	taaagagatg	ctccatttga	11520

ccaaaaataa aaagagatgc tccagatagt gcatcttatc tatgttataa taatcaagtg 11580
tatgcatttc cttccccttt atttgagca tgtgtatgtt taaatatttg taatttgaac 11640
cttcaaactt gttctagtta ccaaataata agatcattat tagtttgtgt gtttatctct 11700
attgtctact aattttattt tttttttact tttctattct ttatttgtat taaatcataa 11760
gttctaatta tttaatcaaa acttcaaag gtggcggta tacgctattc cgaatcgtct 11820
tttgttgtcc gagtctatag gctacactca taccctgggt gaaacagact ctatagctgt 11880
cctgatcagg tcaatcagat tagaagattc ttttctcaaa attggagtct tttctttcaa 11940
cgctgtgcag attgacttcg ccagcagaac acgcgctgag gtaattaag ggcccggccg 12000
tgacggccac gagcgaactc ctgcagggtt ttaaactagg gataacaggg taataggctc 12060
cacgcggcaa atcctaccac ctcatthaaa tagagtgagg ttgatttgcg gccgcacaac 12120
aaacgccggc gctctctctt ctttaaggtag ccggtgacac ccttgggccc catcgatcgt 12180
gaagtttctc atctaagccc ccatthggac gtgaatgtag acacgtcgaa ataaagattt 12240
ccgaattaga ataatttgtt tattgctttc gcctataaat acgacggatc gtaatttgtc 12300
gttttatcaa aatgtacttt catthtataa taacgtgcg gacatctaca tttttgaatt 12360
gaaaaaaaaat tggtaattac tctttctttt tctccatatt gaccatcata ctcatthgtg 12420
atccatgtag atttcccga catgaagcca ttacaattg aatatatcct gccgccgtg 12480
ccgctttgca cccggtggag cttgcatgtt ggtttctacg cagaactgag ccggttaggc 12540
agataatttc cattgagaac tgagccatgt gcaccttccc cccaacacgg tgagcgacgg 12600
ggcaacggag tgatccacat gggactttt 12629

<210> 14
<211> 26
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 26 nucleótidos correspondiente a un cebador de
amplificación térmica denominado SQ13805 que se puede usar para
identificar ADN del evento de soja GM_CSM63770 en una muestra.

<400> 14
ccatattgac catcatactc attgct 26

<210> 15
<211> 31
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 31 nucleótidos correspondiente a un cebador de
amplificación térmica denominado SQ51400 que se puede usar para
identificar ADN del evento de soja GM_CSM63770 en una muestr.

<400> 15
gtagtgcttc tatttctgct agtggttata a 31

<210> 16
<211> 16
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 16 nucleótidos correspondiente a una sonda
denominada PB4832 usada para identificar ADN del evento de soja
GM_CSM63770 en una muestra.

<400> 16
atccatgtag atttcc 16

<210> 17
 <211> 20
 <212> ADN
 <213> Artificial

 <220>
 <223> Una secuencia de 20 nucleótidos correspondiente a un cebador de amplificación térmica denominado SQ549
 usado como control interno para el evento y el ensayo de cigosidad para el evento de soja GM_CSM63770.

 <400> 17
 cggagatgct gtcgtgagaa 20

 <210> 18
 <211> 20
 <212> ADN
 <213> Artificial

 <220>
 <223> Una secuencia de 20 nucleótidos correspondiente a un cebador de amplificación térmica denominado SQ546
 usado como control interno para el evento y el ensayo de cigosidad para el evento de soja GM_CSM63770.

 <400> 18
 ccctgtgatc gcagactcaa 20

 <210> 19
 <211> 28
 <212> ADN
 <213> Artificial

 <220>
 <223> Una secuencia de 28 nucleótidos correspondiente a una sonda denominada PB0004 usada como control interno para
 el evento y el ensayo de cigosidad para el evento de soja GM_CSM63770.

 <400> 19
 actctcgcta gacacttcct tccgcaaa 28

 <210> 20
 <211> 23
 <212> ADN
 <213> Artificial

 <220>
 <223> Una secuencia de 25 nucleótidos correspondiente a un cebador de amplificación térmica denominado GM_WT63770F
 usado en el ensayo de cigosidad para el evento de soja GM_CSM63770.

 <400> 20
 ccccgttgta gtgtctgttt ctc 23

 <210> 21
 <211> 24
 <212> ADN
 <213> Artificial

 <220>
 <223> Una secuencia de 25 nucleótidos correspondiente a una sonda denominada GM_WT63770PB usada en el ensayo de
 cigosidad para el evento de soja GM_CSM63770.

 <400> 21
 cttgaattgt ataaaattac aacc 24

 <210> 22
 <211> 27
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> Una secuencia de 27 nucleótidos correspondiente a un sitio de reconocimiento de ARN guía originador (OgRRS),
 OgRRS_5-1 que comprende un sitio de motivo adyacente protoespaciador (PAM) para Cas12a operativamente enlazado
 con un sitio de hibridación de ARN guía.

 <400> 22
 ttttagagttt ggagaataaa gtacaca 27

<210> 23
 <211> 27
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> Una secuencia de 27 nucleótidos correspondiente a un OgRRS, OgRRS_5-2.

<400> 23
 tttggcattg gtcggagtct atgtttc 27

<210> 24
 <211> 27
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> Una secuencia de 27 nucleótidos correspondiente a un OgRRS, OgRRS_5-3.

<400> 24
 tttggagggg agagataact acactaa 27

<210> 25
 <211> 27
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> Una secuencia de 27 nucleótidos correspondiente a un OgRRS, OgRRS_3-1.

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> Una secuencia de 27 nucleótidos correspondiente a un OgRRS, OgRRS_3-1.

<400> 25
 tttggagaga ttcttgata aatgtat 27

<210> 26
 <211> 27
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> Una secuencia de 27 nucleótidos correspondiente a un OgRRS, OgRRS_In-1.

<400> 26
 tttaggata atagctgttt gccaatc 27

<210> 27
 <211> 27
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> Una secuencia de 27 nucleótidos correspondiente a un OgRRS,

OgRRS_In-2.

<400> 27
tttcgcaaca ggcacagcgc tgaggta 27

<210> 28
<211> 51
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 51 nucleótidos correspondiente a un ARN guía
(ARNg), gRNA_OgRRS_5-1.

<400> 28
gaatttctac taagtgtaga tgagtttgga gaataaagta cacatTTTTT t 51

<210> 29
<211> 51
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 51 nucleótidos correspondiente a un ARN guía,
gRNA_OgRRS_5-2.

<400> 29
gaatttctac taagtgtaga tgcattgggc ggagtctatg tttctTTTTT t 51

<210> 30
<211> 51
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 51 nucleótidos correspondiente a un ARN guía,
gRNA_OgRRS_5-3.

<400> 30
gaatttctac taagtgtaga tgaggggaga gataactaca ctaatTTTTT t 51

<210> 31
<211> 51
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 51 nucleótidos correspondiente a un ARN guía,
gRNA_OgRRS_3-1.

<400> 31
gaatttctac taagtgtaga tgagagattc ttggataaat gtatTTTTTT t 51

<210> 32
<211> 51
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 51 nucleótidos correspondiente a un ARN guía,
gRNA_OgRRS_In-1.

<400> 32
gaatttctac taagtgtaga tgggataata gctgtttgcc aatctTTTTT t 51

<210> 33
<211> 51
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de 51 nucleótidos correspondiente a un ARN guía,
gRNA_OgRRS_In-2.

<400> 33

gaatttctac taagtgtaga tgcaacaggc acagcgctga ggtatTTTTT t 51

<210> 34
<211> 3750
<212> ADN
<213> Artificial

<220>
<223> Una secuencia de una secuencia de codificación de ADN sintético diseñada para expresión en una célula vegetal que codifica una proteína asociada a CRISPR Cas12a de localización nuclear.

<400> 34
atggcgggat ctaagaagag aagaattaaa caagattcga agctcgagaa gttcaccaac 60
tgctactcgc tgagcaagac gctgcggttc aaggcgatcc ccgtcgggaa gacccaggag 120
aacatcgaca acaagcggct cctggtcgag gacgagaagc gcgccgagga ctacaagggc 180
gtcaagaagc tgctggaccg gtactacctc tccttcatca acgacgtcct gcactcgatc 240
aagctcaaga acctgaacaa ctacatctcg ctgttccgca agaagacacg gaccgagaag 300
gagaacaagg agctcgagaa cctcgagatc aacctgcgca aggagatcgc gaaggcgttc 360
aagggcaacg aggggtacaa gagcctgttc aagaaagaca tcatcgagac catcctgccg 420
gagttcctgg acgacaagga cgagatcgcg ctggtgaact cgttcaacgg gttcaccacg 480
gccttcaccg ggTTTTTcga caaccgggag aacatgttca gcgaggaggc caagtcgacc 540
agcatcgcct tccggtgcat caacgagaac ctcacccgct acatcagcaa catggacatc 600
ttcgagaagg tggacgccat cttcgacaag cacgaggctc aggagatcaa ggaaaagatc 660
ctgaactcgg actacgacgt ggaagacttc tttgaggcg agttcttcaa cttcgtcctc 720
accaggagg gcacgacgt ctacaacgcc atcatcggcg gcttcgtgac ggagagcggc 780
gagaagatca agggcctcaa cgagtacatc aacctctaca accagaagac taagcagaag 840
ctcccgaagt tcaagccgct gtacaagcaa gtcctgagcg accgggagtc cctctcgttc 900
tacggcgagg gctacacgag cgacgaggag gtgctggagg tgttccgcaa cacgctgaac 960
aagaacagcg agatcttcag ctcgatcaag aaactcgaga agctgttcaa gaacttcgac 1020
gagtacagca gcgccggcat cttcgtcaag aacgggcccg cgatcagcac catcagcaag 1080
gacatcttcg gggagtggaa cgtgatccgc gacaagtgga acgccgagta cgacgacatc 1140
cacctcaaga aaaaggcggg ggtcacggag aagtacgagg acgaccgccg gaagtccttc 1200
aagaaaatcg ggagcttcag cctcgagcag ctccaggagt acgcggacgc cgacctgagc 1260
gtggtggaga agctcaagga gatcatcatc cagaaggctg acgagatcta caaggtctac 1320
ggctcgagcg agaagctgtt cgacgcggac ttcgtgctgg agaagtcctt caagaagaac 1380
gacgccgtgg tggccatcat gaaggatctg ctcgacagcg tgaagtcgtt cgagaactac 1440
atcaaggcat tctttgggga gggcaaggag acgaaccggg acgagtcctt ctacggggac 1500
ttcgtgctcg cgtacgacat cctcctgaag gtcgaccaca tctacgacgc gatccggaac 1560
tacgtcacgc agaagcccta cagcaaggac aagttcaagc tctacttcca gaacccgcag 1620
ttcatgggcg ggtgggacaa ggacaaggag accgactacc gggccacgat cctgcggtac 1680
gggtccaagt actacctgc catcatggac aagaagtacg ccaagtcctt ccagaagatt 1740
gacaaggacg acgtgaacgg gaactacgag aagatcaact acaagtcctt cccggggccc 1800
aacaagatgc tgccgaagggt gttcttcagc aagaagtgga tggcctacta caacccctcg 1860
gaggacatcc agaagatata caagaacggc acgttcaaaa agggggacat gttcaacctg 1920
aacgactgcc acaagctgat cgactttttc aaggacagca tcagccgcta cccgaagtgg 1980
tcgaacgcct acgacttcaa cttctcggag acggagaagt acaaggacat tgcgggcttc 2040

taccgggagg tggaggagca gggctacaag gtctccttcg agagcgcctc caagaaagag 2100
gtggacaagc tcgtggagga gggcaagctg tacatgttcc agatctacaa caaggacttc 2160
tcggacaagt cgcacggcac cccgaacctc cacacgatgt acttcaagct gctgttcgac 2220
gagaacaacc acgggcagat ccgcctcagc ggcgggggcg agctgttcat gcgccgcgcg 2280
tccctcaaga aggaggagct ggtcgtgcac cccgccaact ccccgatcgc gaacaagaac 2340
cccgacaacc ccaagaagac aaccaccctc tcgtacgacg tctacaagga caagcggttc 2400
tcggaggacc agtacgagct gcacatcccg atcgccatca acaagtgccc caagaacatc 2460
ttcaagatca acaccgaggt gcgggtgctg ctcaagcacg acgacaacc ctacgtcatc 2520
gggatcgacc gcggcgagcg gaacctgctc tacatcgtgg tcgtggacgg gaaggggaac 2580
atcgtggagc agtacagcct gaacgagatc atcaacaact tcaacggcat ccgcatcaag 2640
acggactacc acagcctcct ggacaagaag gagaaggagc ggttcgaggc gcggcagaac 2700
tggacctcca tcgagaacat caaggagctg aaggccggct acatcagcca ggtcgtgcac 2760
aagatctgcg agctcgtgga gaagtacgac gcggtgatcg cgctggagga cttgaacagc 2820
gggttcaaga actcccgggt caaggtcgag aagcaggtct accagaagtt cgagaagatg 2880
ctgatcgaca agctcaacta catggtggac aagaagtcca acccctgcgc caccggcggc 2940
gccctcaagg gctaccagat caccaacaag ttcgagtcct tcaagtcgat gtctacgcag 3000
aacgggttca ttttctacat cccggcgtgg ctcaccagca agatcgaccc gagcacgggc 3060
ttcgtcaacc tcctgaagac caagtacacc agcatcgcgg acagcaagaa gttcatctcc 3120
tcgttcgacc gcatcatgta cgtccccgag gaagacctgt tcgagttcgc cctcgactac 3180
aagaacttct cccggacgga cgccgactac atcaaaaagt ggaagctcta cagctacggc 3240
aaccggatcc gcatcttccg caaccccaag aagaacaatg tgttcgactg ggaggaggtg 3300
tgcctgacga gcgcctacaa ggagctcttc aacaagtacg gcatcaacta ccagcaaggg 3360
gacatccgcg cgctgctctg cgagcagtcg gacaaggcgt tctactcgtc gttcatggcc 3420
ctgatgagcc tcatgctcca gatgcgcaac agcatcaccg gccggacgga cgtggacttc 3480
ctgatcagcc cggtaagaa cagcgacggc attttctacg acagccggaa ctacgaggcc 3540
caggagaacg ccatcctccc caagaacgcc gacgcgaacg gcgcctacaa catcgcgcgg 3600
aagggtgctgt gggccatcgg ccagtttaaa aaggcggagg acgagaagct ggacaaggtc 3660
aagatcgcca tcagcaacaa ggagtggctc gagtacgcgc agacgagcgt gaagcacgga 3720
tctaagaaga gaagaattaa acaagattga 3750

<210> 35
<211> 1249
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> Secuencia de aminoácidos de una proteína asociada a CRISPR Cas12a de localización nuclear.

<400> 35

Met Ala Gly Ser Lys Lys Arg Arg Ile Lys Gln Asp Ser Lys Leu Glu
1 5 10 15

Lys Phe Thr Asn Cys Tyr Ser Leu Ser Lys Thr Leu Arg Phe Lys Ala
20 25 30

Ile Pro Val Gly Lys Thr Gln Glu Asn Ile Asp Asn Lys Arg Leu Leu
35 40 45

Val Glu Asp Glu Lys Arg Ala Glu Asp Tyr Lys Gly Val Lys Lys Leu
50 55 60

Leu Asp Arg Tyr Tyr Leu Ser Phe Ile Asn Asp Val Leu His Ser Ile
65 70 75 80

Lys Leu Lys Asn Leu Asn Asn Tyr Ile Ser Leu Phe Arg Lys Lys Thr
85 90 95

Arg Thr Glu Lys Glu Asn Lys Glu Leu Glu Asn Leu Glu Ile Asn Leu
100 105 110

Arg Lys Glu Ile Ala Lys Ala Phe Lys Gly Asn Glu Gly Tyr Lys Ser
115 120 125

Leu Phe Lys Lys Asp Ile Ile Glu Thr Ile Leu Pro Glu Phe Leu Asp
130 135 140

Asp Lys Asp Glu Ile Ala Leu Val Asn Ser Phe Asn Gly Phe Thr Thr
145 150 155 160

Ala Phe Thr Gly Phe Phe Asp Asn Arg Glu Asn Met Phe Ser Glu Glu
165 170 175

Ala Lys Ser Thr Ser Ile Ala Phe Arg Cys Ile Asn Glu Asn Leu Thr
180 185 190

Arg Tyr Ile Ser Asn Met Asp Ile Phe Glu Lys Val Asp Ala Ile Phe
195 200 205

Asp Lys His Glu Val Gln Glu Ile Lys Glu Lys Ile Leu Asn Ser Asp
210 215 220

Tyr Asp Val Glu Asp Phe Phe Glu Gly Glu Phe Phe Asn Phe Val Leu
225 230 235 240

Thr Gln Glu Gly Ile Asp Val Tyr Asn Ala Ile Ile Gly Gly Phe Val
245 250 255

Thr Glu Ser Gly Glu Lys Ile Lys Gly Leu Asn Glu Tyr Ile Asn Leu
260 265 270

Tyr Asn Gln Lys Thr Lys Gln Lys Leu Pro Lys Phe Lys Pro Leu Tyr
275 280 285

Lys Gln Val Leu Ser Asp Arg Glu Ser Leu Ser Phe Tyr Gly Glu Gly
290 295 300

Tyr Thr Ser Asp Glu Glu Val Leu Glu Val Phe Arg Asn Thr Leu Asn
305 310 315 320

Lys Asn Ser Glu Ile Phe Ser Ser Ile Lys Lys Leu Glu Lys Leu Phe
325 330 335

Lys Asn Phe Asp Glu Tyr Ser Ser Ala Gly Ile Phe Val Lys Asn Gly
340 345 350

Pro Ala Ile Ser Thr Ile Ser Lys Asp Ile Phe Gly Glu Trp Asn Val
355 360 365

Ile Arg Asp Lys Trp Asn Ala Glu Tyr Asp Asp Ile His Leu Lys Lys
 370 375 380

Lys Ala Val Val Thr Glu Lys Tyr Glu Asp Asp Arg Arg Lys Ser Phe
 385 390 395 400

Lys Lys Ile Gly Ser Phe Ser Leu Glu Gln Leu Gln Glu Tyr Ala Asp
 405 410 415

Ala Asp Leu Ser Val Val Glu Lys Leu Lys Glu Ile Ile Ile Gln Lys
 420 425 430

Val Asp Glu Ile Tyr Lys Val Tyr Gly Ser Ser Glu Lys Leu Phe Asp
 435 440 445

Ala Asp Phe Val Leu Glu Lys Ser Leu Lys Lys Asn Asp Ala Val Val
 450 455 460

Ala Ile Met Lys Asp Leu Leu Asp Ser Val Lys Ser Phe Glu Asn Tyr
 465 470 475 480

Ile Lys Ala Phe Phe Gly Glu Gly Lys Glu Thr Asn Arg Asp Glu Ser
 485 490 495

Phe Tyr Gly Asp Phe Val Leu Ala Tyr Asp Ile Leu Leu Lys Val Asp
 500 505 510

His Ile Tyr Asp Ala Ile Arg Asn Tyr Val Thr Gln Lys Pro Tyr Ser
 515 520 525

Lys Asp Lys Phe Lys Leu Tyr Phe Gln Asn Pro Gln Phe Met Gly Gly
 530 535 540

Trp Asp Lys Asp Lys Glu Thr Asp Tyr Arg Ala Thr Ile Leu Arg Tyr
 545 550 555 560

Gly Ser Lys Tyr Tyr Leu Ala Ile Met Asp Lys Lys Tyr Ala Lys Cys
 565 570 575

Leu Gln Lys Ile Asp Lys Asp Asp Val Asn Gly Asn Tyr Glu Lys Ile
 580 585 590

Asn Tyr Lys Leu Leu Pro Gly Pro Asn Lys Met Leu Pro Lys Val Phe
 595 600 605

Phe Ser Lys Lys Trp Met Ala Tyr Tyr Asn Pro Ser Glu Asp Ile Gln
 610 615 620

Lys Ile Tyr Lys Asn Gly Thr Phe Lys Lys Gly Asp Met Phe Asn Leu
 625 630 635 640

Asn Asp Cys His Lys Leu Ile Asp Phe Phe Lys Asp Ser Ile Ser Arg
 645 650 655

Tyr Pro Lys Trp Ser Asn Ala Tyr Asp Phe Asn Phe Ser Glu Thr Glu
 660 665 670

Lys Tyr Lys Asp Ile Ala Gly Phe Tyr Arg Glu Val Glu Glu Gln Gly
 675 680 685

Tyr Lys Val Ser Phe Glu Ser Ala Ser Lys Lys Glu Val Asp Lys Leu
690 695 700

Val Glu Glu Gly Lys Leu Tyr Met Phe Gln Ile Tyr Asn Lys Asp Phe
705 710 715 720

Ser Asp Lys Ser His Gly Thr Pro Asn Leu His Thr Met Tyr Phe Lys
725 730 735

Leu Leu Phe Asp Glu Asn Asn His Gly Gln Ile Arg Leu Ser Gly Gly
740 745 750

Ala Glu Leu Phe Met Arg Arg Ala Ser Leu Lys Lys Glu Glu Leu Val
755 760 765

Val His Pro Ala Asn Ser Pro Ile Ala Asn Lys Asn Pro Asp Asn Pro
770 775 780

Lys Lys Thr Thr Thr Leu Ser Tyr Asp Val Tyr Lys Asp Lys Arg Phe
785 790 795 800

Ser Glu Asp Gln Tyr Glu Leu His Ile Pro Ile Ala Ile Asn Lys Cys
805 810 815

Pro Lys Asn Ile Phe Lys Ile Asn Thr Glu Val Arg Val Leu Leu Lys
820 825 830

His Asp Asp Asn Pro Tyr Val Ile Gly Ile Asp Arg Gly Glu Arg Asn
835 840 845

Leu Leu Tyr Ile Val Val Val Asp Gly Lys Gly Asn Ile Val Glu Gln
850 855 860

Tyr Ser Leu Asn Glu Ile Ile Asn Asn Phe Asn Gly Ile Arg Ile Lys
865 870 875 880

Thr Asp Tyr His Ser Leu Leu Asp Lys Lys Glu Lys Glu Arg Phe Glu
885 890 895

Ala Arg Gln Asn Trp Thr Ser Ile Glu Asn Ile Lys Glu Leu Lys Ala
900 905 910

Gly Tyr Ile Ser Gln Val Val His Lys Ile Cys Glu Leu Val Glu Lys
915 920 925

Tyr Asp Ala Val Ile Ala Leu Glu Asp Leu Asn Ser Gly Phe Lys Asn
930 935 940

Ser Arg Val Lys Val Glu Lys Gln Val Tyr Gln Lys Phe Glu Lys Met
945 950 955 960

Leu Ile Asp Lys Leu Asn Tyr Met Val Asp Lys Lys Ser Asn Pro Cys
965 970 975

Ala Thr Gly Gly Ala Leu Lys Gly Tyr Gln Ile Thr Asn Lys Phe Glu
980 985 990

Ser Phe Lys Ser Met Ser Thr Gln Asn Gly Phe Ile Phe Tyr Ile Pro
995 1000 1005

Ala Trp Leu Thr Ser Lys Ile Asp Pro Ser Thr Gly Phe Val Asn

<400> 36

aatgtggttc	tacagatcat	attgctaagg	attgcactgg	agattctaca	atgaaacaac	60
cacaagcaaa	atacatctta	aaggatgata	atgccaacg	tggtggagat	aatgcgaggt	120
gtgtacttct	gattgcatgt	gcctgtcttt	tactgtctat	ctgattatgt	ctaagtgagt	180
gatggaaatt	tcatggtgca	gatatgaaat	ggtttttgat	ggagataact	cacaaagtcc	240
aaggcgagat	ataaaacacc	aatggcatga	tggtgacctg	gttgaaagaa	aagatcatag	300
aagtcgtaga	gaacaggata	tggtagactc	aaacaacaga	gataggtatg	gtgatagaag	360
cagaggacat	gggggaaatg	gagacaacaa	agcacggctc	gaaagagggtg	caagagattt	420
gggttcccat	gctgacacga	aagacagaga	tagacacatg	ggaagacatg	gagatgatga	480
ttacaagcgg	aaagatgagt	gtgactccag	aaaaagagat	gaagacgatg	gctacaagag	540
gaaagatgag	caagactcaa	gaaaaagaga	tgaagacgat	ggctatagag	aaagacgaac	600
tagtcgagat	gataggagaa	acatggattc	tagccatttg	gagagaagga	atgacagaga	660
ttataggaag	agacctgaag	acagtggaaa	gcaagaaatg	aagatggatt	ctggacgaag	720
aaaaggaagt	ccagttgatg	aagattacaa	gaatggaagg	gatgatgaag	attacaaca	780
tagaagggaa	gaacgtgggc	ataaaagaca	agatactaaa	gctgatgatg	attacaagcg	840
tagaagggag	gatgtggatt	acaaacgcag	aaggaggagc	ggagattaca	gacatagaag	900
gcaagaacgt	ggacataaaa	gacaagatat	tgtatctgat	gattatcctc	ataggaggca	960
tcatggtgat	aggagatgat	tattggtgtc	acaatatcca	aatgctaagc	acagaacctt	1020
tgaacggcta	tcttgtatgc	cctttttgct	tcaatttttg	tggtggagca	agacaatgat	1080
atactttaga	acaaggtttt	tgaaatattc	tataagaaca	tatttaaaca	aggtttttgt	1140
ttgccacttt	gaacaaggtt	tacttggtta	ggccgtctct	agagttatta	ctagcaagct	1200
ttgtaaaacc	ttttttttta	ttatcgtcag	caacctctaa	cttgacaatg	ataacttggt	1260
gccatggatt	agcagttggt	ctcttctctg	ccatagtagc	tctctttctc	tcacatcttt	1320
tgttccatct	aattgacaca	aacacaatag	ttttgacttt	atttgcagaa	ctttgaggtc	1380
gttgctaattg	cttcaccaat	gttaaaacaa	atcattaacc	agtcgctaatt	atgtgagttt	1440
cttataatgg	taacaatatg	agcttccgtg	cctacaaata	tcttctaata	aacacaaatg	1500
gttcaattcc	tttatagtta	aaccaaatta	aaaaataata	tttacttctg	tagatgtttt	1560
cttaatccaa	atgcatctta	tagaacgtta	taattaagtt	cactggaaaa	aaggaaaaaa	1620
gattactccc	ttacatatata	aaacgttgct	ataacacata	cgctgctaatt	taaacacact	1680
tgcatgtgga	cacaaccagc	acttccacca	ccatcattca	ttatcaaatt	gaaattcttg	1740
tttcaaactt	attaattata	atcttttcat	aatcctagcc	ttcagaccat	tcttcatgag	1800
aaggacaatg	gagtggcttg	gagtaggaga	atggccttcc	accacctgga	atcgatactt	1860
tcgcaaaata	gcagctgcca	ccatcttcat	ctgaacaaag	gccaagtcct	ttccaagca	1920
gattctaggt	ccagcattaa	aagcaatgaa	tttgtaagct	ggtgcataaa	caacctctcc	1980
tctctcagat	atccatctct	ctggcttgaa	ctccaagcaa	tctttcccc	atatctcttc	2040
acaccttccc	attgcataca	aagaaaacaa	tatcattgtg	tttcattca	cacggtgacc	2100
acttgaagc	gtgtcatctt	taattgcctg	cttccgtca	atagacacag	gaggaaagag	2160
cctcaatgct	tcacacaatg	cacatgcag	ataaactagc	ttttcacct	cctcaatccc	2220
taaaaccctt	tcataattag	cctcaaaatt	atcttttatc	tcttccagaa	tcttggttc	2280
caccaaaggg	tgttttgtaa	caagccaaaa	gaaccacgtg	agagatgaag	ttatggtgtc	2340
tcttccagcc	acaaaaagat	taaactcatc	atcccttaga	aatctatcgt	catgtgcttg	2400

ttcttgtccc	atcaaagctg	ttaacaagtc	aacatgagct	tcacccattt	cattttcgtt	2460	
gcacttgctt	aaaagctcta	ccctcttgga	cgctatacgt	gcatgtatga	atcgatcaag	2520	
tgttttacat	gcttctgtca	tcttcttctc	ttgaccaatt	tgaagccatt	tctgcagctt	2580	
ccaaacacac	tttggcactg	tatgtctgta	gaatatggac	tcttctgctt	cgttaaaagc	2640	
cttctcaatt	gcaacttcag	gaaaatcaat	ggaaaggcaa	taaggatcat	atccaagaac	2700	
atcttgaagg	tgaagcgatt	gaagacatct	tgaagatcta	ccacccttcc	ttgttgttgt	2760	
acatgatcca	atattggaag	aaggcttggt	tgatcaagga	atggaggcca	ggatggttct	2820	
ggagtacttc	catgtctctg	aatcggcagt	gacaaccca	tctccgaagg	gtttgaaaat	2880	
ctcgcgaaac	tcgggtccct	tgatgtagtt	gtcaaagctc	ttgcagagca	tgtgttgcac	2940	
gttgagggag	tcacaagtga	tcaaatagtg	cattttgggtg	aacctgggcc	ctttgaattc	3000	
cccagatcca	ccttgttttt	tcagaatctc	agtgcaaaaa	tcatggattc	gccacatggt	3060	
gaagaggact	gatggtaaca	tgccaaggat	ggggtagtcc	ctcatgagag	ggtgtttgca	3120	
gcatcttcta	cgatggaaca	agtataggaa	ggagaagagt	gatgctgtta	tggctgcatt	3180	
gatcagaatc	atgttggcca	tatcgtaa	at	ttgagagagg	gttttaa	atg	3240
gccatctttg	tgtgatattt	gtcaatat	at	acagaaaatt	acagtgagat	atattt	3300
ttttatattt	ttttaataat	aatttatt	aa	cacatgctaa	aaaaaatt	ac	3360
attattattt	tttaagtatg	tgtgttaaca	agttacac	at	tattgtgtat	tttaaa	3420
ttttagttat	gacttattta	tattaaaa	aa	aat	aaagat	gcataaca	3480
tatatatata	ttcttattag	ttattagaga	gagtata	at	aactgatc	tttcta	3540
tagagttttt	ttccatttaa	ggaaaatatt	ttttcag	at	tattcatgat	tttttt	3600
gttaattatg	agatcaattt	tctttata	at	at	tgtgtg	tcagtttt	3660
tctatattgc	ccatgtggat	gacttgccgt	atgtgtgtga	tatttttt	tcctcaac	at	3720
attttgctct	taaatatttt	tcaagtttgc	gcaaacac	at	gttataatt	aatgaac	3780
tctgtaaagt	ccagatcatt	atagttaatt	aaat	at	catt	aaaaaa	3840
aaacaaattat	actttcgatt	cacgcacatg	aatcatga	ac	aatggttgag	gctcgttgac	3900
attgcctgtt	agtgactgtg	atgttatgga	tcgaacact	gaccctctga	gatccaattt		3960
tccacttgtc	tttcaaatgt	gtctccttca	cgatccaatt	ataataacac	aaaagagaat		4020
caaaatgttt	attggaacca	gctctattct	tagtttattt	ttattttgg	gatataattt		4080
taatttgtta	gaaataaatg	gtgtaacagt	tttaattagt	tttaatgg	tgaacagtta		4140
attataatga	atgtatgaga	tgtgtgtact	ttattctcca	aactctaaag	tactgacttt		4200
aaataaaaaa	tagttatcat	tgaaaagg	ttcattttta	taactgttaa	cctataactt		4260
cttctatagt	tttgggtaca	aaaactgttc	acgtacgtac	gtattcttat	aactaactgt		4320
taacctataa	cttgtttttc	tctcttcac	atattttaat	ttccgttttt	tcccctcatt		4380
tctgtttctt	tgtatcgtag	aaacatagac	tccgaccaat	gccaaaatct	ttgatcttca		4440
ttgttcatat	tctccacatc	tcaatcgatt	gttgcagaat	cacagaagga	gaaagaacat		4500
aaagaaaagc	ttgcattttt	gcctcaatat	catgttattt	ttgtttttgg	aggggagaga		4560
taactacact	aatctcttac	gagatcagtg	ttaatattac	tacaaaaaag	tgataatgat		4620
atttacattt	ttttaagtaa	aacatataca	tcttcta	aaa	aaagtaaa	atatatacat	4680
atctctaatt	tatatattaca	tacgcatgca	atgttaggta	tattcagcaa	tgcaacacta		4740
ttttcttttt	tctctatacc	gttttttctt	tattattgca	tggatagtag	gaaaaaataa		4800
ataattaaac	caaaattaat	atataagtca	atatattaaa	gataaattgt	tactagcaac		4860

tttagcataa taaaaatggg atatataatt ttagtgcagt caaaattgtg ataatatatt	4920
aaatttagca taaaaagaaa tgcaaatacc ccgtttagt gtctgtttct cttagtacat	4980
atataataaa accttgaatt	5000

<210> 37
<211> 5000
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(5000)
<223> Una secuencia de 5.000 nucleótidos que representa ADN genómico de soja que flanquea el inserto transgénico en el extremo 5' del inserto, cuyos últimos 4.000 nucleótidos están basados en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 37	
ccatagatgt gaggaagaat gtcaaaaatg gaataaat	60
gaagcactac aatgtataac tgcctttccc atgttttatt	120
gttaagttga catgtttatt aatcttgaag cactattaat	180
ttttttttat tcttaattta ataatttttt cctcaatata	240
ctaaaattaa tataaatgtt aaagcatgat aaaataaaat	300
acaaataaaa atacggacac acaaataaga taacacatgt	360
tatatattat tgatcatata tcttatgatt catgatttga	420
ctttccgatt caactacctt gctggtaatt atattgtctc	480
ttgcaattac aaattaattg tttgctagtt gttactgatg	540
cgaggatctc cttcgtttac ttttgggctc catatcttcc	600
actattgatc aattttcact ttaaaaactga atcattctga	660
aaagtaactga ttgaatttaa aattatatgg aaaacaaaga	720
tcgctttgct tgttgttatt gttaagtga tttgggttca	780
atcaaatttg taagtgaatt tggagagatt cttggataaa	840
agcatgcatc tcattctttg atttgggata aattagcaat	900
aatatgttcc tgaacaatta gaatcactaa gggtacgtag	960
atatggagct cgaagatgga ctgagtagta gggaatggag	1020
tggcaccaaa ggaattaagc aacgatcgat ttttgatatcc	1080
tataatcatc tcctacttga ttttgttctt tcctagttaa	1140
ccctcttttg tgataccaaa ctataaaact acagaagcta	1200
catcttaaat tcaatcagat tttgtcaatg aaatctatat	1260
atagcatacg tgagttatta taaatctttt gatattctct	1320
aaatttaatc agttttttta ttcgtcaa	1380
tagtgacaat atgactaatc acaaaagtgc ttgaaggaga	1440
tattgacatt aattggatag aaaagaaagt tgagccttac	1500
ttacttcct caacattgag cgaaaaacta gaaaagcaag	1560
ggatataaaa agccccttga catcattcac tatgaacaat	1620
tctccctggc tcataatata tactgacagt ggacaat	1680
ttgaat	1740

agttgttggg	ttctctgagg	catagaccct	catctcccca	gtgcctctta	caccaacttc	1800
aaccaaattc	tgagcctcat	caaaagccaa	ggactggact	gctccaccag	tgtttagcat	1860
attcaccaaa	ccaataggag	caaacttcac	tgacttgcca	cgcaaggcag	tcactgagga	1920
aaccgttata	agctcaaaat	tgaacggctc	caaggaaatc	tcttcactgt	catcagatgg	1980
tgctgagagg	atgagtttct	tagcttggct	gatataaggc	gaaaagttgc	accacttcaa	2040
tggaaattgg	gttctttcca	ctgtcccatt	caatgtcttg	gttgataccc	tgtgagaaaa	2100
ctcagcagca	catttgttgg	acctaatctc	acggaaccaa	cctcctccct	ggcagttaaa	2160
cacccaata	actccagtgt	actgtatcaa	aaagcaaatt	cacaataatg	ttaggttcta	2220
gtctcagtag	tagtatttta	caccattttc	attatttgaa	catcaaataa	ttaatactat	2280
tgcatacaat	tatctctatg	tctcagtatt	ttatcttctt	tatatagtgt	aaaatgcatt	2340
ttccaattga	cagtggtaaa	tgttcaattt	gcttttaagc	aatatcatta	tagaaacata	2400
gcaaatatct	ggaagtacct	tggtaaaagc	tctattgctc	atcttcttca	tcgttaacat	2460
ttaaggtcct	ttgctgataa	acttctccct	aagagaaaga	aattcaggaa	gtaaaatgaa	2520
ttggattttt	cctataaaca	aaaattaact	tttataaaaa	ttaaataatat	aggttgattt	2580
tagcacatgg	gagaagttta	aatcatttta	actttttatt	ttatTTTTTT	ctcaggtgct	2640
tatgtgtaag	gtttttcaaa	gagaatctaa	agggattgga	agagaacgta	tgctgggtcc	2700
gattggagca	tgaggaattg	ggagaggatg	acgtggcctt	ttacttttag	ggttgagttg	2760
ctttgtcacg	ggtgaaggct	tgttcaagct	tggagccatt	agtgagactc	aagagttaga	2820
tacaagaaat	aatgtatgtg	tgagtaagaa	tggggagagt	ttacaagttt	taagaattta	2880
atatattatt	tttattattc	taatcttttt	tataaaaaaa	aaactctctt	atttcataaa	2940
tatatacaaa	taaatatttt	cataaaaaaa	tgattagttg	agatccaaca	aactataatt	3000
tatgacataa	attagactta	aaatatatgt	atTTTTTaca	aaaaaataac	tatgtttgag	3060
taaggatttt	tataaccaac	aaaacactcc	cttcaaattc	atagcttttg	agaatacgga	3120
ggagtgtact	aatttggaga	catgcaatta	aatttccaca	tacttcacat	ttgtttacta	3180
actataataa	ttattctgta	aaacattatt	cattgtacaa	ggattctatg	catgcttttg	3240
tttcttcac	ttttaaaaaa	aggaagtcaa	ggattctata	ttatgtgaac	aagagaaagg	3300
ttcgtcttac	tgtttccgca	ataacttatg	ataataatta	atTTTgatgt	tgaaatagaa	3360
caaaacatat	gatctagatt	ttcataaaaa	aaacaaaaaa	taatgcatgt	ggctttgagg	3420
atgagagggt	tagtttgaag	ccgttagtgt	acgttgagaa	cagttgttga	gtcaatagtc	3480
aagaaactca	atgtagggtg	ggggcacatg	gcattccaat	atTTTgatga	gataaaacag	3540
ttatgttatg	tatattgcaa	gtgccggtgg	gaaaaggtta	catgcacagt	gagtgacatt	3600
gatcatttga	aaagatgaca	atgacaataa	caattgacag	ttaaaacctt	caatagcgtg	3660
ttccctttct	tgcatcttat	tgcgagtaac	gtggcatgaa	ttgttgaacg	tatcaactaa	3720
agagccttac	taaatgacaa	aattaatata	tgttatagta	gtataaggta	atggttaatt	3780
agcttaaatt	gatggacgat	gaccacttaa	gaaataaagg	tgagttgtta	attcttcact	3840
gacccaact	caaagatcac	ggacacttct	agagttctag	tactttaaag	attgttggga	3900
ccttttgttt	ttcggccaac	aagattgtta	gattgttgac	accataaaga	tgggctccac	3960
catctagcaa	ctccatatcc	tctccttttt	gttgttctct	tcttctcaac	tcaattcaat	4020
tcttcttctt	gaaattagct	ttcctatttt	gagttttgaa	tttgtttcta	gaatagacat	4080
tctgtaaggg	tatgtatact	cttacagaat	tatcctttgg	gaaggaaaaa	tcttacagaa	4140
caccttttct	gtaagtaaaa	atagtgcttc	taaaacgacc	atTTTggaat	ataaaaaatat	4200

gcttccggaa aggctattta ggattgtaat ttttactttc aaaatgatta ttccataagc 4260
taaaatagta ctttctagaa tgtccttttc aaaagataca aaatacgctt ctgaaaaggt 4320
tactccgaat tgcagttgtt gctttgggaa tgagcttttc acaagtataa taatgatttt 4380
ccgaaacccc ctttatggaa tttacaaaat acactttcga aaatgttgct ctggattttt 4440
aaaaaattgt atccaaaatg gtttttcctt aaacaaaaat gcttctagaa caacctttta 4500
cttatagaaa gaccattcta gaaacatttt ttgcttatag aaagatcatt ccgaaagtat 4560
tttggcttat gaaaaggcca ttttagaatt ttttttatag ttaattaaat ttgataaagg 4620
gagaaggagt cacttacctt catggaagaa ggaaagagga tgagggagtg caagaatgag 4680
ggggtggggc aaggaagagt cgttgcggga gggaggggtg tcgtcaatgt ggggtgtgtca 4740
tcaaagaaag gatgtcgtcg ttgtgggtgt gccgtcgaag aaggaatgtc atcgcatgtt 4800
gagagaaagg aaaaaggagg tgtaggatt gagagatacg aagtgaaaat ttcaataaaa 4860
gtattattat atttttactg aataatgaga gatgcagcat acacataaga aagtgcatga 4920
ttcaagtttc ttaatttctt caaagcacia gcaaacgaag cctaatagag aaccatggtc 4980
ttaatttggt tttctttaag 5000

<210> 38
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 38
aatgtggttc tacagatcat attgctaagg attgcactgg agattctaca 50

<210> 39
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 39
atgaaacaac cacaagcaaa atacatctta aaggatgata atgcccaacg 50

<210> 40
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 40
tggtggagat aatgcgaggt gtgtacttct gattgcatgt gcctgtcttt 50

<210> 41
<211> 50
<212> ADN

<213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 41
 tactgtctat ctgattatgt ctaagtgagt gatggaaatt tcatggtgca 50

<210> 42
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 42
 gatatgaaat gggttttggat ggagataact cacaaagtcc aaggcgagat 50

<210> 43
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 43
 ataaaacacc aatggcatga tggtagactg gttgaaagaa aagatcatag 50

<210> 44
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 44
 aagtcgtaga gaacaggata tggtagactc aaacaacaga gataggtatg 50

<210> 45
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 45
 gtgatagaag cagaggacat gggggaaatg gagacaacaa agcacggtct 50

<210> 46
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 46
 gaaagaggtg caagagattt gggttcccat gctgacacga aagacagaga 50

<210> 47
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 47
 tagacacatg ggaagacatg gagatgatga ttacaagcgg aaagatgagt 50

<210> 48
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 48
 gtgactccag aaaaagagat gaagacgatg gctacaagag gaaagatgag 50

<210> 49
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 49
 caagactcaa gaaaaagaga tgaagacgat ggctatagag aaagacgaac 50

<210> 50
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 50
 tagtcgagat gataggagaa acatggattc tagccatttg gagagaagga 50

<210> 51

<211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 51
 atgacagaga ttataggaag agacctgaag acagtggaaa gcaagaaatg 50

<210> 52
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 52
 aagatggatt ctggacgaag aaaaggaagt ccagttgatg aagattacaa 50

<210> 53
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 53
 gaatggaagg gatgatgaag attacaaaca tagaagggaa gaacgtgggc 50

<210> 54
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 54
 ataaaagaca agatactaaa gctgatgatg attacaagcg tagaaggag 50

<210> 55
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 55
 gatgtggatt acaaacgcag aagggaggac ggagattaca gacatagaag 50

<210> 56
 <211> 50

<212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 56
 gcaagaacgt ggacataaaa gacaagatat tgtatctgat gattatcctc 50

<210> 57
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 57
 ataggaggca tcatggtgat aggagatgat tattggtgtc acaatatcca 50

<210> 58
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 58
 aatgctaagc acagaacctt tgaacggcta tcttgtatgc cctttttgct 50

<210> 59
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 59
 tcaatttttg tggtggagca agacaatgat atactttaga acaaggtttt 50

<210> 60
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 60
 tgaaatattc tataagaaca tatttaaaca aggtttttgt ttgccacttt 50

<210> 61
 <211> 50
 <212> ADN

<213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 61
 gaacaagggtt tacttggtta ggccgtctct agagttatta ctagcaagct 50

<210> 62
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 62
 ttgtaaaacc ttttttttta ttatcgtcag caacctctaa ctigacaatg 50

<210> 63
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 63
 ataacttggtt gccatggatt agcagttggt ctcttctctg ccatagtagc 50

<210> 64
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 64
 tctcttctc tcacatcttt tgttccatct aattgacaca aacacaatag 50

<210> 65
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 65
 ttttgacttt atttgcagaa ctttgagggtc gttgctaattg cttcaccaat 50

<210> 66
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 66
 gttaaaacaa atcattaacc agtcgctaata atgtgagttt cttataatgg 50

<210> 67
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 67
 taacaatatg agcttccgtg cctacaaata tcttctaata aacacaaatg 50

<210> 68
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 68
 gttcaattcc tttatagtta aaccaaatta aaaaataata tttacttctg 50

<210> 69
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 69
 tagatgtttt cttaatccaa atgcatctta tagaacgtta taattaagtt 50

<210> 70
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 70
 cactggaaaa aaggaaaaa gattactccc ttacatataa aaacgttgct 50

<210> 71
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 71
 ataacacata cgctgctaata taaacacact tgcattgtgga cacaaccagc 50

<210> 72
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 72
 atttccacca ccatcattca ttatcaaatt gaaattcttg tttcaaactt 50

<210> 73
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 73
 attaattata atcttttcat aatcctagcc ttcagaccat tcttcatgag 50

<210> 74
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 74
 aaggacaatg gagtggcttg gagtaggaga atggccttcc accacctgga 50

<210> 75
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 75
 atcgatactt tcgcaaaata gcagctgcca ccatcttcat ctgaacaaag 50

<210> 76
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 76
 gccaaagtcct ttccaagca gattctaggt ccagcattaa aagcaatgaa 50

<210> 77
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 77
 tttgtaagct ggtgcataaa caacctctcc tctctcagat atccatctct 50

<210> 78
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento del cultivar Williams 82. GM_63770 basada en la secuencia genómica

<400> 78
 ctggcttgaa ctccaagcaa tctttccccc atatctcttc acaccttccc 50

<210> 79
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 79
 attgcataca aagaaaacaa tatcattgtg tttccattca cacggtgacc 50

<210> 80
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Additional 50-nucleotide sequence in the 5' flank of event GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82 cultivar.

<400> 80
 acttgggaagc gtgtcatctt taattgcctg cttccgctca atagacacag 50

<210> 81
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 81
gaggaaagag cctcaatgct tcacacaatg caccatgcag ataaactagc 50

<210> 82
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 82
tttttcacct cctcaatccc taaaaccctc tcataattag cctcaaaatt 50

<210> 83
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 83
atcttttatc tcttccagaa tcttggttc caccaaaggg tgttttgtaa 50

<210> 84
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 84
caagcaaaa gaaccacgtg agagatgaag ttatggtgtc tcttccagcc 50

<210> 85
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 85
acaaaaagat taaactcatc atcccttaga aatctatcgt catgtgcttg 50

<210> 86
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>

<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 86
ttcttggtccc atcaaagctg ttaacaagtc aacatgagct tcacccattt 50

<210> 87
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 87
cattttcggtt gcacttgctt aaaagctcta ccctcttgga cgctatacgt 50

<210> 88
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 88
gcatgtatga atcgatcaag tgttttacat gcttctgtca tcttcttctc 50

<210> 89
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 89
ttgaccaatt tgaagccatt tctgcagctt ccaaacacac tttggcactg 50

<210> 90
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 90
tatgtctgta gaatatggac tcttctgctt cgtaaagc cttctcaatt 50

<210> 91
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature

<222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 91
 gcaacttcag gaaaatcaat ggaaaggcaa taaggatcat atccaagaac 50

<210> 92
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 92
 atcttgaagg tgaagcgatt gaagacatct tgaagatcta ccacccttcc 50

<210> 93
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 93
 ttgttgtgtg acatgatcca atattggaag aaggcttgtt tgatcaagga 50

<210> 94
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 94
 atggaggcca ggatggttct ggagtacttc catgtctctg aatcggcagt 50

<210> 95
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 95
 gacaaccca tctccgaagg gtttgaaaat ctcgcgaaac tcgggtccct 50

<210> 96
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)

<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 96
tgatgtagtt gtcaaagctc ttgcagagca tgtgttgac gttgaggag 50

<210> 97
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 97
tcacaagtga tcaaatagtg catTTTggtg aaccatggcc ctttgaattc 50

<210> 98
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 98
cccagatcca ccttgTTTT tcagaatctc agtgcaaaaa tcatggattc 50

<210> 99
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 99
gccacatggt gaagaggact gatggtaaca tgccaaggat ggggtagtcc 50

<210> 100
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 100
ctcatgagag ggtgtttgca gcatcttcta cgatggaaca agtataggaa 50

<210> 101
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento

GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 101
ggagaagagt gatgctgtta tggctgcatt gatcagaatc atgttggcca 50

<210> 102
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 102
tatcgtaaatttgagagagg gttttaaatg tgaatgactt gccatctttg 50

<210> 103
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 103
tgtgatattt gtcaatatat acagaaaatt acagtgagat atatttgtct 50

<210> 104
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 104
ttttatattt ttttaataat aatttattaa cacatgctaa aaaaaattac 50

<210> 105
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 105
attattattt attattattt ttttaagtatg tgtgttaaca agttacacat 50

<210> 106
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

```

<400> 106
tattgtgtat tttaaaatat ttttagttat gacttattta tattaaaaaa          50

<210> 107
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 107
aattaaagat gcataacaaa atcatatata tatatatata ttcttatttag          50

<210> 108
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 108
ttattagaga gagtatatat aactgatctt ttctaattgtt tagagttttt          50

<210> 109
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 109
ttccatttaa ggaaaatatt ttttcagtat tattcatgat tttttttctt          50

<210> 110
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 110
gttaattatg agatcaattt tctttataat atattgtgtg tcagttttta          50

<210> 111
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

```

<400> 111
 ttttctcaat tctatattgc ccatgtggat gacttgccgt atgtgtgtga 50

<210> 112
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 112
 tatttttttt tcctcaacat attttgctct taaatatttt tcaagtttgc 50

<210> 113
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 113
 gcaaacacat gttataattt aatgaacatt tctgtaaagt ccagatcatt 50

<210> 114
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 114
 atagttaatt aaatatcatt aaaaaaatac aaaaacgaaa aacaaattat 50

<210> 115
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 115
 actttcgatt cacgcacatg aatcatgaac aatgggtgag gctcgttgac 50

<210> 116
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 116

attgcctgtt agtgactgtg atgttatgga tcgaacactt gaccctctga 50

<210> 117
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 5' del evento GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 117
gatccaattt tccacttgct tttcaaatgt gtctccttca cgatccaatt 50

<210> 118
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 118
ataataacac aaaagagaat caaaatgttt attggaacca gctctattct 50

<210> 119
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 119
tagtttattt ttattttggt gatataattt taatttgta gaaataaatg 50

<210> 120
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 120
gtgtaacagt ttaattagt ttaattggt tgaacagta attataatga 50

<210> 121
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 121
atgtatgaga tgtgtgtact ttattctcca aactctaaag tactgacttt 50

<210> 122
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 122
 aaataaaaaa tagttatcat tgaaaagggtg ttcattttta taactgttaa 50

<210> 123
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 123
 cctataactt cttctatagt ttgggtaca aaaactgttc acgtacgtac 50

<210> 124
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 124
 gtattcttat aactaactgt taacctataa cttgtttttc tctcttcac 50

<210> 125
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 125
 atattttaat ttccgttttt tcccctcatt tctgtttctt tgtatcgtag 50

<210> 126
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 126
 aaacatagac tccgaccaat gccaaaatct ttgatcttca ttgttcatat 50

<210> 127
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 127
 tctccacatc tcaatcgatt gttgcagaat cacagaagga gaaagaacat 50

<210> 128
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 128
 aaagaaaagc ttgcattttt gcctcaatat catgttattt ttgtttttgg 50

<210> 129
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 129
 aggggagaga taactacact aatctcttac gagatcagtg ttaatattac 50

<210> 130
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 130
 tacaaaaaag tgataatgat atttacattt ttttaagtaa aacatatata 50

<210> 131
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 131
 tcttctaaaa aaaaagtaaa atatatacat atctctaatt tatatttaca 50

<210> 132
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

 <400> 132
 tacgcatgca atgttaggta tattcagcaa tgcaacta ttttcttttt 50

 <210> 133
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

 <400> 133
 tctctatacc gtttttctt tattattgca tggatagtag gaaaaataa 50

 <210> 134
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

 <400> 134
 ataattaaac caaaattaat atataagtca atatattaaa gataaattgt 50

 <210> 135
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

 <400> 135
 tactagcaac tttagcataa taaaaatggg atatataatt ttagtgcagt 50

 <210> 136
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

 <400> 136
 caaaattgtg ataatatatt aaatttagca taaaaagaaa tgcaaatacc 50

 <210> 137

<211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 5' del evento GM_CSM63770.

<400> 137
 ccggttagt gtctgtttct cttagtacat atataataaa accttgaatt 50

<210> 138
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 138
 ccatagatgt gaggaagaat gtcaaaaatg gaataaattt tataaccact 50

<210> 139
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 139
 agcagaaata gaagcactac aatgtataac tgcctttccc atgttttatt 50

<210> 140
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 140
 tgtttcgtat gatctaagat gttaagttga catgtttatt aatcttgaag 50

<210> 141
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 141
 cactattaat ttatttctac ttatctgtac ttttttttat tcttaattta 50

<210> 142
 <211> 50

<212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 142
 ataatttttt cctcaatata ttttaaaaat atatattaaa ctaaaattaa 50

<210> 143
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 143
 tataaatggt aaagcatgat aaaataaaat gttttgatat atcaaattta 50

<210> 144
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 144
 acaaataaaa atacggacac acaaataaga taacacatgt gtttttcatt 50

<210> 145
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 145
 ttgctaagta tatatattat tgatcatata tcttatgatt catgatttga 50

<210> 146
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 146
 ttcacgattc catacatagg ctttccgatt caactacctt gctggttaatt 50

<210> 147
 <211> 50
 <212> ADN

<213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 147
 atattgtctc acaccaagca tcaaaattat ttgcaattac aaattaattg 50

<210> 148
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 148
 tttgctagtt gttactgatg tcaatggtaa ggaggcgttc cgaggatctc 50

<210> 149
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 149
 cttcgtttac ttttgggctc catatcttcc aaatgatgag tgatattgtc 50

<210> 150
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 150
 actattgatc aattttcact ttaaaactga atcattctga ttaaaaaatt 50

<210> 151
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
 flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 151
 aattcaaatt aagtaactga ttgaatttaa aattatatgg aaaacaaaga 50

<210> 152
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
      flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 152
tatagattat gaatgagttg tcgctttgct tgttggttatt gttaagtga
50

<210> 153
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
      flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 153
tttgggttca ttgatttcaa tgccgctgga atcaaatttg taagtgaatt
50

<210> 154
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
      flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 154
tggagagatt cttggataaa tgtatcatat atttcatagt agcatgcatc
50

<210> 155
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
      flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 155
tcattctttg atttgggata aattagcaat ttttgctatt ttacaggtcc
50

<210> 156
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
      flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 156
aatatgttcc tgaacaatta gaatcactaa gggtacgtag tcctttgata
50

<210> 157
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

```

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Una secuencia de 50 nucleótidos en la secuencia genómica
      flanqueante 3' del evento GM_CSM63770.

<400> 157
actgccacat atatggagct cgaagatgga ctgagtagta gggaatggag          50

<210> 158
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 158
aggggattag gcagagacct tggcaccaaa ggaattaagc aacgatcgat          50

<210> 159
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 159
ttttgtatcc aacagtttca ggcctcttat tataatcatc tcctacttga          50

<210> 160
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 160
ttttgttctt tcctagttaa ttacttacgc taaatatcaa ccctcttttg          50

<210> 161
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 161
tgatacaaaa ctataaaaact acagaagcta tttctttgtt ctccacgtaa          50

<210> 162
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 162
catcttaaat tcaatcagat ttgtcaatg aaatctatat aactcagctg 50

<210> 163
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 163
attaaacagc atagcatagc tgagttatta taaatctttt gatattctct 50

<210> 164
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 164
ttaattctta tagataaaaa aaatttaatc agttttttaa ttcgtcaaat 50

<210> 165
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 165
tgattcaatt taaagtaaaa aattgagcaa tagtgacaat atgactaatc 50

<210> 166
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 166
acaaaagtgc ttgaaggaga aacaaagtac actaaaaaaaa tattgacatt 50

<210> 167
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>

<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 167
aattggatag aaaagaaagt tgagccttac tcaattatca tattacccta 50

<210> 168
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 168
ttacttcct caacattgag cgaaaaacta gaaaagcaag ttctcaaaca 50

<210> 169
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 169
tactagtaag ggatataaaa agccccttga catcattcac tatgaacaat 50

<210> 170
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 170
aattaaaaa aaaaaatcac tctccctggc tcataatata tactgacagt 50

<210> 171
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 171
ggacaatttt gaagaaccag gccatggtac ttgaattttg accatggacc 50

<210> 172
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature

<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 172
cttcatattc aaaatcaact tgtttgcat caattctaca agttgttggt 50

<210> 173
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 173
ttctctgagg catagacct catctcccca gtgcctctta caccaacttc 50

<210> 174
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 174
aaccaaattc tgagcctcat caaaagccaa ggactggact gctccaccag 50

<210> 175
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 175
tgtttagcat attcaccaaa ccaataggag caaacttcac tgacttgcca 50

<210> 176
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 176
cgcaaggcag tcactgagga aaccgttata agtcaaaat tgaacggctc 50

<210> 177
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)

<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 177
caaggaaatc tcttcactgt catcagatgg tgctgagagg atgagtttct 50

<210> 178
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 178
tagcttggt gatataaggc gaaaagttgc accacttcaa tggaaattgg 50

<210> 179
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 179
gttctttcca ctgtccatt caatgtcttg gttgataccc tgtgagaaaa 50

<210> 180
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 180
ctcagcagca catttggttg acctaatctc acggaaccaa cctcctcct 50

<210> 181
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 181
ggcagttaaa caccctaata actccagtgt actgtatcaa aaagcaaatt 50

<210> 182
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento

GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 182
cacaataatg ttaggttcta gtctcagtag tagtatitca caccattttc 50

<210> 183
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 183
attatttgaa catcaaataa ttaatactat tgcatacaat tatctctatg 50

<210> 184
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 184
tctcagtatt ttatcttctt tatatagtggt aaaatgcatt ttccaattga 50

<210> 185
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 185
cagtggtaaa tggttcaattt gcttttaagc aatatcatta tagaaacata 50

<210> 186
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 186
gcaaatactt ggaagtagct tggtaaaagc tctattgctc attttcttca 50

<210> 187
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 187
 tcgttaacat ttaaggtcct ttgctgataa acttctccct aagagaaaga 50

<210> 188
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 188
 aattcaggaa gtaaatgaa ttggattttt cctataaaca aaaattaact 50

<210> 189
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 189
 tttataaaaa ttaaatatat aggttgattt tagcacatgg gagaagtta 50

<210> 190
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 190
 aatcatttta actttttatt ttattttttt ctcaggtgct tatgtgtaag 50

<210> 191
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 191
 gtttttcaaa gagaatctaa agggattgga agagaacgta tgctgggtcc 50

<210> 192
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 192
 gattggagca tgaggaattg ggagaggatg acgtggcctt ttacttttag 50

<210> 193
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 193
 gggtgagttg ctttgtcacg ggtgaaggct tgttcaagct tggagccatt 50

<210> 194
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 194
 agtgagactc aagagttaga tacaagaaat aatgtatgtg tgagtaagaa 50

<210> 195
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 195
 tggggagagt ttacaagttt taagaattta atatattatt ttattatttc 50

<210> 196
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 196
 taatcttttt tataaaaaaa aaactctctt atttcataaa tatatacaaa 50

<210> 197
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 197

taaatatttt cataaaaaaa tgattagttg agatccaaca aactataatt 50

<210> 198
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 198
tatgacataa attagactta aaatatatgt attttttaca aaaaaataac 50

<210> 199
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 199
tatgtttgag taaggatttt tataaccaac aaaacactcc cttcaaattc 50

<210> 200
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 200
atagcttttg agaatacgga ggagtgtact aatttggaga catgcaatta 50

<210> 201
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 201
aatttcacac tacttcacat ttgtttacta actataataa ttattctgta 50

<210> 202
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 202
aaacattatt cattgtacaa ggattctatg catgcttttg tttcttcac 50

```

<210> 203
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 203
ttttaaaaa aggaagtcaa ggattctata ttatgtgaac aagagaaagg          50


<210> 204
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 204
ttcgtcttac tgtttccgca ataacttatg ataataatta attttgatgt          50


<210> 205
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 205
tgaaatagaa caaaacatat gatctagatt ttcataaaaa aaacaaaaaa          50


<210> 206
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 206
taatgcatgt ggctttgagg atgagagggt tagtttgaag ccgttagtgt          50


<210> 207
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
      GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 207
acgttgagaa cagttgttga gtcaatagtc aagaaactca atgtagggt          50

```

<210> 208
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 208
 ggggcacatg gcattccaat atttggatga gataaaacag ttatgttatg 50

 <210> 209
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 209
 tatattgcaa gtgccggtgg gaaaagggtta catgcacagt gagtgacatt 50

 <210> 210
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 210
 gatcatttga aaagatgaca atgacaataa caattgacag ttaaaacctt 50

 <210> 211
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 211
 caatagcgtg ttccctttct tgcattctat tgcgagtaac gtggcatgaa 50

 <210> 212
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 212
 ttgttgacg tatcaactaa agagccttac taaatgacaa aattaatata 50

<210> 213
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 213
 tggttagta gtataaggta atggttaatt agcttaaatt gatggacgat 50

 <210> 214
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 214
 gaccactaa gaaataaagg tgagttgtta attcttcact gacccaact 50

 <210> 215
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 215
 caaagtcac ggacacttct agagttctag tacttttaaag attgttgga 50

 <210> 216
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 216
 ccttttgttt ttcggccaac aagattgtta gattgttgac accataaaga 50

 <210> 217
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

 <400> 217
 tgggctcac catctagcaa ctccatatcc tctccttttt gttgttctct 50

 <210> 218

<211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 218
 tcttctcaac tcaattcaat tcttcttctt gaaattagct ttcctatattt 50

<210> 219
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 219
 gagttttgaa tttgtttcta gaatagacat tctgtaaggg tatgtatact 50

<210> 220
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 220
 cttacagaat tatccttttg gaaggaaaaa tcttacagaa caccttttct 50

<210> 221
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 221
 gtaagtaaaa atagtgtctt taaaacgacc attttggaat ataaaaatat 50

<210> 222
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 222
 gcttcggaa aggctattta ggattgtaat ttttactttc aaaatgatta 50

<210> 223
 <211> 50

<212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 223
 ttccataagc taaaatagta ctttctagaa tgtccttttc aaaagataca 50

<210> 224
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 224
 aaatacgctt ctgaaaaggt tactccgaat tgcagttggt gctttgggaa 50

<210> 225
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 225
 tgagcttttc acaagtataa taatgatttt ccgaaacccc ctttatggaa 50

<210> 226
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 226
 tttacaaaat acactttcga aaatgttgct ctggattttt aaaaaattgt 50

<210> 227
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 227
 atccaaaatg gtttttcctt aaacaaaat gcttctagaa caacctttta 50

<210> 228
 <211> 50
 <212> ADN

<213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 228
 cttatagaaa gaccattcta gaaacatttt ttgcttatag aaagatcatt 50

<210> 229
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 229
 ccgaaagtat ttggttat gaaaaggcca ttttagaatt ttttttatag 50

<210> 230
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 230
 ttaattaaat ttgataaagg gagaaggagt cacttacctt catggaagaa 50

<210> 231
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 231
 ggaaagagga tgaggagt caagaatgag ggggtggggc aaggaagagt 50

<210> 232
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(50)
 <223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
 GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 232
 cgttgcgga gggaggggtg tcgtcaatgt ggggtgtgtca tcaaagaaag 50

<210> 233
 <211> 50
 <212> ADN
 <213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 233
gatgtcgtcg ttgtgggtgt gccgtcgaag aaggaatgtc atcgcatgtt 50

<210> 234
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 234
gagagaaagg aaaaaggagg tgtaggatt gagagatagc aagtgaaaat 50

<210> 235
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 235
ttcaataaaa gtattattat atttttactg aataatgaga gatgcagcat 50

<210> 236
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 236
acacataaga aagtgcata ttcaagtttc ttaatttctt caaagcacia 50

<210> 237
<211> 50
<212> ADN
<213> Glycine max

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> Secuencia adicional de 50 nucleótidos en el flanco 3' del evento
GM_63770 basada en la secuencia genómica del cultivar Williams 82.

<400> 237
gcaaacgaag cctaataagag aaccatgggtc ttaatttggt tttctttaag 50