

REPÚBLICA DE COLOMBIA
SUPERINTENDENCIA DE INDUSTRIA Y COMERCIO

Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

Señores

**UCB BIOPHARMA SRL,
FUNDACIÓN PARA LA INVESTIGACIÓN MEDICA APLICADA,
CONSORCIO CENTRO DE INVESTIGACIÓN BIOMÉDICA EN RED**

TÍTULO DE LA SOLICITUD: “PARTÍCULAS VIRALES PARA USO EN EL TRATAMIENTO DE SINUCLEINOPATÍAS TAL COMO ENFERMEDAD DE PARKINSON MEDIANTE TERAPIA GÉNICA”

NÚMERO DE SOLICITUD INTERNACIONAL: PCT/EP2020/072087

FECHA DE PRESENTACIÓN INTERNACIONAL: 6 de agosto de 2020.

PRIORIDAD: EP 19382706.0 12 de agosto de 2019.

Como resultado del examen de patentabilidad realizado a la solicitud indicada en la referencia, atendiendo a lo consagrado en el artículo 45 de la Decisión 486 de 2000, se le comunica que esta Dirección ha encontrado que la materia objeto de solicitud no cumple con algunos requisitos establecidos en la Decisión, con fundamento en los siguientes aspectos:

1. Objeto de la invención

El problema planteado consiste en la necesidad de obtener compuestos y métodos para la terapia génica con el gen *GBA1* adecuados para tratar la enfermedad de Parkinson esporádica en sujetos humanos.

Para resolver dicho problema técnico, la solicitud en estudio plantea una partícula viral que comprende un constructo de ácido nucleico que comprende un transgén que codifica una glucocerebrosidasa.

2. Reivindicaciones estudiadas

De acuerdo con lo establecido en el numeral 1.2.2.2 del Capítulo Primero del Título X de la Circular Única para efectos del examen de patentabilidad, sólo se estudiarán las cubiertas por la tasa pagada al momento de realizar el examen de patentabilidad consagrado en el artículo 45 de la Decisión 486.

Por lo tanto, se estudiarán las reivindicaciones 1 a 10 del radicado N° NC2022/0001192 del 04 de febrero de 2022.

3. De la solicitud de patente

3.1. Reivindicaciones

Teniendo en cuenta lo establecido en el artículo 30 de la Decisión 486 de 2000 de la Comisión de la Comunidad Andina:

"Las reivindicaciones definirán la materia que se desea proteger mediante la patente. Deben ser claras y concisas y estar enteramente sustentadas por la descripción. (...)"

Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

Esta oficina informa que:

- La reivindicación 1 no se encuentra sustentada en la descripción porque reclama, una partícula viral que comprende un constructo de ácido nucleico, el cual no se define mediante ninguna característica técnica esencial estructural de tipo secuencia de nucleótidos, ya que, únicamente se hace alusión al transgén que es codificado por este, siendo que, la solicitud no ha explorado cualquier estructura para dicho constructo. Se sugiere al solicitante restringir la reivindicación a una razonable generalización de las partículas virales exploradas, esto se logra refiriendo la secuencia de nucleótidos que define el constructo allí contenido de acuerdo con lo divulgado en la descripción.
- La reivindicación 2 no es clara y no se encuentra sustentada en la descripción ya que reclama una partícula viral que comprende un constructo de ácido nucleico que contiene un transgén y se refiere a opciones de secuencias para este que se seleccionan del grupo que consisten en: “SEQ ID NO: 1, 7 11, 12 y 19” en donde se omite un signo de puntuación y se hace alusión a la SEQ ID NO: 711 la cual no se encuentra incluida en el capítulo descriptivo; además, su preámbulo hace alusión al transgén pero se suministran las SEQ ID NO: 5, 6, 8, 17 o 18 que corresponden a secuencias de aminoácidos de la proteína codificada y no del transgén por lo que existe inconsistencia entre las estructuras referidas en el preámbulo y las características técnicas suministradas; siendo que, la solicitud no ha explorado todos los posibles constructos de ácido nucleico que codifiquen dichas proteínas. Se sugiere al solicitante restringir la reivindicación a una razonable generalización de las partículas virales exploradas en la solicitud, esto se logra corrigiendo los errores tipográficos y definiéndolas por las SEQ ID NO de las moléculas de ácido nucleico allí contenidas de acuerdo con lo divulgado en la descripción.
- La reivindicación 3 no es clara y no se encuentra sustentada en la descripción porque reclama una partícula viral que comprende un constructo de ácido nucleico que contiene un promotor, pero, dicha región pretenden definirse mediante la expresión *“permite preferiblemente la expresión de dicho transgén al menos en células neuronales y microgliales de la sustancia negra pars compacta (SNc)”* la cual se considera un resultado a alcanzar que no caracteriza el promotor puesto que contempla cualquier alternativa estructural presente o futura que llegue a dicho fin, todas las cuales no han sido exploradas en la solicitud. Se sugiere al solicitante restringir la reivindicación a una razonable generalización de las partículas virales exploradas en la solicitud, esto se logra incluyendo las opciones de secuencias de nucleótidos de los promotores explorados, de acuerdo con lo divulgado en la descripción.
- Las reivindicaciones 3 a 10 no son claras porque incluyen los términos “preferiblemente”, “más preferiblemente”, “al menos”, “notablemente” y/o de manera simultánea, los enlazadores “comprende o consiste” que se consideran no limitativos ya que impiden establecer el alcance de la reivindicación. Se sugiere al solicitante eliminarlos o sustituirlos por términos precisos o rangos concretos y, en el caso de los enlazadores escoger únicamente un enlazador por reivindicación ya sea de tipo abierto o cerrado.
- Las reivindicaciones 5 y 6 no son claras porque reclaman una partícula viral que no se define mediante ninguna característica técnica esencial estructural en su

Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

lugar pretende caracterizarse mediante las expresiones: *“tiene diana simultáneamente en al menos neuronas dopaminérgicas y células microgliales en la sustancia negra compacta”* o *“tiene diana simultáneamente en al menos neuronas y células microgliales”* que se consideran resultados a alcanzar que no definen la partícula viral puesto que contemplan cualquier alternativa estructural presente o futura que llegue a dicho fin, todas las cuales no han sido exploradas en la solicitud. Se sugiere al solicitante restringir las reivindicaciones a una razonable generalización de las partículas virales exploradas en la solicitud, esto se logra definiéndolas por las secuencias de nucleótidos del constructo allí contenido de acuerdo con lo divulgado en la descripción.

- Las reivindicaciones 8 y 10 no son claras y no se encuentran sustentadas en la descripción porque reclaman una partícula viral cuya proteína de cápside o cuyas ITR's pretenden definirse porque son al menos 80%, 90% 98,5%, 99% o 99,5% idénticas a secuencias de referencia y, la definición mediante porcentajes de identidad, se considera no limitativa ya que impide establecer las estructuras exactas de las variantes contempladas; además, la solicitud no ha explorado todas las posibles secuencias de cápsides de partículas virales o de ITR's dentro del alcance de las reivindicaciones. Se sugiere al solicitante restringir las reivindicaciones a una razonable generalización de las variantes de las proteínas de cápside o de las ITR's exploradas, esto se logra definiéndolas mediante sus SEQ ID NO de acuerdo con lo divulgado en la descripción.

En consecuencia, es necesario que allegue las aclaraciones o modificaciones correspondientes para dar cumplimiento a lo establecido en el citado artículo.

3.2. Descripción

Revisado el capítulo descriptivo de la solicitud, este no divulga la invención de manera suficientemente clara y completa, para que una persona capacitada en la materia pueda ejecutarla, incumpliendo de esta forma lo establecido en el artículo 28 de la Decisión 486 de la Comisión de la Comunidad Andina.

Lo anterior porque se refiere una partícula viral que comprende cualquier constructo de ácido nucleico que comprenda cualquier transgén que codifique una glucocerebrosidasa; pero, la solicitud no ha evaluado todas las posibles partículas virales que contengan cualquier secuencia de constructo de ácido nucleico que codifiquen una glucocerebrosidasa, ya que únicamente se presenta evidencia técnica concreta y explícita para las partículas virales denominadas AAV2/9-GBA1, AAV9-GBA1 y AAV-TT-GBA1 que comprenden el constructo de ácido nucleico de SEQ ID NO: 4 (Págs. 62 a 123).

4. Determinación del Estado de la Técnica

La fecha para determinar el estado de la técnica es el 12 de agosto de 2019, que corresponde a la fecha de presentación de la solicitud de prioridad.

Consultadas las fuentes de información con que se cuenta, se encontraron los siguientes documentos que anticipan el objeto de esta solicitud:

Ítem	Documento	Título	Fecha de publicación
D1	WO2016179497	“Glucocerebrosidase gene therapy for parkinson's disease”	10 de noviembre de 2016

Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

D2	WO2019070893	“Gene therapies for lysosomal disorders”	11 de abril de 2019
D3	Tordo, J., <i>BRAIN a journal of neurology</i>	“A novel adeno-associated virus capsid with enhanced neurotropism corrects a lysosomal transmembrane enzyme deficiency”	16 de mayo de 2018

D1¹ divulga una enzima glucocerebrosidasa para el tratamiento de un sujeto que tiene una enfermedad neurodegenerativa (Pág. 1, Resumen).

D2² divulga composiciones y métodos para el tratamiento de enfermedades de función lisosomal aberrante como la enfermedad de Parkinson y la enfermedad de Gaucher (Pág. 1, Resumen).

D3³ divulga la generación de una cápside de AAV que incluye aminoácidos conservados entre aislados naturales de AAV2 y evaluados en sus propiedades de biodistribución entre ratones y ratas, la nueva variante AAV-TT demuestra fuerte neurotropismo en roedores y exhibe propiedades de biodistribución significativamente mejoradas a través del sistema nervioso central comprado con AAV2 (Pág. 214, Resumen).

5. Examen de Patentabilidad

De acuerdo con lo establecido en el artículo 14 de la Decisión 486 de 2000 de la Comisión de la Comunidad Andina, en el cual se establecen los requisitos de patentabilidad objeto de la solicitud en estudio, esta Oficina presenta a continuación el análisis de los requisitos de patentabilidad.

5.1. Novedad

Teniendo en cuenta lo señalado en el artículo 16 de la Decisión 486 de 2000 de la Comisión de la Comunidad Andina, la reivindicación independiente 1 (NC2022/0001192 del 04 de febrero de 2022) se refiere a: “Una partícula viral que comprende un constructo de ácido nucleico que comprende un transgén que codifica una glucocerebrosidasa”. A continuación, se presenta la tabla comparativa entre el objeto reivindicado y los documentos encontrados en el estado de la técnica:

CARACTERÍSTICAS ESENCIALES	D1
Una partícula viral que comprende	Un vector para terapia génica que comprende: (Pág. 80, Reiv, 39).
un constructo de ácido nucleico que comprende un transgén que codifica una glucocerebrosidasa	Un ácido nucleico que codifica una proteína glucocerebrosidasa operablemente unida a un promotor capaz de dirigir la expresión en neuronas (Pág. 80, Reiv, 39).

De acuerdo con la comparación realizada anteriormente se concluye que la materia de la reivindicación 1 no es nueva.

Adicionalmente, D1 menciona que el vector es un AAV2/5, comprende una secuencia de nucleótidos que tienen al menos 80% de identidad con la SEQ ID NO: 2, en donde el

¹<https://patents.google.com/patent/WO2016179497A1/en?q=WO2016179497>
²<https://patents.google.com/patent/WO2019070893A1/en?q=WO2019070893>
³ Tordo, J., O’Leary, C., Antunes, A. S. L. M., Palomar, N., Aldrin-Kirk, P., Basche, M., Bennett, A., D’Souza, Z., Gleitz, H., Godwin, A., Holley, R. J., Parker, H., Liao, A. Y., Rouse, P., Youshani, A. S., Dridi, L., Martins, C., Levade, T., Stacey, K. B., Davis, D. M., Henckaerts, E. (2018). A novel adeno-associated virus capsid with enhanced neurotropism corrects a lysosomal transmembrane enzyme deficiency. *Brain: a journal of neurology*, 141(7), 2014–2031. Recuperado desde: <https://doi.org/10.1093/brain/awy126>.

Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

promotor es un promotor de sinapsina (Pág. 80, Reivs. 40 y 41 y Pág. 81, Reiv. 43) y codifica una proteína al menos 80% idéntica a cualquiera de las SEQ ID NO: 3, 4 o 5, (Pág. 81, Reiv. 42); en donde, la SEQ ID NO: 2 del documento D1 comprende con un 100% de identidad el transgén de SEQ ID NO: 7 de la solicitud como se evidencia en el Alineamiento N° 1; la proteína SEQ ID NO: 4 del documento D1 es 100% idéntica a la SEQ ID NO: 5 de la solicitud como se evidencia en el Alineamiento N° 2;

CLUSTAL 0(1.2.4) multiple sequence alignment

SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- CCATTAGGCCTATGAATTATAAGATACAGTCACTTTAAAATCCACTGGAAGGCTGAAGAG	0 60
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- TGAGTTAAACCTCTTATAATGAATATACAGTGAAACCAAGTAGAGGCATTTTATTAGGGT	0 120
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- TCCTACAAGAAAGTGCTTAAATAGCATCGACGCCTACATGCTACATCCTGTTCAGTCTCT	0 180
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- GCCTCTGTGATGCAAGTTGGCCAGCAAATATCCTCCAAGTCATCATTTGCATAGTGCTAGG	0 240
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- GATAAAATGAGGAGCAATACCAAATGCTATACCTGCCCTTATGGGTCTTATAGTCCAACG	0 300
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- GGAGAAAAGATATTATACAAATATCACGGAATAAATAGAAAACGCATCCTTGTTTT	0 360
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- TGTTTAGTGGATCCTCTATCCTTCAGAGACTCTGGAACCCCTGTGGTCTTCTCTTCATCT	0 420
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	-----ATGGAGTTTTCAAGTCCTTCCAGAGAGGAATGTCCCAAGCCTTTG AATGACCCTGAGGGGATGGAGTTTTCAAGTCCTTCCAGAGAGGAATGTCCCAAGCCTTTG *****	45 480
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	AGTAGGGTAAGCATCATGGCTGGCAGCCTCACAGGTTTGCTTCTACTTCAGGCAGTGTCTG AGTAGGGTAAGCATCATGGCTGGCAGCCTCACAGGTTTGCTTCTACTTCAGGCAGTGTCTG *****	105 540
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TGGGCATCAGGTGCCGCCCTGCATCCCTAAAAGCTTCGGCTACAGCTCGGTGGTGTGT TGGGCATCAGGTGCCGCCCTGCATCCCTAAAAGCTTCGGCTACAGCTCGGTGGTGTGT *****	165 600
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	GTCTGCAATGCCACATACTGTGACTCCTTTGACCCCCGACCTTTCCTGCCCTTGGTACC GTCTGCAATGCCACATACTGTGACTCCTTTGACCCCCGACCTTTCCTGCCCTTGGTACC *****	225 660
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TTCAGCCGCTATGAGAGTACACGCAGTGGGCGACGGATGGAGCTGAGTATGGGGCCCATC TTCAGCCGCTATGAGAGTACACGCAGTGGGCGACGGATGGAGCTGAGTATGGGGCCCATC *****	285 720
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	CAGGCTAATCACACGGGCACAGGCCTGCTACTGACCCTGCAGCCAGAACAGAAGTTCCAG CAGGCTAATCACACGGGCACAGGCCTGCTACTGACCCTGCAGCCAGAACAGAAGTTCCAG *****	345 780
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	AAAGTGAAGGGATTGGAGGGGCCATGACAGATGCTGCTGCTCTCAACATCCTTGCCCTG AAAGTGAAGGGATTGGAGGGGCCATGACAGATGCTGCTGCTCTCAACATCCTTGCCCTG *****	405 840
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TCACCCCTGCCAAAAATTTGCTACTTAAATCGTACTTCTCTGAAGAAGGAATCGGATAT TCACCCCTGCCAAAAATTTGCTACTTAAATCGTACTTCTCTGAAGAAGGAATCGGATAT *****	465 900
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	AACATCATCCGGGTACCCATGGCCAGCTGTGACTTCTCCATCCGCACCTACACCTATGCA AACATCATCCGGGTACCCATGGCCAGCTGTGACTTCTCCATCCGCACCTACACCTATGCA *****	525 960
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	GACACCCCTGATGATTTCCAGTTGCACAACCTTCAGCCTCCAGAGGAAGATACCAAGCTC GACACCCCTGATGATTTCCAGTTGCACAACCTTCAGCCTCCAGAGGAAGATACCAAGCTC *****	585 1020
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	AAGATACCCCTGATTACCCGAGCCCTGCAGTTGGCCAGCGTCCCGTTTCACTCCTTGCC AAGATACCCCTGATTACCCGAGCCCTGCAGTTGGCCAGCGTCCCGTTTCACTCCTTGCC *****	645 1080
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	AGCCCTGGACATACCCACTTGGCTCAAGACCAATGGAGCGGTGAATGGGAAGGGGTCA AGCCCTGGACATACCCACTTGGCTCAAGACCAATGGAGCGGTGAATGGGAAGGGGTCA *****	705 1140
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	CTCAAGGGACAGCCCGGAGACATCTACCACCAGACCTGGGCCAGATACTTTGTGAAGTTC CTCAAGGGACAGCCCGGAGACATCTACCACCAGACCTGGGCCAGATACTTTGTGAAGTTC *****	765 1200



Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	CTGGATGCCTATGCTGAGCACAAAGTTACAGTTCTGGGCAGTGACAGCTGAAAAATGAGCCT CTGGATGCCTATGCTGAGCACAAAGTTACAGTTCTGGGCAGTGACAGCTGAAAAATGAGCCT *****	825 1260
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TCTGCTGGGCTGTTGAGTGAGTACCCCTTCCAGTGCCTGGGCTTCACCCCTGAACATCAG TCTGCTGGGCTGTTGAGTGAGTACCCCTTCCAGTGCCTGGGCTTCACCCCTGAACATCAG *****	885 1320
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	CGAGACTTCATTGCCCGTGACCTAGGTCCTACCCTCGCCAACAGTACTACCACAATGTC CGAGACTTCATTGCCCGTGACCTAGGTCCTACCCTCGCCAACAGTACTACCACAATGTC *****	945 1380
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	CGCCTACTCATGCTGGATGACCAACGCTTGCTGCTGCCCCACTGGGCAAAGGTGGTACTG CGCCTACTCATGCTGGATGACCAACGCTTGCTGCTGCCCCACTGGGCAAAGGTGGTACTG *****	1005 1440
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	ACAGACCCAGAAGCAGCTAAATATGTTTCATGGCATTGCTGTACATTGGTACCTGGACTTT ACAGACCCAGAAGCAGCTAAATATGTTTCATGGCATTGCTGTACATTGGTACCTGGACTTT *****	1065 1500
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	CTGGCTCCAGCCAAAGCCACCTAGGGGAGACACACCGCCTGTTCCCCAACACCATGCTC CTGGCTCCAGCCAAAGCCACCTAGGGGAGACACACCGCCTGTTCCCCAACACCATGCTC *****	1125 1560
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TTTGCCTCAGAGGCCTGTGTGGGCTCCAAGTTCTGGGAGCAGAGTGTGCGGCTAGGCTCC TTTGCCTCAGAGGCCTGTGTGGGCTCCAAGTTCTGGGAGCAGAGTGTGCGGCTAGGCTCC *****	1185 1620
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TGGGATCGAGGGATGCAGTACAGCCACAGCATCATCACGAACCTCCTGTACCATGTGGTC TGGGATCGAGGGATGCAGTACAGCCACAGCATCATCACGAACCTCCTGTACCATGTGGTC *****	1245 1680
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	GGCTGGACCGACTGGAACCTTGCCCTGAACCCCAGAGGAGACCAATTGGGTGCGTAAC GGCTGGACCGACTGGAACCTTGCCCTGAACCCCAGAGGAGACCAATTGGGTGCGTAAC *****	1305 1740
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TTTGTGACAGTCCCATCATTGTAGACATCACCAAGGACACGTTTTACAAACAGCCCATG TTTGTGACAGTCCCATCATTGTAGACATCACCAAGGACACGTTTTACAAACAGCCCATG *****	1365 1800
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	TTCTACCACCTTGGCCACTTCAGCAAGTTTCATTCTGAGGGCTCCCAGAGAGTGGGGCTG TTCTACCACCTTGGCCACTTCAGCAAGTTTCATTCTGAGGGCTCCCAGAGAGTGGGGCTG *****	1425 1860
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	GTTGCCAGTCAGAAGAACGACCTGGACGCAGTGGCACTGATGCATCCCGATGGCTCTGCT GTTGCCAGTCAGAAGAACGACCTGGACGCAGTGGCACTGATGCATCCCGATGGCTCTGCT *****	1485 1920
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	GTTGTGGTCGTGCTAAACCGCTCCTCTAAGGATGTGCCTCTTACCATCAAGGATCCTGCT GTTGTGGTCGTGCTAAACCGCTCCTCTAAGGATGTGCCTCTTACCATCAAGGATCCTGCT *****	1545 1980
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	GTGGGCTTCTGGAGACAATCTCACCTGGCTACTCCATTACACCTACCTGTGGCATCGC GTGGGCTTCTGGAGACAATCTCACCTGGCTACTCCATTACACCTACCTGTGGCATCGC *****	1605 2040
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	CAGTGA----- CAGTGATGGAGCAGATACTCAAGGAGGCACTGGGCTCAGCCTGGGCATTAAAGGGACAGA *****	1611 2100
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- GTCAGCTCACACGCTGTCTGTGACTAAAGAGGGCACAGCAGGGCCAGTGTGAGCTTACAG	1611 2160
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- CGACGTAAGCCAGGGGCAATGGTTTGGGTGACTCACTTTCCCCTCTAGGTGGTGCCCAAG	1611 2220
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- GGCTGGAGGCCCTAGAAAAAGATCAGTAAGCCCCAGTGTCCCCCAGCCCCCATGCTTA	1611 2280
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- TGTGAACATGCGCTGTGTGCTGCTTGTCTTGGAACTNGCCTGGGTCCAGGCCTAGGGTG	1611 2340
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- AGCTCACTGTCCGTACAAACACAAGATCAGGGCTGAGGGTAAGGAAAAGAAGAGACTAGG	1611 2400
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- AAAGCTGGGCCCAAACCTGGAGACTGTTTGTCTTCTTAGAGATGCAGAACTGGGCCCGT	1611 2460
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- GGAGCAGCAGTGTACGATCAGGGCGGAAGCCTTAAAGCAGCAGCGGTGTGCCAGGCA	1611 2520
SEQ_ID_NO_7 WO_2016179497_A1_2	----- CCCAGATGATTCTATGGCACCAGCCAGGAAAAATGGCAGCTCTTAAAGGAGAAAAATGTT	1611 2580
SEQ_ID_NO_7	----- 1611	



Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

WO_2016179497_A1_2 TGAGCCC 2587

Alineamiento N° 1: Entre la SEQ ID NO: 7 de la solicitud y la SEQ ID NO: 2 del documento D1.

CLUSTAL O(1.2.4) multiple sequence alignment

SEQ_ID_NO_5	ARPCIPKSFgyssvvcvCNATYCDsFDpPTFPALGTFSRYESTRSGRRMELSMGPIQANH	60
WO_2016179497_A1_4	ARPCIPKSFgyssvvcvCNATYCDsFDpPTFPALGTFSRYESTRSGRRMELSMGPIQANH	60
SEQ_ID_NO_5	TGTGLLLTlQPEQKFQkvKGFGGAMTDAAALNlALSPPAQNLLKSYFSEEGIGYNIIR	120
WO_2016179497_A1_4	TGTGLLLTlQPEQKFQkvKGFGGAMTDAAALNlALSPPAQNLLKSYFSEEGIGYNIIR	120
SEQ_ID_NO_5	VPMASCDFSIRTYTYADTPDDFQlHNFSLPEEDTKLKIPLIHRAQLAQRPVSLASPWT	180
WO_2016179497_A1_4	VPMASCDFSIRTYTYADTPDDFQlHNFSLPEEDTKLKIPLIHRAQLAQRPVSLASPWT	180
SEQ_ID_NO_5	SPTWLKTNGAVNGKSLKGQPGDIYHQTWARYFVKFLDAYAEHKLQFVAVTAENEPSAGL	240
WO_2016179497_A1_4	SPTWLKTNGAVNGKSLKGQPGDIYHQTWARYFVKFLDAYAEHKLQFVAVTAENEPSAGL	240
SEQ_ID_NO_5	LSGYPFQCLGFTPEHQRDFIARDLGPTLANSTHhNVRLLMLDDQRLLLPHWAKVVLTDPE	300
WO_2016179497_A1_4	LSGYPFQCLGFTPEHQRDFIARDLGPTLANSTHhNVRLLMLDDQRLLLPHWAKVVLTDPE	300
SEQ_ID_NO_5	AAKYVHGIAVHWYLDfLAPAKATLGETHRLFPNTMLFASEACVGSKFWEQSVRLGSWDRG	360
WO_2016179497_A1_4	AAKYVHGIAVHWYLDfLAPAKATLGETHRLFPNTMLFASEACVGSKFWEQSVRLGSWDRG	360
SEQ_ID_NO_5	MQYSHSIITNLLYHVVGWTDWNlALNPEGGPNWVRNFVDSPIIVDITKDTFYKQPMFYHL	420
WO_2016179497_A1_4	MQYSHSIITNLLYHVVGWTDWNlALNPEGGPNWVRNFVDSPIIVDITKDTFYKQPMFYHL	420
SEQ_ID_NO_5	GHFSKFIPEGsQRVGLVASQKNDLDAVALMHPDGSaVVVVlNRSSKDVPLTIKDPaVGFL	480
WO_2016179497_A1_4	GHFSKFIPEGsQRVGLVASQKNDLDAVALMHPDGSaVVVVlNRSSKDVPLTIKDPaVGFL	480
SEQ_ID_NO_5	ETISPGYSIHTYLWRRQ	497
WO_2016179497_A1_4	ETISPGYSIHTYLWRRQ	497

Alineamiento N° 2: Entre la SEQ ID NO: 5 de la solicitud y la SEQ ID NO: 4 del documento D1.

Las reivindicaciones dependientes 2, 3 y 5 a 7 tampoco cumplen con el requisito de novedad.

Teniendo en cuenta lo señalado en el artículo 16 de la Decisión 486 de 2000 de la Comisión de la Comunidad Andina, la reivindicación independiente 1 (NC2022/0001192 del 04 de febrero de 2022) se refiere a: “Una partícula viral que comprende un constructo de ácido nucleico que comprende un transgén que codifica una glucocerebrosidasa”. A continuación, se presenta la tabla comparativa entre el objeto reivindicado y los documentos encontrados en el estado de la técnica:

CARACTERÍSTICAS ESENCIALES	D2
Una partícula viral que comprende	Un vector viral recombinante AAV que comprende: (Pág. 34, Reiv. 34).
un constructo de ácido nucleico que comprende un transgén que codifica una glucocerebrosidasa	Un ácido nucleico aislado flanqueado por repeticiones terminales invertidas (ITRs) de AAV que codifica una proteína β-glucocerebrosidasa (Gcasa) (Págs. 31, Reivs 1).

De acuerdo con la comparación realizada anteriormente se concluye que la materia de la reivindicación 1 no es nueva.

Adicionalmente, D2 menciona que el ácido nucleico codifica una secuencia SEQ ID NO: 14 (Pág. 34, Reiv. 31); en donde, la SEQ ID NO: 14 del documento D2 comprende con un 100% de identidad la proteína SEQ ID NO: 6 de la solicitud como se evidencia en el Alineamiento N° 3 y, menciona que, al menos una de las ITRs comprende una región D modificada con respecto a una región ITR silvestre de SEQ ID NO: 29 (Pág. 31, Reiv. 1), en donde la SEQ ID NO: 29 tiene un 100% de identidad con la SEQ ID NO: 16 de la



Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

solicitud como se evidencia en el Alineamiento N° 4.

Por otra parte, D2 menciona que el ácido nucleico comprende uno o más promotores que se seleccionan de: promotor de la actina beta de pollo (CBA), el promotor CAG, el promotor CD68 o el promotor JeT (Pág. 33, Reiv. 23), menciona que la proteína de cápside es AAV9 (Pág. 35, Reiv. 38) y, señala que, la región 3' contiene una cola de poliadenina de GH (Pág. 6, Fig. 7).

CLUSTAL O(1.2.4) multiple sequence alignment

SEQ_ID_NO_6	-----MAGSLTGLLLLQAVSWASGARPCIPKSFYSSVVCVNCAT	40
WO_2019070893_14	MEFSSPSRECPKPLSRVSIMAGSLTGLLLLQAVSWASGARPCIPKSFYSSVVCVNCAT	60
SEQ_ID_NO_6	YCDSFDPPTFPALGTFSTRYESTRSGRRMELSMGPIQANHTGTGLLLLLQPEQKFQVKVGF	100
WO_2019070893_14	YCDSFDPPTFPALGTFSTRYESTRSGRRMELSMGPIQANHTGTGLLLLLQPEQKFQVKVGF	120
SEQ_ID_NO_6	GGAMTDAAALNILALSPPAQNLLKSYFSEEGIGYNIIRVPMASCDFSIRTYADTPDD	160
WO_2019070893_14	GGAMTDAAALNILALSPPAQNLLKSYFSEEGIGYNIIRVPMASCDFSIRTYADTPDD	180
SEQ_ID_NO_6	FQLHNFSLPEEDTKLKIPLIHRALQLAQRVSLLASPWTSPWLKTNGAVNGKSLKGQP	220
WO_2019070893_14	FQLHNFSLPEEDTKLKIPLIHRALQLAQRVSLLASPWTSPWLKTNGAVNGKSLKGQP	240
SEQ_ID_NO_6	GDIYHQTWARYFVKFLDAYAEHLQFVAVTAENEPSAGLLSGYPFQCLGFTPEHQRFIA	280
WO_2019070893_14	GDIYHQTWARYFVKFLDAYAEHLQFVAVTAENEPSAGLLSGYPFQCLGFTPEHQRFIA	300
SEQ_ID_NO_6	RDLGPTLANSTHHNVRLMLDDQRLLLPHWAKVVLTDPEAAKYVHGIADVHWYLDLAPAK	340
WO_2019070893_14	RDLGPTLANSTHHNVRLMLDDQRLLLPHWAKVVLTDPEAAKYVHGIADVHWYLDLAPAK	360
SEQ_ID_NO_6	ATLGETHRLFPNTMLFASEACVGSKFWEQSVRLGSWDRGMQYSHSIITNLLYHVVGWTDW	400
WO_2019070893_14	ATLGETHRLFPNTMLFASEACVGSKFWEQSVRLGSWDRGMQYSHSIITNLLYHVVGWTDW	420
SEQ_ID_NO_6	NLALNPEGPNWVRNFVDSPPIIVDITKDTFYKQPMFYHLGHFSKFIPEGSQRVGLVASQK	460
WO_2019070893_14	NLALNPEGPNWVRNFVDSPPIIVDITKDTFYKQPMFYHLGHFSKFIPEGSQRVGLVASQK	480
SEQ_ID_NO_6	NDLDAVALMHPDGSVAVVVLNRSSKDVPLTIKDPVGFLETISPGYSIHTYLWRRQ	516
WO_2019070893_14	NDLDAVALMHPDGSVAVVVLNRSSKDVPLTIKDPVGFLETISPGYSIHTYLWRRQ	536

Alineamiento N° 3: Entre la SEQ ID NO: 6 de la solicitud y la SEQ ID NO: 14 del documento D2.

CLUSTAL O(1.2.4) multiple sequence alignment

SEQ_ID_NO_16	AGGAACCCCTAGTGATGGAGTTGGCCACTCCCTCTCTGCGCGCTCGCTCGCTCACTGAGG	60
WO_2019070893_29	AGGAACCCCTAGTGATGGAGTTGGCCACTCCCTCTCTGCGCGCTCGCTCGCTCACTGAGG	60
SEQ_ID_NO_16	CCGGGCGACCAAGGTCGCCGACGCCGCGGCTTTGCCGCGGCGGCTCAGTGAGCGAGC	120
WO_2019070893_29	CCGGGCGACCAAGGTCGCCGACGCCGCGGCTTTGCCGCGGCGGCTCAGTGAGCGAGC	120
SEQ_ID_NO_16	GAGCGCGCAGAGAGGGAGTGCCCAA	145
WO_2019070893_29	GAGCGCGCAGAGAGGGAGTGCCCAA	145

Alineamiento N° 4: Entre la SEQ ID NO: 16 de la solicitud y la SEQ ID NO: 29 del documento D2.

Las reivindicaciones dependientes 2 a 7, 9 y 10 tampoco cumplen con el requisito de novedad.

5.2. Nivel Inventivo

Teniendo en cuenta lo señalado en el artículo 18 de la Decisión 486 de 2000 de la Comisión de la Comunidad Andina, la reivindicación 8 (NC2022/0001192 del 04 de febrero de 2022) se refiere a: “La partícula viral de una cualquiera de las reivindicaciones 1-7, en donde dicha partícula viral comprende las proteínas de cápside de AAV-TT, que preferiblemente comprende la secuencia de aminoácidos de SEQ ID NO: 14 o la secuencia que tiene al menos 98,5%, preferiblemente 99% o 99,5% de identidad con



Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

SEQ ID NO: 14". A continuación, se presenta la tabla comparativa entre el objeto reivindicado y los documentos encontrados en el estado de la técnica:

CARACTERÍSTICAS ESENCIALES	D2	D3
Una partícula viral que comprende	Un vector viral recombinante AAV que comprende: (Pág. 34, Reiv. 34).	Un vector adenoviral recombinante que comprende (Pág. 2016, Col. Der., Párr. [2]).
un constructo de ácido nucleico que comprende un transgén que codifica una glucocerebrosidasa y	Un ácido nucleico aislado flanqueado por repeticiones terminales invertidas (ITRs) de AAV que codifica una proteína β-glucocerebrosidasa (Gcasa) (Págs. 31, Reivs 1) y	Un ácido nucleico con el transgén co HGSNAT y (Pág. 2016, Col. Der., Párr. [2])).
comprende las proteínas de cápside de AAV-TT que comprende una secuencia que tiene al menos 98,5%, preferiblemente 99% o 99,5% de identidad con la SEQ ID NO: 14.	Una proteína de cápside capaz de cruzar la barrera hematoencefálica AAV9 o AAVrh.10 (Pág. 35, Reiv. 38).	Una proteína de cápside AAV-TT (Pág. 2016, Col. Izq., Párr. [2]).

D2 es considerado como el estado de la técnica más cercano a la invención definida en la reivindicación 8, ya que divulga un vector viral recombinante AAV que comprende: (Pág. 34, Reiv. 34) un ácido nucleico aislado flanqueado por repeticiones terminales invertidas (ITRs) de AAV que codifica una proteína β-glucocerebrosidasa (Gcasa) (Págs. 31, Reivs 1) y una proteína de cápside capaz de cruzar la barrera hematoencefálica AAV9 o AAVrh.10 (Pág. 35, Reiv. 38).

La diferencia entre la invención definida entre la reivindicación 8 y el vector viral divulgado en D2, consiste en que las proteínas de cápside del vector de la solicitud se derivan de AAV-TT que comprende una secuencia que tiene al menos 98,5%, preferiblemente 99% o 99,5% de identidad con la SEQ ID NO: 14.

No se evidencia un efecto técnico asociado a un vector que comprenda una cápside AAV-TT porque, no se define estructuralmente el constructo de ácido nucleico allí incluido y, por lo tanto, no es posible asociar la evidencia técnica del vector AAV-TT-GBA1 que contiene el constructo de SEQ ID NO: 4 (Págs. 62 a 123), con cualquiera de los posibles vectores virales dentro del alcance de la reivindicación. En este punto es importante mencionar que, el documento D2 ya refiere que, las cápsides de su partícula viral permiten al vector a travesar la barrera hematoencefálica (Pág. 35, Reiv. 38).

Por lo tanto, el problema técnico objetivo que pretende resolver esta invención se puede formular así: ¿Cómo modificar el vector viral conocido en D2 con el fin de proporcionar una partícula viral alternativa?

Sin embargo, el incluir una secuencia de cápside AAV-TT cuya estructura se divulga en el GenBank bajo el número de acceso: NC_001401.2 en un vector viral (Pág. 2020, Fig. 1A) para mejorar el neurotropismo y la biodistribución a través del sistema nervioso central en comparación a otras cápsides ya conocidas como AAV2, AAV9 y/o AVVrh10 evidenciado una corrección de deficiencias lisosomales sin precedentes en ratones y sugiriendo que las terapias génicas basadas en AAV-TT pueden ser adecuadas para el tratamiento de enfermedades humanas (Pág. 2014, Resumen), ya había sido divulgado en el documento D3 que enseña la secuencia del GenBank bajo el número de acceso: NC_001401.2 que es 100% idéntica a la secuencia de la cápside SEQ ID NO: 14 de la solicitud como se evidencia en el Alineamiento N° 5.

CLUSTAL 0(1.2.4) multiple sequence alignment



Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	MAADGYLPDWLEDTLSEGIQWKKLPGPPPKPAERHKDDSRGLVLPGYKYLGPFNGLD 60 MAADGYLPDWLEDTLSEGIQWKKLPGPPPKPAERHKDDSRGLVLPGYKYLGPFNGLD 60 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	KGEPVNEADAAALEHDKAYDRQLDSGDNPYLKYNHADAQERLKEDTSFGGNLGRAVFQ 120 KGEPVNEADAAALEHDKAYDRQLDSGDNPYLKYNHADAQERLKEDTSFGGNLGRAVFQ 120 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	AKKRILEPLGLVEEPVKTAPGKKRVEHSPAEPDSSSGTGKSGQQPARKRLNFGQTGDAD 180 AKKRILEPLGLVEEPVKTAPGKKRVEHSPAEPDSSSGTGKSGQQPARKRLNFGQTGDAD 180 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	SVPDPQPLGQPPAAPSGLGTNTMASGSGAPMADNNEGADGVNSSGNWHCDSTWMDRVI 240 SVPDPQPLGQPPAAPSGLGTNTMASGSGAPMADNNEGADGVNSSGNWHCDSTWMDRVI 240 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	TTSTRTWALPTYNNHLYKQISSQSGASNDNHYFGYSTPWGYFDNRFHCHFSRQWRLI 300 TTSTRTWALPTYNNHLYKQISSQSGASNDNHYFGYSTPWGYFDNRFHCHFSRQWRLI 300 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	NNNWGFRPKRSLFKLFNIQVKEVTQNDGTTTIANNLSTVQVFTDSEYQLPYVLGSAHQG 360 NNNWGFRPKRSLFKLFNIQVKEVTQNDGTTTIANNLSTVQVFTDSEYQLPYVLGSAHQG 360 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	CLPPFPADVFMVPQYGYLTLNNGSQAVGRSSFYCLEYFPSQMLRTGNFTFSYTFEDVPF 420 CLPPFPADVFMVPQYGYLTLNNGSQAVGRSSFYCLEYFPSQMLRTGNFTFSYTFEDVPF 420 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	HSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYLSRTNTPSGTTTMSRLQFSQAGASDIRDQSRNWLPG 480 HSSYAHSQSLDRLMNPLIDQYLYLSRTNTPSGTTTMSRLQFSQAGASDIRDQSRNWLPG 480 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	PCYRQQRVSKTAADNNNSDYSWTGATKYHLNGRDSLVPNGPAMASHKDDEEKYFPQSGVL 540 PCYRQQRVSKTAADNNNSDYSWTGATKYHLNGRDSLVPNGPAMASHKDDEEKYFPQSGVL 540 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	IFGKQDSGKTNDIEKVMITDEEEIRTTNPVATEQYGSVSTNLQSGNTQAATSDVNTQGV 600 IFGKQDSGKTNDIEKVMITDEEEIRTTNPVATEQYGSVSTNLQSGNTQAATSDVNTQGV 600 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	LPGMVWQDRDVYLQGPWAKIPHTDGHFHPSPLMGGFGLKHPPQILIKNTPVPANPSTT 660 LPGMVWQDRDVYLQGPWAKIPHTDGHFHPSPLMGGFGLKHPPQILIKNTPVPANPSTT 660 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	FSAAKFASFITQYSTGQVSVEIEWELQKENSQRWNPEIQYTSNYNKSVNVDFTVDTNGVY 720 FSAAKFASFITQYSTGQVSVEIEWELQKENSQRWNPEIQYTSNYNKSVNVDFTVDTNGVY 720 *****
SEQ_ID_NO_14 NC_001401.2_VP1	SEPRPIGTRYLTRNL 735 SEPRPIGTRYLTRNL 735 *****

Alineamiento N° 5: Entre la cápside SEQ ID NO: 14 de la solicitud y la proteína VP1 de la cápside AAV-TT (NC_001401.2_VP1) del documento D3.

En consecuencia, la persona normalmente versada en la materia estaría motivada a incluir una proteína de cápside derivada de AVV-TT como la del documento D3 en un vector viral AAV como el del documento D2, para así llegar al objeto de la reivindicación 8. Por lo cual se considera obvia.

6. Conclusión

Los requisitos de Patentabilidad de la presente solicitud están afectados así:

Ítem	Documento	Reivindicaciones afectadas	Requisito que afecta
D1	WO2016179497	1 a 3 y 5 a 7	Novedad
D2	WO2019070893	1 a 7, 9 y 10	Novedad
		8	Nivel inventivo

Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

D3	Tordo, J., <i>BRAIN a journal of neurology</i>	8	Nivel inventivo
----	--	---	-----------------

En cumplimiento del artículo 45 de la Decisión 486 de 2000, se le indica que debe dar respuesta dentro del término de sesenta (60) días contados a partir de la fecha de notificación de la presente comunicación. En caso de no dar respuesta al presente requerimiento, o si a pesar de la respuesta subsistieran los impedimentos para la concesión, se denegará la patente.

Si como respuesta a este requerimiento, el solicitante modifica el capítulo reivindicatorio, deberá observar las instrucciones contenidas en el numeral 1.2.2.1.1., del Capítulo Primero del Título X de la Circular Única de esta Superintendencia. De igual forma, deberá tener presente que de conformidad con el literal a) del numeral 1.2.2.5.1. de la norma ibidem, será necesario acreditar el pago de la tasa por concepto de modificación a solicitudes en trámites, de conformidad con el valor establecido en la resolución de tasas vigentes.

Notifíquese el presente oficio conforme a lo dispuesto en el numeral 6.2 del Capítulo Sexto del Título I de la Circular Única, informándoles que contra el mismo no procede recurso alguno en actuación administrativa.



Sandra Isabel Calderon Rodriguez
DIRECTORA DE NUEVAS CREACIONES

Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

INFORME DE BÚSQUEDA
EXAMEN DE PATENTABILIDAD

Solicitud No.		Examen de patentabilidad							
NC2022/0001192		1°	X	2°		3°		Revoca	
Solicitud Internacional No.		Fecha solicitud internacional: (DD/MM/AÑO)							
PCT/EP2020/072087		06/08/2020							
Fecha de determinación estado de la técnica (DD/MM/AÑO)				Prioridad			Presentación		
12/08/2019				X					
Solicitante									
UCB BIOPHARMA SRL, FUNDACION PARA LA INVESTIGACION MEDICA APLICADA, CONSORCIO CENTRO DE INVESTIGACIÓN BIOMÉDICA EN RED									
Reivindicaciones que no son objeto de búsqueda por:									
Art. 14	-	Art. 15	-	Art. 20	-	Art. 25 (Falta de unidad de invención)		-	
CRITERIOS DE BÚSQUEDA									
Reivindicaciones objeto de búsqueda				1 a 10					
Palabras clave utilizadas				ADENOVIRAL VECTOR, AAV, RAAV, AAV-TT, SEQ ID NO: 1, 5 a 8, 11, 12, 17 a 19 - GLUCOCEREBROSIDASE, GCACE.					
Clasificaciones utilizadas para la búsqueda				CIP:	A61K 35/761, C12N 9/24				
DOCUMENTOS CONSIDERADOS RELEVANTES (Documentos patente, Literatura no patente (LNP): Artículos, catálogos, etc.)									
Informes de búsqueda / Bases de datos consultadas	N° de solicitud de patente / N° de patente / Autor LNP ⁽¹⁾	Fecha de Publicación /Presentación (DD/MM/AAAA)	Reivindicaciones /Secuencias afectadas	Citas relevantes del estado de la técnica				Categoría del documento citado ⁽²⁾	
SIPI	NC2019/0000395	16/01/2019	-	-				A	
	NC2020/0000911	28/01/2020	-	-				A	
	NC2020/0002262	28/02/2020	-	-				A	
	NC2021/0017692	22/12/2021	-	-				A	
ISA	WO2016179497	10/11/2016	1 a 3 y 5 a 7	(Pág. 80, Reiv. 39). (Pág. 80, Reivs. 40 y 41 y Pág. 81, Reiv. 42 y 43).				X	
EPO	WO2019068854	11/04/2019	-	-				A	
USPTO	WO2019070893	11/04/2019	1 a 7, 9 y 10	(Pág. 34, Reiv. 34). (Pág. 35, Reiv. 38). (Págs. 31, Reivs 1). (Pág. 6, Fig. 7).				X	
			8					Y	
Google Académico	Tordo, J. <i>et al.</i> , <i>Brain: a journal of neurology.</i>	16/05/2018	8	(Pág. 2014, Resumen), (Pág. 2016, Col. Der., Párr. [2]). (Pág. 2016, Col. Izq., Párr. [2]).				Y	
STN	WO 2020012164	16/11/2020	-	-				T	
	WO 2020161483	13/08/2020	-	-				T	
	WO 2019070894	11/04/2019	-	-				A	
	WO 2013119880	15/08/2013	-	-				A	
ORBIT	WO2019068854	11/04/2019	-	-				A	



Oficio N° 12480 de 5 de agosto de 2025

Ref. Expediente N° NC2022/0001192

(¹) Cita completa literatura no patente (LNP) Apellido, A. A. (Fecha). Título del artículo. <i>Nombre de la revista</i>. Volumen(Número), pp-pp. O Apellido, A. A. (Fecha). Título del artículo. Nombre de la revista. Recuperado de http://xxxxxxx.	Tordo, J., O'Leary, C., Antunes, A. S. L. M., Palomar, N., Aldrin-Kirk, P., Basche, M., Bennett, A., D'Souza, Z., Gleitz, H., Godwin, A., Holley, R. J., Parker, H., Liao, A. Y., Rouse, P., Youshani, A. S., Dridi, L., Martins, C., Levade, T., Stacey, K. B., Davis, D. M., Henckaerts, E. (2018). A novel adeno-associated virus capsid with enhanced neurotropism corrects a lysosomal transmembrane enzyme deficiency. <i>Brain: a journal of neurology</i>, 141(7), 2014–2031. Recuperado desde: https://doi.org/10.1093/brain/awy126.
(²) Categorías de documentos citados	
"A" Documento que define el estado general de la técnica no considerado como particularmente relevante. "E" Solicitud de patente o patente anterior pero publicada en la fecha de presentación internacional o en fecha posterior. "L" Documento citado para llamar la atención sobre por ejemplo, dudas acerca de una reivindicación de prioridad o para determinar la fecha de publicación de otra cita, siempre van acompañados de una explicación, por la cual se citan. "O" Documento del tipo actas de conferencia, este tipo de documentos siempre estará acompañado por otra letra que indique la pertinencia del documento, por ejemplo, O,X, O,Y o bien O,A. "P" Documento publicado antes de la fecha de presentación internacional pero con posterioridad a la fecha de prioridad reivindicada. "T" Documento publicado en fecha posterior a la de presentación o la de prioridad de la solicitud internacional y no entra en conflicto con dicha solicitud, pero puede ser útil para la mejor comprensión del principio o teoría en que se basa la invención, o para demostrar que el razonamiento o los hechos en los que se basa dicha invención son incorrectos. "X" Documento particularmente relevante; la invención reivindicada no puede considerarse nueva o que implique una actividad inventiva por referencia al documento aisladamente considerado. "Y" Documento particularmente relevante; la invención reivindicada no puede considerarse que implique una actividad inventiva cuando el documento se asocia a otro u otros documentos de la misma naturaleza, cuya combinación resulta evidente para un experto en la materia.	
Fecha del reporte de búsqueda: (24/07/2025)	

