

REIVINDICACIONES

1. Un compuesto de CNP que comprende un péptido CNP y un grupo modificador, en donde la carga neta del compuesto a pH fisiológico es 0 o negativa, en donde el péptido CNP comprende una secuencia de aminoácidos de acuerdo con la Fórmula I:

5 AA₀₁- AA₀₂-AA₀₃-AA₀₄-AA₀₅-AA₀₆-AA₀₇-AA₀₈-AA₀₉-AA₁₀-AA₁₁-AA₁₂-AA₁₃-AA₁₄-
AA₁₅-AA₁₆-AA₁₇-AA₁₈-AA₁₉-AA₂₀-AA₂₁-AA₂₂-AA₂₃-AA₂₄-AA₂₅-AA₂₆-AA₂₇-AA₂₈-AA₂₉-
AA₃₀-AA₃₁-AA₃₂-AA₃₃-AA₃₄-AA₃₅-AA₃₆-AA₃₇

en donde

AA₀₁ es Gln o está ausente,
10 AA₀₂ es Glu o está ausente,
AA₀₃ es His o está ausente,
AA₀₄ es Pro o está ausente,
AA₀₅ es Asn o Gln o Glu o está ausente,
AA₀₆ es Ala o está ausente,
15 AA₀₇ es Arg o His o Ala o está ausente,
AA₀₈ es Lys o Ser o His o está ausente,
AA₀₉ es Tyr o Glu o está ausente,
AA₁₀ es Lys o Glu o Gln o His o está ausente,
AA₁₁ es Gly,
20 AA₁₂ es Ala,
AA₁₃ es Gln o Asn o Glu,
AA₁₄ es Lys o His o Glu,
AA₁₅ es Lys o Ser o Glu o Thr o His,
AA₁₆ es Gly,
25 AA₁₇ es Leu o Gly o Ser o Val,
AA₁₈ es Ser o His,
AA₁₉ es Gln o Ser o Lys o His,
AA₂₀ es Gly,
AA₂₁ es Cys,
30 AA₂₂ es Phe,
AA₂₃ es Gly,
AA₂₄ es Leu,

AA₂₅ es Pro o Lys,

AA₂₆ es Leu,

AA₂₇ es Asp o Glu,

AA₂₈ es Arg,

5 AA₂₉ es Ile,

AA₃₀ es Gly,

AA₃₁ es Ser,

AA₃₂ es Leu o Nle o Met,

AA₃₃ es Ser,

10 AA₃₄ es Gly,

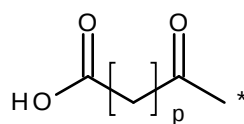
AA₃₅ es Leu,

AA₃₆ es Gly y

AA₃₇ es Cys;

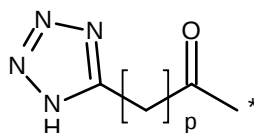
en donde el grupo modificador comprende el Quím. A, el Quím. B y el Quím. C;

15 en donde el Quím. A se selecciona del grupo que consiste en:



(Quím. A1) y

20

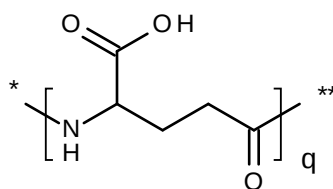


(Quím. A2)

en donde p es un número entero en el intervalo de 14-20, y

25 donde * denota un enlace amida que conecta el Quím. A y el Quím. B; y

en donde el Quím. B se selecciona del grupo que consiste en:

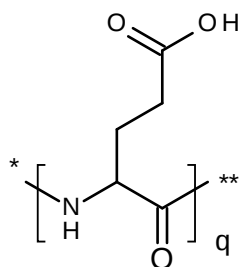


30

(Quím. B1)

y

5



(Quím. B2)

en donde q es un número entero en el intervalo de 1-8,

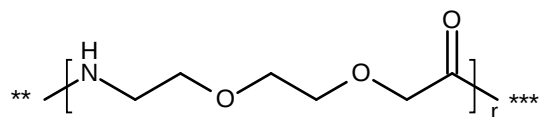
10

en donde * denota un enlace amida que conecta el Quím. A- y el Quím. B-,

en donde ** denota un enlace amida que conecta el Quím. B- y el Quím. C-; y

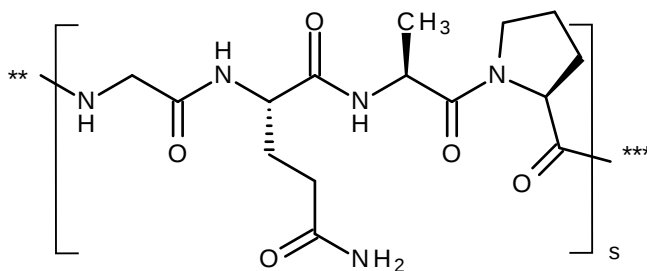
en donde el Quím. C se selecciona del grupo que consiste en:

15



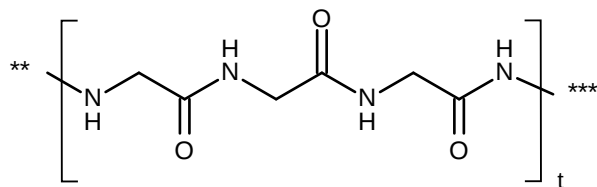
(Quím. C1),

20



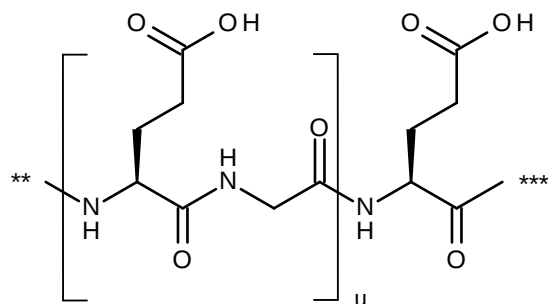
(Quím. C2) y

25



(Quím. C3)

30



(Quím C4),

en donde r es un número entero en el intervalo de 0-4,

en donde s es un número entero en el intervalo de 0-3,

en donde t es un número entero en el intervalo de 0-1,

en donde u es un número entero en el intervalo de 0-3,

en donde ** denota un enlace amida que conecta el Quím. B- y el Quím. C-,

en donde *** denota un enlace amida que conecta el Quím. alfa-amino C- y N-terminal en el péptido CNP.

2. El compuesto de CNP de acuerdo con la reivindicación 1, en donde AA₁₃ del péptido CNP es Gln; AA₁₉ es Gln o Ser; AA₂₅ es Pro; y AA₃₂ es Leu.

3. El compuesto de CNP de acuerdo con la reivindicación 1, en donde AA₅ del péptido CNP es Gln; AA₁₃ es Gln; AA₁₉ es Gln o Ser; AA₂₅ es Pro; y AA₃₂ es Leu.

4. El compuesto de CNP de acuerdo con la reivindicación 1, en donde el péptido CNP comprende una de las siguientes secuencias de aminoácidos:

YKGANKKGLSKGCFGLKLDIGSXSGGLGC	SEQ ID NO: 6
NARKYKGANKSGLSSGCFGLKLDIGSXSGGLGC	SEQ ID NO: 7
GANKKGLSKGCFGLKLDIGSXSGGLGC	SEQ ID NO: 8
GAQKKGLSKGCFGLKLDIGSXSGGLGC	SEQ ID NO: 9
YEGAQKKGLSKGCFGLKLDIGSLSGGLGC	SEQ ID NO: 10
EEGAQKKGLSKGCFGLKLDIGSLSGGLGC	SEQ ID NO: 11
YEGAQEKGLSKGCFGLKLDIGSLSGGLGC	SEQ ID NO: 12
YEGAQKKGLSSGCFGLKLDIGSLSGGLGC	SEQ ID NO: 13

5	YEGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 14
	YEGAQEKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 15
	YEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 16
	YEGAQEKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 17
10	EKGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 18
	EKGAQEKGLSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 19
	EQGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 20
	YKGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 21
15	YKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 22
	EHGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 23
	YHGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 24
	YHGAQEKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 25
20	YHGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 26
	YHGAQEKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 27
	YEGAEKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 28
	EGAQEKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 29
25	EGAQKEGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 30
	YEGAQKEGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 31
	YHGAQKTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 32
	YHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 33
30	YHGAQHTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 34
	YKGAQHTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 35
	EHGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 36
	EHGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 37
35	EHGAQKKGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 38
	EHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 39
	YHGAQHHGLSKGCFGLKLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 40
	YKGAQHHGLSQGCFGLKLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 41
40	YEGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 42
	EGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 43
	YKGAQHHGLSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 44

	YKGAQHHGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 45
	YHGAQHHGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 46
	YHGAQHHGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 47
	GAQKKGLSHGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 48
5	GAQKKGLHSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 49
	ARKYHGAQHTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 50
	ARKYHGAQHTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 51
	ARKYHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 52
	ARKEHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 53
10	ARKEHGAQHTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 54
	YEGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 55
	QEHPQARSYEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 57
	QEHPQRSYEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 58
	QEHPQAHKYHGAQHHGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 59
15	QEHPQAHKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 60
	QEHPQAHKYHGAQKHGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 61
	ARKYEGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 63
	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 64
	QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 67
20	QEHPQARKYEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 68
	YEGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 69
	QEHPQARKYEGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 70
	QEHPQAAKYEGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 71
	QEHPQARHYKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 72
25	QEHPQAHKYKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 73
	QEHPQARKYKGAQKKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 74
	QEHPQARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 75
	QEHPQARKYKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 76
	ARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 77
30	ARKYHGAQHTGVSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 78
	ARKYKGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 79

	ARKYHGAQKKGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 80
	ARKYHGAQKTGVSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 81
	ARKYKGAQKTGVSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 82
	YHGAQKTGVSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 83
5	ARKYHGAQKSGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 84
	YEGAQKKGGSHGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 85
	ARKYEGAQHKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 86
	YHGAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 87
	YKGAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 88
10	YKGAQKKGVSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 89
	YHGAQKKGVSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 90
	QEHPQARKYEGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 91
	ARKYHGAQKKGVSSGCFGLPLERIGSLSGLC	SEQ ID NO: 92
	ARKYKGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 96
15	YHGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 97
	ARKYKGAQKKGLSQGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 98
	ARKYKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 99
	ARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 100
	QEHPQARKYKGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 101
20	ARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSGLC	SEQ ID NO: 102
	YKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 103
	QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLC	SEQ ID NO: 104
	YKGAQKKGGSQGCFGLPLERIGSLSGLC	SEQ ID NO: 108
	YKGAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSGLC	SEQ ID NO: 109
25	GAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 112
	GAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 113
	GAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 114
	GAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 115
	GAQKKGLSQGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 116
30	GAQKKGLSSGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 117
	GAQKKGGSQGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 118

5	GAQKKGGSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 119
	GANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 120
	GANKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 121
	GANKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 122
	GANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 123
10	GAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 124
	GAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 125
	GAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 126
	GAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 127
	GAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 128
15	GAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 129
	GAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 130
	GAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 131
	GANKKGLSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 132
	GANKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 133
20	GANKKGLSQGCFGLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 134
	GANKKGLSSGCFGLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 135
	GAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 136
	GAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 137
	GAQKKGSSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 138
25	GAQKKGSSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 139
	GANKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 140
	GANKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 141
	GAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 142
	GAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 143
30	GAQKKGSSKGCFLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 144
	YKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 145
	YKGAQKKGLSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 146
	YKGAQKKGLSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 147
	YKGAQKKGGSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 148
	YKGAQKKGGSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 149

	YKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 150
	YKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 151
	YKGANKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 152
	YKGANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 153
5	YKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 154
	YKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 155
	YKGAQKKGGSQGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 156
	YKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 157
	YKGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 158
10	YKGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 159
	YKGAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSGLC	SEQ ID NO: 160
	YKGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLC	SEQ ID NO: 161
	YKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 162
	YKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 163
15	YKGANKKGLSQGCFGLPLERIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 164
	YKGANKKGLSSGCFGLPLERIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 165
	YKGAQKKGGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 166
	YKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 167
	YKGAQKKGSSQGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 168
20	YKGAQKKGSSSGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 169
	YKGANKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 170
	YKGANKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 171
	YKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 172
	YKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGMSGSLGC	SEQ ID NO: 173
25	YKGAQKKGSSKGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 174
	ARKYKGAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 175
	ARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 176
	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 177
	ARKYKGAQKKGGSQGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 178
30	ARKYKGAQKKGGSSGCFGLKLDIGSLSGLC	SEQ ID NO: 179
	ARKYKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLC	SEQ ID NO: 180

	ARKYKGANKKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 181
	ARKYKGANKKKGGSQGCFLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 182
	ARKYKGANKKKGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 183
	ARKYKGAQKKGLSQGCFLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 184
5	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 185
	ARKYKGAQKKGGSQGCFLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 186
	ARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 187
	ARKYKGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 188
	ARKYKGAQKKGLSQGCFLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 189
10	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 190
	ARKYKGANKKKGLSQGCFLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 191
	ARKYKGANKKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 192
	ARKYKGANKKKGLSQGCFLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 193
	ARKYKGANKKKGLSSGCFGLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 194
15	ARKYKGAQKKGSSQGCFLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 195
	ARKYKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 196
	ARKYKGAQKKGSSQGCFLKLDIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 197
	ARKYKGAQKKGSSSGCFGLKLDIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 198
	ARKYKGANKKKGSSQGCFLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 199
20	ARKYKGANKKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 200
	ARKYKGAQKKGSSQGCFLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 201
	ARKYKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 202
	ARKYKGAQKKGSSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 203
	GAQKKGSSQGCFLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 232
25		

5. El compuesto de CNP de acuerdo con la reivindicación 1, en donde el péptido CNP tiene una cualquiera de las siguientes secuencias de aminoácidos:

	YKGANKKGLSKGCFGLKLDIGSXSGLGC	SEQ ID NO: 6
	NARKYKGANKSGLSSGCFGLKLDIGSXSGLGC	SEQ ID NO: 7
30	GANKKGLSKGCFGLKLDIGSXSGLGC	SEQ ID NO: 8
	GAQKKGLSKGCFGLKLDIGSXSGLGC	SEQ ID NO: 9

	YEGAQKKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 10
	EEGAQKKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 11
	YEGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 12
	YEGAQKKGLSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 13
5	YEGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 14
	YEGAQEKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 15
	YEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 16
	YEGAQEKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 17
	EKGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 18
10	EKGAQEKGLSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 19
	EQGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 20
	YKGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 21
	YKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 22
	EHGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 23
15	YHGAQEKGLSKGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 24
	YHGAQEKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 25
	YHGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 26
	YHGAQEKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 27
	YEGAEKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 28
20	EGAQEKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 29
	EGAQKEGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 30
	YEGAQKEGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 31
	YHGAQKTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 32
	YHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 33
25	YHGAQHTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 34
	YKGAQHTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 35
	EHGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 36
	EHGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 37
	EHGAQKKGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 38
30	EHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 39
	YHGAQHHGLSKGCFGLKLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 40

	YKGAQHHGLSQGCFGLKLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 41
	YEGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 42
	EGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 43
	YKGAQHHGLSQGCFGLKLDIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 44
5	YKGAQHHGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 45
	YHGAQHHGLSKGCFGLKLDIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 46
	YHGAQHHGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 47
	GAQKKGLSHGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 48
	GAQKKGLHSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 49
10	ARKYHGAQHTGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 50
	ARKYHGAQHTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 51
	ARKYHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 52
	ARKEHGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 53
	ARKEHGAQHTGVSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 54
15	YEGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 55
	QEHPQARSYEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 57
	QEHPEARSYEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 58
	QEHPQAHKYHGAQHHGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 59
	QEHPQAHKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 60
20	QEHPQAHKYHGAQKHGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 61
	ARKYEGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 63
	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 64
	QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 67
	QEHPQARKYEGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 68
25	YEGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 69
	QEHPQARKYEGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 70
	QEHPQAAKYEGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 71
	QEHPQARHYKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 72
	QEHPQAHKYKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 73
30	QEHPQARKYKGAQKKGLSKGCFGLKLDIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 74
	QEHPQARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 75

	QEHPQARKYKGAQKKGGSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 76
	ARKYKGAQKKGLSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 77
	ARKYHGAQHTGVSKGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 78
	ARKYKGAQKTGVSSGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 79
5	ARKYHGAQKKGVSSGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 80
	ARKYHGAQKTGVSKGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 81
	ARKYKGAQKTGVSKGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 82
	YHGAQKTGVSKGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 83
	ARKYHGAQKSGLSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 84
10	YEGAQKKGGSHGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 85
	ARKYEGAQHKGGSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 86
	YHGAQKKGGSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 87
	YKGAQKKGGSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 88
	YKGAQKKGVSSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 89
15	YHGAQKKGVSSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 90
	QEHPQARKYEGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 91
	ARKYHGAQKKGVSSGCFGLPLERIGSLSLGC	SEQ ID NO: 92
	ARKYKGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 96
	YHGAQKKGLSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 97
20	ARKYKGAQKKGLSQGCFLKLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 98
	ARKYKGANKKGLSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 99
	ARKYKGAQKKGLSQGCFLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 100
	QEHPQARKYKGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 101
	ARKYKGAQKKGLSQGCFLPLERIGSLSLGC	SEQ ID NO: 102
25	YKGAQKKGLSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 103
	QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSLGC	SEQ ID NO: 104
	YKGAQKKGGSQGCFLPLERIGSLSLGC	SEQ ID NO: 108
	YKGAQKKGLSQGCFLPLERIGSLSLGC	SEQ ID NO: 109
	GAQKKGLSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 112
30	GAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 113
	GAQKKGGSQGCFLPLDRIGSLSLGC	SEQ ID NO: 114

5	GAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 115
	GAQKKGLSQGCFGLKLDRIKSLSGLGC	SEQ ID NO: 116
	GAQKKGLSSGCFGLKLDRIKSLSGLGC	SEQ ID NO: 117
	GAQKKGGSQGCFGLKLDRIKSLSGLGC	SEQ ID NO: 118
	GAQKKGGSSGCFGLKLDRIKSLSGLGC	SEQ ID NO: 119
10	GANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 120
	GANKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 121
	GANKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 122
	GANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 123
	GAQKKGLSQGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 124
15	GAQKKGLSSGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 125
	GAQKKGGSQGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 126
	GAQKKGGSSGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 127
	GAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 128
	GAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 129
20	GAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 130
	GAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 131
	GANKKGLSQGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 132
	GANKKGLSSGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 133
	GANKKGLSQGCFGLPLERIGMSGLGC	SEQ ID NO: 134
25	GANKKGLSSGCFGLPLERIGMSGLGC	SEQ ID NO: 135
	GAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 136
	GAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 137
	GAQKKGSSQGCFGLKLDRIKSLSGLGC	SEQ ID NO: 138
	GAQKKGSSSGCFGLKLDRIKSLSGLGC	SEQ ID NO: 139
30	GANKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 140
	GANKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 141
	GAQKKGSSQGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 142
	GAQKKGSSSGCFGLPLDRIGMSGLGC	SEQ ID NO: 143
	GAQKKGSSKSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 144
	YKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 145

	YKGAQKKGLSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 146
	YKGAQKKGLSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 147
	YKGAQKKGGSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 148
	YKGAQKKGGSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 149
5	YKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 150
	YKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 151
	YKGANKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 152
	YKGANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 153
	YKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 154
10	YKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 155
	YKGAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 156
	YKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 157
	YKGAQKKGLSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 158
	YKGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 159
15	YKGAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 160
	YKGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 161
	YKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 162
	YKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 163
	YKGANKKGLSQGCFGLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 164
20	YKGANKKGLSSGCFGLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 165
	YKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 166
	YKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 167
	YKGAQKKGSSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 168
	YKGAQKKGSSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 169
25	YKGANKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 170
	YKGANKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 171
	YKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 172
	YKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 173
	YKGAQKKGSSKGCFLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 174
30	ARKYKGAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 175
	ARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 176

	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 177
	ARKYKGAQKKGGSQGCFLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 178
	ARKYKGAQKKGGSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 179
	ARKYKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 180
5	ARKYKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 181
	ARKYKGANKKGGSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 182
	ARKYKGANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 183
	ARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 184
	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 185
10	ARKYKGAQKKGGSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 186
	ARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 187
	ARKYKGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 188
	ARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 189
	ARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 190
15	ARKYKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 191
	ARKYKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 192
	ARKYKGANKKGLSQGCFGLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 193
	ARKYKGANKKGLSSGCFGLPLERIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 194
	ARKYKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 195
20	ARKYKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 196
	ARKYKGAQKKGSSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 197
	ARKYKGAQKKGSSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 198
	ARKYKGANKKGSSQGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 199
	ARKYKGANKKGSSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 200
25	ARKYKGAQKKGSSQGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 201
	ARKYKGAQKKGSSSGCFGLPLDRIGSMSGLGC	SEQ ID NO: 202
	ARKYKGAQKKGSSKGCFLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 203
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 204
	QEHPQARKYKGAQKKGLSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 205
30	QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 206
	QEHPQARKYKGAQKKGGSQGCFGLKLDRIGSLSGLGC	SEQ ID NO: 207

	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLKLDRIKSLSLGLGC	SEQ ID NO: 208
	QEHPNARKYKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 209
	QEHPNARKYKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 210
	QEHPNARKYKGANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 211
5	QEHPNARKYKGANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 212
	QEHPQARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 213
	QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 214
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 215
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 216
10	QEHPQARKYKGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 217
	QEHPQARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLERIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 218
	QEHPNARKYKGANKKGLSQGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 219
	QEHPNARKYKGANKKGLSSGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 220
	QEHPNARKYKGANKKGLSQGCFGLPLERIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 221
15	QEHPNARKYKGANKKGLSSGCFGLPLERIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 222
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 223
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 224
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLKLDRIKSLSLGLGC	SEQ ID NO: 225
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLKLDRIKSLSLGLGC	SEQ ID NO: 226
20	QEHPNARKYKGANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 227
	QEHPNARKYKGANKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 228
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 229
	QEHPQARKYKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSMISGLGC	SEQ ID NO: 230
	QEHPQARKYKGAQKKGGSKGCFGLPLDRIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 231
25	GAQKKGGSSGCFGLPLERIGSLSLGLGC	SEQ ID NO: 232

6. El compuesto de CNP de acuerdo con la reivindicación 1, en donde el péptido CNP tiene una cualquiera de las siguientes secuencias de aminoácidos:

- 30 GAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC (SEQ ID NO: 136),
 ARKYKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSLGLGC (SEQ ID NO: 77),
 YKGAQKKGGSSGCFGLPLDRIGSLSLGLGC (SEQ ID NO: 88),
 YKGAQKKGLSQGCFGLPLDRIGSLSLGLGC (SEQ ID NO: 103),

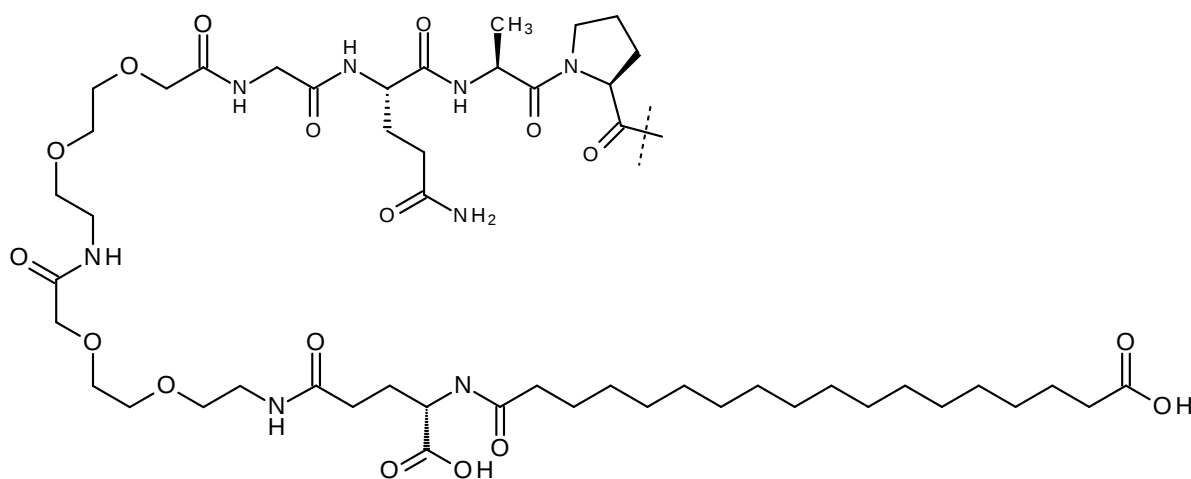
QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLGLGC (SEQ ID NO: 67) y
QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLERIGSLGLGC (SEQ ID NO: 104).

7. El compuesto de CNP de acuerdo con la reivindicación 1, en donde el péptido CNP tiene
la siguiente secuencia de aminoácidos:

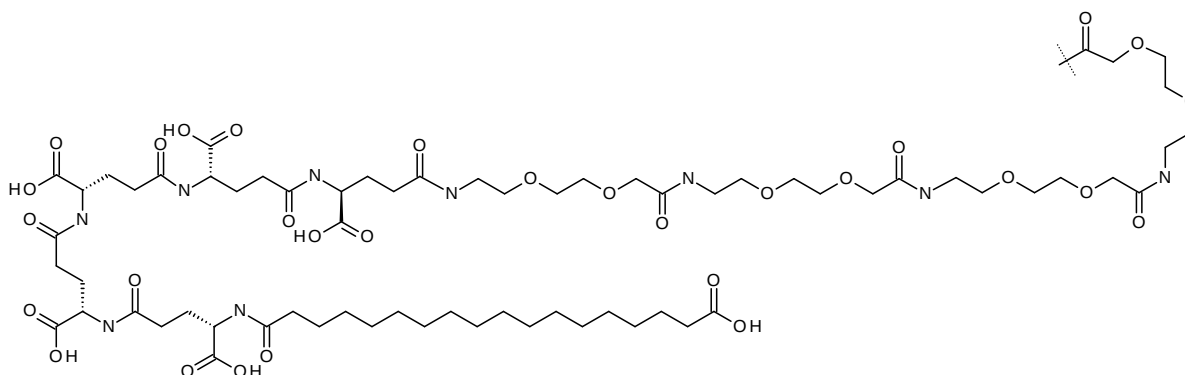
QEHPQARKYKGAQKKGLSSGCFGLPLDRIGSLGLGC (SEQ ID NO: 67).

8. El compuesto de CNP de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones anteriores, en
donde el Quím. B del grupo modificador tiene una q de 1-5.

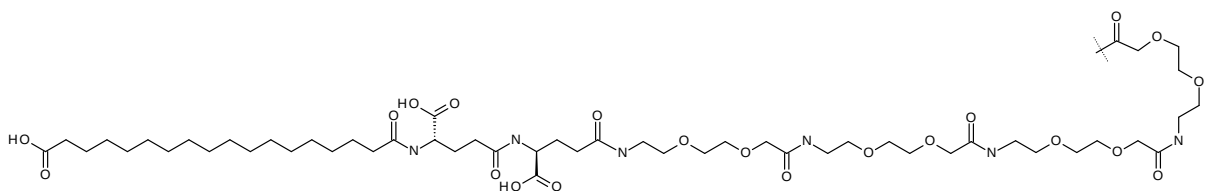
9. El compuesto de CNP de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones anteriores, en
donde el grupo modificador se selecciona de los siguientes: Quím. E, Quím. F, Quím. G, Quím. H,
Quím. I y Quím. J (en los que la línea de puntos define la unión a través de un enlace amida al alfa-
amino N-terminal del péptido CNP)



(Quím. E)

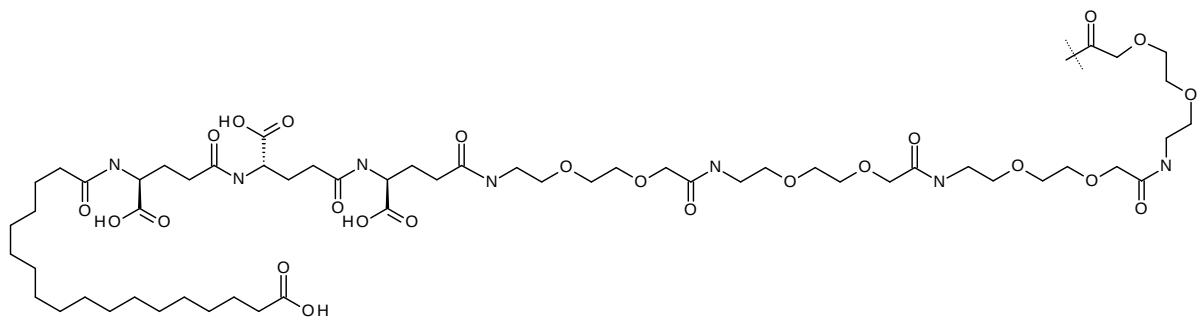


(Quím. F)



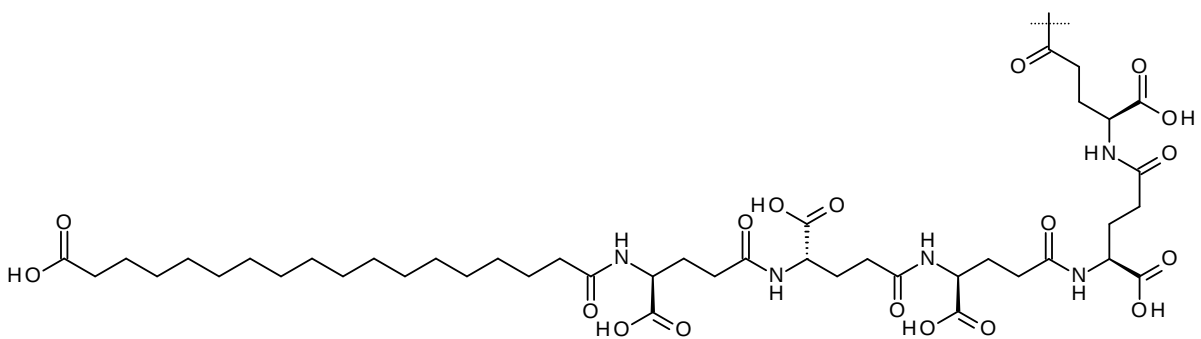
5

(Quím. G)



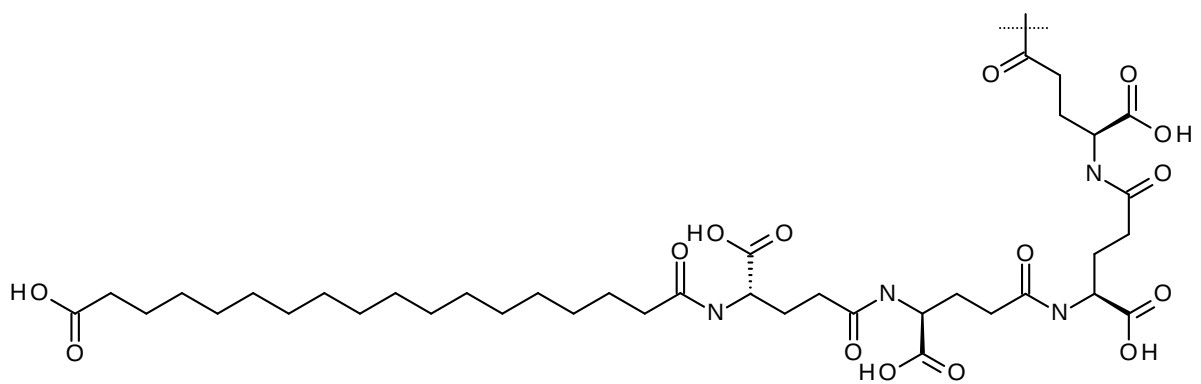
10

(Quím. H)



15

(Quím. I)



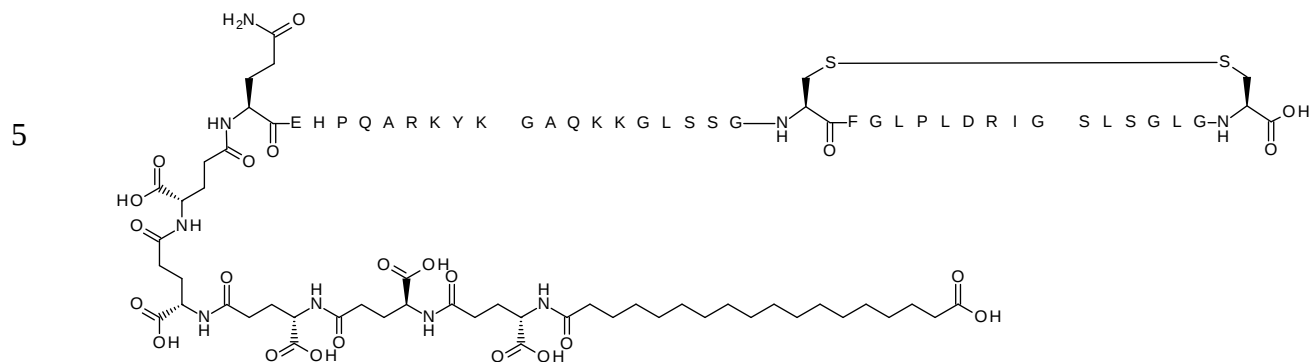
20

25

(Quím. J).

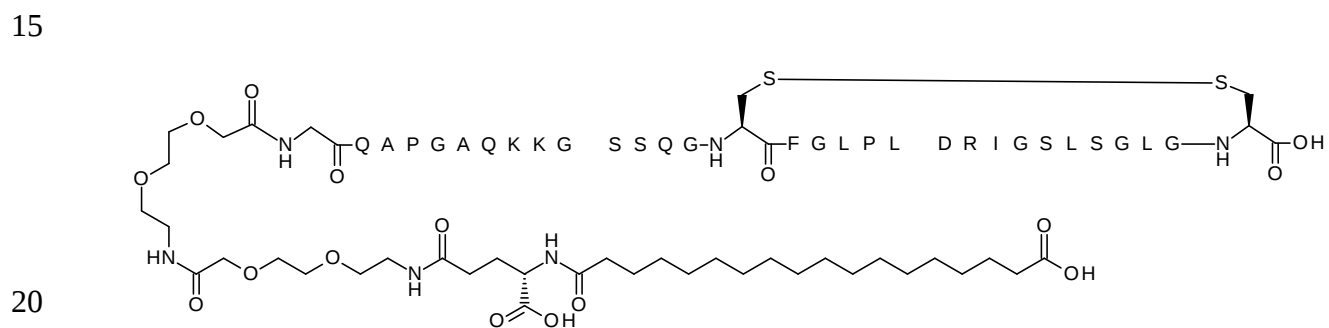
30

10. Un compuesto de CNP de acuerdo con la Fórmula II:

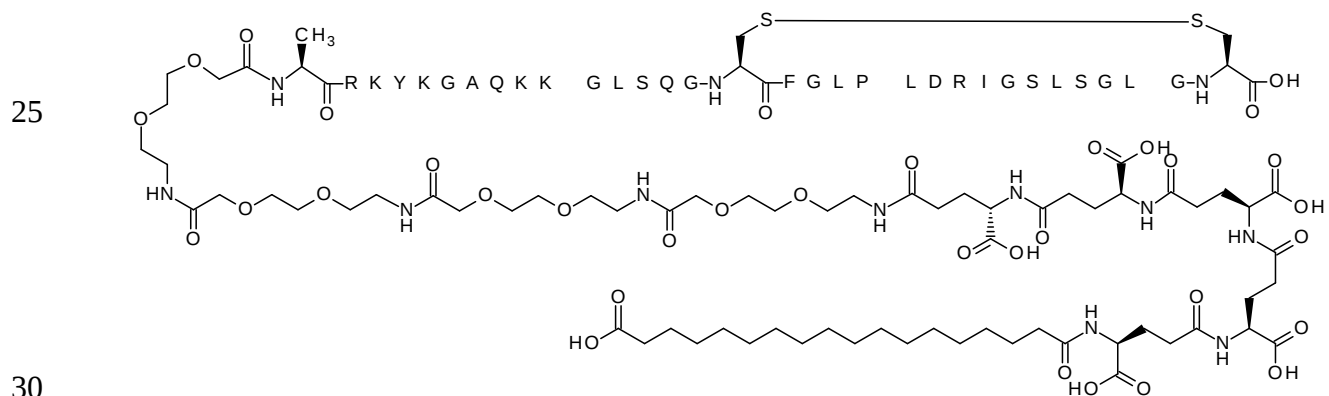


10
(Fórmula II).

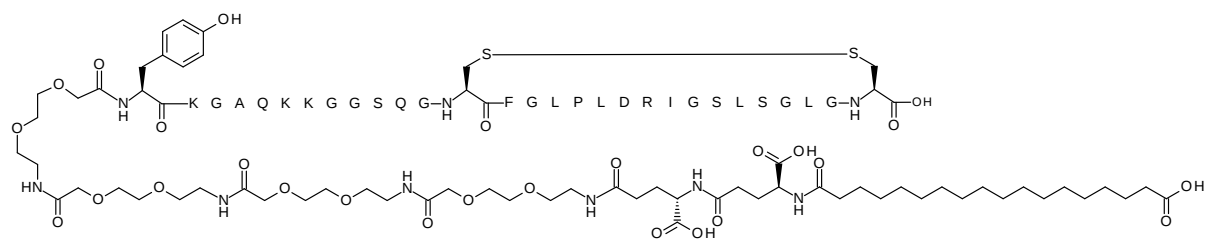
11. Un compuesto de CNP de acuerdo con una cualquiera de las Fórmulas II, III, IV, V, VI y VII:



(Fórmula III)

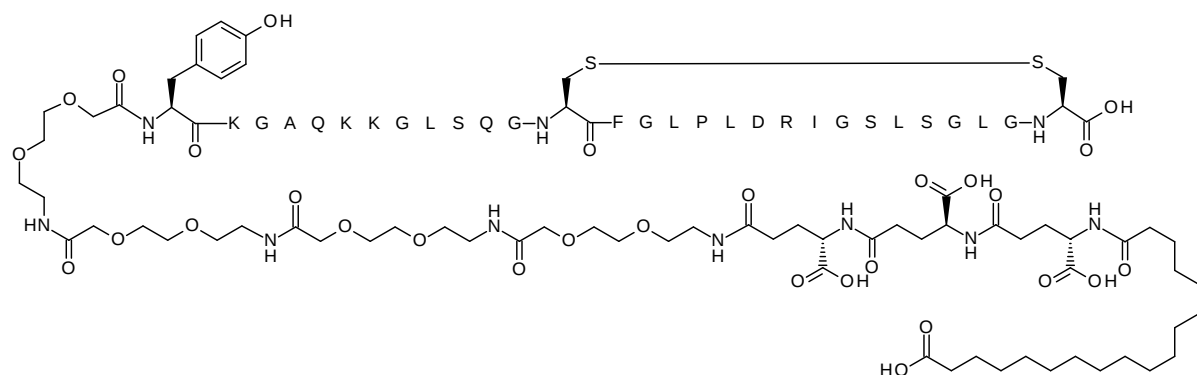


(Fórmula IV)



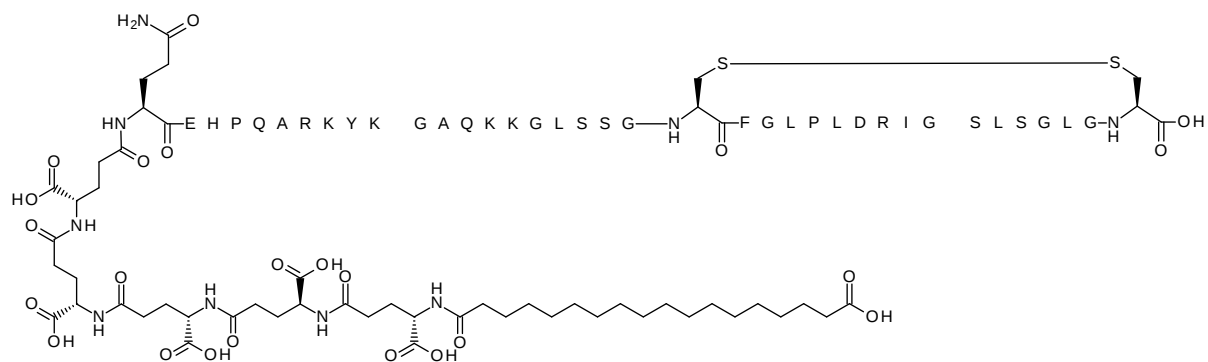
5

(Fórmula V)



10

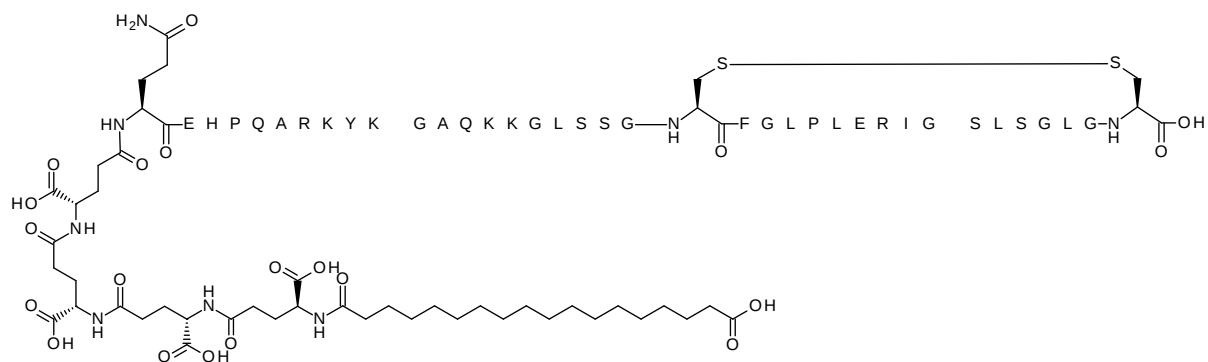
(Fórmula VI)



15

20

(Fórmula II)



25

30

(Fórmula VII).

12. Un compuesto de CNP que comprende un péptido CNP y un grupo modificador, en donde el compuesto es uno cualquiera de los compuestos descritos en la Tabla 1:

Tabla 1: Resumen de compuestos Quím. 6-148

5	Quím. Núm.	ID del compuesto	Prolongador (Quím A)	Enlazador (Quím B-C)	CNP37 y modificaciones de secuencia	SEQ ID
	6	0262	C18d	6xgGlu	des1-8, 32Nle	6
	7	0296	C18d	6xgGlu	des1-4, 15S, 19S, 32Nle	7
	8	0313	C18d	5xgGlu	des1-10, 32Nle	8
	9	0334	C18d	5xgGlu	des1-10, 13Q, 32Nle	9
10	10	1221	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 32L	10
	11	1222	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 10E, 13Q, 32L	11
	12	1223	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 14E, 32L	12
	13	1224	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 19S, 32L	13
	14	1225	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 25P, 32L	14
	15	1226	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 14E, 25P, 32L	15
	16	1227	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	16
15	17	1228	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 14E, 19S, 25P, 32L	17
	18	1229	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 13Q, 14E, 32L	18
	19	1230	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 13Q, 14E, 19S, 32L	19
	20	1231	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 10Q, 13Q, 14E, 32L	20
	21	1232	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 13Q, 14E, 32L	21
	22	1233	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 13Q, 19S, 25P, 32L	22
20	23	1236	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 10H, 13Q, 14E, 32L	23
	24	1237	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14E, 32L	24
	25	1240	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14E, 25P, 32L	25
	26	1241	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 19S, 25P, 32L	26
	27	1242	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14E, 19S, 25P, 32L	27
	28	1274	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13E, 19Q, 25P, 32L	28
25	29	1287	C18d	gGlu-2xOEG	des1-9, 10E, 13Q, 14E, 19S, 25P, 32L	29
	30	1288	C18d	gGlu-2xOEG	des1-9, 10E, 13Q, 15E, 19S, 25P, 32L	30
	31	1289	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 15E, 19S, 25P, 32L	31
	32	1290	C18d	2xgGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	16
	33	1302	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 15T, 19S, 25P, 32L	32
30	34	1303	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	33
	35	1304	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14H, 15T, 19S, 25P, 32L	34

5

10

15

20

25

30

36	1305	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 13Q, 14H, 15T, 19S, 25P, 32L	35
37	1309	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 10H, 13Q, 25P, 32L	36
38	1310	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 10H, 13Q, 19S, 25P, 32L	37
39	1311	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 10H, 13Q, 17V, 19S, 25P, 32L	38
40	1312	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 9E, 10H, 13Q, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	39
41	1322	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14H, 15H, 27E, 32L	40
42	1323	C18d	2xgGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14H, 15H, 27E, 32L	40
43	1324	C18d	2xgGlu-2xOEG	des1-8, 13Q, 14H, 15H, 19Q, 27E, 32L	41
44	1338	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 19S, 25P, 27E, 32L	42
45	1339	C18d	gGlu-2xOEG	des1-9, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	43
46	1340	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 13Q, 14H, 15H, 19Q, 32L	44
47	1341	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 13Q, 14H, 15H, 19Q, 25P, 32L	45
48	1345	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14H, 15H, 32L	46
49	1346	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 14H, 15H, 25P, 32L	47
50	1347	C18d	gGlu-2xOEG	des1-10, 13Q, 19H, 25P, 32L	48
51	1348	C18d	gGlu-2xOEG	des1-10, 13Q, 18H, 19S, 25P, 32L	49
52	1350	C18d	gGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 14H, 15T, 19S, 25P, 32L	50
53	1351	C18d	gGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 14H, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	51
54	1352	C18d	gGlu-3xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	33
55	1353	C18d	gGlu-3xOEG	des1-8, 9E, 10H, 13Q, 25P, 32L	36
56	1354	C18d	2xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	52
57	1355	C18d	gGlu-3xOEG	des1-8, 13Q, 19S, 25P, 32L	22
58	1356	C18d	2xgGlu-3xOEG	des1-8, 13Q, 19S, 25P, 32L	22
59	1357	C18d	2xgGlu-3xOEG	des1-8, 9E, 10H, 13Q, 32L	5
60	1359	C18d	gGlu-2xOEG	des1-5, 9E, 10H, 13Q, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	53
61	1360	C18d	gGlu-2xOEG	des1-5, 9E, 10H, 13Q, 14H, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	54
62	1375	C18d	gGlu-4xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 25P, 32L	14
63	1376	C20d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 25P, 32L	14
64	1377	C18d	gGlu-2xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 17G, 25P, 32L	55

5	65	1378	C18d	gGlu-2xOEG-GGG	des1-8, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	56
	66	1379	C18d	gGlu-2xOEG	5Q, 8S, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	57
	67	1380	C18d	gGlu-2xOEG	5E, 8S, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	58
	68	1381	C18d	gGlu-2xOEG	5Q, 7H, 10H, 13Q, 14H, 15H, 17S, 19Q, 25P, 32L	59
	69	1382	C18d	3xgGlu-2xOEG	5Q, 7H, 13Q, 19Q, 25P, 32L	60
10	70	1383	C18d	2xgGlu-2xOEG	5Q, 7H, 10H, 13Q, 15H, 17S, 19Q, 25P, 32L	61
	71	9384	C18d	gGlu-2xOEG-GQAP	des1-10, 13Q, 17S, 19Q, 25P, 32L	62
	72	1385	C18d	4xgGlu	des1-5, 10E, 13Q, 25P, 32L	63
	73	1386	C18d	4xgGlu	des1-5, 13Q, 19S, 25P, 32L	64
	74	1387	C18d	4xgGlu-GGG	des1-8, 13Q, 19S, 25P, 32L	65
15	75	1388	C18d	4xgGlu-GGG	des1-8, 13Q, 25P, 32L	66
	76	1389	C18d	4xgGlu	5Q, 13Q, 19S, 25P, 32L	67
	77	1390	C18d	4xgGlu	5Q, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	68
	78	1391	C18d	gGlu-4xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 17G, 25P, 32L	55
	79	1392	C18d	gGlu-4xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 19S, 25P, 32L	16
20	80	1393	C18d	gGlu-4xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 19Q, 25P, 32L	69
	81	1394	C18d	gGlu-2xOEG	5Q, 10E, 13Q, 19Q, 25P, 32L	70
	82	1395	C18d	gGlu-2xOEG	5Q, 7A, 10E, 13Q, 19Q, 25P, 32L	71
	83	1396	C18d	2xgGlu-2xOEG	5Q, 10E, 13Q, 19Q, 25P, 32L	70
	84	1398	C18d	4xgGlu-2xOEG	5Q, 8H, 13Q, 17S, 19Q, 25P, 32L	72
25	85	1399	C20d	4xgGlu-2xOEG	5Q, 8H, 13Q, 17S, 19Q, 25P, 32L	72
	86	1400	C18d	4xgGlu-2xOEG	5Q, 7H, 13Q, 17G, 19Q, 25P, 32L	73
	87	1401	C18d	8xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 32L	74
	88	1402	C18d	6xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 19Q, 25P, 32L	75
	89	1403	C18d	6xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 17G, 19Q, 25P, 32L	76
30	90	1404	C18d	6xgGlu-4xOEG	5Q, 13Q, 19Q, 25P, 32L	75
	91	1405	C20d	6xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 19Q, 25P, 32L	75
	92	1406	C18d	5xgGlu-4xOEG	5Q, 13Q, 19Q, 25P, 32L	75

5	93	9407	C18d	5xgGlu-4xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77
	94	1419	C18d	2xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 14H, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	51
	95	1420	C18d	3xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 14H, 15T, 17V, 25P, 32L	78
	96	1421	C18d	3xgGlu-2xOEG	des1-5, 13Q, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	79
	97	1422	C18d	3xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 17V, 19S, 25P, 32L	80
10	98	1423	C18d	3xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 15T, 17V, 25P, 32L	81
	99	1424	C18d	4xgGlu-2xOEG	des1-5, 13Q, 15T, 17V, 25P, 32L	82
	100	1425	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 15T, 17V, 25P, 32L	83
	101	1426	Tetrazol-C18	2xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 15S, 19Q, 25P, 32L	84
	102	1431	C18d	gGlu-4xOEG	des1-8, 10E, 13Q, 17G, 19H, 25P, 32L	85
15	103	1432	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-5, 10E, 13Q, 14H, 17G, 19Q, 25P, 32L	86
	104	1434	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 17G, 19Q, 25P, 32L	87
	105	9435	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-8, 13Q, 17G, 19Q, 25P, 32L	88
	106	1436	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-8, 13Q, 17V, 19Q, 25P, 32L	89
	107	1437	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 17V, 19Q, 25P, 32L	90
20	108	1448	C18d	4xgGlu	5Q, 10E, 13Q, 25P, 32L	91
	109	1449	C18d	3xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 14H, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	51
	110	1450	C18d	3xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 15T, 17V, 19S, 25P, 32L	52
	111	1451	C18d	3xgGlu-2xOEG	des1-5, 10H, 13Q, 17V, 19S, 25P, 27E, 32L	92
	112	1452	C18d	5xgGlu-3xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77
25	113	1453	C18d	5xgGlu-2xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77
	114	1454	C18d	4xgGlu-4xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77
	115	1455	C18d	4xgGlu-3xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77

5	116	1456	C18d	4xgGlu-2xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77
	117	1457	C18d	gGlu-2xOEG-3xGQAP	des1-10, 13Q, 19Q, 25P, 32L	93
	118	1458	C18d	gGlu-2xOEG-2xGQAP	des1-10, 13Q, 17S, 19Q, 25P, 32L	94
	119	1459	C18d	4xgGlu-2xOEG-GQAP	des1-5, 13Q, 17S, 19Q, 25P, 32L	95
	120	1460	C18d	6xgGlu-2xOEG	des1-5, 13Q, 25P, 32L	96
10	121	1461	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-8, 10H, 13Q, 19Q, 25P, 32L	97
	122	1462	C18d	5xgGlu-4xOEG	des1-5, 13Q, 25P, 32L	96
	123	1463	C18d	5xgGlu-4xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 32L	98
15	124	1464	C18d	5xgGlu-4xOEG	des1-5, 19Q, 25P, 32L	99
	125	1465	C18d	5xgGlu-4xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P	100
	126	1470	C18d	5xgGlu-2xOEG	des1-5, 13Q, 25P, 32L	96
	127	1471	C18d	5xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 19Q, 25P, 32L	75
20	128	1472	C18d	4xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 19Q, 25P, 32L	75
	129	1473	C18d	4xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 19S, 25P, 32L	67
	130	1474	C18d	5xgGlu-2xOEG	5Q, 13Q, 25P, 32L	101
25	131	1475	C18d	5xGlu-4xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77
	132	1476	C18d	4x(Glu-Gly)-Glu-2xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 32L	77
	133	1477	C18d	5xgGlu-4xOEG	des1-5, 13Q, 19Q, 25P, 27E, 32L	102
30	134	1478	C18d	2xgGlu-4xOEG	des1-8, 13Q, 19Q, 25P, 32L	103
	135	9480	C18d	3xgGlu-4xOEG	des1-8, 13Q, 19Q, 25P, 32L	103
	136	1481	C18d	3xGlu-4xOEG	des1-8, 13Q, 19Q, 25P, 32L	103
	137	9482	C18d	5xgGlu	5Q, 13Q, 19S, 25P, 32L	67

5	138	9483	C18d	4xgGlu	5Q, 13Q, 19S, 25P, 27E, 32L	104
	139	1484	C18d	gGlu- 2xOEG- GQAP	des1-10, 13Q, 19Q, 25P, 32L	105
	140	1486	C18d	gGlu- 2xOEG- GQAP	des1-10, 13Q, 17S, 19Q, 25P, 27E, 32L	106
	141	1487	C18d	gGlu- 2xOEG- 3xGQAP	des1-10, 13Q, 19Q, 25P, 32L	107
	142	1488	C18d	gGlu- 3xGQAP	des1-10, 13Q, 19Q, 25P, 32L	107
10	143	1489	C18d	2xgGlu- 4xOEG	des1-8, 13Q, 17G, 19Q, 25P, 27E, 32L	108
	144	1493	C18d	2xgGlu- 4xOEG	des1-8, 13Q, 19Q, 25P, 27E, 32L	109
	145	1511	C18d	Glu-2xOEG- GQAP	des1-10, 13Q, 17S, 19Q, 25P, 32L	62
15	146	1512	C18d	2xGlu- 4xOEG	des1-8, 13Q, 17G, 19Q, 25P, 32L	88
	147	1513	C18d	5xGlu	5Q, 13Q, 19S, 25P, 32L	110
	148	1514	C18d	4xGlu	5Q, 13Q, 19S, 25P, 27E, 32L	111

13. Una composición farmacéutica que comprende un compuesto de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones 1-12, y uno o más excipientes farmacéuticamente aceptables.

14. El compuesto de acuerdo con una cualquiera de las reivindicaciones 1-12, o una composición de acuerdo con la reivindicación 13, para el uso en el tratamiento o prevención de enfermedades cardio-renales-metabólicas, que incluyen insuficiencia cardíaca y trastornos del crecimiento, que incluyen acondroplasia.

15. Un método para tratar o prevenir la insuficiencia cardíaca, que comprende administrar a un paciente que lo necesita una cantidad efectiva del compuesto de acuerdo con cualquiera de las reivindicaciones 1-12, opcionalmente en combinación con uno o más compuestos terapéuticamente activos adicionales.