

Lista de secuencias

1 Información sobre la lista de secuencias

1-1	Nombre del fichero	P230503WO.xml
1-2	Versión de la DTD	V1_3
1-3	Nombre del software	WIPO Sequence
1-4	Versión del software	2.3.0
1-5	Fecha de producción	2023-12-21

2 Información general

2-4	Solicitud actual: Referencia al expediente del solicitante	P230503WO
2-5	Solicitud de prioridad más antigua: Oficina de PI	JP
2-6	Solicitud de prioridad más antigua: Número de solicitud	2022-212502
2-7	Solicitud de prioridad más antigua: Fecha de presentación	2022-12-28
2-8en	Nombre del solicitante	SUNTORY HOLDINGS LIMITED
2-10en	Título de la invención	GEN DE LA 2-HIDROXIFLAVANONA C-GLUCÓSIDO DESHIDRATASA Y SU USO
2-11	Número total de secuencias	10

3-1 Secuencias

3-1-1	Identificador de la secuencia	1
-------	-------------------------------	---

3-1-2	Tipo de molécula	DNA
3-1-3	Extensión	347
3-1-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..347 mol_type = other DNA organism = Dianthus hybrida
3-1-5	Residuos	
	tcagttcagc tcacttcagt tcagttcagc acagctatat tatttaatag aacttcattc60	
	agttcagctc agctcaattc agttcagttc agctcatttc agttcagttc agctgtaaaa120	
	agtcgaaag aacagccatt ttcgggaca ggaggcagaa acccagaatc attcctaaat180	
	gaattcagca ctgtagtct tctaacttc tataatacgt catatgaaag tcaacacaag240	
	atctttgctc agaagaaggg ggtgatagtg aaggcgacta aagatcaaatt cacagctatg300	
	acagcagaaa tcgaacaaga gaaagagaag aacaaatcaa cgacgac347	

3-2 **Secuencias**

3-2-1	Identificador de la secuencia	2
3-2-2	Tipo de molécula	DNA
3-2-3	Extensión	487
3-2-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..487 mol_type = other DNA organism = Dianthus hybrida

3-2-5 Residuos

tcaacaggta atatatttgt cgacattacg ctcgctaadc tctatatttt tgtcaaaaac60
ttgcttaga tgtagctaata tgaaggtagc tataggatta gtgtgaccct gtaagcaaat120
cggttgtcg acattttga cgcttgtcta tggtcagtg ataaaaaatt ttctgtgac180
tcaatatgtg tgtgaattt tatagggtgg catgaacact ccgtttatta gttcaagggc240
aacaagatc ataaggttag tagacggtag aggccgcctc gagatgccgg ccttaaacga300
tagcatagat ggcaaacccg aaaactatta caagcaagtc agcacggaac taaagccggg360
tatggtgttt gtcgttctc ccggccatcc tatggttcta atgtcttctc aggacgaaaa420
actcgaaact atttgctacg aagtgaatgc caaaggaaat caaaagttt ccatcgagg480
gaaagtc487

3-3 Secuencias

3-3-1	Identificador de la secuencia	3
3-3-2	Tipo de molécula	DNA
3-3-3	Extensión	1161
3-3-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..1161 mol_type = other DNA organism = Dianthus caryophyllus
3-3-5	Residuos	
	atgggtgaaa atggaataaa aaatgagagt aacacttgtt atgtgtcaa tgatgaagat60	

tttagtaciaa tatttaagac tgaagaaggg aaactaagtg ttcttaagaa atttggtggt120
ttttgagag gaattgagaa gtatagaatg ttgatcttg agtcaaacc tctgtcttt180
ttgacaccta gttactatga ttctgatatc atcttcttg tcggacatgg aaaaggaaca240
ataagtttag tatttgaaaa taggagagaa agttataaca ttgaaaaggg acatctaag300
acgataccag caggagtaac attctacatt atcaacaccg acgacaaaaa caaattggtg360
ttgtccatgt ttctcatttc cattacaaat accggtgact ttgtgccatt ttccgggaca420
ggaggcagaa acccagaatc attcctaaat gcattcagca ctgaagtct tcaaacttc480
tataatacgt catatgacag tctacagaag atcttgctc agaagaaggg ggtaatagt540
aaggcgacta aagatcaat cacagctatg acagctgaaa acgaacaaga gaaagagaag600
aacaatcaa cgacgacaca attggaccg tgtcaaatct atagttattt gagggagtct660
aatgaatatg ggaaacttt tatggtgat tataatgaat atcagaaact tcaagacttt720
aacatgttca tctccttag caacctcaa cagggtggca tgaacactcc gtttattagt780
tcaagggcaa caaagatcat aatggtagta gacggtcgag gccgcctcga gatccggcc840
ttaaacgata gcatagatgg cacaaccgaa aactattaca agcaagtcag cgcggaacta900
aagccgggaa tgggtttgt cgttcctccc ggccatccta tggttctaatt gtcttctcag960
gacgaaaaac tcgaaactat ttgctacgaa gtgaatgcca aaggaaatca aaagtttcc1020
ctcgaggga aagtgaactt gatgaagaac atacaaaaag aggcaaagggt ttgtcattt1080
ggaacattag ctgaagaggt tgaccttggt ctcaacagtc aacagcaaaa ttcttcata1140
aaagctccta ctttaagta a1161

3-4 **Secuencias**

3-4-1	Identificador de la secuencia	4
3-4-2	Tipo de molécula	AA
3-4-3	Extensión	386
3-4-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..386 mol_type = protein organism = Dianthus caryophyllus
3-4-5	Residuos	
	MGENGIKNES NTCYVFNDED FSTIFKTEEG KLSVLKKFGG FLRGIEKYRM LIFESNPLSF60	
	LTPSYDSDI IFFVGHGKGT ISLVFENRRE SYNIEKGHLM TIPAGVTFYI INTDDKNKLV120	
	LSMFLISITN TGDFVPFFGT GGRNPESFLN AFSTEVLTQS YNTSYDSLQK IFAQKKGIV180	
	KATKDQITAM TAENEQEKEK NKSTTTQFGP CQIYSYLRES NEYGKLFMVD YNEYQKLQDF240	
	NMFISFSNLQ QGGMNTPFIS SRATKIIMVV DGRGRLEMPA LNSIDGTTE NYKQVSAEL300	
	KPGMVVVPP GHPMVLMSQ DEKLETICYE VNAKGNQKFS LAGKVNLMKN IQKEAKVLSF360	
	GTLAEEVDLV LNSQQNFFI KAPTFK386	

3-5 **Secuencias**

3-5-1	Identificador de la secuencia	5
3-5-2	Tipo de molécula	DNA
3-5-3	Extensión	1155

3-5-4-1 Características Localización/Calificadores

source 1..1155

mol_type = other DNA

organism = Silene littorea

3-5-5 Residuos

atggccttgt caaatggaaa gggagagaat gggaagccat atgtgtcaa agatgaagat60
tttagtacat tgtttgagac ccaagaaggg agtttacgag ttctcagaa atttaacaa120
aattctgatg tttaagagg aattcagaat tataggatgt tgatttcga agcgaatccg180
ttgagtttc taactcctag tcattgggat tctgatatca tttctttgt tggtaagga240
aaaggaacta tcagtctggt tttgaaaag aagagagaaa gctcaacat tgaaaagga300
catctcatga caataccagc aggagttaca ttctacatta tcaacagaga tgataccgat360
aaattagtc tctcaatgt tgctagtcg attgctaac ctggtgattt tggccattt420
ttcacggcag gaggcgggtca agactctgaa tcattcctat ctgcattcag cactgagggt480
ctgaagcag cttaaatga atcaaatgaa aactaagca agatctttc gcaacagggg540
aaggggggtga tagtgaaggc atccaaagag caaattgaag ctctgacagc tgaagaagt600
acgacggaaa gcaatttcgg gccttgcaa atccttagtt atcttcgaga gtcgagtga660
tgtgggagac tttcatggt tgattactgt caatataaga aactccaaga cttaatatg720
ttcatctcct ttgcaacct tgaaccggga tgcataata gtccatttat tagctcaagg780
gcaacaaaga tcataatggt ggtaaagggg cgaggccgag ttgagatggc agcctctcgc840
cctggcgaaa agggctcaat agaaattcag tacatgaaaa tcagctcgga attgaaaccg900
ggtgtggtgt ttgtattcc tccagggcac cctatggtcc taatggctc tcaggattca960

gttttagaaa ctatttgcta tgaagtcaat gctaaaggaa atcagaaaatt ttcaattgca1020
gggaaagtga acgtgatgaa gaacattcag aaagaagcaa aagtacttac atttgaaaa1080
tcagctgaag aagttgacaa ggtgctcgac agttcgagc cggattcttt cttgaaagct1140
actggtaca agtaa1155

3-6 **Secuencias**

3-6-1	Identificador de la secuencia	6
3-6-2	Tipo de molécula	AA
3-6-3	Extensión	384
3-6-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..384 mol_type = protein organism = Silene littorea

3-6-5 Residuos

MALSNGKGEN GKPYVFKDED FSTLFETQEG SLRVLQKFNQ NSDVLRLGIQN YRMLIFEANP60
LSFLTPSHWD SDIIFVVGQG KGTISLVFEK KRESFNIEKG HLMTIPAGVT FYIINRDDTD120
KLVLSMFVSS IANPGDFVPF FTAGGGQDSE SFLSAFSTEV LEAAYNESNE TLSKIFSQQG180
KGVIVKASKE QIEALTAEV TTESNFGPCQ ILSYLRESSE CGRLFMVDYC QYKKLQDFNM240
FISFCNLEPG CMNSPFISSR ATKIIMVVKG RGRVEMAASR PGEKGSIEIQ YMKISSELKP300
GVVFIIPPGH PMVLMAQDS VLETICYEVN AKGNQKFSIA GKVNVMKNIQ KEAKVLTFGK360
SAEEVDKVLD SSQSDSFLKA TGNK384

3-7 **Secuencias**

3-7-1	Identificador de la secuencia	7
3-7-2	Tipo de molécula	DNA
3-7-3	Extensión	1152
3-7-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..1152 mol_type = other DNA organism = Heliosperma pusillum

3-7-5 Residuos

atggccttgt taaatggaaa tggagagtgt gggaaacat atgtgttaa agatgaagat60
ttagtacat tgttaagac tgaagaagga agttaagtg ttctcagaa attaatgaa120
agttctgatg ttttaagagg gattgagaat tataggatgt taatcttga agcaaatcca180
ttgagttct taactcctag tcattgggat tctgatatca tttctttgt tggcaagga240
aaaggaacaa tcagcctggt tttgaaaaa aagagagaaa gcttaacat tgaaaaggga300
catctaattg ttataccagc tggagttaca ttctacatta tcaacagaga tgacactcat360
aaattagtcc tctcaatgtt tgtagttct attgctaac ctggtgattt tgcgccattt420
ttcggtcag gaggtcaaga ccctgaatca ttctatttg cattcagcac tgaggttct480
gaagcagctt acaatgcac aattaaaaca ctacaggga cctttcggg gaaggagtg540
atagtgaagg catccaaaga gcaaattaa gctctggcag ctgaagaagt gacggaaagc600
aatttgggc catgccaat ccttagttat ctagagagt cgaatgaatg cgggagactc660

ttcattggttg attactgtga atataagaaa ctccaagact tcaatatgtt catctccttc720
 tgcaaccttg aaccgggatg catgaatagt ccatttatta gttcaagggc aacaaagatc780
 ataatggttg taaaggggcg aggtcgagtg gagatggcag tttctcgcaa tggcgaaaag840
 ggctcaacag gaactcaata taagaaaatc agctctgaat tgaagccggg cgtagtgtt900
 gttattcctc cagggcaccc tatggctctt atggctctc aggacgaagt tctagaaact960
 atttgctatg aagtcaatgc taaaggaaat cagaagttt cactgcagg taaagtgaac1020
 ttgatgaaga acattcagaa agaagcaaaa gtactgtcat ttggaacatc agctgaagaa1080
 gtagacagta tgcttgacag tcagcagtcg gatttcttt taaaagctac tagtaacaaa1140
 ttacaggact ag1152

3-8 **Secuencias**

3-8-1	Identificador de la secuencia	8
3-8-2	Tipo de molécula	AA
3-8-3	Extensión	383
3-8-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..383 mol_type = protein organism = Heliosperma pusillum
3-8-5	Residuos	MALLNGNGEC GKPYPVKDED FSTLFKTEEG SLSVLQKFNE SSDVLRGIEN YRMLIFEANP60 LSFLTPSHWD SDIIFVVGQG KGTISLVFEK KRESFNIEKG HLMVIPAGVT FYIINRDDTH120

KLVLSMFVSS IANPGDFAPF FGAGGQDPES FLFAFSTEVL EAAYNASIKT LQGTFSGKGV180
IVKASKEQIK ALAAEEVTES NFGPCQILSY LRESNECGRL FMVDYCEYKK LQDFNMFISF240
CNLEPGCMNS PFISSRATKI IMVVKGRGRV EMAVSRNGEK GSTGTQYKKI SSELKPGVVF300
VIPPGHPMVL MASQDEVLET ICYEVNAKGN QKFSLAGKVN LMKNIQKEAK VLSFGTSAEE360
VDSMLDSQQS DFFLKATSNK LQD383

3-9 Secuencias

3-9-1	Identificador de la secuencia	9
3-9-2	Tipo de molécula	DNA
3-9-3	Extensión	1158
3-9-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..1158 mol_type = other DNA organism = Dianthus hybrida

3-9-5 Residuos

atgggtgaaa atggagtcaa aattgtgagt aacacttggt atgtgttcaa tgatgaagat60
ttagtacaa tgttaagac tgaagaaggg aaactaagtg ttctaagaa atttggtggt120
ttttgagag gaattgagaa gtatagaatg ttgatcttg aatcaaattc tctgtcttt180
ttgacaccta gtcactatga ttctgatatc atcttcttg ttggacatgg aaaaggaaca240
ataagtttag tatttgaaaa taggagagaa agttacaaca ttgaaaaggg acatctaattg300
acgataccag caggtgtaac attttacatt atcaacaccg acgacaaaaa caaattgatg360

ttgtccatgt ttgtcatttc cattacaaat accggtgact ttgtgccatt tttgggaca420
 ggaggtggaa acccagaatc attcctaaat gcattcagca ctgaagtgt tcaaactcc480
 tataatacgt catatgacag tctacagaag atctttgctc agaagaaggg ggtgatagt540
 aaggcgacta aagatcaaat cacagctatg acagcagaaa tcgaacaaga gaaagagaag600
 aacaaatcaa cgacgacaca atttgaccg tgtcaaactc atagttattt gagggagtct660
 aatgaatatg ggaaactttt tatggttgat tataatgaat atcagaaact tcaagacttt720
 aacatgttca tctccttag caacctcaa cagggtggca tgaactcc gtttattagt780
 tcaagggcaa caaagatcat aatggtagta gacggtcgag gccacctcga gatggcggcc840
 ttaaatgata gcatagatgg cacaaccgaa aactattaca agcaagtcag cacggaacta900
 aagccgggta tgggtttgt cgttcctccc ggccatccta tggttcta atgttctcag960
 gacgaaaaac tcgaaactat ttgctacgaa gtgaatgcca aaggaaatca aaagtttcc1020
 ctcgcaggga aagtgaactt gatgaagaac atacaaaaag aggcaaaggt ttgtcattt1080
 ggaacattag ctgaagaggt tgacctgtg ctcaacggtc aacagcaaaa tttctcata1140
 aaagctccta ctttttaa1158

3-10 **Secuencias**

3-10-1	Identificador de la secuencia	10
3-10-2	Tipo de molécula	AA
3-10-3	Extensión	385
3-10-4-1	Características Localización/Calificadores	source 1..385

mol_type = protein

organism = Dianthus hybrida

3-10-5 Residuos

MGENGVKIVS NTCYVFNDED FSTMFKTEEG KLSVLKKFEG FLRGIEKYRM LIFESNPLSF60

LTPSHYDSI IFFVGHGKGT ISLVFENRRE SYNIEKGHLM TIPAGVTFYI INTDDKNKLM120

LSMFVISITN TGDFVPFFGT GGGNPESFLN AFSTEVLQTS YNTSYDSLQK IFAQKKGVIV180

KATKDQITAM TAEIEQEKEK NKSTTTQFGP CQIYSYLRES NEYGKLFMVD YNEYQKLQDF240

NMFISFSNLQ QGGMNTPFIS SRATKIIMVV DGRGHLEMAA LNSIDGTTE NYKQVSTEL300

KPGMVVVPP GHPMVLMSQ DEKLETICYE VNAKGNQKFS LAGKVNLMKN IQKEAKVLSF360

GTAAEEVDLV LNGQQQNFFI KAPTF385
